EM 710

CAB ABSTRACTS

ISSN 0032–0803

1999
Volume 69 Annual Indexes

Includes list of Source Journals

Plant Breeding Abstracts

CABI BIOSCIENCE
MICHAEL WAY LIBRARY
14 FEB 2000

CAB INTERNATIONAL
00358088

CABI *Publishing*

Plant Breeding Abstracts

A monthly journal covering the world literature on crop breeding and genetics. All species of economic importance are covered, including ornamentals and forest trees. It started publication in 1930 and contains approximately 13,000 abstracts each year derived from the CAB ABSTRACTS database.

The CAB ABSTRACTS database is compiled from the world's scientific and technical literature. Over 40,000 published documents, including research papers, conference proceedings and papers, books, reports, patents and theses are received annually from more than 130 countries in 50 languages. This material is screened, translated, abstracted and indexed by professional and support staff, including 90 subject specialists and linguists. More than 150,000 new records are added to the database each year, the majority containing informative abstracts. Over 3 million abstracts from the world literature have been added to the computerized database since 1973, and this is complemented by a similar number in printed form before 1973, from CABI's origins in 1913.

Editor
Andrew M. Praciak BSc

Assistant Editor
D.G. Massey BSc

Subscription Information

For institutions in member countries of CAB International, the subscription to volume 69 is £684.00. The subscription price for non-member countries is £855.00 (dollar rate $1,495.00). All orders must be accompanied by payment. Abstract Journals are available on floppy disk for the same annual price. Back volume prices are available on request. A reduced rate for personal subscriptions is available for orders placed directly with the publisher. *For details of other CABI publications and services see back cover.*

All Editorial correspondence, reprint requests, advertisement enquiries, claims, orders,
remittances and any other enquiries should be addressed to:
CAB International, Wallingford, OXON OX10 8DE, UK.
Tel: +44 (0)1491 832111 Fax: +44 (0)1491 829292 E-mail: cabi@cabi.org

© 1999 CAB International. All rights reserved. No part of this publication may be reproduced, stored in a retrieval system or transmitted in any form by any means, mechanical, electronic, by photocopying, recording or otherwise, without the prior written permission of CAB International.

Plant Breeding Abstracts

Volume 69

CABI *Publishing*

Prepared by

CAB INTERNATIONAL INFORMATION DIVISION
DEPARTMENT OF PLANT SCIENCES AND NATURAL RESOURCES

1999

CAB International
Wallingford
Oxon OX10 8DE
UK

Tel: +44 (0)1491 832111
Fax: +44 (0)1491 833508
Email: cabi@cabi.org

CAB International
10 E 40th Street
Suite 3203
New York, NY 10016
USA

Tel: +1 212 481 7018
Fax: +1 212 686 7993
Email: cabi-nao@cabi.org

©CAB International 1999. All rights reserved. No part of this publication may be reproduced in any form or by any means, electronically, mechanically, by photocopying, recording or otherwise, without the prior permission of the copyright owners.

ISSN 0032-0803

Printed and bound in the UK by Antony Rowe Ltd, Chippenham.

Plant Breeding Abstracts

Contents
Volume 69

BREEDING (GENERAL AND THEORETICAL)	1	127	261	389	523	681	833	1005	1177	1293	1465	1629
Genetic resources	–	127	261	389	523	681	834	1005	1177	1293	1465	1629
Methods and mechanization	–	127	261	–	525	681	834	–	–	1294	–	–
Breeders' rights and legislation	–	–	261	390	526	682	834	1005	1178	1294	1466	1630
Genotype environment interaction	1	127	262	–	–	682	835	–	1178	1295	–	–
Resistance breeding	1	127	262	391	526	682	835	1006	1178	1295	1466	1630
GENETICS (GENERAL AND THEORETICAL)	2	128	262	391	528	683	836	1007	1179	1296	1466	1631
Molecular genetics	2	128	263	391	528	683	836	1007	1179	1296	1466	1632
Arabidopsis genome	2	129	263	393	530	685	841	1009	1180	1300	1467	1635
Quantitative and population genetics	12	136	272	400	537	696	848	1017	1188	1315	1476	–
Hybridization and mutation	–	137	273	400	–	696	848	–	–	1315	1477	–
CYTOLOGY AND CYTOGENETICS	13	137	273	–	538	696	849	1018	1189	1315	1478	1644
REPRODUCTIVE BEHAVIOUR	13	137	274	400	538	696	849	1018	1190	1316	1478	1644
***IN VITRO* CULTURE**	13	138	275	–	539	–	849	1020	1190	1316	1478	1645
EVOLUTION AND BIOSYSTEMATICS	14	138	275	401	540	697	850	1021	1190	1316	1479	1645
CROPS (GENERAL)	14	138	276	402	541	698	850	1021	1191	1317	1479	1646
CEREALS	15	139	277	403	542	699	851	1023	1191	1318	1480	1648
Wheat (including *Aegilops*)	16	140	278	404	544	700	853	1024	1192	1320	1482	1651
Barley	23	150	286	411	557	713	864	1038	1200	1337	1490	1668
Oats	27	154	288	414	563	718	867	1042	1204	1342	1493	1672
Rye	27	155	289	415	563	718	868	1043	1205	1343	1494	1673
Triticale	28	–	289	416	–	719	869	1043	–	1343	1494	1673
Maize (including *Tripsacum*)	28	155	289	416	563	719	869	1044	1205	1344	1494	1673
Sorghum	34	161	296	422	570	725	875	1050	1211	1350	1501	1693
Millets	36	162	297	423	572	727	877	1051	1212	1352	1505	1695
Rice	36	163	297	424	572	728	878	1053	1213	1352	1508	1696
Minor cereals and pseudocereals	43	176	305	433	581	737	886	1067	1219	1361	1519	1708
FODDER PLANTS	44	176	305	434	582	738	886	1067	1220	1362	1520	1708
Grasses	44	177	306	434	582	738	888	1070	1220	1362	1520	1709
Lucerne	46	180	308	436	587	740	891	1074	1223	1365	1522	1713
Clovers	48	180	309	438	589	741	894	1075	1224	1366	1523	1714
Other fodder legumes	48	181	309	438	590	742	894	1076	1224	1366	1524	1715
GRAIN LEGUMES	50	183	310	439	592	744	896	1077	1225	1370	1529	1719
Soyabeans	50	183	311	440	592	745	896	1077	1225	1370	1529	1719
Faba beans	52	186	315	443	597	752	899	1082	1227	1374	1530	1724
Phaseolus	53	186	316	443	598	753	900	1082	1228	1375	1531	1724
Peas	55	188	317	445	599	755	902	1085	1229	1377	1534	1727
Lentils	–	190	318	446	601	759	904	1087	–	1380	–	1729
Chickpeas	56	190	–	447	601	760	905	1087	1231	1381	1536	1729
Pigeon peas	57	191	319	448	601	763	906	1088	–	1381	1538	1730
Vigna	57	191	319	448	602	764	906	1089	1231	1382	1538	1731
Other grain legumes	58	192	320	450	603	765	907	1090	1232	1384	–	–
ROOT CROPS	59	192	320	450	603	766	907	1090	1232	1384	1540	1733
Potatoes	59	192	320	450	603	766	907	1090	1232	1384	1540	1733
Carrots	61	196	323	454	612	770	911	1094	1238	1388	1544	1739
Swedes and turnips	62	–	–	–	612	–	–	–	–	1388	1544	–
Cassava	–	196	324	455	–	–	912	1095	1238	1388	1544	1739
Sweet potatoes	62	196	324	455	612	770	912	1095	1238	1388	1545	1740

Yams	62	197	325	455	–	–	913	1096	1238	1389	–	1741
Colocasia	–	197	–	–	–	–	–	–	1239	1389	–	1742
Other root crops	62	197	325	456	613	771	913	1096	1239	1389	1545	1742
LEAFY VEGETABLES, BULBOUS VEGETABLES, STEM VEGETABLES	63	198	328	458	613	771	913	1097	1239	1390	1546	1742
Allium	64	198	328	458	613	771	913	1097	1239	1390	1546	1742
Brassica	64	199	329	459	614	772	915	1098	1240	1392	1546	1743
Spinach	67	199	329	461	615	773	917	1099	1241	1394	1548	1745
Celery	67	–	–	462	–	774	–	–	–	–	–	–
Lettuces	68	–	329	462	615	774	917	1100	1241	1394	1548	1746
Other leafy, bulbous and stem vegetables	68	200	330	462	616	774	917	1100	1241	1394	1548	1746
FRUIT VEGETABLES	68	200	331	462	616	775	918	1103	1242	1395	1550	1747
Tomatoes	68	201	331	462	616	775	918	1103	1242	1395	1551	1747
Aubergines	–	203	333	465	620	780	923	–	1245	1399	1558	1751
Capsicum	73	204	333	465	621	780	923	1107	1245	1399	1558	1752
Cucurbitaceae	74	205	334	465	622	781	924	1109	1245	1400	1559	1755
Other fruit vegetables	75	–	–	466	–	–	928	–	–	1402	1561	1759
TEMPERATE FRUITS	75	207	336	466	623	782	928	1111	1246	1402	1561	1759
Pome fruits	76	207	336	467	623	782	928	1111	1246	1402	1561	1759
Stone fruits	78	208	338	468	626	783	935	1113	1251	1404	1563	1761
Small fruits	79	214	340	470	630	786	938	1115	1257	1405	1565	1765
Grapes	81	215	341	473	632	788	940	1116	1258	1407	1566	1767
Other temperate fruits	81	216	343	476	633	789	941	1118	1259	1408	1568	1768
TROPICAL AND SUBTROPICAL FRUITS	82	217	343	478	633	790	944	1118	1259	1409	1568	1768
Bananas	82	217	343	478	633	790	944	1118	1259	1409	1568	1768
Citrus fruits	82	218	347	479	634	790	944	1119	1260	1410	1568	1769
Other tropical and subtropical fruits	83	220	349	480	636	792	945	1121	1260	1410	1570	1770
NUT CROPS	84	222	349	480	637	793	947	1123	1261	1412	1571	1772
FATTY OIL PLANTS	85	223	351	487	638	794	949	1123	1263	1413	1571	1772
Rape (including other oilseed brassicas and *Sinapis*)	85	223	351	487	638	794	949	1123	1263	1413	1571	1772
Linseed	92	225	–	489	–	797	959	–	1265	–	1574	1775
Sunflowers	92	225	355	489	642	797	959	1127	1265	1418	1574	1775
Safflower	–	–	–	491	644	–	961	1128	–	1419	1578	1777
Oil palms	–	226	–	491	644	–	961	1128	–	1419	1578	–
Coconuts	93	226	–	491	–	798	961	1129	–	1419	–	1777
Olives	94	226	356	493	–	799	962	1129	1265	1419	1578	1778
Groundnuts	94	227	356	493	644	799	962	1129	1266	1420	1582	1778
Castor beans	–	–	356	494	–	–	963	1130	–	1421	1582	1779
Sesame	94	227	356	494	–	800	963	1131	1266	1422	1583	1779
Other fatty oil plants	94	228	357	495	645	801	964	1132	1266	1422	1583	1780
SUGAR CROPS	95	229	357	495	645	801	965	1132	1267	1423	1583	1780
Sugarcane	95	229	357	495	645	801	965	1132	1267	1423	1583	1780
Sugarbeet	98	230	357	496	646	803	967	1134	1268	1424	1584	1781
Other sugar crops	–	–	–	–	–	804	968	–	–	–	–	–
STIMULANT PLANTS	99	231	360	497	647	804	968	1135	1269	1425	1585	1783
Tea	99	231	360	497	–	804	968	1135	1269	1425	1585	–
Coffee	–	231	360	498	647	–	968	1135	–	1426	1585	1783
Cocoa	–	–	–	–	648	804	969	1135	1269	1426	–	1784
Tobacco	99	231	360	498	648	805	969	1135	1270	1427	1586	1785
Other stimulant plants	103	–	–	–	–	–	–	–	1273	–	–	–
FIBRE PLANTS	103	236	365	503	653	809	973	1142	1274	1431	1591	1790
Cotton	103	236	365	503	653	809	973	1142	1274	1431	1591	1790
Flax	106	238	367	505	656	811	977	1145	–	–	1598	1795
Jute	–	239	–	505	656	–	977	–	–	1435	1599	1795
Sisal	–	–	–	–	–	811	–	–	1275	–	1599	–

Other fibre plants	106	239	368	–	656	812	977	1145	1275	1435	1599	1795
RUBBER PLANTS	–	239	368	505	656	812	977	–	1275	1436	1599	1795
FOREST TREES	107	240	368	505	657	812	978	1146	1275	1436	1600	1796
Broadleaves	107	240	369	506	657	812	978	1146	1275	1437	1600	1796
Conifers	111	243	372	507	662	814	982	1149	1279	1441	1605	1799
ORNAMENTAL PLANTS	114	247	376	510	665	818	986	1157	1280	1444	1609	1801
Ornamental woody plants	114	248	376	511	665	818	986	1157	1280	1445	1609	1802
Lawns and turf	115	–	–	–	668	–	–	–	–	–	–	–
Herbaceous plants	115	249	377	512	668	819	991	1160	1282	1448	1611	1803
Ornamental bulbs	117	253	381	514	671	822	994	1164	1285	1451	1613	1806
Orchidaceae	118	254	383	515	673	824	995	1166	1286	1453	1615	–
Foliage and succulent plants	118	255	383	516	673	825	996	1166	1287	1454	1616	1807
Ornamental aquatic plants	–	255	–	–	–	825	–	–	–	–	–	1808
MEDICINAL PLANTS ETC.	119	255	383	517	674	825	996	1167	1287	1455	1617	1808
Medicinal plants	119	255	384	517	674	826	997	1167	1287	1455	1617	1808
Pesticidal plants	120	257	–	–	–	827	–	1169	1288	1458	1619	1810
Spice plants	120	257	385	518	675	827	999	1169	1288	1459	1620	1810
Culinary herbs	121	257	385	518	676	828	999	1170	1288	1459	1620	1812
Essential oil plants	121	258	385	518	–	828	999	1170	1289	1460	1621	1812
Industrial crops	123	–	–	–	677	–	1000	–	–	1460	–	1812
Hops	–	–	–	–	677	828	–	1171	1289	1461	1622	1812
Bamboos	124	–	–	519	677	828	1001	–	1289	1461	1622	–
Other miscellaneous crops	–	258	386	519	–	–	1001	–	1290	–	–	–
EDIBLE FUNGI	124	258	386	519	677	829	1001	1172	1290	1461	1622	1813
PTERIDOPHYTA, BRYOPHYTA, ALGAE, LICHENS	–	–	–	519	–	829	–	1174	–	1462	1624	1813
REPORTS	–	259	386	519	–	830	1002	1174	1290	–	1625	1814
CONFERENCES	124	259	387	519	677	830	1002	1175	1291	1462	1625	1814
BOOKS	125	260	388	520	679	830	1003	1176	1291	1463	1626	1815
AUTHOR INDEX	1817											
SUBJECT INDEX	1921											
LIST OF SERIALS ABSTRACTED	i											

Disclaimer: The information contained herein, including any expression of opinion and any projection and forecast, has been obtained from or is based upon sources believed by us to be reliable but is not guaranteed as to accuracy or completeness. The information is supplied without obligation and on the understanding that any person who acts upon it or otherwise changes his/her position in reliance thereon does so entirely at his/her own risk. CAB INTERNATIONAL does not accept responsibility for any trade advertisement included in this publication.

EDITORIAL POLICY

This abstract journal is produced by the Editorial Departments of the CAB International Information Division, whose central function is the compilation of the CAB ABSTRACTS and CAB HEALTH bibliographic databases from the world's scientific and technical literature.

The Information Division has two other arms: Programme Development and the Development Projects Unit, and aims to achieve growth of its programme through new projects, often in collaboration with other organizations and backed by external funding, for the benefit of the international community.

This journal is derived from the CAB ABSTRACTS database, which covers the significant research and development literature in the fields of agriculture, horticulture, forestry, aspects of human health, human nutrition, animal and veterinary science and the management and conservation of natural resources.

The CAB ABSTRACTS editorial policy is to:

- scan all relevant literature
- record comprehensively the most relevant and scientifically significant material
- record all bibliographic details accurately
- prepare informative abstracts for all items reporting new findings or reviewing original research
- write abstracts in clear, concise and unambiguous English with consistent usage of terms and abbreviations
- index all important concepts within each record with the most appropriate terms selected from the CAB Thesaurus, CABI's controlled vocabulary.

This policy relies on the expertise of CABI's 90 professional subject specialists and linguists who translate and summarise the international scientific literature.

Department of Plant Sciences and Natural Resources

Director: S.L.A. Hobbs DPhil

Quality Manager: P. Wightman BSc

Scientific Information Officers

Biotechnology	D.J. Hemming PhD, D.G. Massey BSc, K.A. Rowlett PhD
Field Crops and Grasslands	A.M. Doroszenko PhD, R.E. Austin MSc, A.K. Chudasama MAgSt MSc, R.E. Hill BSc, K.E. Langdon BSc MIL, D.M. Mitcham MSc, D. Simpson PhD, L.J. Wootten BSc
Forestry	G. Petrokofsky BSc, B. Biggs BSc, A. Handley PhD, R.E.H. Haynes DPhil, H.M. Porter BSc
Horticulture	A.J. Rendell-Dunn BSc MIHort, C.D. Aldridge PhD, D.J. Cousins BSc CBiol MIBiol, A.C. Elliston BSc, J.M. Kisz BSc MIHort, M.J. Merry MSc, R.M. Merryweather MSc, C. Parker BSc
Plant Breeding	A.M. Praciak BSc, H.J. Dawson PhD, D.E. Mitchell MSc, C. Schuetze MRes
Plant Entomology and Weed Science	I.L. Tonnet PhD, E.D.L. Brooks PhD, S.C. Brown BA, D.S. Buckley PhD, B. Carter BSc, K.A. Graves BSc, L.M. Ridout PhD
Plant Pathology and Nematology	J.A. Brunt MSc, M.D. Davidson PhD, P.A. Farnell BSc, M.L. Jones MSc, S.F. Siddiqi BSc
Soils	L. Connor BSc DipInfSc MIInfSc, D. J. Eldridge BSc, L.D. Fletcher BSc, S. Stokes MSc, K. Whitaker BSc, G.P.R.Yeates DPhil
Non-English Language	I.L. Tonnet PhD, H.J.M. Gijsbers MSc, D.J.S. Warburton MA

AUTHOR INDEX

A. J. Newport and Son Pty Ltd 7088
Aalen, R. B. 160, 7229
Aaouine, M. 1529
Aaradhana Sadasivam 2950
Aarts, M. G. M. 1876, 7244, 11764
Aarts, N. 70
Abacı, A. Y. 2994
Abad, P. 1881
Abadie, T. 9589
Abak, K. 6618, 11168, 12601, 12607, 12609, 12987
Aballay, E. 11220
Abamu, F. J. 7626
Abarca, D. 10514
Abbad, F. 5335
Abbad Andaloussi, F. 5347
Abbas, G. 9854
Abbas, S. T. 12216
Abbasi, F. M. 12216
Abberton, M. T. 1241-1242, 10910, 12316, 12319
Abbink, T. E. M. 4593
Abbo, S. 7769
Abbott, A. G. 12662
Abbott, D. 3898
Abbott, G. A. 11315
Abbott, R. 2269
Abbott, R. J. 9770
Abd-Alla, A. M. 12549
Abd-Allaah, H. I. 7676
Abd-El-Alim, F. F. 12839
Abd El-Gawad, Y. G. 5005
Abd El-Kawy, M. M. 4489, 4489-4490, 4490
Abd-El-Lateef, E. M. 4234
Abd El-Majeed, S. A. 5005
Abd-Elrazig, S. M. 5150
Abd-Mishani, C. 11875
Abdalla, A. M. A. 11419
Abdalla, M. F. 825
Abdalla, M. Y. 4492
Abdallah, A. 5658
Abdel-Aal, E. 9490
Abdel-Aal, E. S. M. 137
Abdel-Ati, K. A. 5560
Abdel-Momen, S. M. 12755
Abdel-Salam, A. M. 5560
Abdelguerfi, A. 9737
Abdellah, F. A. 5335
Abderhalden, O. 11908
Abderrahman, S. M. 2918
Abdou, E. S. 9825
Abdul Ghafoor 3349
Abdul Hamid 141
Abdul-Hussain, S. S. 3867
Abdula, S. E. 4077
Abdulkareem, A. 240
Abdullah, H. 12575
Abe, H. 4907, 11086
Abe, J. 342, 1009, 3086
Abe, K. 530, 2336-2337, 2346, 5185, 6637, 8914, 12630
Abe, M. 11761
Abe, T. 8279, 11086, 12226
Abebe, A. 2199
Abecassis, J. 993, 11874
Abedin, M. J. 4057
Abedinia, M. 285, 12189
Abedon, B. G. 6215
Abel, C. A. 12139
Abel, G. J. W. 11027
Abelard, C. 5048
Abélard, P. 5049
Abeltino, P. 583
Abenavoli, M. R. 581
Aberlenc-Bertossi, F. 8070, 10159
Abha Khandelwal 12753
Abhaya Dandekar 4590
Abhishek Shukla 8532
Abidi, S. L. 9038, 10953
Abidóia, M. A. P. 1655
Abirached-Darmency, M. 4742
Able, J. A. 10736
Ablett, G. R. 1261, 4192-4193, 9788
Abou El-Nasr, N. M. 3390
Abou-El-Zahab, A. A. 11419
Abou-Hadid, A. F. 12549
Abou-Zeid, N. M. 5346
Aboubacar, A. 5142
AbouHaidar, M. G. 1776
Abraham, M. J. 1146, 1153
Abrahams, S. 3898
Abrahão, E. 1490
Abraimova, O. E. 12088-12089
Abraitis, R. 8244
Abrams, S. R. 9147
Abranches, R. 6101
Abreu, Â. de F. B. 5939, 6428
Abrigo, E. 6299
Abu-Ein, A. 6118
Abu Hasan 3450
Abu Manzar 9041
Abu-Zeid, N. 5430
Aburto Rizo, I. 2948
Acasio, R. N. 9776, 9779
Acciaresi, H. A. 9503
Acciarri, N. 449, 2309
Acevedo, E. 7191
Acevedo B., M. A. 8090, 12759
Achar, P. N. 3223
Achard, R. 7996
Acharya, B. 4067
Acharya, S. 6248
Acharya, S. N. 4153, 10901-10902
Acharyya, P. 6577
Ache, P. 11758
Achinewhu, S. C. 2253
Achremowicz, B. 10685
Achtar, S. 3910
Açikgöz, E. 2153
Açıkgöz, N. 2994, 11705, 11705
Açkurt, F. 11250
Acosta, E. 8788
Acosta, J. A. 8788
Acosta, M. 1388, 12385
Acosta-Gallegos, J. 12384
Acosta-Zuleta, H. 231
Acta Horticulturae 10060
Acuña, I. 8837
Adachi, E. 12226
Adachi, T. 1127, 5870, 7555, 7843, 8675, 10389, 10946
Adam, G. 695
Adam, Z. 8462
Adam-Blondon, A. F. 1288
Adamczyk, J. 7467, 10686
Adamczyk, J. J., Jr. 4619
Adamovskaya, V. G. 3881
Adamowski, E. V. 12294
Adamowski, E. V. de 3041
Adams, D. 5815
Adams, D. L. 8227
Adams, E. 4103
Adams, G. W. 10323
Adams, R. P. 7273, 9153, 11514
Adams, W. T. 3584, 4679, 7036, 9148, 11512
Adamski, T. 1021, 10667, 11958
Adang, M. J. 11268
Adaniya, S. 2674
Adas, F. 63
Addala, K. R. V. 3812
Adde, M. F. V. 2187
Adé, J. 3195, 3198
Adekunle, I. O. 9051
Adema, F. 1707
Aderibigbe, A. O. 1215
Aderkas, P. von 1684, 3566, 5827-5828, 11509
Ades, P. K. 4639
Adewusi, S. A. R. 8872
Adham, Y. 10089
Adhami, F. 888
Adhikari, K. N. 2903, 5083
Adhikari, T. B. 12237
Adhikary, S. 12234
Adipala, E. 4233, 12117, 12480, 12491
Adjahossou, D. F. 3195, 3198
Adkins, S. W. 574, 2397, 10162
Adlam, R. E. 9445
Adler, K. 2525
Adler, N. 12441
Admiraal, P. C. 1841
Adonina, I. G. 4945
Adoutte, A. 5926
Adriaenssens, W. 469
Ae, N. 1189
Aebi, M. 1791
Aedo, C. 4408, 8316
Aeright, D. 145
Aerni, P. 12265
Aerny, J. 3317, 12676
Aeschbacher, R. A. 9789
Afanasenko, O. S. 10674-10675
Afele, J. C. 6168
Affre, L. 2644, 8327
Afonin, A. 11667, 12315
Afsar, K. 2780, 3756
Afza, R. 10896
Afzal, M. 3349
Afzal, M. A. 12407
Afzal, N. 9846
Agafonov, A. V. 4109-4110, 4113
Agamalova, S. R. 6112
Agapan Growers Pty Ltd 10360
Ağar, İ. T. 3412, 3415, 3458
Agarie, S. 2912, 7594
Agarwal, D. K. 12299
Agarwal, M. 2720
Agarwala, K. K. 3438
Agba, I. 421
Agee, K. M. 1375
Agenbag, G. A. 138, 1955
Ageorges, A. 12675
Aggarwal, R. 958, 5030, 12758
Aggarwal, R. K. 9700
Aghalokpe, I. O. 6591
Aghav, S. B. 1314
Aghora, T. S. 10978
Agnel, J. P. 11121
Agnese, A. M. 9183
Agostini, D. 1790, 8393, 9225
Agrama, H. A. S. 5126
Agrawal, A. 6619
Agrawal, D. C. 1643
Agrawal, K. C. 2221, 12360
Agrawal, M. L. 671, 1595, 9061
Agrawal, P. K. 3424, 6284
Agrawal, R. K. 12585
Agrawal, R. L. 4803
Agrawal, S. C. 9860
Agriculture Victoria Services Pty Ltd 6777, 9828
Agris, C. H. 4816
Agriseeds Research Ltd 4093
Aguiar-Perecin, M. L. R. de 210, 12862
Aguilar, C. 7827
Aguilar, E. A. 9008
Aguilar, M. 10962
Aguinaga, A. 5004
Aguinagalde, I. 4331, 4333
Aguirre, M. 633
Aguirre R., J. R. 12380
Aguja, S. E. 11229
Agur, M. 1346
Agyemang, A. 8805
Agyemang, K. 1099
Aharon, G. S. 11773
Ahenkora, K. 8805
Aher, R. P. 7777
Aher, V. B. 9650
Ahlandsberg, S. 1034, 10662
Ahlawat, T. R. 3126, 6446
Ahluwalia, M. 2944
Ahmad, F. 4153, 5145, 6454
Ahmad, G. 141, 674
Ahmad, M. 3546, 9968, 10141, 11345
Ahmad, M. M. 1102
Ahmad, N. 3254
Ahmad, R. 141, 6585, 6592, 12551, 12583-12584
Ahmad, Z. 7936
Ahmadi, A. A. 10652
Ahmadi, M. 4560
Ahmadi, M. R. 6879
Ahmadi, N. 2124-2125
Åhman, I. 9137
Ahmed, A. M. 5646
Ahmed, F. F. 5646
Ahmed, I. 1566
Ahmed, K. Z. 11864
Ahmed, M. 1566
Ahmed, M. I. 1134, 1140, 1144, 1148, 1152, 7532, 10821
Ahmed, N. 10801
Ahmed, R. 6453, 7771
Ahmed, S. 5292
Ahmed, T. 1120, 10835
Ahmed, Y. M. 5560
Ahmed, Z. 3349
Ahmed Ghareeb 10437
Ahn, B. O. 8076, 8094-8095
Ahn, B. S. 12147
Ahn, C. H. 7836
Ahn, J. W. 7718
Ahn, M. Y. 448, 7798
Ahn, S. N. 1117-1118, 1131, 7549, 8725, 9693
Ahn, W. S. 7718
Ahn, Y. S. 7828
Ahn ByoungOg 8076
Ahn ByoungOk 8094-8095
Ahn ChunHee 7836
Ahn JongWoong 7718
Ahn MinYoung 7798
Ahn SangNag 1117-1118, 1131, 7549, 8725, 9693
Ahn WanSik 7718
Ahn YoungSup 7828
Ahokas, H. 1478, 9568, 11203
Ahroni, A. 12911
Ahronowitz, E. 719
Ahuja, I. 6810, 10117
Ahuja, K. L. 10150
Ahuja, M. R. 9106
Ahuja, P. S. 6929
Ahuja, S. L. 3545, 4615
Ahumada, M. H. 5658
Ahvenainen, R. 10465
Ai, G. Y. 8298
Ai, X. 6588
Ai, X. M. 3526
Ai GuangYan 8298
Ai XiaoMing 3526
Ai Xin 6588
Aida, M. 10546
Aida, R. 1733, 2623, 3136, 9168
Aiello, F. 4972
Aikawa, M. 5211
Aimi, T. 11627
Aïnouche, A. K. 8762, 10931
Ainsworth, C. C. 422
Ainsworth. C. C. 11652
Ait-Ali, T. 2666, 4381
Aitken, S. N. 9148-9149, 11512
Aitken, Y. 12396
Aitzetmüller, K. 4735
Aizac, B. 6217
Aizen, M. A. 2645
Ajai Rana 9821
Ajay Kohli 10865
Ajay Kumar 9849
Ajay Parida 755, 6260

Ajisaka, H. 1914, 11074
Ajith, A. 8705
Ajlouni, M. 3813
Ajlouni, M. M. 3832
Ajmal, S. U. K. 8178
Ajmone-Marsan, P. 2914, 11993
Ajwa, H. A. 10590
Ak, B. E. 3409
Akaba, S. 4587
Akabane, M. 1717
Akada, S. 6635, 7711
Akagawa, T. 7553
Akagi, T. 12975
Akama, K. 4031
Akamine, F. 11344
Akao, S. 7588
Akasawa, A. 4488
Akashi, K. 8449
Akashi, R. 4119
Akashi, T. 10423
Akashi, Y. 1404
Akça, M. 10677
Akem, Ç. 5292
Akgün, İ. 10885, 11973
Akhmedov, M. A. 11907
Akhtar Ali 12163
Akhunov, E. D. 9433
Akibayashi, Y. 1694, 1696, 5822
Akihama, T. 2344, 4478, 9695, 10073
Akimitsu, K. 9009
Akimoto, M. 255, 12172-12173
Akimoto, S. I. 3086
Akinci, I. E. 12594
Akinsola, E. A. 7626
Akintoye, H. A. 8658
Akita, S. 5188, 7589
Akiyama, F. 302
Akiyama, H. 9800
Akiyama, S. 9184
Akiyama, T. 12904
Akiyama, Y. 2987, 3027, 5794
Akiyoshi, M. 3022
Akkak, A. 529
Akkapeddi, A. S. 11475
Akram, M. 12927
Aksenova, N. P. 7797
Aksland, G. 9763
Aksoy, U. 6736, 7175, 11224
Akutsu, H. 11515
Al-Doss, A. A. 2155
Al-Faïz, C. 9726
Al-Hakimi, A. 3877
Al-Jassabi, S. 3901
Al-Kaff, N. 593
Al-Karaki, G. 6118
Al-Karaki, G. N. 3868, 10984
Al-Khayri, J. M. 12425
Al-Marsafy, H. T. 8780
Al-Mosava, N. 5383
Al-Mudaris, M. A. 3799
Al-Obaidy, K. A. 3867
Al-Rokibah, A. A. 4492
Al-Shehbaz, I. 6512
Al-Shehbaz, I. A. 5724
Al-Sheikh, M. 11242
Al-Zahim, M. A. 4326
Alabadí, D. 1382
Alabadi, D. 7755, 11100
Alam, K. 5022
Alam, M. F. 6299
Alam, S. 5482, 12761
Alam, S. N. 3026, 10874
Alam, S. S. 5850
Alameda, M. 12421
Alamillo, J. M. 5750
Alarmelu, S. 5143
Alary, R. 879, 9429
Alas, R. M. 3920
Alatorre, M. F. S. 1430
Alba, E. 1468, 6407
Albà, M. M. 2911
Alba, R. 11109
Albagnac, G. 11190
Alban, C. 9300
Albanese, R. 5591
Albani, M. C. 3162
Albano, J. P. 4739
Albar, J. P. 12447, 12471
Albar, L. 2124-2125
Albayrak, G. 11941
Alberda, M. 1849
Alberdi, M. 1044
Alberici, R. 8594-8595
Albers, D. W. 11400, 11446
Albert, B. 1615
Albert, S. 3726
Albert, V. A. 3603, 5883, 9364, 11535
Albertazzi, F. J. 1769
Albertini, E. 2136, 10341
Albertsen, M. C. 12036-12040
Albinsky, D. 2780
Albrecht, C. 4159
Albrecht, J. C. 968, 9423
Albrecht, M. 1858
Alcalá, J. 9930
Alcalde, J. A. 5372, 12396
Alcaraz, F. 2159
Alcon, C. 10153
Aldasoro, J. J. 4408
Alderson, P. G. 4463, 4805
Aldwinckle, H. 4401
Aldwinckle, H. S. 5575, 6650, 11176
Alegbejo, M. D. 12577, 12580-12582
Aleksandrushkina, N. I. 6089
Alekseenko, Zh. V. 6224
Alencar, A. R. de 10177
Alessi, E. S. 9626
Aletà, N. 10096
Alexander, D. E. 1083, 6218
Alexandre, A. D. 1286
Alexandrova, N. 5031
Alexandrova, T. 6410
Alexanyan, S. K. 1957
Alexeenko, J. V. 7317
Alfano, F. 4266, 5529
Alfaro, F. P. 2366
Alfenas, A. C. 3558-3559, 9014
Alfonso-Rubí, J. 9694
Ali, A. 12163
Ali, A. J. 1199, 5181
Ali, H. 4231, 12439
Ali, I. 10141
Ali, I. A. 10757
Ali, J. 1148, 1152
Ali, K. 10913
Ali, M. 674, 10078
Ali, M. A. 2431, 9683, 12201
Ali, M. L. 4048
Ali, M. S. A. 11864
Ali, S. 1120, 9487, 10801
Ali, S. S. 1111
Ali, Y. 12235
Ali, Z. 5001-5002
Alia 1872, 3015, 8500, 9361
Alibert, G. 12741
Alice, L. A. 4407, 5604
Aliev, J. A. 8802
Aliscioni, S. 2143
Alix, K. 5727
Alizadeh, K. 11001
Aljanabi, S. M. 10186
All, J. 8442
All, J. N. 2464, 7730, 11268
Alla, H. M. A. 9825
Allaby, R. G. 8578
Allam, H. Z. 11864
Allan, R. E. 2856
Allard, G. 9748
Allard, R. W. 172, 8423
Allavena, A. 12912
Allem, A. C. 6500, 10475
Allen, A. K. 8330
Allen, C. 9907
Allen, C. T. 6975, 10729
Allen, D. E. 7943
Allen, D. W. 4895
Allen, G. 11566
Allen, G. C. 8692, 9092
Allen, J. A. 7041
Allen, J. F. 3705
Allen, L. H., Jr. 1198
Allen, R. L. 1062
Alliprandini, L. F. 2182
Allison, L. 693, 9089
Allsopp, P. G. 8107
Alluri, K. 7626
Alm, S. R. 4451
Almeida, A. L. L. 12386
Almeida, D. L. de 4207
Almeida, F. A. G. 12711
Almeida, F. C. G. 3408, 12711
Almeida, F. de A. C. 6429
Almeida, J. S. de 5256
Almeida, L. A. de 2182
Almeida, M. L. de 3800
Almeida da Silva, R. M. 3615
Almeida da Silva, R. M. A. 11558
Almeida-Engler, J. de 7244
Almeida Engler, J. de 9381
Almirall, A. 3955
Almoguera, C. 5692
Almouslem, A. B. 3837-3838, 10605
Alok Bhattacharya 1096
Alok Kalra 11608
Alok Kumar 2930
Alok Varshney 989, 9482
Aloka Saikia 11921
Alonso, J. M. 9357
Alonso, S. I. 6326
Alpaslan, M. 7618
Alper, S. L. 4904
Alpert, P. 12669
Alpha, C. G. 2372
Alphonse, M. 5470
Alpini, A. 3962
Alston, F. 6633
Alston, F. H. 1424, 7181
Altamura, M. M. 1627, 2532
Altamura, N. 5965
Altarejos, J. 11514
Altieri, M. A. 3712
Altıınok, S. 8565
Altınbaş, M. 5016, 5114
Altman, A. 744, 1659
Altmann, T. 1829, 1920, 10534, 11731
Altosaar, I. 178, 12801
Altpeter, F. 3894
Altschmied, L. 889
Altube, H. A. 11196
Altukhov, Yu. P. 763
Altvorst, A. C. van 12917
Aluru, M. 9986
Alvarenga, Â. A. 1490
Alvarez, I. 1078, 4473
Alvarez, J. B. 3802, 7322, 11820-11821
Alvarez, O. 1324
Alvarez-Buylla, E. R. 7023
Alvarez-Morales, A. 1061
Alvarez-Nakase, A. 8616
Álvarez-Ortega, R. 5695, 6853-6854
Alvarez-Santullano, M. 7006
Alvarez-Ude, J. A. 2572
Alves, A. C. 8448
Alves, F. R. 12685
Alves, J. D. 866
Alves, R. E. 6760
Alves de Souza, M. 6250
Alyokhin, A. V. 12470, 12474
Alzate-Marin, A. L. 8791
Amal, A. T. 7676
Åman, P. 1042, 8609, 10665-10666
Amanallah Jan 511
Amandeep 5436
Amane, M. 12750
Amar, F. B. 8541
Amar, Z. 6880
Amar Kumar 5454
Amara, D. S. 1248
Amaral, L. 11322
Amaral Júnior, A. T. do 6422, 7908
Amarasinghe, B. H. R. R. 2167
Amarasinghe, V. 2606
Amarell, U. 7095
Amarnath, S. 8147
Amaro, T. 6105
Amasino, R. M. 20, 5757, 6032, 9318, 9349, 9360, 10231
Ambăruş, S. 3238-3239, 3253
Ambrogio, E. de 9493
Ambrosano, G. M. B. 12373
Ambrose, M. J. 1296
Amdor, P. J. 6385
Amela García, M. T. 6758
Amen, I. A. 9502
Ames, N. P. 11872
Amicarelli, F. 3981
Amicucci, A. 7171, 8393
Amim, S. M. F. 10177
Amin, I. A. 9476, 9478
Amin, S. 3404
Amino, S. I. 10233
Amiot, M. J. 3588
Amir, R. 12350
Amir Azam 1096
Amiri, A. 4954, 5043
Amirsadeghi, S. 4586
Amirthadevarathinam, A. 3547, 12209, 12231
Amit Singh 10133-10134
Amitha, K. 6459
Amjad Khan 1570, 1575
Amleh, N. 10605
Amler, P. 4957
Amma, C. K. S. 4625
Ammal, L. S. 10275
Amo-Marco, J. B. 7074, 7098, 9163
Amor, M. B. 3256
Amor, Y. 4900
Amores, A. 10564
Amoresano, A. 9225
Amorim, L. 4552
Amornsilpa, S. 1142, 5183
Amorosi, S. 11314
Amos Gaikwad 12394
Ampai Sinpatananon 11222
Amrani, A. el 4828
Amrendra Kumar 652
Amrhein, N. 7886
Amry, D. 2782
Amtmann, A. 11813
Amudhan, S. 12264
Amusa, N. A. 12427, 12478
Amyot, L. M. 6977
An, G. 5749
An, G. H. 2977, 4029, 7835, 9681, 10522, 12184, 12621
An, J. 8630
An, L. J. 475, 7890
An, L. L. 3823
An, R. C. 5088
An, X. M. 2055
An GynHeung 2977, 4029, 7835, 9681, 10522, 12184, 12621
An Jin 8630
An LiJia 475, 7890
An LinLi 3823
An RuiChun 5088
An XiMei 2055
Anada, M. 3847
Anagnostou, K. 7917
Anai, T. 3084, 6400, 7235, 8771, 9801-9803, 11724
Anamthawat-Jónsson, K. 3034, 4647, 6332, 12867
Anand, G. 12231
Anand, R. P. 6775
Anand Kumar 1739
Anand Singh 5434
Anandacumaraswamy, A. 680
Anandaraj, M. 12967
Anania, A. 3152
Ananiev, E. V. 189, 5094
Ananko, E. A. 5979
Ananthakrishnan, G. 6775
Ananthan, M. 11521
Ananthapadmanabha, H. S. 831, 840
Anantharaman, M. N. 3346
Ancha Srinivasan 1312
Ancillo, G. 9893
Ancos, B. de 7973
Andani Gowda 9747
Andel, J. van 941
Anders, M. 8533
Andersen, A. 11610
Andersen, A. M. 7871
Andersen, B. 597
Andersen, M. 9307
Andersen, Ø. M. 1766
Andersen, P. C. 6708

Andersen, R. L. 1441
Andersen, S. B. 974, 4733, 7374
Andersen, W. R. 4082
Anderson, B. J. 231
Anderson, D. M. 11399
Anderson, E. F. 4761
Anderson, E. J. 12425
Anderson, G. J. 10083
Anderson, J. 6120, 9532
Anderson, J. A. 3825, 4374, 7375, 9523, 11895, 11905
Anderson, J. K. 4516
Anderson, J. M. 8144, 11926
Anderson, M. 6931
Anderson, M. A. 12816
Anderson, M. N. 6025
Anderson, M. P. 10891
Anderson, M. W. 3035
Anderson, N. A. 11476
Anderson, O. D. 9488-9489
Anderson, P. A. 4621
Anderson, R. M. 10760, 10763
Andersson, A. A. M. 8609, 10665
Andersson, B. 12886
Andersson, E. W. 2586, 12886
Andersson, L. 4772
Andersson, R. 1042, 10665
Ando, A. 6262, 12173
Ando, H. 11944
Ando, I. 12253
Ando, T. 2641, 5863, 5865, 8323, 8326
Andolfatto, P. 79
Andrade, E. O. 6476, 10259
Andrade, F. P. de 3550, 5790, 10177
Andrade, J. M. V. de 968, 9423
Andrade, M. 1349
Andrade, M. J. B. de 6428
Andrade, P. B. 1604
Andrade, R. V. de 9589
Andrásfalvy, A. 5588, 5590
Andrée, S. 8612
Andreev, L. N. 3889
Andreev, R. 8843
Andreeva, A. V. 5984
Andrés, C. 9735
Andres, E. F. de 6443
Andrés, M. A. 12579
Andrés, M. V. 12639
Andreucci, A. C. 5350, 10964
Andrews, C. J. 11744
Andrews, D. J. 10739, 10745-10747, 10768, 10771-10776
Andrews, T. J. 8138, 8140, 8144-8145, 9096
Andreyuk, D. A. 2533
Andronis, C. 4856
Andueza, G. P. 5400
Anees Khanam 7193
Aneeta 1096
Anekonda, T. S. 9148
Angadi, V. G. 830, 841
Angamuthu Selvapandiyan 3536
Angarita, A. 10466
Angel, F. 12390
Angeles, E. R. 4077
Angelini, L. G. 2564
Angelini, R. 5291, 5412
Angell, S. 1613
Angenent, G. C. 7244, 12917
Angenon, G. 10377, 11660, 12377
Angerosa, F. 10165
Angers, P. 10440
Angevain, M. 12307
Angiolillo, A. 6867, 8073, 11310-11311, 11315-11316
Anglade, P. 223
Angra, D. C. 7351
Angus, W. J. 10610
Anh Thu Pham-Thi 9873
Anholt, B. 11509
Anil Grover 2720, 9250, 9708
Anil Gupta 2862
Anil Khar 8373
Anil Kumar 1591
Anil Neelam 12757
Anil Sindhu 7773, 8373
Anil Sirohi 5434
Anindita Bose 10860
Anirban Bhattacharya 837, 3646
Anis, M. 6745
Anita Grover 2720, 9250
Anitha, G. 11284
Anjaneyulu, K. 6565
Anjly Pancholy 11599
Anju Dahiya 8558
Anju Kochhar 13
Anju Thakur 11155
Anjum, M. A. 1334, 3165
Ann, C. M. 2317
Ann, V. J. 9558
Ann ChongMun 2317
Annamalai, P. 12511
Annamalainathan, K. 1657
Annandale, J. G. 1299
Annapurna, D. 2042
Annen, F. 9636
Annerose, D. 2275
Annerose, D. J. M. 1644
Annibali, S. 6513
Annicchiarico, P. 6106
Annonay, H. 3369
Annovi, S. 5600
Ano, G. 6509
Anokhina, V. S. 5543
Añón, M. C. 184
Ansan-Melayah, D. 626
Ansari, H. A. 5257
Ansari, M. Y. K. 5341
Ansari, S. H. 10078
Antanassov, A. 3604
Antedomênico, S. R. 12793
Anthelme, B. 9757
Anthony, F. 8117, 10211, 12792
Anthony, P. 4400, 4495
Anthony, R. G. 2035, 6230, 10730
Antia Babbar 2895
Antigone Plantvermeerdering BV 7046
Antoine-Michard, S. 209
Antolín, M. C. 10991
Anton, R. 11525
Antonelli, E. F. 3880
Antonetti, M. 9181
Antonino Faroni, L. R. da 12131
Antonio, C. 11304
Antonio Devesa, J. 7670
Antonious, G. F. 12554
Antonisamy, R. 4760
Antonius-Klemola, K. 10036
Antonov, L. 3524
Anttila, C. K. 8752
Anttila, H. 2900
Antunes, I. F. 1291, 2203, 8785
Antunes, L. E. C. 1490
Anu Bashamboo 10801
Anuradha Agrawal 6619
Anusuya Rangarajan 1374-1375
Anwar, R. 3833
Anwar, S. Y. 10157
Anzai, H. 1630
Anzidei, M. 758, 3572
Ao, Y. S. 6530, 6532
Ao YanSong 6530, 6532
Aoki, N. 7555, 8642
Aoki, S. 10215-10216
Aoki, T. 10423
Aotsuka, S. 4608
Aoyama, T. 2744, 4841
Aparbal Singh 11608
Aparisi, J. G. 3387
Aparna Maiti 4025, 8704
Apaza, W. 11078
Apel, K. 4849, 8481, 9340
Apiolaza, L. A. 1804
Apisitwanich, S. 2086
Apollonio, G. 12931
Apostol, J. 1464, 6685
Apóstolo, N. M. 1581
Appel, M. 9269
Appels, R. 136, 2898, 3857-3858, 3866, 3897-3898, 4960, 9442, 9444, 9487, 9534, 11856
Appendino, L. 986
Apratim Chakrabarti 6374
Apse, M. P. 11773
Apti, R. 682
Apweiler, R. 3718
Aqil, T. 12842
Aquino, R. C. 10862
Arabi, M. I. 10673
Aragão, F. A. S. 12498
Aragão, F. J. L. 3104
Aragón-Alcaide, L. 6101, 9449
Aragón-Alcaide, L. G. 4975
Aragona, M. 2001
Arahira, M. 7710
Arai, T. 1163
Arai, Y. 12803
Arakawa, T. 2229
Araki, E. 8571, 11867
Araki, N. 8482
Araki, S. 8380, 8386
Araki, T. 11363
Arambarri, A. M. 9769
Arano, R. 8648
Arantes, E. M. 5790
Arantes, N. E. 12371
Aranzana, M. J. 1401
Arapetyan, E. 328
Arase, T. 5451-5452
Araújo, A. C. M. 2187
Araújo, A. P. 4207
Araújo, E. F. 10118
Araújo, G. A. de A. 6427
Araújo, L. G. de 2122
Araujo, P. J. de 4347
Araus, J. L. 142, 2881, 2885, 3902, 3921, 6105, 7441, 9511, 11823
Aravanopoulos, F. A. 2580, 2599, 4652
Aravind Kumar 12204
Araya, A. 6932, 10695
Araya, C. M. 10974
Arber, W. 3783
Arberas, I. 11619
Arboriculture Fruitière 2355-2356, 5598, 7966, 8981-8982, 10021
Arbuzova, V. S. 4982
Arce, P. 8837
Archak, S. 9244
Archana Mukherjee 3148
Archer, R. H. 812
Archetti, R. 108
Arcioni, S. 3962, 7688, 8401
Arcuti, P. 5613, 8990
Ardi, R. 6751-6752
Ardiles, W. 7237, 9295
Ardiles-Díaz, W. 1825
Ardiles-Diaz, W. 1667, 10296, 12874
Aref, S. 9506
Aref'eva, L. P. 7298
Arellano-Morín, J. 641
Arelli, P. R. 6406, 12363
Arenas-Mena, C. 9362
Arend, A. van der 11077
Arendonk, J. A. M. van 8514
Arens, P. 480, 6542
Areshchenkova, T. 11099
Arévalo T., A. 2265, 2274
Argamante, N. 11219
Argañosa, G. C. 7151
Argenti, P. 2266
Argillier, O. 1082, 2935, 6217
Argyroudi-Akoyunoglou, J. H. 11646
Arias, C. 364
Arias, C. A. A. 3077, 6198, 11288
Arias, E. R. A. 1056
Arias, F. J. 8157, 12798
Arias, J. 3534
Arias, O. 1501
Arias, S. 3631
Arif, S. M. 3349
Arif, S. M. A. 10273
Arifin, N. S. 6520
Arikura, K. 1696
Arilla, M. C. 633
Arimura, S. I. 10814
Arindam, K. 12495
Arindam Kumar 1994, 5059
Ariño, A. 11619
Ariño, J. 8471
Arisi, A. C. M. 748, 1668, 8136
Arita, H. 12496
Arita, I. 11633
Arita, T. 4556-4557
Ariyaporn Pongrat 3432
Ariyarathne, H. M. 365
Ariyo, O. J. 3087, 7729
Arizmendi, J. M. 9832
Arjas, E. 78, 10565
Arjun Lal 5923
Arkel, G. van 6633
Arkhipov, A. 899
Armarkar, N. 10940
Armas, R. 3184, 11217
Armbruster, W. S. 4921
Armstead, I. P. 4097
Armstrong, C. L. 6207
Armstrong, G. A. 8481
Armstrong, J. S. 11431
Armstrong, S. D. 419
Armstrong, S. J. 3213, 9936
Arnason, J. T. 8674
Arnason, T. J. 8666
Arnaud, P. 4501
Arnholdt-Schmitt, B. 6498
Arnim, A. G. von 6011, 7218
Arnold, A. 8533
Arnold, B. 4826, 4826
Arnold, C. 4457
Arnold, D. 11811
Arnold, E. S. 4729
Arnold, G. C. 7684
Arnold, G. M. 9137
Arnold, M. L. 2643, 4745, 9384, 11550, 12868
Arnold, N. P. 8295
Arnold, S. von 3582, 8194, 9404, 10328
Arnone, S. 2701
Arnozis, P. A. 11034
Arntz, A. M. 10877
Arntzen, C. J. 11370
Arokiaraj, P. 10273
Aron, Y. 4486
Arondel, V. 9299, 11722
Aronen, T. 2593
Aronen, T. S. 1682, 2592, 8260
Arora, D. K. 9205
Arora, P. 2940, 9614, 12113
Arora, P. K. 11238
Arora, R. 11654
Arora, R. N. 3147, 4240, 8809
Arora, S. K. 7919, 7926
Arpaia, G. 9225
Arpaia, S. 2309, 12561
Arriaga, H. O. 10639
Arriaga, M. 2143
Arriaga, S. 11619
Arriel, N. H. C. 10176-10177
Arrieta-Montiel, M. 8783
Arrillaga, I. 7883
Arruda, P. 2021, 4083, 10720
Arshad, M. 11012
Arteaga, M. L. 12579
Arteca, J. M. 3753
Arteca, R. N. 3753, 11774
Artelt, B. 7861
Arthur, A. E. 610-611, 2457, 4334, 5404
Arti, P. 1152
Artuso, A. 2710
Artyukova, E. V. 8336
Arumugam, R. 7909, 7911
Arumugam Shakila 11147
Arumuganathan, K. 9455, 12275
Arun Kumar 3122, 5415, 5674, 5677
Aruna, K. 12224
Aruna, P. 11089
Arunee Wongpiyasatid 3133
Arús, P. 2433, 3391, 6762
Arvind Kumar 2126, 8702, 9714
Arvind Sharma 2647
Arya, P. S. 9821
Aryal, U. K. 4656
Arzani, K. 5585
Arzate-Fernández, A. M. 1752
Asada, K. 9102
Asahi, T. 12200

Asakura, K. 8326
Asakura, T. 5185
Asal, S. 6119
Asalatha, M. 8080
Asama, H. 12589
Asami, T. 11809
Asane, G. B. 12393
Asano, N. 12271
Asano, S. 4834
Asano, Y. 311, 8852
Asanuma, K. I. 10825
Asay, K. H. 1222, 4107, 6358, 7650
Asbati, A. 6105
Asch, F. 9684
Asensio, C. 5360
Ásgeirsdóttir, S. A. 5916, 7172
Asha Mathur 12743
Asher, M. J. C. 9074-9075
Ashford, D. 413
Ashida, H. 4892, 10505
Ashikari, T. 1610, 2632
Ashikawa, I. 6301, 8691
Ashima 3002
Ashish Pandey 1530
Ashley, D. A. 3078
Ashman, T. L. 1479, 11204
Ashmawy, F. 1284, 8187
Ashok Mishra 6845, 12732
Ashour, N. I. 4234
Ashraf, M. 1102, 1307, 9857
Ashraf, M. Y. 1003, 1202
Ashri, A. 9054
Ashwani Kumar 6554, 12731
Ashwani Pareek 2720
Ashworth, E. N. 5959
Asian Vegetable Research and Development Center 1793
Asiedu, E. A. 1316
Asiedu, R. 6507, 12490
Asiedu, S. K. 1341
Asíns, M. J. 2417
Asins, M. J. 6567, 11231
Asirelli, A. 5600
Asis, C. A., Jr. 7588
Asis Datta 4081
Aslam, M. 657, 6142, 12844, 12851
Aslam Muhammad 12851
Aso, K. 12980
Asokan, M. P. 10275
Aspart, L. 1850
Assad, M. T. 146, 4560, 5693, 10652
Assadi, M. 2139
Assaeed, A. M. 2155
Assani, A. 7998
Assefa, K. 7667
Assefa, S. 10891
Asseldonck, M. van 9295
Assienan, B. 6242
Assigbetse, K. 12840
Assmann, S. M. 9303
Astanova, S. B. 3201
Astatkie, T. 2181
Asthana, N. 5140-5141
Asthana, O. P. 5140-5141
Astley, D. 452-453
Asturias, J. A. 633, 9832
Astuto, A. 2414
Asumadu, H. 4182-4183
Aswath, C. 2635
Atale, S. B. 10615
Atanasov, A. 4132
Atanassov, A. 1630, 3524, 7889, 9513, 11548, 12242, 12309
Atanassov, A. I. 1621
Atanassov, I. 3524, 11548
Atanassov, I. I. 1621
Atanassov, S. 1630
Atanassov, Z. 2837
Atanassova, B. 2295, 8882
Atanassova, S. A. 1621
Atanu Basu 10630
Atari, A. 11859
Ater, M. 2054, 12152
Athanázio, J. C. 2194
Athar, M. 1986
Athma, P. 2040
Atienza, J. 5360
Atkins, C. 5283
Atkins, C. A. 4151, 4804
Atkinson, H. J. 1814, 6494, 11682-11683, 11781
Atkinson, R. G. 3265, 3267, 8912
Atlan, A. 4779, 8376
Atlin, G. 9544
Atlin, G. N. 2235
Atokple, I. D. K. 3995
Attanayaka, D. P. S. T. G. 6983, 11369
Attene, G. 2876
Attere, F. 2510
Attia, T. 122, 990, 9572
Attimonelli, M. 5965
Attygalle, A. B. 11180
Atuahene-Amankwa, G. 3101
Atul Singh 12769
Atwood, R. 9226
Aubert, B. 2418, 2423, 12693, 12986
Auboiron, E. 2387, 7996
Aubourg, S. 1835, 2748, 7236
Aubry, C. A. 7036
Audebert, A. Y. 9717
Audeguin, L. 10049
Audergon, J. M. 3281, 11190
Audilakshmi, S. 9641
Audran, C. 3531, 10232
Audran, J. C. 6710, 8421
Auerswald, H. 9974
Aufsatz, W. 2782
Auge, H. 7095
Augur, C. 2666
Augusti, A. 8606
Augustine, J. 5878
Augusto, S. G. 4568
Auguy, F. 8213, 11489
Aukerman, M. J. 9318
Auld, D. L. 8086, 11431
Auler, N. M. F. 6373
Aung, T. 985, 10630
Aung Taing 10630
Auricht, G. C. 6344
Aussenac, T. 4189
Austin, D. F. 205, 5483, 7148
Austin, M. T. 9771
Austin, N. 3546
Austin, P. T. 1433
Austin-Phillips, S. 11802
Austraflora Pty Ltd 4694
Australia, Agriculture Western Australia 9543
Australia, CSIRO Plant Industry 4459-4462
Australia, CSIRO Tropical Agriculture 4173, 6467
Australia, Department of Primary Industry and Fisheries 4094, 4139
Australia, Kings Park and Botanic Garden 7089
Australia, Royal Botanic Gardens Sydney 7088
Australia, University of Queensland 3942
Australia, University of Sydney 4724-4725, 7050, 7087-7088, 7105-7107
Austria, Bundesanstalt für Alpenländische Landwirtschaft 2699
Ausubel, A. 8506
Ausubel, F. 8717
Ausubel, F. M. 1879
Autino, V. A. 758
Autio, K. 5006
Autio, W. R. 1425
Autran, D. 9290
Autran, J. C. 11874
Autrey, L. J. C. 6892
Auwera, G. van der 5921
Avato, P. 7155, 8860
Avenant, J. H. 1483, 3319, 7983, 10050
Avetisyan, T. V. 3889
Avidan, N. 643, 11302
Aviezer, K. 2828, 9504
Avigne, W. T. 218
Ávila, A. C. de 2245
Avila, C. 4669
Ávila Rodrigues, F. de 6506
Avilés, F. X. 5458
Avise, J. C. 3782
Avital, E. 943
Aviv, D. H. 8440
Avivi, Y. 2825, 3861
Avivi-Ragolski, N. 12797
Avramov, L. 3315
Avramov, S. 3614
Avramova, Z. 11814
Avril, C. 10326
Avrova, A. O. 12462-12463
Avtar, R. 2945
Awadalla, P. 10115
Awaknavar, J. S. 9991
Awan, M. A. 276, 12235, 12844
Awan, M. F. M. 12461
Awasthi, L. P. 2990, 4069, 10840, 12212
Awazuhara, M. 5295
Axtell, J. D. 230, 10754
Axtell, M. 8155
Ayabe, M. 2279
Ayabe, S. I. 10423
Ayala Osuna, J. T. 9622
Ayala-Osuna, J. T. 10726
Ayan, A. K. 2531
Ayana, A. 6232, 9638
Ayasse, M. 10401
Ayaydin, F. 10699
Ayaz, F. A. 8943
Aycock, M. K., Jr. 2534
Aydin, H. 706
Aydın, Ş. 6721
Aydin, S. 7514
Ayele, M. 7667, 12290
Ayerbe, L. 5384, 6443
Ayet, G. 12329
Aygün, A. 6732
Ayiecho, P. O. 5138
Ayliffe, M. 12126
Ayliffe, M. A. 4621
Ayre, D. J. 8278
Ayres, D. R. 8752, 12291
Ayres, J. F. 8757
Ayres, P. G. 10676
Aytaç, S. 2531
Aytasheva, Z. G. 4096
Ayub, R. 3256
Ayub, R. A. 4347
Ayub Khan 1570, 1575, 9053
Ayyamperumal, A. 2995, 9688
Ayyanar Manickam 9879
Azad, S. A. 1396
Azadegan, G. H. 5288
Azalea Wholesale Nursery 7043
Azam, M. 4081
Azarova, T. S. 10990
Azevedo, D. M. P de 3408
Azevedo, D. M. P. de 10175
Azevedo, R. A. 3920, 9626
Azfer, M. A. 10801
Azhaguvel, P. 5148-5149, 7521
Azhar, F. M. 2946, 8178
Aziz, A. A. 10203
Aziz, A. N. 5471, 12443
Azizi, A. 6291
Azmi, R. 2294
Azoulay, H. 3388
Azuma, M. 9876
Azzam, O. 4076, 12255
Azzini, A. 9120
Baab, G. 4394
Baalbaki, R. 10089
Baarlen, P. van 9391
Baaziz, M. 575
Baba, K. 2826, 8458, 8549, 9462
Baba, T. 1041, 8610
Babbar, A. 2895
Babeau, J. 1507
Babiano, J. 7035
Babiano, M. J. 7031-7034
Babiker, E. E. 6240
Babiychuk, E. 188, 4900
Babu, A. M. 3459
Babu, C. 1593, 4553, 11346
Babu, K. V. S. 11171
Babu, P. P. P. 2064, 10778
Babu, P. R. 3459
Babu, R. C. 6294
Babu, S. S. 9747
Bacarin, M. A. 5359
Bach, D. J. 12150
Bach, I. 10993
Bacha, M. A. 2431
Bachmair, A. 7739
Bachmann, K. 8862-8863
Back, K. W. 502, 1617
Back KyoungWhan 502, 1617
Backert, S. 11050
Backhaus, R. A. 498, 3255
Backhausen, J. E. 6481
Backiyarani, S. 648, 12211
Backlund, J. E. 411
Backus, E. A. 10977
Bacon, C. W. 12162
Bacon, P. 4657
Bacon, R. K. 3829
Badaeva, E. D. 5257, 9538
Badaloo, G. 6900
Badaoui, S. 12737
Badawi, M. A. 5470
Badawy, O. M. 10203
Baden, C. 2813
Badenes, M. L. 3292, 3416, 6688, 8942, 10099
Badger, M. 8141
Badger, M. R. 8144-8145, 9096
Badhe, P. L. 10178
Badiyala, S. D. 10079, 11240
Badole, S. B. 6581
Badr, S. S. M. 11418
Badshah Khan 2308
Badul, J. 3223
Badwal, S. S. 3424
Bae, J. M. 7798, 10221
Bae, S. Y. 8344-8345
Bae JungMyung 7798
Bae SuYoung 8344-8345
Baek, H. J. 8116
Baek, I. Y. 7704-7705, 7753
Baek, M. K. 7615
Baek, S. B. 1023-1026
Baek HyungJin 8116
Baek InYoul 7704-7705, 7753
Baek ManKee 7615
Baek SeongBum 1023-1026
Baenziger, P. S. 11846, 11873
Baergen, K. 4476
Baerson, S. R. 18
Baert, J. 6514, 9957
Báez, M. 2627
Bag, T. K. 7413
Båga, M. 9434, 9467, 9490
Bagali, P. G. 9715, 10829
Bagatta, M. 4286
Bagchi, D. K. 12234
Bagchi, G. D. 11579, 11581
Bagge, J. O. 11826
Baggett, J. R. 4319
Baggio, C. 9155
Baghel, M. S. 7721
Bagherpour, H. 6291
Baginsky, S. 8056
Bagnara, D. 2816
Bagnaresi, P. 5107
Bagudai, S. 1526
Báguena, M. 7882
Baguma, Y. 12479
Bahadur, B. 9586
Bahadur, P. 958
Bahcevandziev, K. 452-453
Bahk, J. D. 440
Bahk JeongDong 440
Bahl, J. R. 11607, 11613
Bahlo, M. 6045
Bahraei, S. 3859
Bahrami, A. R. 4577
Bahri, H. 3870
Bai, D. 2867, 6925, 6942
Bai, D. I. S. 9651
Bai, G. H. 12290
Bai, H. F. 2836
Bai, H. H. 12915
Bai, L. X. 10267
Bai, S. L. 9675
Bai, S. Q. 9733
Bai, X. F. 6005
Bai, Y. F. 7379
Bai, Y. H. 359

Bai, Y. Y. 7867
Bai, Y. Z. 7315
Bai, Z. J. 238
Bai, Z. L. 9637
Bai, Z. Y. 12698
Bai GuiHua 12290
Bai HeFeng 2836
Bai HuanHong 12915
Bai LiXin 10267
Bai ShiQie 9733
Bai SuLan 9675
Bai XueFang 6005
Bai YongHe 359
Bai YunFeng 7379
Bai YuYu 7867
Bai YuZhang 7315
Bai ZhiJian 238
Bai ZhiLiang 9637
Bai ZhiYing 12698
Baĭborodin, S. I. 4222
Baidoo, S. K. 168
Baier, A. 3808
Baier, K. 3736
Baier, M. 6034, 8489
Baigorri, H. 10991
Baik, B. K. 170-171
Baik ByungKee 2220
Bailey, B. 3661
Bailey, J. P. 8752
Bailey, K. J. 7636
Bailey, L. G. 3795
Bailey, M. 12094
Bailey, P. C. 3801
Bailey-Serres, J. 220, 9285
Baillieul, F. 6710
Baimatov, K. I. 6060
Bain, H. 8824
Bainiwal, C. R. 12167-12168
Bains, P. S. 12457
Baird, E. 176
Baird, S. J. E. 634
Baird, W. V. 12662
Bairl, A. 9804
Bairoch, A. 3718
Baisakh, B. 1637, 6466, 7526-7527, 7785
Baitullah 1566
Baíza, A. M. 5902
Baj, T. 7158
Bajaj, K. L. 4618
Bajaj, R. K. 6859-6860
Bajaj, S. 10813
Bajaj, Y. P. S. 814
Bajema, R. W. 11043
Bajon, C. 10519
Bajpai, G. C. 7774
Bajpai, S. 2669
Bak, S. 2465
Bakałdina, N. B. 6224, 7317
Bakalova, E. 12309
Baker, A. 854, 9341
Baker, B. 6492, 8155
Baker, B. J. 12822
Baker, C. A. 9536
Baker, C. M. 647
Baker, G. T. 10728
Baker, M. E. 6541
Baker, N. 12814
Baker, R. J. 9422
Baker, S. K. 6317
Bakhetia, D. R. C. 10150
Bakhsh, A. 5404, 10999
Bakka, E. 11080
Bakker, F. T. 8287
Bakker, J. 7819, 11082, 12468
Bakó, L. 57, 7255
Bakonyi, L. 3331
Bakos, Á. 12313
Bakry, F. 2400, 2423, 6509, 7998
Bakshi, R. 9063
Balaci, R. 12644
Balagué, C. 871, 4347
Balakrishna, P. 3688, 8705
Balakrishna Reddy, M. 7493
Balakrishnan, R. 665
Balandras-Chatot, C. 8840
Balangé, A. P. 3187
Balardin, R. S. 5361
Balasubramaniam, T. 5143
Balasubramanian, S. 1902
Balatti, P. A. 9769
Balázs, E. 1393, 10487
Balbo, I. 9329
Balcerzak, M. 12726
Balcı, B. 6726
Balčiūnienė, L. 3925
Balconi, C. 2924, 6257
Baldan, B. 10043
Baldev, A. 2448
Baldi, M. 3096, 6425
Baldi, P. 7447
Baldin, E. L. L. 11166
Baldini, M. 3443, 11292
Baldini, R. M. 3421
Baldoni, L. 6867, 8073, 11310-11311, 11315-11316
Baldridge, G. D. 3055
Balduini, C. 102, 7699
Balduini, E. 139
Balduman, L. M. 11512
Baldwin, F. 8726
Baldwin, F. L. 12267
Baldwin, I. 2725
Balesdent, M. H. 626
Balestrini, R. 9225, 12397
Balevska, P. 11843
Balfourier, F. 12273
Baligar, V. C. 8580, 9506
Balikai, R. A. 9648, 9886, 10158
Baliuckas, V. 10284
Balko, C. 4285, 4287, 7812
Ball, T. 2133, 12297
Ballester, A. 6995
Ballester, J. 499, 2433, 6762
Ballesteros, J. 3912
Ballicora, M. A. 1332
Ballinger, S. 7090
Ballington, J. R., Jr. 4452
Ballment, E. R. 7012
Balma, D. 9055
Baloch, A. H. 6959
Balogh, Z. 8989
Balokhina, N. V. 5791
Balota, M. 9519
Baltensperger, D. D. 10745-10746
Baltisberger, M. 9173
Baltunis, B. S. 5825, 8262
Baltz, R. 5763, 8063
Baluška, F. 5117
Balyan, H. S. 2843, 11834, 11868
Balzergue, S. 32, 5751
Bamberg, J. B. 8831, 8833-8834, 12453
Ban, M. R. 6942
Ban, T. 9524
Bañados, M. P. 9227
Banba, H. 10946
Bancroft, I. 4851
Bandaranayake, C. K. 12744
Bandaranayake, H. 1063
Bandaratillake, H. M. 4802
Bandel, G. 6984, 7691
Bandino, G. 11303
Bandyopadhyay, A. 9049, 11333
Bandyopadhyay, A. K. 4025, 9704
Bandyopadhyay, B. B. 5151-5152
Bandyopadhyay, S. 4636
Banerjee, A. K. 1643
Banerjee, H. 5409, 10997
Banerjee, M. 8578
Banerjee, M. K. 2304
Banerjee, S. 6929, 11579
Banerjee, S. K. 4615
Bánfalvi, Z. 5460, 11020
Bang, J. W. 2281
Bang, K. S. 8817
Bang, S. W. 423-424, 6796, 12505
Bang JaeWook 2281
Bang SangWoo 423-424, 12505
Banga, S. K. 606
Banga, S. S. 588, 606
Baniel, A. 4220
Banik, R. L. 4802
Bankole, S. A. 11891
Banks, F. M. 6938, 9094
Banks, J. A. 12941, 12980-12981
Banks, M. K. 319
Banks, P. M. 997
Banks, S. W. 11424, 11426
Banks, T. 10541
Banno, K. 8941
Bannon, G. A. 5709
Banowetz, G. M. 11382
Bansal, M. 5045
Bansal, R. P. 11607, 11613
Bansal, U. K. 10832
Bantilan, M. C. S. 4010-4011, 4229, 4797
Bañuelos, G. S. 10590
Bañuelos, O. 127
Banumathy, S. 10820, 10826
Banymandhub-Munbodh, K. 2638
Banzie, J. S. de 6396
Bao, G. L. 8687
Bao, J. S. 5983, 8708
Bao, M. Z. 7960
Bao, S. D. 1969
Bao, S. Y. 5445
Bao, W. K. 7465
Bao, Y. M. 1626
Bao, Z. F. 7538
Bao GenLiang 8687
Bao JinSong 5983
Bao ManZhu 7960
Bao ShiDan 1969
Bao ShiYing 5445
Bao WenKui 7465
Bao YiMing 1626
Bao ZhengFa 7538
Bapat, V. A. 844, 10068
Bar-Peled, M. 9324
Bar-Zur, A. 11987
Barabé, D. 8526
Baradat, P. 1605
Barai, B. K. 12574
Barak, S. 2516
Barakat, A. 27
Barakat, M. N. 3876, 8583
Barakate, A. 4828
Baraldi, M. 8189
Baraldi, R. 5541
Barandiaran, X. 5493, 7844
Baranger, A. 591, 5387, 5389, 8038
Barannikova, N. N. 8312
Baranyi, M. 9931
Baravelli, M. 105, 8595
Barba, M. 2307, 5546-5547
Barba de la Rosa, A. P. 9790
Barber, C. 4695
Barber, J. 4695
Barber, L. 5370
Barber, L. I. 2253
Barber, S. 6835
Barbeyron, G. 445
Barbier-Brygoo, H. 8483, 8498
Barbieri, G. 6521
Barbieri, M. 5935
Barbieri, R. L. 10682
Barbosa, C. J. 10118
Barbosa, D. J. 1634
Barbosa, L. V. 1392
Barbosa, M. L. 8003, 10069
Barbosa, M. M. 7351
Barbosa Abreu, Â. de F. 5354
Barbosa Abreu, A. F. de 12379
Barbosa Neto, J. F. 2893, 10607
Barbour, J. D. 2701
Barbrook, A. C. 4922
Barcaccia, G. 2136, 2876, 10341
Barceló, J. 4208
Barceló, M. 2366
Barceló, P. 11818, 11878
Barcelo, P. 952, 7347, 7376, 9440, 11660
Barchend, G. 4301
Barcikowska, B. 6805
Barciszewska, M. Z. 3719
Barciszewski, J. 3719, 5972
Barclay, E. L. 8378
Barclay, I. 136
Bardasano, J. L. 2572
Bardat, F. 7246
Bardin, M. 12596
Bardon, D. 2343
Bardon, J. C. 9084
Bardsley, D. 11933
Barelli, M. A. A. 6422
Barendse, G. W. M. 7887
Baret, P. V. 3769
Barghchi, M. 1553, 4494, 4586, 4666
Bargues, M. 9332
Bari, A. 3896
Barić, M. 4997
Baričevič, D. 3170, 4764
Barik, K. C. 5243, 12298
Barinova, Y. V. 4977
Bariola, P. A. 3759
Barkan, A. 7472
Barken, D. 5974
Barker, D. G. 10904
Barker, H. 2247, 3171, 12466
Barker, J. H. A. 9137
Barker, K. R. 12370, 12613, 12839
Barker, N. P. 6343, 10880
Barker, P. 4127
Barker, R. E. 4089, 12671
Barker, S. J. 479, 3720
Barker, W. C. 3717
Barlow, P. W. 9321, 10696
Barloy, D. 5049
Barloy, J. 1089
Barma, N. C. 7395
Barna, B. 5255
Barnabás, B. 1077, 3976, 4978, 9625, 12093
Barnard, V. 4826
Barneix, A. J. 4979
Barnes, D. K. 4130, 6354, 9752
Barnes, J. M. 3490
Barnes, M. F. 11538
Barnes, R. D. 9145
Barnes, S. 2505
Barnett, D. C. 7248
Barnett, R. D. 6188
Barnhart, D. 7740
Barnhart, D. R. 3804
Barnóczki, A. 6515, 6523
Barnóczki-Stoilova, E. 6515, 6523
Baronchelli, M. 8594
Barone, A. 4259, 8819
Barone, E. 3397, 3409
Barr, A. R. 9573
Barraclough, T. G. 1907
Barratt, N. M. 9336
Barratt, P. 5370
Barre, A. 1818, 6738, 7226, 8330, 9925
Barre, P. 8117
Barreneche, T. 2571
Barrero, R. A. 4063
Barret, H. C. 10076
Barret, P. 602, 1550, 11259
Barreto, D. 3090
Barreto, E. C. 12897
Barrett, B. A. 112-113
Barrett, D. M. 483, 1472
Barrett, J. A. 5888
Barrett, J. D. 5823, 12893
Barrett, S. C. H. 2790, 8313, 10392
Barrie, F. R. 5234
Barrière, Y. 1082, 2935-2936, 5122, 6196, 6217
Barrieu, F. 12510, 12813
Barriga B., P. 6131, 9500
Barro, C. 6237
Barro, F. 952, 6819, 8537, 11818
Barron, A. 8309
Barron, J. E. 9823
Barros, E. G. de 5301, 7750, 8770, 8791, 9826
Barros, F. de 1762
Barros, L. M. G. 3104
Barroso, G. 7169, 9224
Barrow, S. C. 4491
Barry, B. D. 12135, 12140
Barry, C. S. 9969
Barry, G. H. 11231, 12686

Barry-Etienne, D. 10211
Barta, A. 7225, 7228
Barták, M. 7369
Bartel, B. 6025, 8470
Bartels, D. 3632, 12942
Barthels, N. 3701, 8441
Barthes, L. 3979
Bartish, I. V. 3276, 6632, 7947, 9005
Bartkowiak-Broda, I. 6776, 6799
Bartlem, D. 11728
Bartók, T. 7408
Bartolini, G. 8420, 11305, 11308
Bartoloni, N. 12085
Bartolozzi, F. 2473
Barton, J. 5283
Barton, M. K. 10546
Barton, N. H. 3767
Barton, S. 7084
Bartoš, P. 5047
Bartsch, D. 6911, 11352, 12777
Baruah, R. K. S. M. 12256
Baruah-Wolff, J. 8693
Baruzzi, G. 550, 552, 3310, 5611, 5613, 8990
Barwal, R. N. 9953
Barz, W. 9859, 10995-10996
Baša, A. 11091
Basak, U. C. 7005
Başal, H. 10711
Basallote-Ureba, M. J. 12500
Basandarai, A. K. 1980
Basandrai, A. K. 5037, 10642
Basarkar, P. W. 9639
Basavarajaiah, D. 11000, 11007
Başer, K. H. C. 11620
Basford, K. E. 658, 5707, 6133, 8104, 9779
Basha, E. M. 5024
Bashamboo, A. 10801
Bashaw, E. C. 236
Basheeruddin, M. 7491, 7493, 10734
Bashir, M. 11012
Basile, B. 4262
Basili, F. 5029
Basim, H. 2721
Basiulienė, B. 4793
Baskaran, K. 2681, 7141, 7157
Baskarrajan, G. 11147
Baskin, T. I. 10710
Basler, P. 3321
Basnyat, R. C. 12237
Bassett, C. 4435
Bassett, M. J. 5352, 7742
Bassey, M. N. 11090
Bassham, D. C. 10528
Bassi, G. 5436, 10020
Bassi, R. 9571
Bassoni, D. L. 1700-1701
Basti, C. 10165
Bastian, H. 7214
Bastianelli, D. 6440-6441
Bastida, J. 7116
Bastien, J. C. 10031, 11510-11511
Bastola, D. R. 3053, 9753
Basu, A. 10630
Basu, A. K. 10271
Basu, U. 10630
Basurco, F. 10289
Baszczynski, C. L. 10698
Bataglia, O. C. 6982
Bataillon, T. 933
Batanero, E. 10163
Batchvarova, R. 1630, 12242
Bate, N. J. 22, 2765, 6040
Batge, S. 1297
Batge, S. L. 7758
Bati, C. B. 11317
Batista, F. 8403
Batista, F. A. S. 10175, 10264
Batista, L. A. R. 3041, 12294
Batlle, I. 2433, 3379, 3381, 3391, 3409, 9019, 9022, 9027, 10081, 10093
Batra, N. 5436
Batra, R. C. 11238
Batra, S. D. 10133
Batschauer, A. 1857, 4886, 11769
Batson, W. E. 12842
Battaglia, A. 7874
Battaglia, E. 6053, 9386
Battey, N. H. 2368
Battilani, P. 12784
Battistin, A. 3061, 3063, 4117, 6373, 10894
Batty, N. P. 6148
Batugal, P. 5925
Bauchan, G. R. 8754
Baucher, M. 5252
Bauchot, A. D. 8898
Baudino, M. 552, 3311, 8991
Baudo, M. M. 2240
Baudoin, J. P. 4205, 5357-5358, 7745, 9116, 10963
Baudouin, E. 10237
Baudouin, L. 1565, 5700
Bauer, E. 3940, 11967
Bauer, M. 5771-5772
Baugh, T. 11443
Bauland, C. 6196
Baulcombe, D. 12468
Baulcombe, D. C. 1613, 1633, 3177, 7818, 9908, 12257, 12827
Baum, B. 8674
Baum, B. R. 1993, 2882, 2894, 3795, 4110, 5682, 8666
Baum, D. A. 10580, 12796
Baum, M. 1308, 5272, 5407, 5411, 5428, 7331, 12408, 12411
Baumann, A. 10540
Baumann, E. 891, 905
Baumann, K. 6926
Baumann, T. W. 2512
Baumes, R. L. 571
Bäumlein, H. 9551
Baurens, F. C. 5727, 11719
Bautista, F. F. 8825
Bavage, A. 593
Bavaresco, L. 3325
Baverstock, P. R. 8381, 9214
Baviskar, A. P. 10178
Baxa, S. 9924
Baxter, E. D. 10668
Baxter, R. 8832
Bayaa, B. 1308, 5292, 5407
Baydar, H. 8092, 11336
Bayer, R. J. 5509, 8762, 10931
Bayet, C. 11609
Bayliss, C. 4142
Baynton, C. E. 8478
Bayonove, C. L. 571
Baysdorfer, C. 11984
Bazin, R. 9748
Bazzalo, M. E. 4533
Beach, A. 11441
Beachy, R. 3020
Beachy, R. N. 1128, 2968, 5225, 5775, 8128, 12545, 12993
Beales, J. 10587
Beals, T. P. 4864
Bean, S. J. 10993
Bear Creek Gardens Inc 7078-7079
Bearzoti, E. 6043
Bearzotti, E. 9982
Beattie, A. D. 3101
Beatty, M. K. 3959
Beauchemin, K. A. 10901-10902
Beaudoin, M. 1669
Beaujean, A. 2228, 2519, 4309
Beaulieu, J. 7015, 7024
Beaumont, A. J. 11526
Beaumont, V. 12048
Beaver, J. 8789
Beaver, J. S. 1290, 4209, 7746, 7749
Bebyakin, V. M. 10622
Bec, S. 2082
Bechere, E. 9743, 11431
Bechthold, A. 8266
Bechtold, N. 37, 1881, 2754, 3726, 11735
Bechyně, M. 9035
Bėčius, V. 2206
Beck, A. 12806
Beck, D. P. 8786
Beck, E. 5227-5228, 8730
Beck, H. 578
Beck-Bunn, T. 1389
Becker, A. 11788
Becker, D. 6013
Becker, H. A. 11996
Becker, H. C. 618, 2012, 2447, 6821
Becker, J. 12423
Becker, K. 1215
Becker, R. 3114
Becker, T. W. 1856, 4349
Becker, W. M. 2324
Beckert, M. 209
Beckett, R. P. 11526
Beckham, K. A. 4377
Beckman, T. G. 4409, 4443, 4445
Béclin, C. 2730
Becraft, P. W. 3703, 6210
Bečvář, J. 10194
Bedalov, M. 3613
Bede, M. 2818, 5015, 9424, 9475
Bédécarrats, A. 3032
Bedendo, I. P. 1204
Bedford, B. M. 1796
Bedford, M. R. 10596
Bedinger, P. 12038
Bednorz, L. 9160-9161
Bedő, Z. 1963, 7377
Beebe, S. 3670
Beek, S. D. 2043
Beelaman, R. B. 7898
Been, B. O. 3456
Beena Pillai 3430, 3466, 3477, 11411
Beetham, P. R. 11370
Béghin, D. 7450, 10670
Begna, S. H. 8639
Béguiristain, T. 4637
Begum, S. 11450
Behairy, T. G. 4234
Behal, R. H. 11743
Beharav, A. 1956, 6087, 11162
Behboudian, M. H. 7872
Behe, M. J. 9397
Behl, R. K. 1973, 8557, 8560, 10112
Behringer, F. J. 8887, 11105
Bei-Paraskevopoulou, T. 10663
Beier, H. 2518
Beiles, A. 6087, 8550
Beissner, L. 10206
Bejiga, G. 5430
Bekal, S. 3810
Bekavac, G. 5128, 7477, 7501
Beke, M. 4313
Bekele, E. 5722, 6232, 9638, 10184
Békés, F. 7376, 11878
Bekes, F. 3858, 3866, 5284
Békésiová, I. 5771-5772
Bekkara, F. 4203
Bekov, R. 11097
Bel, A. J. E. van 11720
Belaj, A. 11313
Belanger, F. 7864
Bélanger, G. 3046
Belay, G. 2832, 3849, 11844
Belbahri, L. 11746
Belcram, H. 6152
Belding, R. D. 1426
Beléia, A. D. P. 3079
Belenghi, B. 6403
Belesky, D. P. 2150
Belhassen, E. 6846
Beligni, M. V. 11039-11040
Beljo, J. 8146
Bell, A. A. 6961, 12841
Bell, J. 6474
Bell, P. 1066
Bell, S. A. 1547
Bella, J. L. 6846
Bella, S. la 5665
Bella-Manga 10077
Bellaloui, N. 92, 4590
Bellamy, A. 2293
Bellarosa, R. 738
Bellés, J. M. 4869
Belletti, G. O. 11455
Belletti, P. 732
Bellini, E. 1421, 1468, 5595, 7993, 8945, 8954, 8961, 11194
Bellis, L. de 1411
Bellis, R. de 9225
Bello, L. L. 6278
Bello, S. A. 3996
Bellocchi, G. 531
Bellomo, M. P. 970, 995, 5008, 9465
Bellon, M. 3665
Bellon, M. R. 5157, 8432
Bellstedt, D. U. 9269
Bellucci, M. 3962
Belmonte, S. 7223
Belokon', M. M. 763
Belokon', Yu. S. 763
Belorit, A. 675, 10196-10198
Beloshapkina, O. O. 4454
Belouin, A. 8925
Belousov, A. A. 10712
Belova, L. I. 7321, 11840
Belton, P. S. 521
Beltrán, G. 11328
Beltrán, M. 1505, 5632
Beltrão, N. E. de M. 6966
Beluffi, M. 5515
Belyaev, A. I. 7686
Belyaev, N. D. 9170
Belyaeva, E. V. 10742-10743
Belyaeva, N. A. 7686
BeMiller, J. N. 5121
Ben-Amer, I. M. 4965
Ben-Dor, B. 12350
Ben-Meir, H. 12911
Ben-Salem, M. 1928
Ben Younes, M. 8627
Bena, G. 4133, 5253
Benabdelmouna, A. 4742
Bénaouf, G. 12623
Benatti Júnior, R. 9120
Benavides D., F. 11220
Bendahmane, A. 7818, 9908, 12468
Bendahmane, M. 12993
Bendale, V. W. 5201
Bendezu, I. F. 11044
Bendiab, K. 575
Benedek, P. 8926
Benedettelli, S. 12593
Benedí González, C. 3067
Benedičič, V. 1418
Benelli, C. 11314
Benešová, A. 2342
Benfey, P. N. 4890, 7219, 11783
Bengtsson, A. 11253
Benhamou, N. 2251
Benincasa, P. 8895, 9703
Beninger, C. W. 1289
Benitez, R. 12381
Benito, C. 2010
Benito, M. E. G. 775
Beniwal, M. S. 2862, 11897
Beniwal, S. P. S. 5422
Benlahbib, O. 6151
Benmoussa, M. 2104, 7581
Bennaceur, M. 9417
Benne, R. 5965
Bennet, R. J. 144
Bennett, A. B. 947, 9965
Bennett, C. 10091
Bennett, J. 1188, 5156
Bennett, M. 1863
Bennett, M. D. 1910, 9389
Bennett, M. J. 25, 56
Bennett, R. 9380
Bennett, R. N. 12725
Bennett, S. J. 4817, 6320, 7177, 7639-7641, 8741
Bennetzen, J. L. 951, 2025-2026, 11814
Bennici, A. 1629
Benning, C. 906, 8486, 9329, 9339, 10529
Benrebiha, F. 7638
Bensalim, S. 1341

Benscher, D. 9463
Benslimane, A. 11246
Benson, B. 7178
Benson, B. L. 7862
Benson, E. E. 3780, 9240
Bent, A. F. 2743, 6401, 6404
Bentika, A. 6151
Bentolila, S. 9189
Bentrup, F. W. 4752
Bentur, J. S. 12264
Bentz, J. A. 12883
Benveniste, I. 63
Benveniste, P. 892, 7230
Benvenuto, E. 8157, 12798
Benzie, J. A. H. 7012
Benzioni, A. 649
Béon, F. 32
Beppu, K. 8978
Beppu, T. 8808
Berardo, N. 2924, 10714
Berding, N. 654, 6894
Berdnikov, V. A. 8795
Bered, F. 8620, 10682
Berenguer, T. 9020
Berenguer, V. 10094
Berenguer-Navarro, V. 1539, 6764-6765
Berenji, J. 2561
Beretta, M. J. G. 2427
Berg, C. C. 4089
Berg, G. C. van den 5839
Berg, J. van den 2060
Berg, P. van den 12525
Berg, R. G. van den 2286
Berg, R. L. 4921
Berg, R. Y. 2628
Berg, T. van den 9216
Bergelson, J. 11779
Bergen, S. van 5058
Bergen, U. 4588
Berger, D. K. 2246
Berger, F. 911
Berger, G. U. 12359
Berger, P. H. 8800
Bergervoet, J. E. M. 3182, 4265
Bergervoet, M. 6477
Bergès, T. 7232
Bergey, D. R. 5539
Bergh, M. O. 10666
Bergman, C. J. 132
Bergmann, B. A. 11482
Bergounioux, C. 4579
Berhane, L. 1045
Beringer, J. E. 8444
Berke, T. 12566
Berkemeyer, M. 3749
Berkov, A. 578
Berková, K. 3532
Berlakovich, S. 9525
Berlan, J. P. 11663
Berloo, R. van 3746, 4830
Bermejo-Velázquez, B. 12888
Berna, A. 5025
Berná, G. 10538
Bernad, D. 3389
Bernal, C. 10374
Bernal, J. J. 2538
Bernal-Lugo, I. 12380
Bernard, M. 1935, 1964
Bernard, M. J. 10066
Bernard, S. 1935
Bernard-Vailhé, M. A. 5252
Bernardello, G. 10083
Bernardi, G. 27
Bernardi, R. 11308
Bernardo, G. di 6771
Bernardo, R. 5937, 5944
Bernasconi, P. 1860
Bernáth, J. 11616
Bernatzky, R. 2435
Bernd-Souza, R. B. 2400
Berner, H. S. 160
Bernhardt, J. L. 2078, 7528, 7619
Bernhardt, P. 11553
Bernier, C. C. 12409-12410
Bernier, F. 3571, 5025
Bernier, G. 1847, 4862
Berry, A. M. 7094, 7161-7162, 10453
Berry, G. J. 12396
Berry, J. O. 10876
Berryman, A. A. 1698
Bertain, P. B. 10123
Bertauche, N. 913
Bertea, C. M. 843
Berthaud, J. 8117
Berthelot, K. 1823
Bertholdsson, N. O. 3933, 8602
Berthouly, M. 10211
Bertini, L. 1790, 3883, 7171, 8393
Bertocchi, P. 564
Bertolini, M. 5087, 5089-5090, 10714
Bertolucci, F. L. 3558-3559
Bertozzi, T. 10091
Bertram, L. 4350, 8885
Bertrand, B. 10211
Bertrand, C. 5933
Bertrand, D. 4220
Bertschinger, L. 11175
Beruto, D. 11787
Beruto, M. 11787, 12932
Bervillé, A. 11271, 11273, 11291, 11650
Berzonsky, W. A. 11841
Beshir, T. 10960
Besirli, G. 12592
Besle, J. M. 5122, 5252
Besler, B. A. 4538
Bessa, A. M. S. 2439, 3404, 3414
Besse, P. 1590, 6894, 9060
Bessho, H. 2336-2337, 6637, 8914
Beta, T. 10753
Bethke, J. A. 1743
Betin, M. 7660
Betsche, T. 9971
Bettany, A. J. E. 3036, 8740
Betteravier 9069
Bettini, G. 5735
Bettini, P. 493, 5541
Beudeker, R. F. 1824
Beulé, T. 8070
Beuning, L. 523
Beuning, L. L. 705
Bevan, M. 1827, 3714, 4851, 11836, 12526
Beven, A. 4975
Beven, A. F. 6101, 9596
Bevers, S. J. 12855
Beversdorf, W. D. 5733
Bewick, T. A. 7858
Beyel, V. 4357
Beyly, A. 2241
Beynon, J. 1874, 11780
Beynon, J. L. 1877
Bézard, G. 10210
Bezem, N. 8820
Bezerra, I. C. 8868, 11135
Bezerra Neto, E. 9052
Bežo, M. 11447
Bezooijen, J. van 11137
Bhadauria, N. K. S. 12440, 12743
Bhadauria, N. S. 12440, 12743
Bhadula, S. K. 3980
Bhadur, P. 5030
Bhag Mal 8750
Bhagabati, K. N. 10873
Bhagsari, A. S. 7719, 8769, 9915
Bhagwat, B. 568
Bhajan, R. 10129, 10129, 10132, 10137
Bhale, U. 4298
Bhalerao, R. 57, 66
Bhalerao, R. P. 7255
Bhalla, J. K. 6456
Bhalla, P. L. 1367, 3214, 5876-5877, 7097, 10496, 10812
Bhalla-Sarin, N. 11241
Bhan, M. K. 9956
Bhandari, H. S. 288, 6248, 10640
Bhandari, J. C. 12084
Bhandarkar, S. 11170, 12215
Bharad, S. G. 11409
Bharathan, G. 11808
Bharathi, M. 3023
Bharati Ghosh 10860
Bhardwaj, H. L. 7719, 12330
Bhargava, S. C. 6929
Bharmal, C. D. 9128
Bhaskar, V. 1137
Bhat, B. V. 8750
Bhat, K. V. 2037
Bhat, M. G. 11251
Bhat, S. R. 2456, 12969
Bhat, S. S. 12968
Bhat, V. 8750
Bhate, R. H. 5848
Bhatia, C. R. 4832
Bhatia, D. S. 6810, 10117
Bhatia, S. 12958
Bhatnagar, R. K. 3536
Bhatnagar, S. K. 206
Bhatnagar, V. K. 4996
Bhatt, P. C. 3439
Bhatt, R. P. 7847
Bhatt, S. K. 9624
Bhattacharjee, B. 3001, 12197
Bhattacharjee, I. 7364
Bhattacharya, A. 837, 3646, 9863
Bhattacharyya, B. 12954
Bhattacharyya, M. K. 7725
Bhattacharyya, P. K. 12361
Bhattacharyya, S. K. 11019
Bhattarai, S. P. 488, 3199, 6573
Bhatti, G. R. 2684
Bhatti, M. S. 7189
Bhattiprolu, G. R. 10734
Bhattramakki, D. 10735
Bhatty, R. S. 5074
Bhau, B. S. 2726
Bhoo, S. H. 343
Bhoo SeongHee 343
Bhor, T. J. 9872
Bhowmik, A. 11073
Bhowmik, G. 2635, 5906, 12962
Bhoyar, H. S. 3139
Bhuiyan, N. I. 4057
Bhuyan, J. 5714
Bi, I. V. 9116
Bi, I. Z. 7745
Bi, X. Z. 7556, 7563
Bi, Y. F. 6346
Bi, Y. M. 10357
Bi XueZhi 7556, 7563
Bi YuFen 6346
Biagetti, M. 5029
Bialy, Z. 12310
Bian, Y. L. 9593
Bian YunLong 9593
Bianchi, A. 961, 2901, 8595
Bianchi, A. A. 108, 7507
Bianchi, G. 944
Bianchi, P. G. 3689
Bianchini, A. 12389
Bianchini, C. 9181
Bianchini, R. S. 5483
Bianco, J. 4395
Biancolatte, E. 1924
Biao, D. 1626
Biao Ding 1626
Bibishev, V. A. 6224
Bichoński, A. 9587, 10625
Bick, J. A. 6876, 7307
Bicknell, K. B. 7283
Bicknell, R. A. 7283
Bidinger, F. R. 4012
Bièche, B. 11642
Biehler, K. 1856
Biel, C. 3391, 10093
Bielawska, A. 6115-6117
Bieliūnienė, A. 3916
Bieniek, J. 6816
Bier-Kamotzke, A. 8987
Bieri, S. 9667
Biermann, B. J. 6396
Bierne, J. 2378
Bies, N. 1850
Biesgen, C. 7222
Biezen, E. A. van der 4824
Bigirwa, G. 12117
Bignell, C. M. 6992, 11464
Bigras, F. J. 1697
Bijit Bhattacharyya 12954
Bijoya Bhattacharjee 12197
Bijral, J. S. 2831, 3840, 7352, 10108, 10110
Bila, A. D. 8218
Bilang, R. 5164
Bilbao, O. 10365
Bilgener, S. 1454
Bilgin, M. 9603
Bilic, I. 7739
Bilinskaya, E. N. 7418
Bilişli, A. 12705
Billot, A. 1964, 11877
Billot, C. 3651
Billotte, N. 11719
Bilodeau, P. 917, 4871, 4889, 11721
Biloni, M. 9656
Bilyeu, K. D. 9602
Bin, L. 3498
Bina Pillai 3139
Binarová, P. 3091
Binarova, P. 1620, 4127
Binder, B. F. 12139
Binder, B. M. 52, 3734
Binder, S. 7754, 8461, 9365
Binder, T. 8634
Binelli, G. 764
Bingham, E. T. 3048, 4121, 4124
Biniari, K. 2376
Bink, M. C. A. M. 8514
Binns, A. N. 91
Bino, B. 9779-9780
Binsfeld, P. C. 11290
Bir Bahadur 9586
Birari, S. P. 3145, 5201
Birch, A. N. E. 4310, 5454
Birch, P. R. J. 12462-12463
Birch, R. G. 1616, 4540
Birchler, J. A. 5100
Bird, A. 8309
Bird, C. R. 2396
Bird, D. M. 11136
Bird, P. 8010
Birendra Kumar 11608
Birhman, R. K. 5933
Biringen, G. 11250
Bisanz, C. 3747
Bisaria, A. K. 1651
Bischoff, F. 4833
Bishnoi, S. 1257
Bishop, D. J. 1238
Bishop, G. J. 5532
Bishop, K. J. 9818
Bisht, M. S. 2152, 6408
Bisht, V. S. 12457
Bisignano, V. 4972
Bisseling, T. 1304, 4159, 5758
Bissessur, D. 11342
Bist, H. S. 8026
Biswas, A. 4044
Biswas, A. K. 12761
Biswas, S. 10303
Biswas, V. R. 7847
Bitsch, C. 116
Bittenbender, H. C. 10098
Bitter, S. 3961
Bitti, A. 5029
Bitti, O. 8157
Bittisnich, D. 727
Bittisnich, D. J. 12816
Bittner-Eddy, P. 11780
Bittner-Eddy, P. D. 1877
Bizily, S. P. 9371
Björkman, O. 8490
Bjørn, G. K. 11061
Bjourson, A. J. 12318
Black, H. L. 12269
Black, M. C. 4538
Black, R. G. 8796
Blackhall, N. W. 4633
Bladergroen, M. R. 7212
Blagoeva, V. 3154
Blaha, G. 9083
Bláha, L. 956
Blahut-Beatty, L. M. 8321
Blair, M. W. 7557
Blaise, S. 8499
Blake, N. K. 1002, 8577
Blake, T. 8599
Blake, T. K. 8535, 9548, 11834
Blakeley, S. D. 8142

Blakeney, A. 12189
Blakeway, F. C. 1691
Blanchard, P. 227, 4523, 11296
Blanchet, P. 8948
Blanco, A. 970, 995, 4972, 5008, 9443, 9465, 9497
Blanco, M. A. 8017
Blanco, M. de los A. 5643
Blanco, R. 6195, 12597
Bland, D. E. 3907
Blangiforti, S. 5340, 9759, 12432
Blanka, K. 12399
Blankenship, S. M. 1426
Blanquer, A. 1783
Błaszczyk, L. 6883
Blatt, M. R. 913, 4581
Blatt, R. 9544
Blattner, F. R. 8863
Blauth, J. R. 2316, 12565
Blauth, S. L. 12552
Blay, R. 6436
Blaylock, A. D. 4160
Blažek, J. 2342, 6628-6629, 6651, 6668, 8972, 11181-11182
Blazhev, V. 4125
Blažková, J. 6670, 7968
Blázquez, M. A. 3750, 11770
Blears, M. J. 2731
Blecher, O. 2828
Blechl, A. E. 9488-9489
Blee, K. A. 9819
Bleecker, A. B. 52, 3734, 9326
Bleeker, W. 3793
Blehová, A. 9045
Blenis, P. V. 11261
Blervacq, A. S. 12942
Bleser, E. 3323
Bletsos, F. A. 1394, 3250
Bleykasten-Grosshans, C. 2501
Bliffeld, M. 8618
Bligh, H. F. J. 4565, 8119
Bligny, M. 9595
Blinstrubienė, A. 4187-4188
Blintsov, A. N. 2533, 4977
Bloch, H. 9555
Block, M. A. 7856
Block, M. de 7216, 7347
Blocker, M. M. 2078, 7528
Bloem, M. 2060
Blomerus, L. M. 5840
Blomme, G. 5631
Blomstedt, C. K. 8753
Blomster, J. 12982
Blondon, F. 5251
Bloor, S. 4684
Bloor, S. J. 4743, 8324
Blowers, A. 695, 10387
Blum, A. 1010-1011, 4821, 5138, 6294
Blumenthal, A. 10218
Blumenthal, J. 316
Blumenthal, J. M. 3051
Blumwald, E. 11125, 11773
Blundell, C. 6323
Blundell, T. L. 11765
Boase, M. R. 1726, 2612, 2621, 4684
Boatella, J. 6772
Boavida, L. C. 5804
Bobák, M. 5117, 9045
Bobková, L. 1954
Bobowski, B. R. 6989
Bobrova, V. K. 6433
Boccara, M. 1605
Bocchini, P. 994, 3644
Boccon-Gibod, J. 422, 7834
Boch, J. 3762
Bochev, B. 2857-2858
Bochev, B. V. 9584
Bocheva, N. 2857-2858
Böck, A. 6380
Bock, A. 10225
Bock, R. 1769
Bock, T. S. M. de 9073
Bockel, C. 3632
Bocková, R. 3807
Bockstaele, E. van 2492, 3708, 4092, 4099, 4103, 4132, 4144-4145, 6514, 8732
Bockus, W. W. 7399, 7404
Bodanese-Zanettini, M. H. 2893
Boddey, R. M. 7525
Bodeau, J. 6579
Bodénès, C. 4669
Bodenes, C. 2571
Bodily, K. 3534
Bödvarsdóttir, S. K. 6332
Bodzon, Z. 12308
Boe, A. 4115, 7665
Boechat, S. de C. 10897
Boehm, C. L. 8357
Boer, A. de 5864
Boer, G. J. de 9302
Boerjan, W. 1667, 4648, 6021, 10296, 12874
Boerma, H. R. 3078, 7730, 8442
Boethel, D. J. 2701
Boetti, H. 10220
Boeuf, C. 6152
Bogaerts, P. 11376
Bogatsevska, N. S. 11124
Bogdanov, Yu. F. 7457
Bogdanova, V. S. 8795
Boggetti, B. 4500
Boggini, G. 1924, 2850, 2891, 8619, 10600-10601, 10658
Bogorad, L. 12050
Bograchåva, T. 5383
Bogracheva, T. Y. 9845
Bögre, L. 1620, 3091, 4127
Bogucki, A. 2780
Bogusz, D. 8213, 11489
Bohanec, B. 6643, 8857, 8873, 9935, 11070
Bohdanowicz, J. 11552
Bohlin, L. 8574-8575
Bohlmann, H. 3763, 4849
Bohlmann, J. 769
Bohman, S. 4502
Böhmová, B. 5309
Bohn, M. 1093, 6085, 12136
Böhner, S. 11361
Bohnert, H. J. 4819, 4860, 7192, 7194, 11689, 12943
Bohorova, N. 7344
Bohuon, E. J. R. 4334
Bohus, G. 7168
Boiça, A. L., Jr. 12133
Boidron, R. 1493
Boira, H. 1783
Boisselet, P. 849
Boissot, N. 4378
Boitel, C. 5389
Boiteux, L. S. 5462, 7820, 9899, 12450
Boivin, K. 3998
Bojang, M. 6461
Bojkova, V. B. 8967
Bojsen, K. 11626, 11635
Bokosi, J. 368
Bokosi, J. M. 5362
Bol, J. F. 4593, 11392
Bołam, M. 9777
Bolam, M. J. M. 9777, 9779
Boland, W. 2725
Bolandi, A. R. 11828
Bolar, J. P. 11176
Bolat, İ. 7949, 8977
Bolchi, A. 5110
Bollard, A. 4097
Bolle, C. 2285, 5191
Boller, B. 7662, 10887
Boller, T. 5320, 6937, 7747, 8504, 9789
Boller Gallo, P. 2565
Bollich, C. N. 2077, 2079
Bollini, R. 6421, 10965
Bolobolova, E. U. 4222
Bolognesi-Winfield, A. C. 7251, 11765
Bolsun, S. I. 2601
Bolwell, G. P. 9819
Bolwell, P. 11660
Bolzoni, L. 6521
Bomblies, K. 10548
Bonadé-Bottino, M. 8055
Bonadé-Bottino, M. A. 3537
Bonardi, P. 5087
Bonari, E. 2564
Bonato, E. R. 10951, 12346
Bonciarelli, F. 5271
Bonciarelli, U. 9703
Bond, B. J. 9149
Bond, D. 12094
Bond, D. A. 356
Bond, J. E. 8004
Bond, W. J. 11519
Bondarev, N. I. 5743
Bonello, P. 11499, 11499
Bonen, L. 9830
Bonfante, P. 850, 7170, 9225, 12397
Bong, B. B. 5169
Bong BuiBa 5169
Bonga, J. M. 5823, 12893
Bongale, U. D. 3346
Bongard-Pierce, D. K. 3728
Bongarten, B. 8231
Bongarten, B. C. 12884
Bonham-Smith, P. C. 4866, 8321
Bonhomme, S. 37, 2754
Bonierbale, M. 1342, 8847
Bonierbale, M. W. 405, 7825
Bonifacio, A. 4082
Bonin, V. 1286
Boniotti, M. B. 11847
Bonito, R. di 6455
Bonnard, C. 5980
Bonnema, G. 12541
Bonnet, A. 1493, 3285, 12652
Bonnett, G. D. 6895
Bonneville, J. M. 9342
Bono, H. 2744, 5963
Bonomi, L. 5515
Bonos, S. A. 12277
Booer, C. D. 7445, 10668
Boogert, P. H. J. F. van den 12938
Booker, F. L. 9375
Booker, M. 5964
Boonseng, O. 2254
Boora, K. S. 4007, 12160
Boote, K. J. 1198
Booth, A. 6157
Booth, E. J. 1559
Booy, G. 1754
Bora, G. C. 5342
Borah, H. 1120
Borah, P. 3017, 10835
Borah, R. C. 4044
Boratyńska, K. 4448
Borba, E. L. 1762, 5880, 11567
Borca, M. V. 2749
Borchardt, D. C. 11349
Borchert, L. 11998
Bordat, D. 4378
Borderies, G. 10294
Bordes, J. 209
Bordini, R. 7935
Bordoloi, D. K. 504
Bordoloi, P. K. 8697-8698, 12861
Bordovsky, D. G. 12855
Bore, J. K. A. 11356
Borejsza-Wysocki, W. 11180
Borek, D. 6369
Borel, C. 3531
Borém, A. 4807, 7373, 7750, 8613, 9621
Borg, S. 10936
Borgen, L. 945, 2628
Borges Neto, C. R. 11135
Borghi, B. 1924
Borgohain, R. 2109
Borin, M. R. de M. B. 85
Borisjuk, L. 2191, 2525, 5262
Borisjuk, L. G. 9264
Borisjuk, N. 2525
Borisjuk, N. V. 9264, 12802
Borisov, A. Y. 376, 6442, 8797
Borisov, A. Yu. 10990
Borisov, Yu. M. 11946
Borisova, I. V. 7311
Borja, M. 11680
Bork, C. 7224
Borkowska, M. 12461
Borle, U. M. 1276, 1278, 3082
Börner, A. 180, 1037, 2801, 2897, 4959, 4965, 5084, 7428, 8625, 9411
Börner, T. 4857, 9267, 11712
Bornman, J. F. 8502, 10053
Borojević, K. 972
Borojević, S. 962
Boros, D. 358, 6193
Borralho, N. M. G. 2570, 6986, 10290
Borrás, O. 8017
Borrell, A. 9362
Borrelli, G. M. 8568
Borrelli, L. 5249
Borroto, C. G. 5643
Borroto, E. 5643
Borsics, T. 12313
Borst, N. K. 1726, 2612, 2621
Bort, J. 2881
Borthakur, A. 2508
Borthakur, S. 2508
Bortnem, R. 4115
Bortoletto, N. 1654-1655, 6982, 11455
Borua, P. K. 1321, 12954
Børud, B. 7229
Borys, M. W. 1430
Bos, A. 430
Bos, I. 5085
Boscariol, R. L. 1293
Bosch, L. 2196, 3096, 3955, 3973, 6425
Boscherini, G. 5541
Bose, A. 10860
Bose, U. S. 12733
Boselli, M. 561, 1517
Bošković, R. 540
Boškovic, R. 3381
Bošković, R. 6686, 8915, 8979
Boškovic, R. 9022
Bosland, P. W. 4372, 7916
Bosman, M. 138
Bosques-Vega, A. 9869
Bossart, J. L. 929
Bosser, J. 3625
Bossis, M. 5348
Bossmann, B. 5064
Bossolova, S. 1630
Bostan, S. Z. 6732, 6735, 8033
Bostock, R. M. 399, 9677
Boston, R. S. 5096
Botarelli, L. 105
Botella, J. R. 9301, 10513
Botella, M. A. 1877, 6569
Both, M. de 6580
Botha, A. M. 149, 1019, 2869, 11917
Botha, F. C. 149, 3486-3487, 3490-3491
Bothmer, R. von 173, 1223, 2703, 3947, 4106, 4108, 6331, 8601, 9553, 10889, 11944, 12286
Botía, P. 6601
Botiyanski, P. 6715
Botondi, R. 1436
Botondi, R. B. 3256
Botrel, M. A. 7525
Botrel, M. de A. 10903
Botrini, L. 5512
Botstein, D. 5171
Botta, R. 529, 2413
Bottazzi, P. 106
Botterman, J. 5252, 8661, 10715
Botti, C. 1580, 1583-1584
Bottino, M. B. 4519
Bottomley, P. 4935
Botu, I. 8949
Botu, M. 8949, 8959, 10088
Botyaeva, G. V. 11113
Bouchard, R. A. 12111
Boucherie, R. 591, 2259
Bouchet, Y. 591, 2259
Bouchez, D. 1881, 2734, 7219
Boudet, A. M. 699, 4631, 10294
Boudonck, K. 911, 2760, 2760, 11726
Boudry, P. 10201
Bouguedoura, N. 576
Bouguennec, A. 11877

Bouharmont, P. 1605
Bouhssini, E. 6151
Boukar, O. 2215
Boukema, I. 452-453
Boukema, I. W. 587
Boulasnem, F. 1928
Boulianne, R. P. 1791
Bouly, J. P. 9306, 10530
Bounejmate, M. 6312, 7643
Bouquet, A. 1488
Bourdeix, R. 3448, 8071
Bourdillon, A. 6441
Bourdon, V. 32
Bourgis, F. 11259
Bourion, V. 5447
Bourland, F. M. 6945, 11396
Bourquin, V. 12876
Boursiquot, J. M. 560, 2370, 4464-4465
Boursot, M. 8117
Boury, S. 445
Bousquet, J. 1683, 7015, 11792
Boutilier, K. 5682
Boutin, J. P. 3108, 5375
Bouton, J. H. 2148
Boutry, M. 11376
Bouty, F. de A. C. 10177
Bouvier, F. 498, 3255, 7907
Bouvier, L. 6624
Bouvier-Navé, P. 892
Bouw, W. J. 12151
Bouwer, R. 781
Bouzayen, M. 2381, 3256, 11103
Bouzid, S. 7638
Bouzoubaa, S. 2501, 6944
Bovi, M. L. A. 7010
Bovy, A. G. 12917
Bowden, R. L. 7415
Bowen, B. 3963, 9605, 10698
Bowen, H. C. 25
Bowen, J. H. 525
Bowes, G. 1198
Bowler, C. 5529
Bowles, D. 413, 487
Bowles, D. J. 5773, 6572
Bowley, S. R. 6359, 9734
Bowman, D. C. 5242
Bowman, D. T. 950, 5776, 8165
Bown, J. 6786
Bowtell, J. 7846
Box, J. M. 10001
Boxus, P. 3268
Boyat, A. 223
Boyce, P. C. 3656
Boyen, C. 5965
Boyes, D. C. 7267
Boykin, M. A. 12848
Boyko, E. V. 11932
Boyle, B. 3634
Boyle, T. H. 8348
Boža, P. 1244
Bozhkov, P. V. 3582
Bozhkova, V. 4414
Bozzini, A. 5289
Bozzo, F. 5249
Braam, J. 11691
Brabant, P. 965, 4966, 11849
Bracci, L. 8157
Braccini, A. de L. E. 7910
Brachet, S. 4654
Bräcker, G. 6653
Bradburne, R. 12727
Braddon, M. 2167
Bradeen, J. M. 1347, 5489
Brading, P. 1390
Bradley, J. M. 1726, 2612, 4684, 4743, 8324
Bradlwarter, M. 522
Bradová, J. 1958, 5070
Bradshaw, H. D., Jr. 2575, 2633
Bradshaw, J. E. 3150, 3168, 8035
Brady, M. 9243
Braga, D. 5728
Braga, R. de S. 8889
Bragason, B. T. 6332
Brahm, L. 2467
Brahma, R. N. 11921
Brain, P. 11781
Brake, J. 1079
Braman, S. K. 4702, 8283, 10358
Brambarov, K. 11843
Bramel-Cox, P. J. 5431
Branca, C. 11314
Branch, W. D. 2476, 12754
Brancourt-Hulmel, M. 9501
Brand, U. 4888, 6911, 11352, 12777
Brandenburg, W. A. 9073
Brandes, A. 3092
Brandham, P. E. 2563
Brandi, M. 1421
Brandl, R. 7095
Brandle, J. 6912, 12815
Brandle, J. E. 6942
Brandolini, A. 5007
Brandon, N. J. 6379
Brandstädter, J. 3237
Brandstatter, I. 1853
Brandt, K. 777
Brandt, S. 2778
Brandwagt, B. F. 8158
Branlard, G. 1964, 11877
Brants, I. 2506
Brar, D. S. 1125, 5157, 8717, 9700
Brar, G. S. 5534
Brar, M. S. 12425
Brar, P. S. 7893
Brasier, C. M. 4655
Brasil, E. M. 2919, 3966, 5129, 7481
Brasileiro, A. C. M. 3104
Bråthen, E. 5006
Braun, A. 4256
Braun, E. L. 11747, 11997
Braun, H. J. 9420, 9539
Braun, J. P. 6862, 6864
Braun, P. 10677
Brauss, M. S. 1386
Braverman, M. P. 2127
Bravo, J. J. 12349
Bravo, L. A. 1044
Bravo, M. 8890
Bravo, R. C. 4510
Bravo-Lima, M. 5413
Bray, E. A. 12534, 12537
Bray, R. A. 8757, 10468
Braz, A. J. B. P. 968, 9423
Brazda, M. 1460
Brearley, C. A. 2237
Brecht, J. K. 1471, 1473, 6694, 11197-11198
Břečka, J. 400
Bredemeijer, G. M. M. 480
Brederode, F. T. 11392
Breeds, S. E. 456
Breen-Pierce, J. 12856
Brégard, A. 3046
Bregitzer, P. 166
Brehm, I. 4671
Breiman, A. 2828, 9504
Breitenbach, J. 3747
Breiteneder, H. 4488, 11454
Breitkreuz, K. E. 6559
Brejdak, E. 10919
Bremer, B. 2796
Bremer, K. 2796, 3789
Brendel, V. 3735
Brennan, C. S. 1999
Brennan, E. B. 4155-4156
Brennan, P. S. 11927
Brennan, R. 2362
Brennan, R. M. 7974, 10035, 12665
Brenneman, T. B. 12754
Brenner, D. M. 6307
Brenner, E. D. 1391
Brenner, S. E. 5974
Brennicke, A. 4883, 5965, 6930, 8461, 9365
Breseghello, F. 5938, 6249
Bressan, M. 5087, 7699
Bressan, R. A. 1380, 2779, 3520
Bressan-Smith, R. 7744
Bresson, E. 12840
Bretagnolle, F. 7279, 10579
Bretschneider, K. 2223
Brettell, R. 7343
Brettell, R. I. S. 1588, 8447, 9442
Brettin, T. S. 1459, 3288
Brettschneider, R. 7214
Breusegem, F. van 8661, 10715
Brewbaker, J. 6227
Brewbaker, J. L. 3983, 9771, 12121, 12144
Brewer, M. J. 3941
Brewin, N. J. 6442, 7756, 12397
Breyne, P. 7997
Briand, C. H. 1692
Briane, J. P. 8499
Briard, M. 3186
Briat, J. F. 3533, 5107, 12105
Briccoli Bati, C. 8074
Briceño, G. 7429
Brick, M. A. 2199, 5355
Bridges, A. C. 12847
Bridgwater, F. E. 3569
Brigaglia, N. 583, 707, 835
Briggs, K. G. 6168, 10630
Briggs, S. P. 2051, 11799
Briggs, W. R. 1860, 9331
Brigham, L. A. 4218
Brighigna, L. 11574
Bright, S. W. J. 6230
Brigneti, G. 1633
Brik, A. F. 10948
Brillouet, J. M. 571
Brincat, J. 2192
Brindza, J. 8989
Briner, H. U. 9730
Briney, A. 136
Brink, R. van den 8913
Brioschi, A. P. 2565
Briskin, D. P. 8634
Brisset, M. N. 3270
Brisson, N. 3634
Bristol, P. W. 7943
Brito, A. L. V. T. de 11570
Brito, C. H. de 7727, 9808
Brits, G. J. 5839-5840
Britt, A. B. 9375, 11782
Brittain-Loucas, H. 9734
Brizard, J. P. 1128
Brkljačić, J. M. 9720
Brochmann, C. 3599
Brockhoff, P. B. 6439, 9905
Brocq, D. G. le 654
Broda, S. 416
Brodelius, P. E. 4773
Brodie, B. B. 5457
Brodka, M. 4357
Brodmann, P. 12343
Brodzik, R. 1607
Broeck, L. van den 1416
Broecke, A. van den 2492
Broekaert, W. F. 1875, 2783-2785, 3763, 11778
Broer, I. 4253, 4598
Broer, J. B. 12509
Brogna, G. 7507
Broll, H. 11798
Brondani, C. 1662
Brondani, R. P. V. 1662
Bronson, C. R. 4197, 7484
Brooker, M. I. H. 6992, 8199, 11464
Brookes, B. 3050
Brooks, S. J. 2363, 4450, 5608
Broomberg, K. 10201
Broothaerts, W. 6644, 11178
Brophy, J. J. 1664, 11464
Brosché, M. 10980
Broucqsault, L. M. 591, 2259
Brough, C. L. 1544
Broughton, W. J. 5320, 7747
Brouillet, L. 8526
Broun, P. 921, 9272
Brouwer, D. J. 4135
Brouwer, J. B. 8796
Brovelli, E. A. 1471, 1473, 6694, 11197-11198
Brown, A. H. D. 169, 7644, 12351, 12835
Brown, A. J. 8399
Brown, A. M. G. 5905
Brown, A. P. 10139-10140, 10151
Brown, B. 3826
Brown, C. 5475
Brown, C. M. 6180-6182
Brown, C. R. 5466
Brown, D. J. F. 3174
Brown, D. P. 3023
Brown, G. G. 603-604, 608, 5671-5672, 9034
Brown, G. R. 1693
Brown, J. 3149, 10139-10140, 10151, 12717
Brown, J. S. 10251
Brown, J. W. S. 2662, 9093, 9596
Brown, K. 7824
Brown, L. 6633
Brown, M. V. 6718, 7992
Brown, P. D. 6186, 12717
Brown, P. H. 92, 4590
Brown, R. C. 1756, 3919, 7252
Brown, R. G. S. 2772
Brown, R. L. 2784
Brown, R. M., Jr. 6960, 12833
Brown, S. 473, 2062, 5251, 9140, 9342
Brown, S. E. 8597
Brown, S. K. 5575, 11176
Brown, S. M. 2773, 11427
Brown, T. A. 860, 6128, 8523, 8578
Brown, W. F. 7664
Brown-Guedira, G. L. 7399, 7404, 7411, 7415-7416
Brownell, V. R. 11566
Browning, K. S. 979
Brownleader, M. D. 10008
Browse, J. 11660
Brubacher-Kauffmann, S. 7800
Brubaker, C. L. 8171, 9111-9112, 12835, 12837
Bruce, D. 610
Bruce, D. M. 2457
Bruce, N. C. 8134
Bruckner, C. H. 6757
Bruckner, P. L. 6188
Bruederle, L. P. 8988
Bruening, G. 1819
Brufau, J. 358
Brüggemann, L. 6013
Brüggemann, W. 3602, 4357
Brugger, J. J. 7980
Brugnoli, E. 8606, 10628
Bruick, R. K. 9268
Bruijn, F. J. de 317, 1247, 5270
Brulan Bros 9813
Brûlé-Babel, A. 6186
Brûlé-Babel, A. L. 11892, 11912
Brullo, S. 8864
Brum Piana, C. F. de 8785
Brumm, T. J. 193
Brummell, D. A. 4346, 4453
Brummer, J. E. 6355
Brune, S. 2245
Brunel, D. 369, 11255
Brunerie, P. 11206
Brunet, J. 1729
Brunini, O. 4627
Brunner, I. 7129
Brunner-Neuenschwander, B. 1068
Brunold, C. 7259
Brunori, A. 4400, 4400
Brunsfeld, S. J. 2582
Brunstedt, J. 7792
Bruschi, P. 9129
Brusentsova, M. Yu. 7264
Brush, S. B. 2815, 3665
Brushwood, D. E. 11430, 12848
Brutnell, T. P. 1072, 9594
Bruxelles, G. L. de 2167
Bryan, G. 969
Bryan, G. J. 94, 11833
Bryant, L. 6989
Brzeski, J. 8459
Bu, X. L. 7353
Bu XiuLing 7353
Bua, A. 12479
Bua, B. 4233
Bubyakina, V. V. 1319
Bucci, G. 3572

Bucciaglia, P. A. 12875
Bucciarelli, B. 11476
Buchala, A. 2785
Buchanan, B. B. 9547
Buchanan-Smith, J. G. 10901-10902
Buchanan-Wollaston, V. 1874
Buchankoŭ, I. Ė. 10037
Buchel, A. S. 11392
Bucheli, P. 350, 4355, 11117
Buchenkov, I. E. 5607
Bucher, P. 5980
Buchgraber, K. 2699
Buchner, P. 3108
Bucholtz, D. 9532
Bucholtz, D. L. 11926
Büchse, A. 2499, 4555
Buchwald, W. 9213
Buchwaldt, L. 12409
Buck, S. de 3708, 4847
Buckler, E. S., IV 9398, 11771
Buckley, P. M. 3990, 3993, 10728, 12134
Bucsek, M. 5590
Budak, H. 5012
Budak, N. 2838, 2844, 3176, 10614, 10623
Budde, C. O. 11196
Budriûnienë, D. 3306
Bueno, J. M. 12392
Bueno, M. A. 2576
Bueno, P. 11120
Buerstmayr, H. 3882, 9525
Buetow, D. E. 4434, 5570
Buffoni, R. 8502
Bugg, S. 10551
Bugos, R. C. 2513
Bui, A. Q. 4864
Buiatti, M. 493, 5541
Buirchell, B. J. 4149, 9762, 10924
Bujak, H. 11974
Buján, M. 10395
Bukhari, Y. M. 4658, 8210
Bukvić, B. 7183
Bukvić, G. 12773
Bulant, C. 3970
Bulger, M. R. 9384
Bull, J. I. 672
Bull, J. K. 667
Buloïchik, A. A. 5035
Bülow, L. 12456
Bunce, J. A. 6395
Buntin, G. D. 2464, 3907, 11268
Buonocore, V. 3883
Buras, H. 11517
Buravtseva, T. V. 2161
Burbano, C. 12329
Burbidge, A. 5528
Burbulis, I. E. 9353
Burbulis, N. 4187
Burchi, G. 9181
Burciaga, G. A. 8638, 8653-8655
Burczyk, J. 2597, 8263
Burd, M. 1904
Burdett, L. P. 11397
Burdette, S. A. 12686
Burdon, R. D. 1804, 7272
Bureau, J. M. 9140
Burenin, V. I. 1596, 9067
Buret, D. 1823
Burg, K. 2571, 8252
Burger, A. L. 11231
Burger, D. W. 1736
Burger, J. T. 2246
Burgos, C. 8759
Burgos, L. 1435, 6671
Burgoyne, P. M. 7131
Burgyán, J. 8153
Burkard, G. 3102
Burke, J. F. 9243
Burke, J. M. 2643, 9384, 11550
Burketová, L. 5774
Burkhardt, P. K. 9667
Burkhart, W. E. 11258
Bürkle, L. 1624
Burks, A. W. 5709
Burleigh, S. H. 3792
Burleigh, S. M. 7678
Burlov, V. V. 8058
Burman, U. 12436
Burn, J. 917
Burn, J. E. 6027
Burnell, J. N. 12296
Burner, D. 6894
Burner, D. M. 4561, 6898-6899
Burnett, E. C. 1826, 2740
Burnett, P. A. 10992
Burney, K. 8894
Burnquist, W. 5728
Burns, J. A. 4665
Burnside, O. C. 5956
Burny, A. 3268
Burpee, L. L. 4104, 12285
Burr, T. J. 12678
Burridge, P. 12413
Burris, E. 2553
Burritt, D. J. 6099
Burrows, J. E. 11578
Burrows, P. 5990
Bursill, L. A. 7042
Burssens, S. 9381, 10526
Bürstmayr, H. 2860, 5027, 7407
Burt, D. 7086
Burton, C. S. 2877, 6158
Burton, G. W. 6188
Burton, J. W. 4191, 6386, 12370
Burton, N. C. 1716
Burton, R. A. 6165
Burton, W. A. 12724
Bur'yanov, Y. I. 5791, 9261
Burzlaff, J. D. 5311
Bus, V. G. 6649
Busatto, M. 738
Buscaroli, C. 7935
Busch, H. 2453
Busch, M. A. 10548
Busch, R. H. 7402
Buschmann, K. 4677
Buschmann, P. 9097
Bushnell, W. R. 10598
Busk, H. 10911
Busk, P. K. 190, 1820
Buso, J. A. 5462, 9899, 12450
Busscher, R. de 464
Bussemakers, A. 5085
Busso, C. 969
Bustos, A. de 2878, 6175
Bustos, E. 4940
Busuioc, G. 12626
Busygina, T. V. 5979
Buszard, D. 1476
But, P. 5898
But, P. H. P. 10419
But PuiHay 10419
Butcher, K. 4902
Butcher, S. M. 8756
Butcher, T. B. 2603
Buteler, M. I. 12483
Butenko, R. G. 11205
Büter, B. 122, 990
Butler, E. 1428
Butler, E. D. 5572
Butler, R. C. 2621, 3209
Butorac, J. 5767, 8146, 8149, 11384
Butrón, A. 6228, 7505, 12053, 12137, 12141
Butt, A. 1874
Buttar, G. S. 636
Buttel, F. H. 12993
Butterfield, M. K. 3483
Butterworth, K. 4964
Büttner, D. 10508
Büttner, G. 2499-2500, 10206
Büttner, R. 1429, 2339-2340, 6658
Buvaneswaran, C. 10286
Buxaderas, S. 11218
Buyens, A. 2408
Buys, E. 10377
Buyser, J. de 7287
Büyükalaca, S. 6693, 12987
Buzkan, N. 11389
Buzzell, R. I. 12348
Byabakama, B. A. 12480
Byczyńska, B. 6823
Byers, D. L. 5855
Byrd, D. W. 2131
Byrdwell, W. C. 10954
Byregowda, M. 10969
Byrne, D. H. 4438, 4441, 8299
Byrne, M. 5803
Byrne, P. F. 222
Byun, K. O. 11523
Byun KwangOk 11523
Byzova, M. V. 7244
Caba, J. M. 3095, 8773, 10956
Caballero, A. 4917
Caballero, J. 9017
Caballero Ruaño, M. 10467
Caballero Torres, I. 7356, 7359, 7362
Cabanes-Macheteau, M. 9335, 10294
Cabello, F. 7988
Cabin, R. J. 1579
Caboche, M. 7306, 8143, 8453, 8483, 11383, 11660, 12521
Caboni, E. 3383
Cabral, E. L. 5713
Cabral, J. R. S. 6750
Cabrera, A. 3798, 3912, 10654
Cabrera, J. C. 2391
Cabrera, J. L. 9183
Cabrera, L. I. 3045
Cabrera, O. 9006
Cabrera-Ponce, J. L. 4027
Cabrillac, D. 9944
Cabrita, L. F. 6729
Cabunagan, R. C. 4076, 12255
Caccavale, A. 743
Cacciatori, P. 9494
Caceres, L. 10590
Cacharrón, J. 9617
Cadahía, E. 6993
Cadalen, T. 1935, 1964
Caddick, M. X. 1612
Cadic, A. 3588
Caemmerer, S. von 8138, 8140-8141, 8144-8145, 9096
Caeneghem, W. van 9337
Caers, A. 5969-5970
Caetano-Anollés, G. 4722, 4726, 9162, 12287
Caetano-Pereira, C. M. 3966, 7481
Caetano-Pereira, M. M. 2919
Café Filho, A. C. 12353
Cafferty, S. 5245, 5887
Cagas, B. 12278
Çağırgan, M. İ. 3127
Cagirgan, M. I. 3923
Çağlar, G. 6618, 11168
Çaglar, G. 12607, 12609
Cahaner, A. 1956
Cahiers Options Méditerranéennes 9229
Cai, D. 1600, 5739
Cai, G. 10573
Cai, H. J. 10857
Cai, L. H. 8903
Cai, L. L. 5711
Cai, M. L. 7838, 8191
Cai, Q. F. 7384
Cai, R. 2833
Cai, S. B. 1972, 6110, 11883
Cai, W. Q. 12700
Cai, X. W. 2834
Cai, Y. H. 2976, 12192
Cai, Y. Z. 1373
Cai, Z. H. 9193
Cai, Z. Y. 9425
Cai HuiJiao 10857
Cai LaiLong 5711
Cai LiHong 8903
Cai MeiLin 7838
Cai MingLi 8191
Cai QiuFang 7384
Cai Run 2833
Cai ShiBin 1972, 6110, 11883
Cai WenQi 12700
Cai XiWen 2834
Cai Xue 6005
Cai YaoHui 2976
Cai YiZhong 1373
Cai YueHui 12192
Cai ZhiYong 9425
Caicedo, A. L. 4912
Caicedo, L. E. G. 12683
Caillaud, C. M. 1020, 11928
Çakir, O. 12655
Cakmak, I. 5013, 9539, 11880
Çakmakçi, S. 2153
Calame, F. G. 7279
Caldas, F. B. 3615
Caldeira, G. 1562
Caldelari, D. 6493
Calderini, D. F. 1949, 8540
Calderini, O. 1620, 4127
Calderon-Urrea, A. 8155, 10702
Caldo, R. A. 7531
Caldwell, C. 979
Calero, C. 9174
Calhoun, D. S. 8165
Caligari, P. 10916
Caligari, P. D. S. 1246, 3400, 3403, 3413, 3657, 3685, 4151, 4399, 8760, 9072, 10914, 10917, 10922, 10930, 11662, 12327
Calip-DuBois, A. 7700
Çalışkan, C. 3176
Çalışkan, M. E. 1275, 6863
Callac, P. 849, 851
Callahan, A. 4435
Callahan, A. M. 12648
Callahan, L. M. 12289
Callard, D. 4911
Callens, D. 459, 4215, 4313, 4322
Calles, B. 2010
Callesen, O. 1794
Callewaert, D. 4215, 4313
Callis, J. 4873
Çalmaşur, Ö. 5691
Calò, A. 6709
Calonnec, A. 11913
Calvarano, I. 1519
Calvarano, M. 1519
Calvo, A. P. 6996-6997, 10293, 11468
Camacho, A. 11514
Camadro, E. L. 5464, 6546, 9897
Camara, B. 498, 3255, 7907
Câmara, G. M. S. 4165
Câmara Machado, A. da 1460
Câmara Machado, M. L. da 1460
Camargo, C. E. de O. 10636-10637
Camargo, C. E. O. de 11829
Camargo, L. E. A. 1293, 10971
Camargo, U. A. 1484
Çamaş, N. 2531
Cameron, A. C. 1731
Cameron, K. M. 5883
Camilleri, C. 7219
Camilo, A. P. 1422, 10009
Caminero, C. 5365, 5384
Camino Vilaró, M. 8426
Cammareri, M. 4266
Cammue, B. P. A. 2408, 2783-2784, 3763, 10357
Camp, R. G. L. op den 696
Camp, W. van 2535
Campagne, M. L. van 2923
Campagne, M. M. van L. 7244
Campalans, R. M. 3391
Campana, M. P. 1594
Campbell, A. W. 6099
Campbell, B. D. 7683
Campbell, C. G. 6304, 10942
Campbell, C. S. 4407, 5604
Campbell, G. L. 182
Campbell, J. A. 1588-1589, 8447
Campbell, K. G. 132
Campbell, L. D. 11266
Campbell, M. 4669
Campbell, M. R. 12096
Campbell, P. 11691
Campbell, R. D. 166
Campbell, T. A. 9514
Campenhout, S. van 5630, 8763
Camperi, S. A. 478
Campiglia, E. 5421, 6455
Campinhos, E. N. 3559
Campisi, L. 4895
Campisi, S. 1521

Campos, A. 6486
Campos, A. D. 12637
Campos, F. 5351
Campos, L. A. C. 11820
Campos, M. T. V. do A. 11597
Campos-Andrada, M. P. 9767
Campostrini, E. 3505
Camps, M. 8471
Can, C. 1874, 11780
Can, N. D. 1108, 2057, 7515
Can, N. T. 9712
Cana, E. F. 8792
Canada, Agriculture Canada 6681
Canalejo, A. 8537
Canals, F. 5458
Cánaves, L. 1584
Cancellier, S. 6709
Cande, W. Z. 2031, 7276, 9605
Candela, H. 4885
Candia, A. 11636
Cane, J. H. 9057
Cane, K. 4636
Canel, C. 1768
Canestrale, R. 139
Cani, M. R. 707, 835
Cannata, F. 1680
Cannell, M. 7376, 9440
Cannell, M. E. 952
Cannon, G. C. 7712
Cannon, N. D. 8573
Cano, M. P. 7973
Caño-Delgado, A. 6031
Cánovas, F. M. 8234
Canovas, F. M. 4669
Canter, P. H. 7653
Cantino, P. D. 11529
Cantisán, S. 6853-6854
Cantliffe, D. J. 4340, 7858
Cantó, P. 4700, 9165
Canto, T. 11390
Cantone, F. 1924, 5662
Cantos, M. 1705, 1775
Cantrel, C. 9299, 11722
Cantwell, M. 427
Cantwell, M. I. 3224
Canut, H. 51, 2752, 7226
Cao, B. S. 6613
Cao, F. S. 4023
Cao, G. D. 2540
Cao, H. 3959
Cao, H. P. 192, 8645
Cao, H. X. 5207-5209, 7601
Cao, H. Y. 8050
Cao, J. 5505
Cao, J. P. 5204
Cao, J. S. 5995-5996, 6061
Cao, J. X. 6254
Cao, J. Y. 8667
Cao, L. P. 196, 9615
Cao, L. Y. 7567
Cao, M. L. 2556
Cao, M. Q. 3225, 6533, 7854, 9948
Cao, S. C. 5498, 6070, 6531, 6535-6536
Cao, S. Q. 3887, 7583
Cao, S. Y. 10866
Cao, W. 6127
Cao, W. G. 2824
Cao, W. X. 9686
Cao, X. 7975
Cao, X. Y. 2462
Cao, X. Z. 262
Cao, Y. 1972, 6110, 11883
Cao, Y. G. 12097
Cao, Y. L. 10230, 12956
Cao, Y. P. 339, 2185, 7724
Cao, Y. S. 3263, 4190
Cao BeiSheng 6613
Cao GuangDi 2540
Cao HengYun 8050
Cao HePing 192, 8645
Cao JiaShu 5995-5996, 6061
Cao JiaYing 8667
Cao JunPing 5204
Cao JunXi 6254
Cao LianPu 196, 9615
Cao LiYong 7567
Cao MeiLian 2556
Cao MingQing 6533, 7854, 9948
Cao ShiQin 3887
Cao ShouChun 5498, 6070, 6531, 6535-6536
Cao ShouYun 10866
Cao ShuQing 7583
Cao WeiXing 9686
Cao WenGuang 2824
Cao XiangYun 2462
Cao XianZu 262
Cao Yang 1972, 6110, 11883
Cao YongGuo 12097
Cao YongSheng 3263, 4190
Cao YouLong 10230, 12956
Cao YuePing 339, 2185, 7724
Caparrós-Ruiz, D. 7486
Capecka, E. 1358, 1360-1361
Capitani, F. 2532
Caplan, A. 4064
Caporale, C. 3883
Caporali, E. 2290, 2659, 11652
Caporgno, J. 8890
Capote, J. 12381
Capouchová, I. 10621
Cappadocia, M. 5933
Capparelli, R. 1517
Capps, C. D. 6975
Capps, C. D., Jr. 11396
Caput, D. 2752
Čaputa, F. 6191
Caradus, J. R. 1243, 2151, 5260, 7683
Caranta, C. 12578
Carazzolo, A. 5706
Carballo, R. M. 12381
Carballo Carballo, A. 8784
Carbonel, S. A. M. 1279
Carbonell, E. A. 2417, 6567
Carbonell, J. 1382, 6435, 7755, 11100
Carbonell, S. A. M. 12386
Carbonero, P. 156, 3894, 7431, 9694
Carboni, A. 4624, 11118
Carcea, M. 8567
Cardamone, F. 8611
Cardazzo, B. 7240
Carde, J. P. 7856
Cardelli, L. E. 6088
Cárdenas, C. M. 12090
Cardi, T. 4262, 4288, 5463
Cardle, L. 5055
Cardona, C. 2205, 2701, 12301-12302, 12390, 12392
Cardone, A. M. 106
Cardone, S. 12295
Cardoso, A. A. 7891, 9808
Cardoso, M. 4627
Cardoso, M. das G. 6476, 9982
Cardoso, R. M. L. 10118
Cardoza, Y. J. 12605
Cardwell, K. F. 12117
Caredda, S. 4100
Carey, E. E. 2701
Caricato, G. 11314
Cariello, F. 9018
Carignani, G. 8420, 11305
Carimi, F. 11232, 12694
Carles, C. 1850
Carlier, L. 3977, 4099, 4125, 4132, 4138
Carlini, P. 1436
Carlson, I. T. 4089
Carlson, J. E. 1693, 2606, 8206, 10317
Carlson, S. K. 4111
Carlson, W. H. 1731
Carlson, W. R. 12018, 12034-12035
Carlson-Nilsson, U. 6739
Carman, R. M. 11245
Carmen Fernández, M. del 12751
Carmen Molina, M. del 9604
Carmignani, A. 10964
Carmona, M. J. 4251
Carnacini, A. 3644
Carnegie, A. J. 4639
Carnegie, S. F. 8840
Carneiro, M. F. 4562
Carneiro, N. P. 6206
Carneiro, R. M. D. G. 12637
Carney, J. A. 6246
Carney, K. J. 7928
Carney, S. E. 2787
Carney, T. J. 8173
Caro, M. 1388
Carol, P. 2764, 3747
Carollo, G. 569
Carone, A. 5965
Carosio, C. 11610
Carpenter, J. E. 3987
Carpenter, R. 1745
Carpin, S. 11164
Carpita, N. C. 1918
Carputo, D. 3152, 4259, 4262, 4266, 4288, 5463, 6479, 7802, 8819
Carr, G. F., Jr. 10407
Carr, J. P. 704, 9257
Carr, S. 3721
Carr, S. J. 6375
Carrão-Panizzi, M. C. 3079
Carraro, L. R. 12294
Carrasco, A. 9903
Carratalá, M. L. M. 1539
Carrayol, E. 4349, 5305
Carreño, J. 6712
Carrera, E. 46, 9900
Carrera, F. 2511
Carrier, D. J. 9147
Carrière, M. 2752
Carrillo, C. 2749
Carrillo, J. M. 999, 9485, 11078, 11866
Carrington, J. C. 4913, 8154
Carrizosa, M. S. 3297
Carroll, B. 6894
Carroll, B. L. 6770
Carroll, E. 10319
Carron, M. P. 1656
Carrouee, B. 5374
Carson, D. L. 3487
Carson, M. J. 2602
Carson, M. L. 12115
Carson, S. 8231
Carson, S. D. 12884
Cartea, M. E. 2908, 6228
Carter, C. 2742, 11742
Carter, R. 2552
Carter, T. E. 6386
Carthew, S. M. 7066
Cartinhour, S. 10737
Cartman, J. 7055
Cartwright, C. 7039
Cartwright, G. 711
Cartwright, R. D. 8719
Caruso, A. 2425
Caruso, C. 3883
Caruso, C. M. 10367
Caruso, P. 1282
Caruso, T. 3397, 3409
Carvajal, M. 6601
Carvalheira, G. 3134
Carvalho, C. G. P. de 8897, 9987
Carvalho, F. I. F. de 1053, 2893, 6424, 8620, 9578, 10970
Carvalho, G. A. 8791
Carvalho, G. A. de 7750
Carvalho, J. M. F. C. 5784
Carvalho, L. P. de 726, 10259
Carvalho, M. T. V. 1306, 2398
Carvalho, P. C. L. de 12477
Carvalho, R. de 12477
Carvalho, S. A. 2426, 4482
Carvalho, S. P. de 7334
Carvalho, W. L. de 5301
Carvalho, Y. de 5129
Carvalho Niebel, F. de 1235
Carver, B. F. 7363, 11854
Cary, T. R. 1262, 1266, 5299
Casacuberta, E. 897
Casacuberta, J. M. 897
Casadesús, J. 6105
Casadoro, G. 10043
Casagrande, M. V. 4552
Casagrande, R. A. 4451
Casais, C. 6840
Casal, J. J. 908, 9327
Casali, P. E. 3231, 7874
Casali, V. W. D. 6589, 7891, 7910, 7914, 8897, 9987
Casamayor, A. 8471
Casañas, F. 2196, 3096, 3955, 3973, 6425
Casanova, C. 2878, 11935
Casanova, E. 4384
Casanova, J. 11618
Casaretto, J. A. 7451
Casarini, E. 1070, 10716
Casas, A. 9016-9017
Casas, A. M. 1029, 6169
Casasola, J. L. 12118
Casavecchia, V. 529
Cascino, A. 6771
Cascone, O. 478
Case, C. I. 7712
Case, M. A. 3622
Casela, C. R. 2059, 4004-4006, 12158
Casey, R. 5381, 7762, 9846
Cashmore, A. R. 7249, 9968
Casino, C. del 11552
Casler, M. D. 300, 307, 4088-4089, 4111, 6316, 7648, 7671, 9731, 9745
Caso, O. H. 11034
Caspar, T. 2758
Cass, L. A. 10611
Cassalett, C. 663
Cassani, G. 12548
Casse, F. 4837, 10153, 11273
Cassells, A. C. 5933
Casselton, L. A. 8399
Cassieri Neto, P. 2402
Cassista, A. J. 4895
Cassman, K. G. 1165
Castagna, A. 8885, 9135
Castagna, R. 3819
Castagnoli, G. F. 8993
Castaldini, P. 105
Castaldo, D. 11118
Castañera, P. 12471
Castaño, F. 2470
Castañón, G. 8648-8649, 8659
Castañón Nájera, G. 8657
Castellani, T. T. 5809
Castellanos, J. J. 8876
Castellanos, J. S. 2931
Castelletti, S. 6257
Casteren, W. H. M. van 1967
Castiglione, S. 6630
Castiglioni, P. 154, 2914, 11993
Castiglioni, V. B. R. 11288
Castilho, A. 11933
Castillo, A. 5949, 9780
Castillo, A. C. 9776-9777, 9779-9780
Castillo, A. M. 10664, 11948
Castillo, B. 1527
Castillo, E. 286
Castillo, E. G. 2113
Castillo, F. 11848
Castillo, J. 7794-7795
Castillo, J. G. 8814
Castillo, R. 2261, 3193
Castillo-Agudo, L. del 9204, 10431
Castillo González, F. 9180, 9192, 9565
Castillo Mont, J. J. 2267
Castillo Morales, A. 4811, 8508, 8517, 9242
Castle, S. J. 12848
Castle, W. S. 2424, 3364
Castonguay, Y. 5254, 9748
Castrén, E. 10497
Castresana, C. 688, 4910
Castro, A. J. 12751
Castro, A. M. 2868, 7421
Castro, C. 10365
Castro, H. A. de 6360
Castro, J. A. 4206
Castro, J. L. de 11829
Casulli, F. 1984, 2861
Caswell, K. 9434, 9490
Catalá, M. S. 7904
Catalán, G. 10315
Catalano, F. 11393
Catalano, V. 6709

Cate, C. H. H. ten 781
Catling, P. M. 5614, 10046, 11566
Cato, S. A. 8228
Cattan, P. 9055
Cattivelli, L. 2001, 2886, 7447, 8595, 9571
Caubel, G. 5348
Caulfield, F. 6395
Causier, B. 11652
Causier, B. E. 4740
Causse, M. 10705
Cavalcanti, T. B. 8098
Cavallini, A. 973, 3437, 8064
Cavassim, J. E. 7373
Cavelier, A. 10334
Cavileer, T. D. 8800
Çaylak, Ö. 3176, 10623
Cealic, S. T. 12019-12021
Ceballos, E. 4273
Ceballos L., H. 6593, 6595
Cebolla, A. 12304
Ceccarelli, S. 174, 1045, 2881, 3870, 3928
Ceccarini, L. 2564
Ceccatto, V. M. 10972
Cecchini, C. 7507, 9633
Cecchini, M. 5735
Ceci, L. R. 3537, 3716
Cecon, P. R. 12131
Cegielska-Taras, T. 6788
Cejudo, F. J. 3842
Cekic, C. 2368
Celebi, F. 1345
Celenza, J. L., Jr. 9381
Celestino, C. 2572
Celi, M. 3649
Çeliktas, N. 2848
Cellier, F. 10153, 11273
Celliers, P. R. 6139
Cenci, A. 970, 5033, 6144
Cenis, J. L. 6712
Centenera, E. 9764, 10928
Centeno, J. A. 10973
Ceoloni, C. 5029, 5033, 5052, 5928, 6144
Čepl, J. 400
Ceranka, B. 5945
Cerasoli, S. 10934
Cerbino, D. 3231
Cercós, M. 6435, 11945
Cerdá, A. 6601
Cerdán, P. D. 9327
Cerff, R. 12456
Čergan, Z. 3672
Cernac, A. 6015
Černe, M. 3671-3673
Cerneau, P. 6441
Černohorská, J. 6154, 7424
Černý, I. 6909
Černý, J. 96, 1958, 7396
Cerny, R. E. 2773
Cerović, R. 1457, 5583
Cerovic, Z. 9104
Cerqueira, E. S. 2311
Cerreti, S. 9048
Certal, A. C. 11178
Cervantes, M. L. 5488, 5490-5491
Cervantes Santana, T. 9565
Cervera, M. 3359, 8005
Cervera, M. T. 12823
Cervi, A. 6342
Cervone, F. 1287
Cesaroni, D. 11249
Ceulemans, R. 11472
Çevik, İ. 12705
Ceylan, S. 12655
Cha, D. Y. 8389-8390
Cha, Y. R. 826
Cha, Y. S. 2313, 8116
Cha DongYeul 8389-8390
Cha-um, S. 756
Cha YoungRyun 826
Cha YoungSoon 8116
Cha YuSun 2313
Chabane, K. 3831
Chabbert, B. 5252
Chabouté, M. E. 2521
Chabrillange, N. 8117
Chackalamannil, A. 7864
Chacko, R. S. 11171
Chae, S. J. 7835, 10522
Chae, Y. A. 10451
Chae Sujin 7835
Chae SuJin 10522
Chae YoungAm 10451
Chahal, A. 414
Chahine, H. 11190
Chai, B. 783
Chai, Q. F. 12029
Chai, R. Y. 8721, 12249, 12252
Chai, T. Y. 3102
Chai, Y. 11144
Chai QunFeng 12029
Chai RongYao 8721, 12249, 12252
Chai TuanYao 3102
Chai Yong 11144
Chaibub, E. N. 12173
Chait, B. T. 10982
Chakrabarti, A. 6374
Chakraborti, S. P. 3342-3344
Chakraborty, N. 4081
Chakraborty, S. 1321-1322, 3501, 4081
Chakrapani, Y. 4530
Chakravarthi, V. P. 12697
Chalak, L. 12680
Chalermpol Kirdmanee 756
Chalfant, R. B. 12851
Chalifoux, M. 8142
Chalmers, K. 9435
Chalmers, K. J. 9573
Chalon, P. 2752
Chałupka, W. 8236
Chalyk, S. T. 12019-12021
Chamberland, H. 4356
Chambers, J. L. 7041
Chamovitz, D. A. 1865, 4868, 9347
Champagne, G. 602
Champenoy, S. 10490
Champion, A. 12947
Champolivier, J. 6072
Chamshama, S. A. O. 2590
Chan, A. 2031
Chan, E. 2
Chan, J. G. 11210
Chan, J. L. 642, 10274
Chan, J. M. 12258
Chan, M. T. 6257
Chan, R. L. 10494, 11275
Chan, Y. K. 6963, 9239
Chan, Y. S. 12520
Chan JianGuo 11210
Chan YangSun 12520
Chan YanKun 6963
Chand, L. 11008
Chand, P. 10617
Chand, P. K. 3563
Chand, S. 6280, 6283, 10843
Chandan Sahi 9250
Chandel, G. 7598, 12260
Chandel, K. P. S. 2037, 12969
Chandel, K. S. 4365
Chandelier, A. 10326
Chandgi Ram 8669
Chandirakala, R. 385, 3130-3131
Chandlee, J. M. 5300
Chandler, J. 9340
Chandler, J. L. 2424, 4476-4477
Chandler, P. M. 7438, 9554
Chandler, S. 5816, 8233
Chandler, V. L. 1065, 3969
Chandok, M. R. 2922
Chandra, B. V. 1122, 1137-1138
Chandra, N. 3138, 10134, 10138, 11014
Chandra, R. 5933, 5933, 12966
Chandra, S. 3469, 12159
Chandrababu, R. J. 8030
Chandrakar, G. 12553
Chandran, K. 3465
Chandrappa, H. 12965
Chandrappa, H. M. 12959
Chandraprakash, J. 11000
Chandrasekharan, M. B. 9818
Chandrashekar, T. R. 1657
Chandrashekara, R. S. 7141
Chandrashekhar Mahto 5688
Chandrika De 6464
Chang, A. H. 9203
Chang, C. C. 9595, 10694
Chang, C. F. 2530
Chang, C. L. 163
Chang, F. C. 12946
Chang, G. J. 3811
Chang, H. R. 11157
Chang, H. T. 2615, 10353
Chang, H. Y. 4376
Chang, J. G. 7542
Chang, J. H. 3246, 11122
Chang, J. K. 2978
Chang, K. C. 7701, 12376
Chang, L. 6753
Chang, M. C. 2117, 4030
Chang, M. T. 211
Chang, Q. S. 6667
Chang, R. Y. 4000
Chang, R. Z. 2175, 4161, 9795
Chang, T. J. 2835
Chang, T. W. 9203
Chang, W. N. 3230
Chang, W. S. 7385
Chang, Y. C. 5060, 9414
Chang, Y. J. 3274, 5578
Chang, Y. M. 11157
Chang, Y. S. 659, 1028
Chang AiHwa 9203
Chang ChengLin 163
Chang ChiFeng 2530
Chang ChingChun 9595, 10694
Chang FuChen 12946
Chang GuoJun 3811
Chang HueiYu 4376
Chang HweiRu 11157
Chang JaeGi 7542
Chang JaeKi 2978
Chang MenChi 2117, 4030
Chang Ming 211
Chang QingShan 6667
Chang RuYing 4000
Chang RuZhen 2175, 4161, 9795
Chang TorngWu 9203
Chang TuanJie 2835
Chang WenSuo 7385
Chang WooNang 3230
Chang YiChieh 5060, 9414
Chang YongJian 3274, 5578
Chang YouMing 11157
Chang YoungSun 1028
Changtragoon, S. 8219
Chanon, A. 8217
Chantereau, J. 6231, 6236-6237, 10750, 11797
Chao, C. T. 3399
Chao, S. 11984
Chao, W. S. 12534
Chaparro, J. X. 4437
Chapital, D. C. 5720-5721
Chapman, C. G. D. 4098
Chapman, K. D. 11410
Chapman, M. J. 4727
Chappell, J. 690, 1617, 1911
Chapple, C. 3751
Chapple, C. C. S. 7253
Chapron, A. 8449
Chapuis, L. 1491
Chapurin, V. F. 6060
Chaput, M. H. 1348
Charbonnier, M. 12510
Charchar, J. M. 12498
Charchoglyan, A. G. 1957
Charcosset, A. 77, 3954, 6196, 6273
Chardonnens, A. N. 6039
Chareinsak Rojanaridpiched 2254
Charels, D. 6738
Chareonpornwattana, S. 6255
Charest, P. J. 8264
Charity, J. A. 5927, 12816
Charles, G. 2558
Charlesworth, B. 10563
Charlesworth, D. 4543, 10115, 11652, 12763
Charlwood, B. V. 854
Charmet, G. 1935, 11877, 12273
Charng, Y. Y. 3710
Charng YeeYung 3710
Charpenteau, M. 10237
Charrier, A. 4464, 6917, 7475, 8117, 12307, 12792
Charrier, B. 9750, 11366
Chartier, S. 1964
Chartier-Hollis, J. M. 4405
Chase, C. D. 5102, 10700
Chase, M. W. 1910, 2796, 3784, 3789, 4755, 4925, 5883, 10405, 11790
Chat, J. 12680
Chateigner, A. L. 10986
Chatfield, J. A. 7943
Chatibi, A. 6774
Chatterjee, A. 11347
Chatterjee, I. 1896
Chatterjee, S. R. 875
Chatterton, N. J. 4107, 7650
Chatthai, M. 2605
Chattopadhyay, M. K. 10860
Chattopadhyay, P. K. 3450
Chattopadhyay, T. K. 1526
Chaturvedi, H. C. 9206
Chaturvedi, M. 1157
Chaturvedi, S. 10555
Chaturvedi, S. K. 3122
Chatwachirawong, P. 2254
Chaubet, B. 1020
Chaubet-Gigot, N. 4578
Chaudhari, A. N. 10188
Chaudhary, A. K. 8106
Chaudhary, B. D. 8562
Chaudhary, B. S. 5448
Chaudhary, J. P. 4554
Chaudhary, L. B. 8364
Chaudhary, M. I. 1323
Chaudhary, R. C. 12203
Chaudhary, R. G. 5443, 12420
Chaudhary, R. M. 11262
Chaudhary, S. 9980
Chaudhary, S. K. 4271
Chaudhary, V. K. 3279-3280, 10028
Chaudhry, F. I. 12838
Chaudhry, M. S. 1307
Chaudhuri, P. 5369
Chaudhuri, S. 2753, 6741
Chaudhury, A. 10813
Chaudhury, A. M. 4871, 4889, 10533
Chaudhury, T. G. 8091
Chauhan, H. S. 11019
Chauhan, J. S. 5198
Chauhan, R. S. 11896
Chauhan, S. V. S. 3674
Chauhan, Y. S. 3574, 5432, 10102
Chaumont, F. 12510
Chaurand, M. 11874
Chaure, N. K. 4999
Chauvan, A. S. 10952
Chauvaux, N. 9337
Chauvet, M. 2906, 12586
Chauvin, L. 4309
Chavan, A. S. 3080
Chavan, J. K. 10781
Chavan, M. K. 11416
Chavan, S. 11223
Chavarriaga-Aguirre, P. 7825
Chaverra, M. E. 7454
Chaves, A. L. 4347
Chaves, M. M. 10934
Chavez, R. S. C. 12268-12269
Chaw, S. M. 3592
Chaw ShuMiaw 3592
Chawla, H. K. L. 12728
Chawla, H. S. 10603, 10611, 11903, 12424
Chawla, V. 9477
Che, F. S. 3538
Cheah, S. C. 3446
Cheah SuanChoo 1564
Cheary, B. S. 6770
Chebli, T. 6731
Cheek, M. 8350
Cheek, M. R. 2652
Cheema, A. A. 276, 12235
Cheema, D. S. 5534
Cheeseman, I. 9323

Cheikh, N. N. 9602
Chełkowski, J. 10672, 11958
Chemeris, A. V. 9433
Chemke, T. 11987
Chempakam, B. 8369
Chen, A. 11131
Chen, A. F. 3361
Chen, B. J. 6346
Chen, B. Q. 2585, 4610
Chen, B. Y. 10116
Chen, C. 3526, 6462
Chen, C. C. 2917
Chen, C. C. S. 9979
Chen, C. H. 5476, 5858, 6254, 10240
Chen, C. M. 2324, 2917
Chen, C. Q. 5195
Chen, C. S. 6068, 9744
Chen, C. X. 8183
Chen, C. Y. 5948, 10296
Chen, D. 3503
Chen, D. C. 12695
Chen, D. F. 9545, 10121, 11711
Chen, D. H. 8720, 11585
Chen, D. L. 294
Chen, D. M. 3291, 3497
Chen, F. 3918, 12956
Chen, F. D. 786, 6675, 7096
Chen, F. Q. 2302, 3245, 6555, 7898, 7900, 12535
Chen, F. X. 607, 12635
Chen, F. Z. 7469
Chen, G. 9667, 11066
Chen, G. F. 6530, 6532
Chen, G. H. 4074
Chen, G. L. 1119
Chen, G. X. 982
Chen, G. Y. 273, 7865
Chen, H. 2802, 3653
Chen, H. C. 9189
Chen, H. G. 12730
Chen, H. M. 5567, 7343, 8854
Chen, H. R. 4929, 5562
Chen, H. S. 5612
Chen, H. X. 2430
Chen, H. Y. 12536
Chen, J. 3522
Chen, J. C. 62, 903
Chen, J. F. 6616, 9999
Chen, J. G. 2063, 2103, 5212, 12221
Chen, J. H. 5554, 9983
Chen, J. K. 2584
Chen, J. L. 10794, 11929
Chen, J. M. 10608, 10875
Chen, J. N. 4180
Chen, J. P. 4981, 9256, 9256
Chen, J. Q. 10106
Chen, J. W. 2068
Chen, J. X. 3934, 7388
Chen, J. Y. 1434, 2839, 7954-7955, 7957, 8277
Chen, J. Z. 12628
Chen, K. S. 563, 10523
Chen, L. 2968, 3497, 3500, 8046
Chen, L. B. 1923, 2118-2119
Chen, L. C. 708
Chen, L. G. 10000
Chen, L. H. 1933, 3839, 9540
Chen, L. J. 43
Chen, L. L. 1128, 3020
Chen, L. M. 1918
Chen, L. Q. 7960, 8277
Chen, L. S. 8018
Chen, L. Y. 1387
Chen, L. Z. 8675
Chen, M. 6028, 6578
Chen, M. J. 10460
Chen, M. L. 6812
Chen, P. 8687
Chen, P. C. 7133
Chen, P. D. 121, 786, 1941, 2870, 3879, 3885, 5080, 6100, 10612, 11842
Chen, Q. 4610, 8747, 10252
Chen, Q. F. 126, 261, 270, 8727, 9666, 10822, 10846-10847
Chen, Q. H. 59, 7994, 10354
Chen, Q. M. 2481
Chen, Q. Q. 2961, 10802
Chen, Q. Y. 1513, 6916
Chen, R. 2324
Chen, R. J. 317, 2758, 6035
Chen, R. K. 661-662, 6897, 8105
Chen, R. P. 2585
Chen, R. Y. 7456
Chen, R. Z. 4953
Chen, S. 6462
Chen, S. B. 6267
Chen, S. C. 2422, 3605, 3628, 5637, 7300
Chen, S. C. G. 6501-6502, 11054, 12177, 12484
Chen, S. L. 2071
Chen, S. N. 1130, 5217, 9997, 10959
Chen, S. W. 1541
Chen, S. X. 7681
Chen, S. Y. 339-341, 589, 5333, 6791, 7876, 9672
Chen, S. Z. 1469
Chen, T. A. 10724
Chen, T. H. 731
Chen, T. H. H. 9361
Chen, T. M. 3621
Chen, T. T. 3592
Chen, W. 7511
Chen, W. G. 1119
Chen, W. H. 3621
Chen, W. J. 2455, 10122
Chen, W. L. 10983
Chen, W. P. 2870
Chen, W. Q. 11675, 11915, 11965
Chen, W. S. 607, 1230, 3621, 4376
Chen, W. Y. 3841, 4167
Chen, X. 150, 4893, 5982, 6103, 6402, 6675, 7728, 7961
Chen, X. B. 10230, 12956
Chen, X. C. 1482
Chen, X. F. 2171, 2173, 4030, 5236, 8768
Chen, X. G. 7953
Chen, X. H. 6613
Chen, X. L. 1702, 7096, 7122, 11532, 12670, 12670
Chen, X. M. 1512, 3835, 4937, 6872
Chen, X. N. 9154
Chen, X. P. 11951, 12619
Chen, X. W. 10121
Chen, X. Y. 406, 10427, 11412, 11585
Chen, Y. 346, 1649, 2066, 2093, 2678, 2971, 3554, 6289, 8667, 9333, 12254, 12600
Chen, Y. C. 4510, 7121
Chen, Y. D. 10724
Chen, Y. F. 8032
Chen, Y. G. 1482
Chen, Y. H. 613, 2130
Chen, Y. J. 11516
Chen, Y. K. H. 8833, 12453
Chen, Y. L. 1702, 7621, 9889, 9896
Chen, Y. M. 188, 9007
Chen, Y. P. 2540, 5996
Chen, Y. Q. 2461, 2615, 4507, 5915, 7038, 7296, 8267, 8307, 8400
Chen, Y. R. 1369
Chen, Y. T. 771
Chen, Y. Y. 4929
Chen, Y. Z. 7876
Chen, Z. 319, 9529, 11360
Chen, Z. B. 12166
Chen, Z. D. 5153, 8709
Chen, Z. G. 539
Chen, Z. H. 2069, 7715, 12128
Chen, Z. J. 2739, 4508-4509, 6801, 10104
Chen, Z. L. 1778, 2130, 10769, 11128, 12165
Chen, Z. M. 9719
Chen, Z. Q. 2438, 3417
Chen, Z. S. 1516, 2410
Chen, Z. X. 125, 2166, 2537, 4601, 4988, 5476, 8184, 10240, 10355
Chen, Z. Y. 5222, 7621
Chen AnFeng 3361
Chen BaiQing 4610
Chen BenJian 6346
Chen BinQuan 2585
Chen Can 3526
Chen ChangQing 5195
Chen ChaoYing 5948
Chen Cheng 6462
Chen ChiaSheng 9744
Chen ChihHsiung 5858
Chen ChongMaw 2324
Chen ChongShun 6068
Chen ChunHong 5476, 6254, 10240
Chen CuiXia 8183
Chen CuiYing 10296
Chen DaCheng 12695
Chen DaHua 11585
Chen DaMing 3291, 3497
Chen DeFu 10121
Chen DeLu 294
Chen Dong 3503
Chen DongFang 9545
Chen FaDi 786, 6675, 7096
Chen Fang 12956
Chen FaXing 12635
Chen FengXiang 607
Chen FengZhi 7469
Chen GenYun 273
Chen Guang 11066
Chen GuangFu 6530, 6532
Chen GuangYu 7865
Chen GuoHua 4074
Chen GuoLin 1119
Chen GuoXiang 982
Chen HaiRong 4929, 5562
Chen Hang 2802, 3653
Chen HongXing 2430
Chen HuaiGu 12730
Chen HuiMin 7343
Chen HuiMing 5567, 8854
Chen HuiShan 5612
Chen HuoYing 12536
Chen JiaKuan 2584
Chen JianGuo 2103, 5212, 12221
Chen JianMing 10608, 10875, 12258
Chen JianNan 4180
Chen JianPing 4981, 9256
Chen JianWei 2068
Chen JiChu 903
Chen JinFen 6616
Chen JinFeng 9999
Chen JingHua 5554, 9983
Chen JinGui 2063
Chen JingXing 7388
Chen JinLong 10794
Chen JinQing 10106
Chen JinXin 3934
Chen Jiong 9256
Chen JiZhong 12628
Chen JuLian 11929
Chen JunYing 2839
Chen JunYu 1434, 7954-7955, 7957, 8277
Chen JyChian 62
Chen KunSong 563, 10523
Chen L. 2082
Chen LanZhuang 8675
Chen Li 8046
Chen Liang 3497, 3500
Chen LiangBi 1923, 2118-2119
Chen LiangGui 10000
Chen LiangHong 1933, 3839
Chen LiChang 708
Chen LihJen 35, 43
Chen LiHua 9540
Chen LiLi 1128, 3020
Chen LiMei 1918
Chen LiSong 8018
Chen LongQing 7960, 8277
Chen LongYing 1387
Chen ManLing 6812
Chen Ming 6578
Chen MingJie 10460
Chen PeiChung 7133
Chen PeiDu 121, 786, 5080, 6100, 10612
Chen Pin 8687
Chen QianHai 10354
Chen QianHong 59
Chen QiFeng 261, 270, 9666, 10822
Chen Qing 4610, 10252
Chen QingFu 126, 8727
Chen QingHong 7994
Chen QingMei 2481
Chen QingYu 6916
Chen QiuFang 10847
Chen QuanQin 2961
Chen QuanQing 10802
Chen QuanYou 1513
Chen QuiFang 10846
Chen RongZhen 4953
Chen RuiPing 2585
Chen RuiYang 7456
Chen RuJin 317, 2758, 6035
Chen RuKai 661-662, 6897, 8105
Chen ShanChun 2422, 5637
Chen ShanNa 1130, 5217, 9997, 10959
Chen SheYuan 589, 6791
Chen ShingChi 3628
Chen ShouCai 7300
Chen ShouYi 339-341, 5333, 9672
Chen ShouZhong 1469
Chen Shu 6462
Chen ShuangLong 2071
Chen ShuCen 11054
Chen ShuChen 12177, 12484
Chen ShunWei 1541
Chen ShuXing 7681
Chen SingChi 3605
Chen SongBiao 6267
Chen SuiYun 7876
Chen TianHua 731
Chen TienTsai 3592
Chen WanQuan 11675
Chen WanYi 3841
Chen WeiJiang 2455, 10122
Chen WeiLiang 10983
Chen WeiSheng 607
Chen WeiYuan 4167
Chen WenGuang 1119
Chen WenShaw 4376
Chen WuSi 1230
Chen Xia 6675, 7961
Chen XiangGao 7953
Chen XianMing 1512
Chen Xiao 150, 4937, 6103
Chen XiaoBin 10230, 12956
Chen XiaoLe 7122
Chen XiaoLiang 12670
Chen XiaoLin 11532
Chen XiaoMei 6872
Chen XiaoYa 10427, 11412, 11585
Chen XiaoYan 406
Chen XiLian 1702
Chen Xin 7728
Chen Xing 6402
Chen XingChang 1482
Chen XinMin 4937
Chen XinNian 9154
Chen XinPing 11951, 12619
Chen XiongFong 4030
Chen XiouLan 12670
Chen XiuLan 7096
Chen XiWen 10121
Chen XueFang 5236
Chen XueHao 6613
Chen XueMing 3835
Chen Y. K. H. 8834
Chen YaoFeng 8032
Chen Ye 9333
Chen YeGuang 1482
Chen Yi 346
Chen YiChang 4510
Chen YiChiann 7121
Chen YiLi 9889, 9896
Chen YiLiang 1702
Chen YiMin 188, 9007
Chen Ying 2971
Chen YinHua 613
Chen YiPing 2540

Chen YiTai 771
Chen Yong 2066, 2093, 12254
Chen YongQin 7038
Chen YongZhe 7876
Chen You 2678
Chen YouYuan 4929
Chen Yu 12600
Chen Yue 8667
Chen YueQin 2615, 5915, 7296, 8267, 8307, 8400
Chen YuhRu 1369
Chen YuJu 11516
Chen YuLing 7621
Chen YunPeng 5996
Chen YuQing 2461, 4507
Chen ZeLian 10769
Chen Zhang 11360
Chen ZhangLiang 11128
Chen ZhaoHui 12128
Chen ZhaoXia 125, 4988
Chen Zhe 9529
Chen ZhenBang 12166
Chen ZhengHua 7715
Chen ZhenGuang 539
Chen ZhenLing 12165
Chen ZhiDe 5153, 7606, 8709
Chen ZhiXian 4601, 8184
Chen ZhiXiang 2537, 5476, 10240
Chen ZhiXiong 2166
Chen ZhiXiu 10355
Chen ZhiYi 5222, 7621
Chen ZhongHong 2069
Chen ZhongMing 9719
Chen ZhuJun 4508-4509, 6801
Chen ZhuSheng 1516, 2410
Chen ZongLian 1778
Chen ZuoQuan 2438, 3417
Cheney, D. P. 11637
Cheng, B. F. 10116, 11257
Cheng, B. J. 8640
Cheng, D. F. 11929
Cheng, F. 6530, 6532, 6594
Cheng, G. H. 6288
Cheng, H. 5995
Cheng, H. H. 1571
Cheng, H. L. 10265
Cheng, J. 1194, 1196
Cheng, J. B. 2998
Cheng, J. S. 5577
Cheng, J. T. 4376
Cheng, J. X. 5549
Cheng, K. C. 3617, 3617
Cheng, K. J. 9559
Cheng, L. B. 2805
Cheng, L. J. 2550
Cheng, M. 9441
Cheng, M. M. 6296
Cheng, P. C. 12017, 12033
Cheng, S. 6998
Cheng, S. H. 3393
Cheng, T. S. 5300
Cheng, W. H. 6213
Cheng, W. Y. 12033
Cheng, W. Z. 4065
Cheng, X. R. 3930
Cheng, X. Z. 7791
Cheng, Y. 8089
Cheng, Y. H. 11157
Cheng, Y. K. 9744
Cheng, Y. M. 12003
Cheng, Y. X. 4162
Cheng, Z. J. 183
Cheng, Z. K. 3018, 5189, 12230
Cheng, Z. M. 12878
Cheng, Z. P. 3361
Cheng, Z. Q. 291, 2120, 9713, 11835, 12246
Cheng, Z. Y. 292
Cheng BeiJiu 8640
Cheng DengFa 11929
Cheng Fei 6530, 6532, 6594
Cheng GuoHua 6288
Cheng Hang 5995
Cheng HaoHung 1571
Cheng HongLiang 10265
Cheng JiaSheng 5577
Cheng JiaXiang 5549
Cheng JiinTsuey 4376
Cheng Jing 1194, 1196
Cheng JunBiao 2998
Cheng KuoJoan 9559
Cheng LaiBing 2805
Cheng LuJun 2550
Cheng Meng 6296
Cheng SanHu 3393
Cheng TaiSheng 5300
Cheng WeiZhong 4065
Cheng XiaoRui 3930
Cheng XuZhen 7791
Cheng YanXi 4162
Cheng YingHuey 11157
Cheng Yong 8089
Cheng YuKuei 9744
Cheng ZaiQuan 11835
Cheng ZhiJun 183
Cheng ZhiQiang 291, 2120, 9713, 12246
Cheng ZhiYi 292
Cheng ZhongPing 3361
Cheng ZhuKuan 3018, 5189, 12230
Cheng ZongMing 12878
Chengappa, S. 9972
Chéniclet, C. 7856
Chenoweth, W. A. 1375
Cheong, B. G. 440
Cheong, C. H. 12921
Cheong, H. S. 1869, 11568
Cheong, N. E. 440
Cheong, Y. K. 644, 8078
Cheong BaeGyo 440
Cheong ChangHo 12921
Cheong HyeonSook 1869, 11568
Cheong NaEun 440
Cheong YoungKeun 644, 8078
Cheremis, A. V. 7342
Cherepneva, G. N. 6606
Cheres, M. T. 4522
Cherevko, M. 328
Cherniawsky, D. M. 5509
Chernov, A. A. 11999, 12070
Cherny, S. S. 10560
Chéron, A. 1835
Cheron, A. 7236
Cherry, J. M. 2750, 3728
Cherry, R. J. 4691-4692, 7047-7048
Cherubini, M. 108, 11249
Chesney, P. 5648
Chesoniene, L. 3340
Chessa, F. 3152
Chessa, I. 6728, 11247
Chételat, A. 6493
Chetelat, R. T. 11126
Chétrit, P. 1615, 12809
Chetti, M. B. 1014, 9639
Cheung, J. D. 2313
Cheung, W. Y. 602, 619, 1555
Cheung JongDo 2313
Chevalier, C. 5522
Chevalier, L. 10220
Chevalier, M. 6656
Chevalier, T. 6673
Chevallier, M. H. 11797
Chevillon, C. 11
Chevone, B. I. 6361
Chèvre, A. M. 591, 2259, 6784, 8038
Chevreau, E. 3270, 4389, 4398, 6624, 6633, 6656
Chezhiyan, N. 11521
Chhabra, A. K. 1106, 10735
Chhabra, B. S. 11423
Chhabra, M. L. 2304, 2862
Chi, P. Y. 9894, 10811
Chi, Y. 126, 4942
Chi, Y. H. 4666
Chi PingYau 9894, 10811
Chi Yen 126
Chiang, T. Y. 1909, 2140
Chiang, Y. C. 2140
Chiang TzenYuh 1909, 2140
Chiang YuChung 2140
Chiapello, H. 8453
Chiaraluce, R. 12798
Chiaretti, D. 5289
Chiavarino, A. M. 2029-2030, 12022
Chiba, B. 9705
Chiba, Y. 9309
Chibbar, R. N. 2824, 6127, 9434, 9467, 9490
Chidichimo, H. O. 9503
Chikani, B. M. 3464
Chikkadevaiah 4530, 11276
Chikkodi, S. B. 640
Chikrizova, O. F. 5791
Child, R. 610, 2457
Chilosi, G. 3883, 11161
Chilton, M. D. 4836
Chilukuri, S. R. 10852
Chimenti, C. A. 1091
Chin, C. K. 7864, 11082, 11131
Chin, D. B. 2288
Chin, P. 12
Chin CheeKok 7864, 11082
China, Quanjiao Cotton Seed Farm 8162
Ching, A. 513
Chinnnaswamy, K. P. 11223
Chino, M. 1167
Chinou, I. 1782
Chinwalla, A. 11732
Chioccia, G. 6553
Chipungahelo, G. 3449
Chira, E. 3180
Chisci, G. 12593
Chishimba, W. K. 11600
Chitnis, P. R. 12055
Chittoor, J. M. 3879
Chiu, C. C. 4376
Chiu, J. 895
Chiu, S. T. 3593
Chiu, S. W. 11632
Chiu, W. L. 684, 1071
Chiu, W. T. 11632
Chiu ChienChih 4376
Chiu ShauTing 3593
Chiu WanLing 684, 1071
Chiurazzi, M. 4177
Chiusa, G. 12784
Chivasa, S. 704, 9257
Chizhik, O. V. 2899
Chloupek, O. 1892, 6356
Chlyah, H. 119, 8022
Chlyah, O. 119
Chmiel, H. 5857
Chmielarz, P. 766
Cho, C. 5238
Cho, H. C. 7548
Cho, H. J. 1250, 7718, 8116, 8362
Cho, H. M. 3155
Cho, H. S. 8129
Cho, H. T. 269
Cho, J. W. 6928
Cho, K. S. 8116
Cho, K. T. 8116
Cho, M. H. 925
Cho, M. J. 595, 1998, 4201, 9547
Cho, M. W. 8303
Cho, S. C. 10522
Cho, S. H. 826
Cho, S. Y. 590, 644, 710, 1028, 1117-1118, 1123, 7543-7544, 7547-7550, 7828, 8078
Cho, T. J. 595
Cho, W. D. 2186
Cho, Y. G. 7596, 9697
Cho, Y. H. 11058
Cho, Y. R. 2798
Cho HaeChune 7548
Cho HenJe 7718, 8116, 8362
Cho HyeonJe 1250
Cho HyeSun 8129
Cho HyungTaeg 269
Cho JeongWoo 6928
Cho KuTaek 8116
Cho KyoungSook 8116
Cho MooJe 4201
Cho MyeongJe 348, 1998
Cho MyeongWhan 8303
Cho SooYeon 590, 644, 710, 1028, 1117-1118, 1123, 7543-7544, 7547-7550, 7828, 8078
Cho SunChan 10522
Cho SungHo 826
Cho WeonDae 2186
Cho YangRae 2798
Cho YongGu 7596, 9697
Cho YoungHwan 11058
Chod, J. 6539
Chodová, D. 6539
Choe, S. 4884, 6018, 11660
Choe, Y. W. 500
Choe YoungWon 500
Choi, B. H. 5278
Choi, B. J. 8087
Choi, B. S. 432, 7839, 8088, 8300
Choi, C. H. 8304
Choi, D. I. 10238
Choi, D. W. 2195, 9570
Choi, G. 11568
Choi, G. J. 3033
Choi, G. W. 2296
Choi, H. C. 1117-1118, 1123, 7547, 7549-7550, 8725
Choi, H. S. 11560
Choi, H. W. 9547, 12531
Choi, I. H. 590
Choi, I. S. 7548-7549, 8087
Choi, J. G. 432
Choi, J. H. 8635
Choi, J. K. 7783-7784, 11560
Choi, J. S. 1028, 11962, 11966
Choi, J. Y. 3618, 11565
Choi, K. B. 7839
Choi, K. H. 6495, 6587
Choi, K. J. 7783
Choi, K. S. 496
Choi, K. T. 5901
Choi, K. W. 9107
Choi, M. U. 11068
Choi, P. S. 448
Choi, S. B. 9275
Choi, S. H. 9693
Choi, S. J. 5574
Choi, S. R. 8304
Choi, S. Y. 2358, 8303
Choi, Y. A. 7689
Choi, Y. E. 5901, 11592
Choi, Y. G. 1118, 1123, 7549-7550
Choi, Y. J. 12614-12615
Choi, Y. L. 5723
Choi BooSull 432, 7839, 8088, 8300
Choi ByoungHee 5278
Choi ByungJun 8087
Choi ChangHak 8304
Choi DoIl 10238
Choi DongWoog 2195
Choi GeunWon 2296
Choi GiJun 3033
Choi HaeChune 1117-1118, 1123, 7547, 7549-7550, 8725
Choi HaeSun 11560
Choi HiuWan 12531
Choi ImSoo 7548-7549
Choi InHu 590
Choi InSik 8087
Choi JaeHyuk 8635
Choi JaeSeong 1028, 11962, 11966
Choi JangKyung 11560
Choi JinKyeong 7783-7784
Choi JiYong 3618, 11565
Choi JongGyu 432
Choi KwanSoon 496
Choi KyeongJu 7783
Choi KyungBae 7839
Choi KyungHwa 6495, 6587
Choi MyungUn 11068
Choi SangBong 9275
Choi SeongJin 5574
Choi SeongYong 2358
Choi SeongYoul 8303
Choi SeonHee 9693
Choi SungRyul 8304
Choi YangAe 7689
Choi YeongGeun 1118, 1123, 7549-7550
Choi YongEui 11592
Choi YongLark 5723
Choi YoungJun 12614-12615
Cholakova, N. 8884
Chollet, R. 200, 6391
Chomane, W. 5410
Chong, D. H. 590
Chong, D. K. X. 2229

Chong, J. 5763
Chong DongHee 590
Chongo, G. 12409-12410
Chongo, G. M. 11600
Chono, M. 6610
Choo, T. M. 1039, 9544
Choo, Y. D. 2358
Choo YeunDae 2358
Chopade, A. O. 3477
Chopra, S. 2040, 11992
Chopra, V. L. 605, 1546, 2448, 2456, 6778
Chore, C. N. 11411
Chory, J. 43, 907, 2775, 4934, 9343, 10532
Chotechuen, S. 3133
Chou, C. H. 2140, 4790
Chou, M. L. 11762
Chou ChangHung 2140
Chou MingLun 11762
Choubey, P. C. 5907
Choudhary, A. K. 2484, 4547, 11347
Choudhary, M. L. 2640
Choudhary, S. C. 12163
Choudhuri, J. 8083
Choudhuri, P. K. 11581
Choudhury, A. 11850
Choudhury, K. 514
Choudhury, S. 1734, 8314, 11539
Choumane, W. 3910, 8801
Chourey, P. 216
Chourey, P. S. 1639, 6213
Chovelon, V. 4328
Chow, K. S. 5797, 9124, 11454
Chow, P. S. 11261
Chow KengSee 5797, 9124, 11454
Chowdari, K. V. 3005
Chowdhry, M. A. 4995
Chowdhury, B. 9704
Chowdhury, J. B. 3125, 7190
Chowdhury, J. U. 1786
Chowdhury, M. K. U. 12752
Chowrira, G. M. 8800
Chrispeels, M. J. 4829, 5453, 9887, 12813
Christ, B. J. 411, 5457
Christensen, C. A. 2757
Christensen, K. I. 7076
Christensen, M. R. 6439
Christensen, T. M. I. E. 2419
Christenson, E. A. 2661, 10407
Christey, M. C. 7851, 9940
Christiansen, E. 1698
Christiansen, F. B. 1901
Christiansen, J. L. 6368, 9722, 10913
Christiansen, S. 6312, 11826
Christiansson, M. 9071
Christie, B. R. 9756
Christie, C. B. 7872
Christie, J. M. 1860, 9331
Christopher, D. A. 9546, 9557, 11943
Christopher, M. E. 2014
Christopher F. 1773
Christou, M. 11093
Christou, P. 3023-3024, 3528, 3895, 4027, 4768, 5169, 5173, 6091, 6865, 8692, 9660, 10587, 10865, 11837
Christov, V. 2160
Chrpová, J. 1954
Chrungu, B. 6785
Chu, C. C. 11430, 11432, 12848, 12850
Chu, D. Y. 11494
Chu, L. X. 5676
Chu, M. Y. 7956, 7959, 10026
Chu, Q. R. 5207-5209, 7601
Chu, X. S. 11856
Chu, X. Z. 10811
Chu ChangChi 12848, 12850
Chu DeYu 11494
Chu LianXiang 5676
Chu MengYuan 7956, 7959, 10026
Chu XiongZhuang 10811
Chu XiuSheng 11856
Chua, N. H. 61, 857, 4880, 5191, 9262, 10472, 10982, 12520
Chua NamHai 61, 1917, 4880, 5191, 9262, 10982, 12520
Chuang, C. F. 4882
Chuang ChiouFen 4882
Chugunkova, T. V. 11350
Chumakova, I. M. 6485
Chun, B. M. 11058
Chun, H. J. 4201
Chun, I. J. 3155
Chun, U. B. 225, 303
Chun ByoungMun 11058
Chun HyunJin 4201
Chun QingHong 7606
Chung, B. N. 7836, 8343-8346
Chung, C. H. 5723, 8315
Chung, D. H. 4078
Chung, D. S. 6534
Chung, G. M. 5879
Chung, H. D. 5565, 6604, 6607, 12614-12615
Chung, H. G. 11810
Chung, H. J. 4591, 11729
Chung, I. K. 8880
Chung, J. D. 7842
Chung, J. M. 8334, 11810
Chung, J. S. 9107
Chung, K. H. 562, 2348, 4434, 6680, 6719, 9942, 10007, 10027, 10029, 10032-10034
Chung, K. M. 7913, 10522
Chung, M. G. 2625, 5869, 5879, 8333-8334, 9191, 11810, 12903, 12933
Chung, M. Y. 5879, 12903
Chung, O. K. 1965-1966, 3827-3828, 7380, 7420, 8572
Chung, S. H. 8087-8088
Chung, S. K. 8343, 8346
Chung, W. I. 553, 700, 8879
Chung, Y. M. 8315
Chung, Y. Y. 4029
Chung BongNam 7836, 8343-8346
Chung ChungHan 5723, 8315
Chung DaeSung 6534
Chung DongHee 4078
Chung GaeMin 5879
Chung HeeDon 5565, 6604, 6607, 12614-12615
Chung HwaJee 4591, 11729
Chung HyeGi 11810
Chung IlKyung 8880
Chung JaeDong 7842
Chung JaeMin 8334, 11810
Chung KooMin 7913
Chung KyeongHo 562, 6680, 6719, 10007, 10027, 10029, 10032-10034
Chung KyuHwan 9942
Chung KyungMin 10522
Chung MiYoon 5879, 12903
Chung MyongGi 2625, 5869, 5879, 8333-8334, 9191, 11810, 12903, 12933
Chung SangHwan 8087-8088
Chung SoonKyoung 8343, 8346
Chung WonIl 553, 8879
Chung YongMo 8315
Chung YongYoon 4029
Chunilal 206
Churata, B. G. M. 9622
Church, G. E. 4619
Churchill, G. A. 12552
Churchill, K. E. 165
Chuvasheva, E. S. 1300
Chwarszczynska, D. M. 9075
Chye, M. L. 1653, 1840, 4369, 9291
Chye MeeLen 1653, 1840, 4369, 9291
Chytilova, E. 9294
Ciaffi, M. 3857, 3866, 3897, 5029, 6086
Cianzio, S. R. 10947, 12349
Ciarelli, D. M. 2047
Ciarmiello, A. 11309
Ciccolella, V. 10338
Cicek, M. 6208
Cichy, H. 6832, 9583
Cid, M. B. 7160
Cid, R. 7129
Cid Alvarez, N. 4465
Cieminis, K. 3914
Ciepły, J. 11977
Ciesiolka, L. D. 8890
Cilas, C. 1605, 3506, 5748
Ciliento, R. 5529
Cimato, A. 2472, 10166
Çinar, A. 11237
Cindrić, P. 3335
Cinsoy, A. S. 379, 538
Cintra, D. 5942
Cionini, G. 973
Cipollaro, M. 6771
Cipriani, G. 3338, 11652, 12658
Cîrjă, M. 3247
Cirpici, A. 11536
Cisowski, W. 10347
Cistué, L. 10664, 11948
Citovsky, V. 3764, 9981
Citro, D. 1439
Civardi, L. 11343, 11989
Clabby, G. 7803
Claes, B. 4064
Clancy, J. A. 6167, 9563
Clapham, D. 8194, 9404
Clapham, W. M. 7687, 9763
Clara, M. I. 11322-11323
Clarck, C. W. 7213
Clare, R. W. 2690
Clark, A. M. 4860
Clark, A. N. S. 7400
Clark, C. W. 7793
Clark, G. B. 8457
Clark, G. P. 2662, 9093, 9596
Clark, I. M. 6093
Clark, J. 12413
Clark, K. M. 9033
Clark, L. E. 10749
Clark, L. G. 3648
Clark, M. S. 1328
Clark, S. A. 11059
Clark, S. E. 19, 3733, 6026
Clark, S. L. 11499, 11499
Clark, W. G. 9370
Clarke, A. E. 6931, 11102, 12810
Clarke, A. K. 9319
Clarke, B. 11856
Clarke, B. C. 2898, 4960, 9487
Clarke, F. R. 9422
Clarke, G. P. Y. 3483, 6987
Clarke, J. D. 10554
Clarke, J. M. 967, 2822-2823, 11831, 11872
Clarke, R. C. 2561, 5795
Clarke, R. T. 6046, 12502
Clarkson, D. T. 6370
Clarkson, J. P. 7846
Claros, M. G. 8234
Classen, H. L. 10596
Claudio, C. 11304
Clausen, A. M. 5464, 6326, 9897
Clavé, J. 3378-3379, 3411, 9019
Clavero, T. 6338
Clawson, S. M. 9738
Clayton, H. 4898
Cleary, A. L. 2032
Clegg, M. T. 11822
Clem, R. 9780
Clem, R. L. 9779, 10939
Clemens, S. 9346, 10632
Clément, B. 2521
Clément, C. 8421
Clement, C. R. 11668, 11671
Clement, J. 11811
Clement, S. L. 2701, 2701
Clercq, H. de. 6514
Clercq, J. de 12377
Clercq, R. de 7237, 9295
Clerjeau, M. 12672
Clermont-Dauphin, C. 6779
Cleve, B. van 8481
Cleveland, D. A. 3665
Clewett, T. G. 11927
Cliff, M. A. 2338, 8917
Clifford, P. T. P. 10907
Clijdesdale, O. R. 3754
Cline, K. 6924
Close, T. J. 9570
Clough, R. C. 3944
Clough, S. J. 2743
Clouscard-Martinato, C. 10491
Clouse, S. D. 795
Clúa, A. A. 7421
Clucas, E. 7085
Cluster, P. D. 7688
Clyde, M. M. 3446
Co, H. X. 9779
Coart, E. 2579, 4651, 8208
Coates, D. 6494
Coates, S. T. 12120
Cobbett, C. 7233
Cobbett, C. S. 885, 7236, 10551, 11717
Cober, E. R. 6388-6390
Coca, M. A. 3520
Cochran, K. D. 7943
Cock, J. 663
Cock, J. M. 8043, 9944
Cockburn, W. 11660
Cockerham, C. C. 9204
Cocking, E. C. 4633
Cocks, P. S. 355, 6375, 7177, 7639, 7647
Cockshull, K. E. 2697
Cocucci, A. A. 10402
Codianni, P. 109-110, 2896, 3819
Codina, C. 7116
Codoni, D. 109
Codony, R. 6772
Codym, A. 10896
Coe, E. H. 222, 12051, 12067
Coe, E. H., Jr. 11984
Coego, A. 5521
Coego-González, A. 3488
Coelho, A. D. F. 12434
Coelho, L. G. M. 3061, 3063
Coelho, P. 452
Coello, P. 9289, 10550
Coello-Coello, J. 5793
Coen, E. 9292, 12916
Coen, E. S. 1745
Coffelt, T. A. 4542, 6985
Cogan, N. 453
Cohen, A. 12537
Cohen, A. C. 11430, 11432, 12848, 12850
Cohen, D. 8913
Cohen, J. D. 9380
Cohen, M. 3391, 5527, 8156
Cohen, M. B. 3026, 4078, 6264, 10874
Cohen, S. 5545, 12387
Cohen, Y. 10757
Coimbra, J. L. M. 6424, 10970
Coimbra, R. R. 12434
Coimbra, S. M. M. 10970
Cointry, E. 7866
Coker, A. 2598
Colbach, N. 6779
Colbaugh, P. F. 7651
Cole, D. J. 6003
Cole, J. R. 5968
Cole, W. W. 10392
Coleman, M. D. 11473
Coles, J. P. 1854, 4887
Coletta Filho, H. D. 2426
Coletti, A. 103, 7699
Colinas León, M. T. 5533
Collado, L. S. 11056
Collado, M. H. 5400
Collaku, A. 6142
Collaud, J. F. 8533
Collicutt, L. M. 4703
Collin, J. 5145
Collin, S. 8388, 11722
Collingborn, F. M. B. 2409
Collinge, D. B. 1046
Collinge, S. 8309
Collings, D. A. 11025
Collins, A. 969, 11833
Collins, G. B. 703, 1622, 4595, 7709
Collins, G. G. 8072
Collins, H. L. 12516
Collins, M. 4111
Collins, N. 5026, 9521, 12126

Collins, N. C. 2050
Collins, W. W. 1349, 2701
Colliver, S. P. 9094
Colloca, A. 1951
Colmenero-Flores, J. M. 5351, 8787
Colombo, C. A. 7010
Colombo, L. 2034, 4026
Colombo, M. 12548
Colonna, G. 8998
Colonna, M. 2821
Colonna, P. 5375
Coloquio, E. 4076
Coloquio, E. L. 12255
Colquhoun, I. J. 521
Colrat, S. 2381
Colson, M. 11611, 11614
Colucci, G. 2243, 5453, 9887
Colugnati, G. 10047
Columbus, J. T. 2144
Colunga-GarcíaMarín, P. 5793
Comai, L. 1833, 2739
Comba, L. 8309
Comber, H. F. 9197
Combes, M. C. 8117, 12792
Combettes, B. 2521, 4578, 12809
Combs, D. K. 300
Comeau, A. 3809, 5145, 9510
Comes, H. P. 2799
Companioni, B. 8017
Comps, B. 8203
Comstock, G. 8445
Comstock, J. 10967
Concari, L. 105, 1924
Conceição, A. da S. 10528
Conceição Romano, M. da 4986
Concepción, O. 5643
Concilio, L. 1333
Conde, E. 6993
Condon, A. G. 3846, 9466
Cone, K. C. 12068
Conejero, V. 5521
Cong, P. H. 8905, 12618
Cong, P. S. 12166
Cong, V. N. 1273
Cong, W. B. 12174
Cong PeiHua 8905, 12618
Cong PeiSheng 12166
Cong WanBiao 12174
Conger, B. V. 6243, 8677
Conicella, C. 2233, 4266
Conkle, M. T. 12888
Conklin, P. L. 2767, 6009
Conlan, R. S. 11836
Conley, T. R. 9334
Connell, J. H. 3373
Conner, A. 817
Conner, A. J. 691, 6099, 7865, 7875
Conner, R. L. 1224, 8747
Conner, T. 26, 9441
Connerton, I. F. 11242
Connolly, E. L. 6038
Connor, H. E. 1220-1221, 6340, 10881
Connors, P. G. 5259
Conover, S. M. 8890
Conrad, U. 11365
Conrath, U. 828
Consalvi, V. 12798
Considine, J. A. 836
Consonni, G. 2927, 12071
Constable, G. 2557-2558
Constandt, H. 7997
Constantin, R. J. 4452
Contard, P. 9971
Contard-David, P. 3724
Contardi, G. 5515
Conte, C. 8503
Conte, L. 5706
Conti, D. 106
Conti, S. 1070, 10716, 12528
Contoli, S. 105, 7508, 7699, 11925
Contreras, A. M. 6204
Contreras, C. P. 1585
Converso, R. 103, 7699
Conway, W. S. 10017
Cook, C. G. 2549, 11408, 12846
Cook, D. R. 6350
Cook, W. B. 5105, 10432
Cooke, B. M. 2005, 11902
Cooke, D. 5473
Cooke, D. A. 8329
Cooke, K. J. 8
Cooke, R. 9354
Cooke, R. J. 4985
Cooke, S. E. 4828
Cooley, D. 6706
Coombs, J. J. 7815
Coon, C. L. 8272-8273
Coonfield, M. L. 8496
Cooper, B. M. 10907
Cooper, H. B., Jr. 11399
Cooper, J. E. 12318
Cooper, J. M. 2181, 5965
Cooper, M. 6133, 8757
Cooper, P. 5394
Cooper, P. A. 3109
Cooper, P. E. 10729
Cooper, R. L. 7700, 7731, 12374
Cooper, W. 90
Copati Souza, L. A. 10069
Cope, T. 5245
Copeland, R. 4393
Copeland, S. 1247
Coppieters, J. 7237
Coppieters, W. 73
Corazza, L. 2006
Corbellini, M. 99, 2896, 6135
Corbesier, L. 1847
Corbet, S. A. 8309, 11554
Corbett, G. E. 8228
Corbière, H. 699
Corcuera, L. J. 1044, 7451
Corcuera, V. R. 12095, 12123
Cordeiro, C. 9589
Cordeiro, E. R. 10086
Cordeiro, M. A. P. 10259
Cordeiro, M. C. R. 4910
Cordero, M. 7795
Cordier, H. 7232
Cordo, C. A. 1978, 7401, 10639
Cordonnier-Pratt, M. M. 2299, 3237, 6166, 11109, 12875
Cordova, H. S. 2931
Cordts, S. 7482, 12030
Corea, E. A. 12882
Corey, A. C. 10876
Corke, H. 1373, 8731, 11056
Corlett, J. E. 1381, 2297
Cornejo, M. J. 6282, 7597
Cornel, D. 7246
Cornélio, V. M. de O. 7534
Cornelissen, B. J. C. 10239
Cornelius, J. P. 9141, 12882
Cornille, P. 11121
Cornish, E. 12898
Cornuet, J. M. 10561
Corona, M. G. 3375
Coronado, M. J. 6516
Corr, C. 8155, 12822
Corre, V. le 1883
Correa, M. P. F. 6760
Corseuil, E. 8985
Corsini, D. 5475
Corsini, D. L. 8838
Corte, H. R. 12388
Corte, V. 3329
Cortellino, G. 1439
Cortés, H. P. 4353
Cortez, M. J. 3906
Corticelli, C. 139
Cortinas Escobar, H. M. 5363
Coruzzi, G. 895, 1830, 1871
Coryell, V. H. 7713
Cosgrove, G. P. 7684
Cosi, E. 493
Cosser, N. D. 1005
Cosset, A. 7800
Costa, A. A. 9120
Costa, D. da C. 12685
Costa, I. T. da 10176-10177
Costa, J. 7904
Costa, J. G. C. 12382
Costa, J. G. C. de 2198
Costa, J. G. da 10454
Costa, J. N. da 10259
Costa, L. B. da 10177
Costa, M. 918, 10335
Costa, P. 8197
Costa, R. M. A. 8454
Costa Santa-Cecília, L. V. 9982
Costache, C. 3247
Costache, M. 3247-3248
Costacurta, A. 556-557, 6709
Costantino, P. 6926
Coster, H. G. L. 11289
Côte, F. 1507, 10211
Côte, F. X. 7998
Cother, E. 10872
Cothren, J. T. 715, 11414
Cotias de Oliveira, A. L. P. 12862
Cotias-de-Oliveira, A. L. P. 12897
Cottone, C. 1517
Cottrell, J. 11492
Cottrill, P. B. 188
Coumans, M. P. 3975
Coupland, G. 918, 3747
Cournac, L. 9104
Cournoyer, B. 28
Coursolle, C. 1697
Courtois, B. 1187
Courtois, D. 5911
Cousin, M. 579
Coustaut, M. 12721
Coutinho, J. L. B. 10177
Coutos-Thévenot, P. 12675
Couturon, E. 8117
Couvet, D. 4779
Covarrubias, A. A. 5351, 8787
Covello, P. S. 8037
Coveney, J. 4643
Covitz, P. A. 312
Cowan, R. 4736
Cowen, N. 202
Cowger, C. 1976
Cowgill, S. E. 2701, 6494
Cowles, J. R. 8765
Cowling, R. J. 2764
Cowling, W. A. 4149-4150, 12335
Cox, A. 8150
Cox, D. J. 3825
Cox, M. C. 655, 668
Cox, P. 11517
Cox, P. A. 8270
Cox, T. S. 7399, 7404, 7411, 7415-7416, 8428
Cox-Foster, D. L. 12910
Coyne, C. J. 2437
Coyne, D. P. 365, 368, 2201, 5362, 10974, 12817
Cozzi, G. 5584
Cozzo, M. 843
Craft, J. A. 4334
Craig, A. D. 322
Craig, J. 5370
Craig, R. 8294, 12909-12910
Cramer, C. L. 9718
Cramer, C. S. 7931, 12497
Crane, C. F. 1636
Crane, E. H. 4197
Crane, J. M. 4546
Cranston, H. J. 7454
Cranstoun, D. 10610
Crasta, O. 9532
Craufurd, P. Q. 6461, 11334
Craven, L. A. 12837
Craven, P. 3678
Cravero, V. 7866
Crawford, D. J. 4661, 6335
Crawford, J. 8035
Crawford, J. W. 6786
Crawford, N. M. 2759, 3704
Crawford, W. E. 4377
Craze, M. 6010
Creche, J. 4769
Credi, R. 11219
Creech, J. B. 11428
Creech, R. G. 9118, 10243
Creelman, R. A. 922
Creely, W. 11751
Cregan, P. B. 5651, 8775
Creij, M. G. M. van 12937
Creissen, G. 8479, 12814
Creissen, G. P. 9105
Creller, M. A. 4437
Cremonini, R. 5340, 9759, 12432
Cren, M. 5305
Crescimanno, F. G. 11232, 12694
Crespo, M. B. 7154
Cress, W. A. 2246, 4906
Cresswell, J. E. 1547
Cresti, M. 10573, 11552
Crété, P. 2524
Creusot, F. 8792
Crèvecoeur, M. 11164
Crha, J. 4444
Crinò, P. 5421, 5429
Cripps Clark, S. 285
Criqui, M. C. 3523
Crisóstomo, J. R. 3408
Crispim, J. E. 1286
Cristinzio, G. 8839
Cristóbal, R. 4473
Cristofani, M. 2416, 10070
Cristofaro, M. 2701
Cristoferi, G. 5541
Crivelli, G. 1439
Crochemore, M. L. 5250
Crock, J. 769
Crockard, M. A. 12318
Crockett, J. 11732
Croes, A. F. 10418
Croft, A. M. 12340
Croft, B. J. 672
Croft, J. 9399
Crofton, G. R. A. 356
Crofts, A. J. 6933
Croker, S. J. 4887
Cronn, R. 5788
Cronn, R. C. 86
Cros-Lefer, J. 8117
Crosatti, C. 7447, 9571
Crosbie, G. 136
Crosby, W. L. 10541
Crosnier, M. T. 9140
Cross, N. 9399
Cross, R. J. 1336
Crossa, J. 185, 3677, 5949, 6137
Crossman, C. 1389
Croteau, R. 769, 9280
Crouch, H. 1500
Crouch, H. K. 2395, 4470-4471, 7997
Crouch, J. 1500
Crouch, J. H. 2395, 4470-4471, 7997
Crouzillat, D. 8118, 9080
Crow, G. E. 1765
Croy, R. R. D. 8832
Crozzoli, R. 12488
Crump, P. M. 6355
Crute, I. 11780
Crute, I. R. 452-453
Cruz, C. D. 931, 2107, 4122, 6427, 6427, 7334, 7908, 7910, 7914, 8670, 8897, 9630, 9706, 9822, 9987, 10903, 12106, 12347
Cruz, C. M. V. 7620
Cruz, J. C. 954
Cruz, J. de la 9238
Cruz, R. P. da 2793, 8623, 10599
Cruz, W. dela 4873
Cruz-Alvarez, M. 5502
Cruz-Chouque, D. 12597
Cruz de Melo Sereno, M. J. 10607
Cruzan, M. B. 2646, 4745, 5269
Csaikl, U. M. 7214
Cseke, L. 12920
Csikász, T. 4528
Csinos, A. S. 12819
Csonka, L. N. 1380
Csősz, M. 9531, 10644
Cuadra, C. de la 9764, 10928
Cuadrado, A. 11933
Cuadrado, C. 12329
Cuartero, J. 6568, 7882, 8437
Cuartero Zueco, J. 11114
Cubadda, R. 8567, 8576
Cubas, P. 4700, 9292, 12916
Cubero, J. 5344

Cubero, J. I. 1258, 3121, 3860, 5336-5337, 5339, 5395, 5416, 5419, 7733
Cubicciotti, G. 5613, 8990
Cuco, S. M. 6984
Cuéllar, S. 10365
Cuéllar, T. 6846
Cuenca, B. 6995
Cuenca, S. 7098
Cuénoud, P. 1676
Cuerq, B. 5615
Cuerrier, A. 8526
Cuerva, J. 1705
Cueto, G. G. 11079
Cueto-Moreno, J. 8118
Cuevas, J. 11318
Cuguen, J. 10201
Cui, C. 8046
Cui, C. S. 6538
Cui, D. C. 6033
Cui, D. Q. 978
Cui, H. R. 4080
Cui, H. Z. 12857
Cui, J. J. 12853
Cui, K. R. 12955
Cui, L. H. 7715
Cui, L. J. 3790
Cui, Q. X. 12555
Cui, R. X. 10244
Cui, S. J. 6066, 12935
Cui, S. L. 4937
Cui, X. J. 12833
Cui, X. M. 9254
Cui, X. W. 8185
Cui, Y. G. 4167
Cui, Z. L. 2163, 4163, 9783
Cui ChongShi 6538
Cui Cui 8046
Cui DangQun 978
Cui DeCai 6033
Cui HaiRui 4080
Cui HongZhi 12857
Cui JinJie 12853
Cui KaiRong 12955
Cui LiangJi 3790
Cui LiHua 7715
Cui MeiXiang 6913
Cui QunXiang 12555
Cui RongXia 10244
Cui SuJuan 6066, 12935
Cui SuLan 4937
Cui XiaoJiang 12833
Cui XingMing 9254
Cui XiuWen 8185
Cui YuGui 4167
Cui ZhangLin 2163, 4163, 9783
Cukovic, D. 8206
Culham, A. 774, 8287
Culiañez-Macià, F. A. 7172
Culiáñez-Macià, F. A. 9362, 9618
Culiañz-Maciá, F. A. 4820
Cullimore, J. V. 1235
Cullis, B. 3
Culotta, V. C. 20
Culpepper, A. S. 12858
Culvenor, R. A. 305, 9745
Culver, J. N. 11388
Cun, S. X. 11835
Cun ShouXian 11835
Cundall, E. P. 3400
Cunfer, B. M. 3907
Cunha, M. A. P. da 10074
Cunha Dornelles, A. L. 10682
Cunha Sobrinho, A. P. da 10074
Cunliffe, I. 7084
Cunningham, S. M. 3049
Cuny, G. 12840
Curcó, A. 3608
Curir, P. 12932
Čurn, V. 4332, 6437, 6798
Currier, C. G. 4136, 7675
Curry, J. 9986
Curtis, I. S. 1854, 4767, 7135, 8869, 12521
Curtis, M. D. 2784
Cushman, J. C. 11689
Cusumano, J. C. 3751
Cutanda, M. C. 9362
Cutler, S. 9345
Cuyper, B. de 739
Cvetanovska, L. 11112
Cvrckova, F. 10227
Cyr, R. J. 2192
Czempinski, K. 10489
Czepó, M. 3988
Czernic, P. 4911, 8505, 12799
Czihal, R. 1379
Czosnek, H. 4486, 12547
Czubaszek, A. 10678, 10681, 10878
Czuchajowska, Z. 134, 170-171, 2220, 11950
Czygan, F. C. 9165, 9216
Czynczyk, A. 8962
Da, S. 7512
da Antonino Faroni, L. R. 12131
da C. Machado, A. 11389
da C. Machado, M. L. 11389
da Câmara Machado, A. 1460
da Câmara Machado, M. L. 1460
da Conceição Romano, M. 4986
da Costa, I. T. 10176-10177
da Costa, J. G. 10454
da Costa, J. N. 10259
da Costa, L. B. 10177
da Cruz, R. P. 2793, 8623, 10599
da Cunha, M. A. P. 10074
da Cunha Sobrinho, A. P. 10074
da Fonseca, F. S. 6982
da Pereira, A. S. 6486
da Silva, A. A. L. 12131
da Silva, A. A. S. 11133
da Silva, C. M. 5323
da Silva, E. A. M. 6757
da Silva, E. F. 5154
da Silva, G. L. 2194
da Silva, H. T. 6423
da Silva, J. 5115, 5728
da Silva, J. A. 2390
da Silva, J. A. L. 9810
da Silva, J. B. V. 3196
da Silva, J. G. C. 868, 8785
da Silva, J. L. O. 1107
da Silva, J. V. 2277
da Silva, M. J. 2021, 4083
da Silva, W. J. 2039, 6201
da Silva Conceição, A. 2400
da Silva Dias, J. C. 12508
da Silva Ferreira, A. 5123
da Silva Ledo, F. J. 10454
Daayf, F. 8023
Dabas, B. S. 11659
Dabkevičienė, G. 4140
Dabos, P. 7226
Dabur, K. R. 3069
Dachi, S. N. 6334
Dadlani, M. 1169
Dado, R. G. 2043
Dadzie, B. K. 3663
Daehler, C. C. 8752
Daele, H. van den 7237, 9295
Daetwyler, D. 5573
Dafni, A. 7291
Dag, A. 1523
Dagar, S. 1809
Dagne, K. 5722, 10184
Dahan, A. 8593
Dahan, R. 5422
Dahar, N. A. 11345
Dahat, D. V. 2545, 7777
Dahiya, A. 8558
Dahiya, B. N. 9874
Dahiya, O. S. 984
Dahiya, P. 6442, 12397
Dahlberg, J. A. 6239, 10749
Dahleen, L. S. 166, 867, 5056, 11947
Dahlman, D. L. 12554
Dahmer, M. L. 236
Dahse, I. 9097
Dai, F. C. 8664
Dai, H. P. 7978
Dai, J. G. 7038
Dai, J. R. 208, 3965
Dai, J. Y. 1090
Dai, L. Y. 2066, 7613, 12254
Daí, N. 12532
Dai, Q. W. 12485
Dai, S. H. 10866
Dai, S. S. 6055
Dai, S. X. 3503
Dai, T. E. 8328
Dai, X. K. 4054, 10810
Dai, Y. M. 6903
Dai, Y. R. 9909
Dai, Y. S. 11516
Dai, Z. Y. 4806
Dai FaChao 8664
Dai HanPing 7978
Dai JingRui 208, 3965
Dai JunGui 7038
Dai JunYing 1090
Dai LiuYuan 2066
Dai LuYuan 7613, 12254
Dai QiWei 12485
Dai ShanShu 6055
Dai ShunHong 10866
Dai SuXian 3503
Dai TingEn 8328
Dai XianKai 10810
Dai YaoRen 9909
Dai YiMin 6903
Dai YuSheng 11516
Dai ZhengYuan 4806
Daigle, B. I. 6988
Daita, M. 3179
Dalal, M. 6149
Dalal, M. R. 3069
D'Alayer, J. 5104
Dalbin, N. 4911
Dale, A. 12673
Dale, J. L. 673
Dale, M. F. B. 3149-3150, 3174, 8411, 8824, 8827
Dale, P. 593
Dale, P. J. 5994, 6840, 11660, 11701
D'Alessandro, D. 5599
Daljit Singh 2944
Dall'Agnol, M. 3064
Dallmann, G. 4293
Dallos, M. P. 2403
Dally, A. 212
Dalman, P. 5601
Dalmasso, A. 1881
Dalmayrac, S. 2381
Dalström, S. 11571
Dalton, S. J. 3036, 8740
Dam, N. M. van 7139, 12957
Damasco, O. P. 2397
Dambier, D. 2418, 2423
D'Ambrogio, A. 1949
D'Ambrosio, C. 11309
Damerval, C. 5127, 9626
Damiand, G. 719
Damiani, F. 3962, 7688
Damiano, C. 854
Damke, M. M. 784, 5557
Dammann, C. 12447
Damme, E. J. M. van 1818, 3698, 6738, 8330, 9925
Damsteegt, V. 12648
Dan, Y. H. 4185
Dan Du 9221
Dan YingHui 4185
Dana, I. 7632
Danailov, Z. 2295
Dandekar, A. 4590
Dandekar, A. M. 2434, 12708
Dandin, S. B. 3341, 9004, 10059
Dane, F. 5261, 5868, 6367, 7685
Danell, O. 3577
Danesh, D. 8775
Dang, B. Y. 7715
Dang, C. L. 3211
Dang BenYuan 7715
Dang ChengLin 3211
D'Angeli, S. 2532
Dangi, K. S. 3438
Dangi, O. P. 3997
Dangl, J. L. 1876, 4909, 7267, 8052, 8440
Daniel, J. F. 12840
Daniel, P. 1228, 9746
Daniel, S. G. 2324
Daniel-Vedele, F. 2524, 4878, 7306, 9367
Danielis, R. 104
Daniell, H. 11713
Daniels, M. 283
Daniels, M. J. 70, 1877, 6042
Daniels, R. E. 6047
Danilenko, N. G. 6160, 10154
Danin, A. 4782
Dankov, T. 12072
D'Anna, F. 552, 1282, 8990
Danon, A. 4899
Dansi, A. 6507, 7834, 12490
Dantán, E. 5351
Dante, R. A. 6206
D'Antonio, C. M. 4758
D'Antuono, L. F. 994, 2821, 3813, 3819-3820, 3848
Danusevičius, D. 8255
Daoust, G. 7024
D'Aoust, M. A. 9598
Dapaah, H. K. A. 8805
D'Apice, L. 1517
Daram, P. 7245
Darbinian, N. S. 8124
Darby, J. 2368
Darby, P. 11652
Darby, R. 5773
Darchuk, S. 8836
D'Arcy, C. J. 12127
D'Arcy-Lameta, A. 9873
Dardenne, P. 1082
Dargeviciute, A. 2529
Darias, J. 11217
Darmency, H. 3423, 6784, 6906
Darnowski, D. W. 348
Darokar, M. P. 10449, 11579-11580, 11582, 11607, 11613
Darrah, L. L. 6215, 12135, 12140
Darsow, U. 1344, 3151, 4296
Darveau, A. 9748
Darvey, N. L. 9452
Darwish, A. K. 12839
Das, A. 6741, 8091
Das, A. B. 823, 2663, 3629, 7005, 8372, 9200-9201, 10409-10411, 11602, 11604, 12940
Das, B. C. 4199
Das, C. 2629
Das, C. R. 9056
Das, D. K. 398, 11241
Das, K. K. 3344
Das, L. D. V. 388
Das, M. 11589
Das, N. 8374
Das, N. R. 9472
Das, P. 287, 823, 1104, 2663, 3146, 3502, 3629, 4070, 7005, 8372, 9200-9201, 10308, 10409-10411, 11602, 11604, 12940
Das, P. K. 5275, 12861
Das, R. K. 9922
Das, S. 3010, 3555, 5718
Das, S. B. 11009, 12417
Das, S. K. 2214
Das, S. Y. 1322
Däschner, K. 9365
Dasgupta, S. 1622
Dasgupta, S. K. 7765
Dash, A. B. 10855
Dash, D. K. 5649
Dash, S. 5661
Dash, S. N. 11172
Dash, S. S. 7695
Dashora, S. L. 4154, 5075
Daskalov, S. 2295
Dass, S. 2940, 9614, 12113
Dathe, U. 2232
Datla, N. 628
Datta, A. 4081
Datta, A. K. 8360
Datta, K. 1157, 2630, 6299, 8718
Datta, S. K. 2630, 3597, 6255, 6299, 6889, 8718
Dätwyler, D. 3264
Daub, M. E. 2620
D'Aubenton-Carafa, Y. 9750
Daubèze, A. M. 12578
Dauborn, B. 3602

Daubremet, J. 32
Dauck, V. 11967
Daugherty, L. C. 8287
Daulotun Nessa 8069
Davelaar, E. 8869
Davenport, J. R. 7976
Davey, M. C. 2324
Davey, M. R. 1318, 1854, 3781, 4400, 4495, 4565, 4567, 4633, 4676, 4719, 4767, 4805, 5093, 5905, 7135, 8119, 8869, 11077, 12519, 12521
Davezac, T. A. E. 1091
David, A. 3571, 3638, 10425
David, H. 3571, 3638, 4669
David, J. 4464, 10653, 11849
David, J. L. 965, 8555
David, O. 1363
Davidson, C. G. 1712, 4703, 8296
Davidson, M. D. 4405
Davierwala, A. P. 5214
Davies, B. 4740, 11546, 11652
Davies, E. M. 7231
Davies, G. J. 8134
Davies, H. M. 11265
Davies, H. V. 2362, 4449, 8816, 8826, 12448
Davies, K. 523
Davies, K. M. 4684, 4743, 9940
Davies, M. S. 2137
Davies, P. J. 7757, 9837
Davies, P. L. 12815
Davies, R. T. 6025
Davies, R. W. 6324
Davies, W. J. 2297, 4102
Davies, W. P. 1005, 8573
Dávila, J. A. 1031, 3911
Dávila, P. 3045, 9016-9017
Davis, A. R. 4866
Davis, D. W. 3991-3992, 9823
Davis, E. L. 12370
Davis, F. M. 3990, 3993, 10728, 12134
Davis, G. L. 11984
Davis, H. G. 12291
Davis, J. 12762
Davis, J. B. 10139-10140, 10151
Davis, J. G. 2806
Davis, J. M. 8229
Davis, K. R. 900, 6999, 9289
Davis, P. J. 9273, 10474
Davis, S. J. 9320
Davis, T. D. 10935, 12328
Davis, T. M. 5420
Davison, G. M. 5454
Davison, P. A. 11765
Davletova, S. 5255
Davrieux, F. 227
Davydenko, O. G. 6160, 10154
Dawa, T. 10616
Dawande, V. B. 3430
Dawe, R. K. 12004
Dawid, K. 8051
Dawood, O. I. 12524
Dawson, C. O. 11538
Dawson, I. K. 3366, 4766
Dawson, K. J. 8515
Dawson, W. M. 1671-1672
Day, D. A. 1274, 9792
Day, I. S. 1837
Day, P. R. 4808
Daydé, J. 4189
Dayde, J. 6858
Dayteg, C. 3791
Daza, L. 4940, 4969
Dazzo, F. B. 1247
D'Cruz, P. 1128
De, B. K. 4298
De, C. 6464
De, R. N. 1201, 4067, 10855, 10869
de A. Engler, J. 4862
de A. Falcão, T. M. M. 5713
de A. N. Moreira, J. 5713
de Adamowski, E. V. 3041
de Aguiar-Perecin, M. L. R. 210, 12862
de Alencar, A. R. 10177
de Almeida, D. L. 4207
de Almeida, J. S. 5256
de Almeida, L. A. 2182
de Almeida, M. L. 3800
de Almeida-Engler, J. 7244
de Almeida Engler, J. 9381
de Ambrogio, E. 9493
de Ancos, B. 7973
de Andrade, F. P. 3550, 5790, 10177
de Andrade, J. M. V. 968, 9423
de Andrade, R. V. 9589
de Andres, E. F. 6443
de Araújo, L. G. 2122
de Araujo, P. J. 4347
de Ávila, A. C. 2245
de Ávila Rodrigues, F. 6506
de Azevedo, D. M. P. 3408, 10175
de Banzie, J. S. 6396
de Barbosa Abreu, A. F. 12379
de Barros, E. G. 5301, 8770, 8791, 9826
de Barros, F. 1762
de Bellis, L. 1411
de Bellis, R. 9225
de Block, M. 7347
de Bock, T. S. M. 9073
de Boer, A. 5864
de Boer, G. J. 9302
de Both, M. 6580
de Brito, C. H. 7727, 9808
de Brock, M. 7216
de Bruijn, F. J. 317, 1247, 5270
de Brum Piana, C. F. 8785
de Bruxelles, G. L. 2167
de Buck, S. 3708, 4847
De Busscher, R. 464
de Bustos, A. 2878, 6175
de Buyser, J. 7287
de Camargo, C. E. O. 11829
de Carvalho, C. G. P. 8897, 9987
de Carvalho, F. I. F. 1053, 2893, 6424, 8620, 9578, 10970
de Carvalho, L. P. 726, 10259
de Carvalho, P. C. L. 12477
de Carvalho, R. 12477
de Carvalho, S. P. 7334
de Carvalho, W. L. 5301
de Carvalho, Y. 5129
de Carvalho Niebel, F. 1235
de Castro, H. A. 6360
de Castro, J. L. 11829
de Clercq, H. 6514
de Clercq, J. 12377
de Clercq, R. 7237, 9295
de Costa, J. G. C. 2198
de Cuyper, B. 739
de Dios Alché, J. 12751
de Dominicis, R. I. 3585, 3649
de Donato, M. 842, 5099
de Engler, J. A. 4064, 10526
de Faria, M. N. 6382
de Figueiredo, J. O. 2412, 2426, 4482
De Filippis, L. 751
de França, J. G. E. 11133
de Freitas, J. A. 8889
de Freitas, P. M. 12294
de Freitas, R. T. F. 6382
de Froidmont, D. 7450
de Galarreta, J. I. R. 4273
de Garambe, T. G. 6906
de Gennes, P. G. 11692
de Giovanni, C. 970
de Gonçalves, P. S. 6982
de Granada, E. G. 12926
de Grandis, S. A. 2731
de Greef, B. 739, 2579, 4651, 8208
de Greef, W. 5992
de Groot, N. 5972
de Groot, P. W. J. 4788, 8391
de Guerra, V. Q. 12130
de Guzman, N. 8219
de Haan, R. L. 4130
de Haas, J. M. 8892
de Hamity, M. G. A. 12130
de Haro, A. 6824
de Herralde, F. 3391, 10093
de Hoog, S. 5969-5970
de Jaeger, G. 3697, 10377
de Jeu, M. J. 4746, 7111
de Jiménez, E. S. 9616
de Jong, G. 11794
de Jong, H. 5471
de Jong, J. 10333
de Jong, J. H. 6579, 9283
de Jong, T. J. 7280
de Kathen, A. 5366
de Keukeleire, P. 9284
de Keyser, A. 7237, 9295
de Kochko, A. 1128, 5225
de Koeyer, D. L. 1048, 6183
de L. da S. Leal, M. 12747
de la Cruz, J. 9238
de la Cuadra, C. 9764, 10928
de la Fuente-Martínez, J. M. 9252
de la Gutiérrez-Nava, M. L. 2022
de la Herrán, R. 7114, 11533
de la Riva, G. A. 2486, 3488
de la Rosa, L. 5273, 5399, 9236
de la Rosa, R. 11313
de la Torre, R. 4355
de la Torre-Boronat, M. C. 11218
de la Vega, A. 5810
de la Viña, G. 9440
de Laat, A. M. M. 8869, 12521
de Labrouhe, D. T. 2468, 2471, 11293, 12741
de Laissardière, S. 37, 2754
de Lange, P. J. 1723, 10883
de Laubenfels, D. J. 1707
de Laureto, P. P. 9571
de Leo, F. 3537
de Lima, P. C. 7914
de Loose, M. 2492, 3708, 4103, 8732
de Lorenzo, G. 1287
de los A. Blanco, M. 5643
de los Mozos Pascual, M. 5400
de los Reyes, B. G. 10891
de Luarca, L. R. L. M. 11665
de Luca, V. 813, 3528, 10422
de Lucca e Braccini, A. 8670
de Luna, E. 4757
de Macêdo Beltrão, N. E. 5789
de Macêdo Vieira, R. 10175, 10259
de Maine, M. J. 3158
de Majnik, J. 7688
de Martinis, D. 11374
de Masi, L. 6771
de Mastro, G. 5664
de Mattos Junior, D. 10071
de Melis, L. E. 11461
de Mello-Silva, R. 10087
de Melo, P. E. 2245, 8829
de Mendonça, H. A. 4211
de Menezes Sobrinho, J. A. 12498
de Meutter, J. 3701
de Miranda, M. A. C. 2187, 12373
de Monredon, F. L. D. 993
de Monredon, F. le D. 10713
de Montalvo, A. 5965
de Moraes, A. 7660
de Morais, A. R. 6360
de Morais, O. P. 2107, 5938, 6249-6250
de Moreira, J. A. N. 6965
de Moura, D. S. 5539
de Moura, R. M. 2432
de Nadai, V. 4648
de Neergaard, E. 1046
de Neve, M. 4847
de Nevers, G. 8028
de Nijs, J. J. M. 12509
de Oliveira, A. C. B. 8889, 12347
de Oliveira, A. Luiz 12362
de Oliveira, C. M. Gonçalves 12793
de Oliveira, D. E. 4910
de Oliveira, J. C. F. 12387
de Oliveira, M. F. 3077, 11288
de Oliveira, P. T. A. 4122
de Oliveira e Silva, S. 12685
de Oliveira Guimarães, P. E. 5123
de P. Ferreira, R. 9706
de Pace, C. 9431
de Paepe, R. 1615, 2522, 12809
de Paiva, J. R. 6760, 10086
de Paiva, W. O. 10084, 10086
de Paolis, A. 6926
de Pasquale, F. 11232, 12694
de Paula, E. J. 11640
de Paula, J. C. 10973
de Paula, T. J., Jr. 9826
de Paula Ferreira, R. 4122
de Paula Freitas, V. 4122
de Paula Júnior, T. J. 8791
de Pauw, P. 2747
de Pauw, R. M. 11912
de Pinto, B 5965
de Pontes Nunes, R. 5115
de Prada, J. M. 6452
de Priester, W. 5058
de Proft, M. P. 8871, 9958
de Putter, H. 1420
de Queiroz, M. F. 6429
de Quiroz, H. C. 615
De Reycke, L. 439, 457
de Reycke, L. 4322
de Riek, J. 2492
de Rigal, D. 6673
de Rijk, P. 5921, 5969-5970
de Robertis, M. 5965
de Rocher, E. J. 683-684
de Ronde, J. A. 6489
De Rooster, L. 429, 438-439, 465
de Rooster, L. 4322, 4380, 4777
de Rosa, L. 3231
de Sa, P. B. 4377
de Santana, J. C. F. 10259
de Santis, A. 9631
de Santis-Maciossek, G. 10225
de Seneen, G. 8867
de Simón, B. F. 6993
de Simone, A. 944
de Simone, M. 3360
de Siqueira, D. L. 6757
de Sloover, J. 532, 8282
de Sousa, C. N. A. 968, 3892, 9423, 10602
de Sousa-Vieira, O. 8100
de Souza, J. C. 6476, 9982
de Souza, J. G. 726
de Souza, M. 5790
de Souza, M. A. 968, 7387
de Souza, P. A. F. 5081
de Souza, P. E. 6360
de Souza, S. R. 2565
de Souza, V. A. B. 4438, 4441
de Souza Filho, G. A. 4083
de Souza Gonćalves, P. 2565
de Souza Gonçalves, P. A. 1352
de Stefanis, E. 6135
De Taffin, G. 861
de Toledo, J. F. F. 2182, 3077
de Torres, L. 6342
de Vetten, N. 5864
de Veylder, L. 4862, 7277, 10526
de Vicente, M. C. 499, 2433, 3391, 6762
de Vienne, D. 5127, 10705, 11707
de Vleesschauwer, V. 9381
de Vliegher, A. 3818, 4138
de Vries, H. 2786, 2789
de Vries, M. 9978
de Vries, O. M. H. 5916
de Vries, S. C. 1868, 1903, 6037
de Wachter, R. 5921, 5969-5970
de Weerd, N. 10496
de Wilde, C. 3697, 4847, 10377
de Wilde, J. J. F. E. 7118
de Wit, P. J. G. M. 491, 1812, 12543
de Witte, K. 6644
de Zabala, M. T. 8052
Dea, B. G. 1656
Deahl, K. L. 405, 7213, 7793

Deák, M. 5255
Deakin, E. A. 10435
Deakin, W. 8832
Deal, K. R. 11884
Dealtrey, P. M. 7059
Dean, B. 5466
Dean, B. B. 11043
Dean, C. 2750, 2768, 3755, 7233, 10524
Dean, C. M. 845
Dean, J. F. D. 10304, 12879
Dean, R. 8748
Deane, E. E. 8392
Dearing, J. A. 11669
Dearnaley, J. D. W. 9033
Debabrata Sarkar 2712, 6482
Debain, C. 12750
Debasis Pattanayak 875, 9266
Debata, B. K. 3148, 6503
Debener, T. 7082
Debergh, P. 2364, 11623, 11787, 12932
Debergh, P. C. 2616
Debet, M. 9892
Debnath, N. 12406
Debnath, S. C. 12519
DeBoer, D. L. 3548
Debon, S. J. J. 1960
DeBosier, A. S. 7041
Debouck, D. G. 4205
Debray, H. 9925
Debre, F. 5309
Debrouwer, D. 7216
Dechen, A. R. 2047
Decoene, C. 11174
Decreux, A. 2529
Decruse, W. S. 10403
Dede, Y. 5508
Dedeoĝlu, D. 9603
Dedičová, B. 9567
Dedio, I. 9213
Dedryver, F. 5048
d'Eeckenbrugge, G. C. 3368
Deeken, R. 11758
Deepak, K. D. 8106, 11347
Deepak Ohri 1898, 6451
Deepak Pental 1545
Deepak Shah 2649
Deepak Sharma 9699
Deepika Minhas 2720, 9708
Defani-Scoarize, M. A. 3966
Degago, Y. 10960
Degani, C. 1523
Degen, B. 8202
Degener, J. 8068, 11295
Degi, K. 4472
Deglène, L. 12741
degli Ivanissevich, S. 5055
Degroote, J. 465
Deguilloux, M. F. 12750
Déhais, P. 5976, 7237, 9295
Dehal, P. 6512, 9895
Dehghan-Shoar, M. 313
Dehqan, M. A. 11964
Deidda, P. 87
Deikman, J. 1855
Deĭneko, E. V. 6927
Deiting, U. 12454
Deitzer, G. F. 6166
Déjardin, A. 2741, 5370, 8501
Deka, B. C. 5482
Deka, P. C. 2508, 4044, 10850
Dekker, H. L. 10239
del Carmen Fernández, M. 12751
del Carmen Molina, M. 9604
del Casino, C. 11552
del Castillo-Agudo, L. 9204, 10431
del Duca, L. de J. A. 10602
del Gatto, A. 8066
del Lagunes-Espinoza Luz, C. 5264
del Pino, A. M. 8057
del Pozo, A. 9934
del Pozo, J. C. 9359, 10541
del Pozo, O. 702
del Rincón, A. R. 11114
del Sánchez Castillo, F. 5533
del Vaglio, M. 5613
del Zoppo, M. 5020, 10638
dela Cruz, W. 4873
Delabays, N. 816
DeLacy, I. H. 5707
Delalonde, M. 3975
Delaney, D. E. 12094
Delannoy, E. 12840
Delate, T. 202
Delatorre, C. A. 5081
Delatour, C. 11508
Delay, D. 1823
Delbreil, B. 11088
Delcour, J. A. 1967, 3818
Delebarre, O. 10670
Delecolle, B. 4328
Deléens, É. 6109
Delègue, M. H. P. 8055
Deleu, C. 12721
Delgadillo, I. 521
Delgado, I. 9735
Delgado, J. 10982
Delgado, P. M. H. 2391
Delgado, R. 3884
Delgado-Salinas, A. 3144
Delhaize, E. 6092
D'Elia, D. 5965
Delibes, A. 9534
Della, A. 3896, 6313
della Rocca, F. 3152
della Strada, G. 550, 5597
Dellacassa, E. 10452
DellaPenna, D. 21, 1870, 10589, 11664
Dellaporta, S. L. 10702
Dell'Atti, G. 5626
Dellavalle, G. 5349
Delledonne, M. 6403
Dell'Orto, P. 8837
Delmer, D. P. 11688
Delmonte, T. A. 441
Delmotte, F. M. 1823
Delogu, G. 2901, 6177, 8594-8595, 10658
Deloire, A. 2378
Delon, R. 5770, 9084
Delorme, R. 7748
Delorme, V. 9944
Delourme, R. 596, 602, 626, 1550
Delozier, V. 7659
Delp, G. 4876
Delph, L. F. 7284, 11531
Delporte, F. 1460
Delre, V. 5029
Delrot, S. 12675
Delseny, M. 1554, 1850, 3726, 7238, 9354, 9362, 11259, 11706
Deltapine Australia Pty Ltd 6946-6948
Deltour, R. 10779
DeLucia, E. H. 10877
Delwiche, S. R. 4974
DeMacon, V. L. 5010
Demason, D. A. 5371
Dematteis, M. 3479, 10183
Dembélé, T. 6238
Demchak, K. 6698
Demeke, T. 9434
D'Emerico, S. 10406, 12931
Demeulemeester, M. A. C. 8871, 9958
Demić, G. 12008
Deming, J. 6282
Demir, I. 6123
Demirci, B. 11620
Demirkuş, N. 4147
Demirsoy, H. 1454
Demirsoy, L. K. 1454
Dempsey, D'M. A. 10876
den Camp, R. G. L. op 696
den Nijs, A. P. M. 6656
den Nijs, H. C. M. 846
den Nijs, T. 6633
Denardi, F. 1422, 10009
Denda, T. 11541
Denecke, J. 6933
Denekamp, M. 1827
Deneken, G. 9402, 9732, 10582
Deng, D. 5775
Deng, D. X. 6582, 9593, 12555
Deng, H. W. 75, 10567
Deng, J. S. 12698
Deng, J. X. 7348
Deng, Q. X. 8940
Deng, Q. Y. 2973
Deng, X. D. 4180
Deng, X. W. 874, 916, 1851, 1865, 3739, 4868, 7218, 9310
Deng, X. X. 6744, 8007-8008, 8014, 8916, 9011
Deng, Y. R. 8307
Deng, Z. N. 2415, 5639
Deng DaiXin 6582, 12555
Deng DeXiang 9593
Deng HongWen 75, 10567
Deng JiuSheng 12698
Deng JiXian 7348
Deng QiYun 2973
Deng QunXian 8940
Deng XiangDong 4180
Deng XingWang 874, 916, 1851, 1865, 3739, 4868, 9310
Deng XiuXin 8008, 8014, 8916, 9011
Deng YanRong 8307
Deng ZhaNao 2415
Deng ZiNiu 5639
Denham, A. 7068
Denholm, I. 6833
Denison, N. P. 1691
Deniz, B. 8742-8743
Denmat, L. A. 10220
Dennis, D. T. 8142
Dennis, E. S. 49, 917, 4871, 4889, 6027, 8152, 11721
Dennis, M. J. 521
Denny, R. 8775
Denny, R. L. 7702-7703
DeNoma, J. 3274
Denoma, J. 5578
Dénoue, D. 1297
Denoyes-Rothan, B. 12672
Denton, A. L. 11793
Denyer, K. 7760
Denys, P. 2505
Deo, B. K. 11475
Deocareza, A. 9777
Deore, G. N. 10752
Deotale, A. B. 6581
Deotale, R. D. 3466, 10940, 11411
DePamphilis, C. W. 4661
DePauw, R. M. 967, 2822-2823, 9422, 11831
Depeiges, A. 28
Depestre, T. 12562
Depicker, A. 3697, 3708, 4847, 10377
Deraedt, W. 11472
Deragon, J. M. 4501
Derbyshire, E. 1306, 2398
D'Ercole, A. 8064
Derevier, A. 3523
Derieux, M. 6196
Derin, K. 5586
Derksen, J. 5862
DeRocher, A. E. 9324
Deroles, S. C. 4684
Derrico, C. A. 9066
Desai, A. R. 12966
Desai, N. C. 4270
Desai, S. 11333
Desai, S. A. 9644-9645
Desale, S. C. 987, 10777
DeSalle, R. 5926
Desbrosses, G. 5305
Deschault de Monredon, F. le 10713
Desel, C. 7767
Desfontaines, L. 3194
Desh Raj 1749, 2648, 2653, 5866, 8335
Deshayes, A. 10209-10210
Deshmukh, D. T. 3444
Deshmukh, P. B. 10615
Deshmukh, P. S. 5023, 8584, 9518
Deshmukh, R. B. 380-381, 9858
Deshmukh, S. V. 11272
Deshpande, A. D. 11817
Deshpande, D. P. 5000
Deshpande, R. R. 12440
Deshpande, V. V. 11003
Desiderio, A. 8157
Desiderio, E. 108-109, 186, 3813, 7507, 9591
Desikan, R. 1826, 2740
Deslandes, L. 8505
Deslauriers, M. 7024
Desmerger, C. 851
Desplanque, B. 2496, 10201
Despréaux, D. 5748
Després, B. 3726
Dessimoz, A. 4390
Destro, D. 5154, 9785
Deswal, D. P. 12170
Deswarte, C. 2381
Dettori, M. T. 2433
Dettweiler, E. 557
Deu, M. 3998, 11797
Deunff, E. le 207
Deunff, Y. le 10986
Dev, H. 9848
Dev, V. S. 6859-6860
Devagiri, G. M. 11486
Devakumar, C. 12415
Devanand, P. S. 12193
Devani, M. 3088, 4534
Devaranavadagi, S. B. 2157
Devarenne, T. P. 1617, 1911
Devarnavadagi, S. B. 2157
Devasahayam, S. 8369
Devaux, M. F. 993
Devendra Kumar 7761, 7796, 9840, 9852, 11018, 11031
Deventer, C. S. van 6139, 9483, 9535
Dever, L. V. 2129, 7636, 7881
DeVerno, L. L. 12893
Devesa, J. A. 8310
Devey, M. E. 2595-2596, 3579, 5816
Devi, B. P. 3596
Devi, D. S. 7909, 7911
Devi, G. N. 12224
Devi, P. S. 5164
Devic, M. 3726
Devine, T. E. 2188, 4168-4170, 5321
Devitt, D. A. 5242
Devitt, M. L. 4217
Devkota, R. P. 7316
Devlin, P. 11683
Devlin, P. F. 38, 55, 926, 6019
Devos, K. 969, 2828
Devos, K. M. 2735, 10473, 10587
Devoto, A. 1287
Devroy, T. C. 10651
Devyatkina, E. P. 7321, 11840
Dewald, C. L. 224
Dewan, D. B. 3425, 12714, 12716
Dewar, A. M. 8411
Dewar, K. 11731
Dewdney, J. 1879
Dewey, R. E. 11725
DeWitt, N. G. 91
Dewitte, W. 1487
Dewitz, I. 1538
Dexter, J. E. 11872
Dey, P. M. 10008
Deynze, A. van 5728
D'Haeseleer, M. 2579
D'Haeze, W. 1253
Dhaka, R. S. 2303
Dhal, A. 4238, 5538, 12404
Dhaliwal, G. S. 11654
Dhaliwal, H. S. 5038, 7345, 11834, 11868
Dhaliwal, M. S. 5534
Dhall, S. P. 11155
Dhamak, A. L. 6581
Dhamayanthi, K. P. M. 3641, 8369
Dhanakodi, C. V. 7787
Dhanda, S. S. 1012, 1973
Dhandaydham, M. 1876
Dhanju, K. S. 2940
Dhar, A. 9004
Dhar, A. K. 3647
Dhar, M. K. 939
Dhar, U. 11453

Dhar, V. 5443, 12420
d'Harlingue, A. 498, 7907
Dharmalingam, C. 12205
Dharmawardhana, D. P. 10317
Dhaubhadel, S. 9980
Dhawan, A. K. 1646
Dhawan, K. 12728
Dhawan, O. P. 2672
Dhawan, V. 11624
Dhed'a, D. 7998
Dhillon, B. S. 2907, 2920, 11982
Dhillon, N. P. S. 7832, 8902
Dhiman, R. C. 754, 10282, 11486
Dhingra, A. 271
Dhingra, H. R. 9222
Dhir, N. K. 2604, 11501
Dhir, S. K. 9915
Dhiraj Shrivastava 12743
Dhirendra Singh 7772
Dhole, V. J. 10952
D'Hont, A. 5727, 12764, 12792
Dhonukshe, B. L. 3145
Dhopte, A. M. 3466, 11411
Dhotekar, U. P. 9138
Dhua, S. R. 12245
Dhua, U. 1206, 12245
Dhumale, D. B. 3444
Di, D. P. 1092
di Bernardo, G. 6771
di Bonito, R. 6455
Di DianPing 1092
di Fonzo, N. 995, 3852, 6135, 8568, 10633, 11881, 12108-12109
di Francesco, A. 3706
di Meo, C. 8611
di Pietro, A. 5493, 7844
di Pietro, J. P. 1020, 11928
di Prima, G. 110, 2861, 5401
di Renzo, M. A. 1226
di Sivestro, S. 2850
di Stefano, A. 5613, 8990
di Stilio, V. S. 788, 4921
di Vito, M. 11393
Diamond, H. 11902
Dianovský, J. 10493
Diao, X. M. 12165
Diao, X. O. 1977
Diao XianMin 12165
Diao XiaOge 1977
Diarisso, N. Y. 10760
Dias, L. A. dos S. 5747
Dias, W. P 7727
Dias Casali, V. W. 7908
Díaz, C. 5351
Diaz, D. G. 5004
Díaz, E. 11092
Díaz, I. 5750, 7431, 9694
Diaz, I. 3894
Diaz, J. 185
Díaz, M. 5942, 9006
Diaz, M. E. 11217
Díaz, O. 4108, 4113, 6331, 8746, 10889, 12286
Díaz, S. H. 8681
Díaz, Y. 2266
Díaz Ezquivel, R. 7362
Díaz Jidy, C. C. 4473
Díaz-Ruíz, J. R. 12828
Diaz-Sala, C. 11495
Dibuz, E. 8924, 8926, 8933, 8935
Dicenta, F. 3281, 3381, 3387, 9020, 10094, 11191
Dick, J. 10941
Dick, J. M. 9141
Dicke, M. 11545
Dickinson, H. G. 1366, 1861
Dickinson, T. A. 3787-3788, 12667
Dickson, M. H. 7748, 9040, 10146-10147
Dickson, R. E. 11473
Diederichsen, E. 4518
Dieguez, M. J. 10302
Diehn, S. H. 683-684
Diekmann, M. 5697
Diemer, F. 11611
Dierend, W. 8987
Diergaarde, P. 6580
Dierig, D. A. 3480, 6985
Diers, B. W. 1264-1265, 4164, 5328, 6405
Dieters, M. J. 4663
Dietrich, A. 4855, 7800, 8449
Dietrich, P. 6013
Dietrich, W. M. 10551
Dietz, K. J. 6034, 8489, 10500
Dietz-Pfeilstetter, A. 3492, 9042
Dietzgen, R. G. 10066
Diez, J. J. 11480
Díez, M. J. 7904
DiFazio, S. P. 6998
Digeon, J. F. 9429
Dijak, M. 2926
Dijk, A. J. van 781
Dijk, H. van 2496, 10201
Dijk, P. J. van 9391
Dijken, A. van 430
Dikalova, A. E. 6907
Dikshit, N. 10871
Dikshit, U. N. 7785
Dilday, R. H. 2078, 6303, 7528, 8726
Dilkes, B. P. 6018, 6206
Dill, C. L. 8637
Dill-Macky, R. 6156
Dillen, W. 12377
Dillmann, C. 6197, 10558
Dimitrov, B. D. 482, 7896
Dimitrova, L. 3154
Din, A. K. 7489
Dinant, M. 10779
Dinardo-Miranda, L. L. 1594
Dinelli, G. 12573
Dinesh Kumar 7796, 11018
Dinesh-Kumar, S. P. 12822
Dinesh Singh 3370
Dinev, N. S. 3690
Ding, A. L. 2175
Ding, B. 2585, 10306, 12881
Ding, G. Q. 12657
Ding, H. J. 11929
Ding, J. L. 6292
Ding, K. J. 1205, 7406
Ding, K. Y. 4747
Ding, L. 10866
Ding, L. P. 505
Ding, Q. X. 9659
Ding, S. P. 5778
Ding, S. R. 3934, 4956
Ding, S. W. 1633
Ding, X. H. 10788
Ding, X. L. 3541
Ding, X. M. 4181
Ding, X. S. 5520
Ding, X. Y. 12946
Ding, Y. 1103, 11951
Ding, Z. M. 7325, 10255
Ding AnLin 2175
Ding Bi 2585, 12881
Ding Bioa 10306
Ding GuoQi 12657
Ding HongJian 11929
Ding JinLong 6292
Ding KaiYu 4747
Ding KeJian 1205, 7406
Ding Li 10866
Ding LiPing 505
Ding QunXing 9659
Ding S. R. 3834
Ding ShiPing 5778
Ding ShouRen 3834, 3934
Ding Shouren 4956
Ding ShouWei 1633
Ding XiangHui 10788
Ding XiaoLing 3541
Ding XiaoYu 12946
Ding XiMing 4181
Ding XinShun 5520
Ding Yi 11951
Ding Yong 1103
Ding ZhangMing 7325
Ding ZhiMing 10255
Dingermann, T. 9216
Dinges, J. 11992
Dingkuhn, M. 1164, 2101-2102, 9684, 9717
Dinkins, R. D. 7709
Dinneny, J. 6006
Dios Alché, J. de 12751
Diouf, D. 11489
Diouf, O. 2275
Dirlewanger, E. 1470, 2433, 4442, 8976, 12652, 12659
Dirnberger, D. 11368
Dirr, M. A. 10358
Dirzo, R. 1678
Dispain, I. 479
Ditengou, F. 4637
Ditta, G. S. 10536
Divaret, I. 443, 8866
DiVittorio, T. J. 4452
Diwan, N. 4361
Dix, P. J. 12805
Dix, R. L. 8276
Dixelius, C. 4502, 7202, 8053, 12720, 12729
Dixit, G. P. 5364
Dixon, A. F. G. 2868
Dixon, D. P. 6003
Dixon, G. A. 11446
Dixon, G. R. 2244
Dixon, K. W. 9126
Dixon, M. 1390
Dixon, M. S. 494, 2305
Dixon, R. A. 4719, 11700
Djavanshir, K. 8211
Djazirei, M. H. 8211
Djè, Y. 2054, 12152
Djebrouni, M. 4356
Djordjevic, M. A. 4142
Djouvinov, V. 6656
Djulbic, M. 6624
Djurić, G. 5583
Dmitrieva, V. V. 980
Do, G. S. 7841
Do, Y. Y. 6740, 7121
do Amaral Júnior, A. T. 6422
do Rêgo, E. R. 7891
do Rêgo, M. M. 6757
do Vale, F. X. R. 4005-4006
Do YiYin 6740, 7121
Doan, D. N. P. 1991, 3919
Doan, M. 10803
Doazan, J. P. 10051
Dobek, A. 5945
Dobie, P. 8674
Dobinson, K. F. 9980
Dobos, G. 8363
Dobránszki, J. 3163, 4244, 8822
Dobrotvorskaya, T. 1930
Dobrotvorskaya, T. V. 7360, 7419
Dobzhansky, T. 8525
Dockrill, A. W. 8341
Dodd, M. E. 11790
Dodd, R. S. 1704
Dodds, P. N. 6979, 11102
Dodeman, V. 7287
Dodia, J. F. 7630
Dodson, A. T. 8898
Dodson, J. 1389
Dodwad, I. S. 9880, 9884-9885
Doebley, J. 1084, 5125, 9292, 12073
Doede, D. L. 3584
Doelling, J. H. 7239, 9305
Doerner, P. 8494
Does, M. 6738
Does, M. P. 10239
Dofing, S. M. 5065, 7437
Doganlar, S. 1389
Dogimont, C. 4378, 12596
Dogney, M. L. 3081, 5306, 5315
Dogra, P. D. 10282
Dohare, S. R. 2648
Doherty, M. J. 2563
Dohi, H. 302, 8737-8738
Doi, K. 2989
Doi, Y. 6233, 10657, 12803
Doi-Kawano, K. 3440
Dolan, L. 911, 2760, 2760, 11726
Dolan, M. 7223
Dolde, D. 7312
Doldi, L. 9525
Dolenc, K. 5592
Doležal, K. 7927
Dolezal, K. 12590
Doležel, J. 371, 1502-1503, 2141, 3091, 5629, 7732, 8777-8778, 10067
Dolezel, J. 7129, 12590
Doležel, P. 1916
Doleželová, M. 1502
Doleželova, M. 1503
Doleželová, M. 5629, 7732, 10067
Dolfini, S. 2927
Dolgov, S. V. 7947, 10370
Dolgykh, Y. I. 12091-12092
Doll, U. 9207
Dolmatov, E. A. 12631
Dolničar, P. 3173, 3672
Dolnicki, A. 1699
Dolstra, O. 1216, 6887-6888
Domae, T. 12778
Domaingue, R. 6892, 11342, 12764
Domaj, M. 603
Domański, L. 12455
Dombrowski, S. 7754, 8461
Domenech, P. 12130
Domergue, R. 1507
Domier, L. L. 5570, 6180-6182
Domina, F. 5639
Domingues, E. T. 2411, 9013, 10071, 10076
Domínguez, A. M. 2399
Domínguez, C. A. 1678
Domínguez, F. 3842
Domínguez, J. B. 11619
Domínguez Castillo, E. 9565
Domínguez-Puigjaner, E. 6705
Dominici, L. 6086
Dominicis, R. I. de 3585, 3649
Dominikowski, J. 8946
Domkářova, J. 4241
Domon, C. 4575
Domon, J. M. 3571
Domoney, C. 5382, 7762, 9846
Donaire, J. P. 637, 11120
Donald, C. M. 5940
Donaldson, E. 2856
Donati, P. 7935
Donato, M. de 842, 5099
Donelson, T. 133
Dong, A. W. 5298
Dong, F. G. 2258, 5132, 5170, 6005
Dong, F. M. 6077
Dong, H. T. 2120, 5223, 6297, 9713, 12246
Dong, H. Z. 3551
Dong, J. 4952
Dong, J. G. 10114
Dong, J. P. 5111
Dong, J. X. 291, 5223, 6297, 6707, 9713, 12246
Dong, J. Z. 8254, 9147
Dong, K. W. 2020
Dong, L. H. 4181
Dong, L. Y. 1074
Dong, N. V. 4048
Dong, S. Z. 12619
Dong, T. T. X. 9193
Dong, W. 339
Dong, W. B. 6874
Dong, W. J. 3215
Dong, W. Q. 9336, 10854
Dong, X. C. 12128
Dong, X. N. 7197, 9377, 10554
Dong, Y. 5237
Dong, Y. C. 3835, 7423, 11909
Dong, Y. H. 523, 3265, 3267, 7941, 8912
Dong, Y. J. 10854
Dong, Y. S. 2165
Dong, Y. Y. 5133-5134, 6253, 6258
Dong, Y. Z. 3830, 9412
Dong, Z. S. 10114
Dong AiWu 5298
Dong FengGao 5132, 5170
Dong FuGui 6005
Dong H. 6640
Dong HaiTao 2120, 5223, 6297, 9713, 12246
Dong HeZhong 3551
Dong Hui 6640

Dong Jian 4952
Dong JinZhuo 8254, 9147
Dong JiXian 6707
Dong JiXin 291, 5223, 6297, 9713, 12246
Dong JunGang 10114
Dong KeWen 2020
Dong LiHua 4181
Dong Liu 2759
Dong LongYing 1074
Dong ShaoZhen 12619
Dong Wei 339
Dong WeiBo 6874
Dong WeiQin 9336
Dong WenJun 3215
Dong WenQi 10854
Dong XiCai 12128
Dong XinNian 7197, 9377, 10554
Dong YanJun 10854
Dong YanYu 5133-5134, 6253, 6258
Dong YiHu 523, 3265, 3267, 7941, 8912
Dong YingShan 2165
Dong YuChen 3835, 7423, 11909
Dong YunZhou 3830, 9412
Dong ZhenSheng 10114
Dongowski, G. 8612
Donini, G. 12060
Donini, M. 12798
Donini, P. 94, 9549
Donlin, M. 5098
Dönmez, E. 5078
Donnelly, D. J. 410
Donnison, I. S. 11652
D'Onofrio, C. 531
Donoghue, M. J. 852, 4924, 10310
Donov, D. 2857-2858
Donovan, J. 4370
Donovan, P. A. 3482
Dons, H. J. M. 12917
Dons, J. J. M. 781
Donzeles, S. M. L. 6382
Donzella, G. 2309
Dookun, A. 4549, 12764
Dooren, E. P. W. M. J. van 6933
Doorenbos, J. 7118
Doorn, H. E. van 11072
Doorn, J. E. van 12509
Doorsselaere, J. van 12874
Dopico, B. 1309, 3120, 6449-6450
Dorado, G. 7319-7320
Doran, P. M. 10570
Dorbe, M. F. 2524
Doré, C. 3232
Döring, H. P. 5061
Dormann, M. 628
Dörmann, P. 8486, 9329
Dorne, A. M. 9342
Dornelas, M. C. 3732, 8455
Dornelles, A. L. C. 8620
Dorner, M. 888
Dorner, S. 7225
Dorofeev, V. F. 3815
Doroshenko, T. N. 8968
Dorosti, H. 12228
Dorr, L. J. 10349, 12906
Dorrance, A. 5475
Dorrestein, B. van 5272, 5411
dos Santos, F. G. 1100, 4004-4006, 12158
dos Santos, I. C. 12434
dos Santos, J. B. 4211
dos Santos, J. W. 3550, 5784, 6965, 10175
dos Santos, M. X. 5123
dos Santos, R. C. 3460, 5713, 9052
dos Santos, V. F. 9052
dos Santos, W. R. 1654-1655, 11455
dos Santos Dias, L. A. 4568
Dosba, F. 1431, 2326
Dose, R. 10495
Doss, S. G. 3343
Dotlačil, L. 1930
Douat, C. 1372
Douce, R. 15, 9300, 11730
Douches, D. S. 411, 3160, 4308, 7815
Doughty, J. 1366
Doughty, K. J. 12723
Douglas, C. J. 8206, 8375, 10508
Douglas, G. C. 8200, 11457
Douglas, M. W. 9799
Douglass, L. K. 408
Douira, A. 12244
Douka, A. 1567
Douma, A. C. 9552
Doumas, P. 5761
Dourado, A. M. 372
Dourado, R. M. F. 10175
Dourleijn, C. J. 11942
Douzery, E. J. P. 10405
Dov, P. 6751-6752
Dovel, R. 7429
D'Ovidio, R. 970, 3856, 5033, 5052, 5412, 6088, 6144, 9495, 11871
Dovzhenko, A. 4588
Dow, J. M. 2530
Dowd, P. F. 11141, 12829
Dowe, J. 10161
Dowell, F. E. 3845
Dowell, S. J. 8399
Dowley, L. J. 8840
Dowling, N. G. 5929
Down, R. E. 3895
Downey, R. K. 601, 617, 627, 3425, 4521, 6837, 12714, 12716
Downie, S. R. 1234
Dowson-Day, M. J. 2777
Døygaard, S. 2271
Doyle, C. J. 4630
Doyle, J. 6724
Doyle, J. A. 4923, 7299
Doyle, J. J. 1908, 12351, 12872
Doyle, J. L. 12351
Draber, P. 3091
Draborg, H. 7801
Dradi, M. 3272
Dradi, R. 550, 3310
Dradi, S. 105, 7508
Dragan, P. 3324
Dragan, T. 11594-11595
Dragoeva, A. 11548
Dragoeva, A. I. 1621
Dragula, S. K. 1081
Drake, J. 12126
Drake, P. M. W. 4676
Dralyuk, I. 5978
Dransfield, J. 4783
Dransfield, S. 9219-9220
Draper, E. A. 7943
Draper, J. 5773
Draxl, S. 12603
Dresselhaus, T. 7482, 12028, 12030
Dressler, R. L. 5884
Drevet, J. R. 2468
Drevon, J. J. 8786
Drew, M. C. 4591
Drew, R. A. 574
Drews, G. N. 2757
Dreyer, I. 6013
Dreyer, S. 1285, 1294
Drezner, G. 4987
Dribnenki, P. 1649, 3554, 11270
Driessen, S. 12777
Drinić, G. 7204, 7305, 7506
Driouich, A. 3187
Dris, R. 1427
Driscoll, S. P. 6938
Dröge, M. 7209
Dron, M. 1288, 8455, 8792, 12387
Dronavalli, N. 9691
Dronne, S. 11614
Drossard, J. 11387, 12826
Droual, A. M. 4769
Drouaud, J. 369
Drouzas, A. D. 8259
Druart, P. 1453, 1460
Drury, R. 2396
Druzhinina, I. S. 8394
Du, B. X. 341, 9672
Du, C. G. 1945, 11904
Du, D. 9221
Du, H. P. 9686
Du, J. 349
Du, J. C. 7663
Du, L. F. 164, 3929
Du, L. P. 6103
Du, M. Z. 7905
Du, R. Q. 5248
Du, W. G. 346, 5304, 5308, 5332
Du, X. F. 8721, 12249, 12252
Du, X. G. 6640
Du, X. X. 773
Du BaoXing 341, 9672
Du ChunGuang 1945
Du HuaPing 9686
du Jardin, P. 4205, 5358, 5468, 10326, 10963
Du JianCai 7663
Du Juan 349
Du LinFang 164, 3929
Du LiPu 6103
du Manoir, J. 11206
Du MeiZhen 7905
du Plessis, H. F. 3166, 6488
du Preez, R. 8027
Du RongQian 5248
du Toit, F. 2701
du Toit, L. J. 10722, 12125
Du WeiGuang 346, 5304, 5308, 5332
Du XiaoXiang 773
Du XinFa 12249
Du XinGe 6640
Du XingFa 8721, 12252
Dua, S. K. 6163
Duan, A. N. 245
Duan, A. Z. 6951
Duan, C. Q. 1008
Duan, F. P. 5067
Duan, J. 2450
Duan, N. X. 6873, 8075, 8085
Duan, P. S. 1008
Duan, R. L. 10794
Duan, S. F. 10167
Duan, S. J. 9412, 12165
Duan, X. G. 10
Duan, X. H. 6420
Duan, X. L. 5096
Duan, X. Y. 11906
Duan, Y. H. 773
Duan AiNuo 245
Duan AiZhen 6951
Duan ChangQun 1008
Duan FanPing 5067
Duan Jun 2450
Duan NaiXiong 6873, 8075, 8085
Duan PeiShang 1008
Duan RuLin 10794
Duan ShengJun 9412, 12165
Duan ShuFen 10167
Duan XiaoLan 5096
Duan XiaYu 11906
Duan XingHeng 6420
Duan XinGuo 10
Duan YaHong 773
Duangpatra, P. 2254
Duarte, I. 5424
Dubchak, I. 5978
Dubcovsky, J. 986, 3880
Dube, S. K. 7711
Dubey, D. K. 6372
Dubey, H. 2720
Dubey, R. B. 2937
Dubey, R. K. 5907
Dubey, S. C. 11173
Dubey, T. 11591
Dubey, V. K. 4520, 12553
Dubois, C. 10077
Dubois, F. 5468
Dubos, B. 1491
Dubouzet, J. G. 434, 796, 4754, 6522, 9197
Dubrovnaya, O. V. 11350
Dubuisson, J. Y. 4771
Duc, G. 5344, 5375, 5380
Duc, L. T. 5169
Duc LeTan 5169
Duca, L. de J. A. del 10602
Ducamp, M. 5748
Duchêne, A. M. 7800, 8449
Ducreux, G. 1348, 7287
Ducroquet, J. P. H. J. 10051
Dudai, N. 7150
Dudani, A. K. 12801
Dudareva, N. 12920, 12972
Dudi, B. S. 12476
Dudi, H. R. 8557
Dudienas, C. 11294
Dudin, G. P. 7434
Dudits, D. 5255, 9603, 9749, 10699
Dudkin, R. V. 8379
Dudler, R. 58, 11908
Dudley, J. W. 6205, 6225
Dudley, P. 11943
Duerr, P. 5573
Duerst, R. D. 11940, 11970-11972
Dufaure, J. P. 2468
Dufour, J. 2353, 7970, 10031
Dufour, P. 227
Dugdale, B. 8447
Dugger, P. 853, 11648-11649
Dugo, G. 1786
Dugo, P. 10452
Duhoon, S. S. 11659
Duhoux, É. 8213
Duhoux, E. 11489
Dujardin, G. 7240
Đukanović, L. 7506
Duke, N. C. 7012
Duke, S. H. 4135
Duling, D. W. 4496
Dulloo, M. E. 2510
Dülz, M. 5758
Dumas, C. 207, 1549, 5501, 8043, 9619, 9944
Dumbre, A. D. 9872
Dumolin-Lapègue, S. 12871
Dumont-BéBoux, N. 1684, 3566, 11509
Dun, K. van 10205, 10543
Dun, Y. Y. 11835
Dun YuYun 11835
Dunavin, L. S. 7664
Duncan, D. R. 9441
Duncan, E. J. 568
Duncan, J. M. 12463
Duncan, R. R. 1231-1232
Dunemann, F. 6633, 6653, 6655-6656, 9158
Dunez, J. 1432, 12646-12647, 12821
Dung, D. D. 9051
Dung, L. V. 1166
Dunlap, J. R. 1069
Dunlop, P. J. 6992, 11464
Dunn, A. 2151
Dunn, L. 4435
Dunn, M. A. 10676
Dunn, P. 11731
Dunshea, F. 5816, 8233
Dunsmuir, P. 4346, 4453
Dunstan, D. I. 8254, 9147
Dunwell, J. M. 877, 2733
Duong, H. 11768
Duong Hien 11768
Duparque, M. 5389, 5447, 6440
DuPauw, M. 603
Dupin, M. 223
Dupire, S. 8388
Dupper, G. E. 3579
Dupree, P. 33
Dupuis, I. 10574
Dupuis, J. 8512
Dupuis, J. M. 10153
Duque, M. C. 7825, 8847
Duque, S. R. L. 5256
Duqueza, M. 2113
Durailagaraja Sudhakar 5169
Duralalagaraja Sudhakar 10587
Durán, J. M. 12639
Durán, N. 3359
Duran-Vila, N. 1518, 11233
Durand, B. 2666
Durand, N. 4582
Durand, R. 2666

Durand-Gasselin, T. 8070
Durante, M. 11308
Duranti, M. 5263
Durdan, S. F. 4731
Durel, C. É. 12624
Durel, C. E. 6656
Duret, L. 11753
Duretto, M. F. 8290, 8292
Đurić, N. 3872
Durich, N. 3872
Düring, H. 7990
Düring, K. 2751, 12456
Durner, J. 701
Duron, M. 3588
Durr, A. 5764
Durst, F. 63
Durst, R. W. 4319
Dursun, A. 2201
Dusautoir, J. C. 8555
Dusen, E. van. 3665
Dushenkov, S. 9264
Dushyanthakumar, B. M. 12959
Dussert, S. 8117, 11797
Dussi, M. C. 8934
Dussle, C. 1060
Dutilleul, P. 3684
Dutkowski, G. W. 6986, 11463
Dutt, Y. 12167-12168
Dutta, B. C. 12928
Dutta, O. P. 9993
Dutta, R. K. 1182, 9855
Dutta, S. K. 10651
Duttamajumder, S. K. 12768
Dutton, B. E. 1741
Dutton, M. 12822
Dutuit, P. 7638
Duval, H. 3381, 9022, 10030, 12651
Duval, Y. 8070, 10159
Duvdevani, A. 2386
Duvnjak, T. 5322
Duwayri, M. 9507-9508
Dvořáček, V. 6184
Dvořák, J. 151, 9450, 11884
Dvorak, W. S. 4667, 8239, 9143, 12888
Dvornik, V. Ya. 7021
Dwari, M. 3563
Dwivedi, A. K. 1355, 5650, 8019, 11243-11244
Dwivedi, D. K. 1174, 3002, 8706, 12208
Dwivedi, R. R. 12159
Dwivedi, S. 2672, 11579-11580
Dwivedi, S. L. 3469-3470, 4539
Dwyer, G. 11779
Dwyer, L. M. 195, 2926, 8639
D'yakov, Yu. T. 8394
Dyakunchak, S. A. 1417
Dyduch, J. 8865
Dyer, D. 10590
Dyer, J. H. 9308
Dyer, J. M. 5720-5721
Dyer, T. A. 8529
Dyer, W. E. 7454
Dymshits, G. M. 6907
Dynes, R. A. 6317
Dzelzkalns, V. A. 8042
Dzhos, L. 3855
Dziadczyk, P. 4938
Dziedzic, E. 5606, 8958
Dzuibany, C. 1856
E, L. V. 12241
Eady, C. C. 3209-3210
Eagles, D. A. 9742
Eagles, H. A. 991, 3035
Eakes, D. J. 11490
Ealing, P. M. 213
Eamus, D. 1504
Eapen, S. 646
Earl, H. J. 10706
Earle, E. 695, 10440
Earle, E. D. 4336, 5184, 5503, 5505, 9950, 9952, 10146, 12516
Earnest, L. 6975
Eastin, J. D. 10775, 11335
Easton, H. S. 3035
Eastwood, R. 9534
Eber, F. 591, 2259, 6784, 8038
Eberhard, J. 7864
Eberhart, S. A. 1801, 3677, 5949, 6427
Eberlein, C. V. 8845, 12717
Ebert, G. 573, 8029
Ebinuma, H. 12807
Ebizuka, Y. 11372, 12904
Ebner, E. 4396
Ebneth, M. 9099
Ebrahimzadeh, H. 7149, 8764
Echaide, M. 3880
Echávez-Badel, R. 9869, 12421
Echchgadda, G. 2579
Echekwu, C. A. 5731
Echenique, C. V. 1226, 12295
Echeverri A., A. 6593
Echeverri Agudelo, A. 6595
Echeverría, M. M. 4527
Echeverrigaray, S. 1306, 6262
Eck, H. J. van 7111
Ecke, W. 12864
Eckelkamp, C. 5953
Ecker, J. R. 1865, 9357, 11731
Ecker, R. 4732
Eckermann, S. 1735
Eckert, C. G. 1729, 9172
Eckhoff, S. R. 8634
Eckstein, K. 2389
Eckstein, P. E. 6168
Ed Sarobol 2254
Edanami, T. 12226
Eddie, W. M. M. 11543
Edelbaum, O. 10218
Edelmann, R. E. 11759
Edeoga, H. O. 421
Edgar, E. 6339-6340, 10881, 10883, 10898
Edgar, J. A. 12335
Edington, B. 202
Edison, S. 12959
Ednie, A. B. 2882
Edoh, K. 5184
Edossa, A. 5034
Edrada, R. A. 1735
Edson, J. L. 1251
Edward Cocking 6826
Edwards, A. 4277
Edwards, C. M. 5905
Edwards, D. G. W. 9150
Edwards, G. E. 4084
Edwards, J. A. 6027
Edwards, K. J. 9137, 9214, 11834, 11868
Edwards, P. B. 7132
Edwards, R. 5285, 6003, 8832, 11744
Edwards, R. M. 10891
Edwards, T. J. 11526
Edye, L. A. 10939
Eeckhout, D. 10377
Eeckhout, E. van den 3635
Eeuwijk, F. A. van 4818, 7440-7441
Effertz, R. J. 11895
Efremova, T. T. 4945-4946
Efron, Y. 9083
Eganathan, P. 8705
Egashira, H. 11101
Egea, J. 6671, 9020
Eger, H. 5910
Egerton-Warburton, L. M. 836, 1716
Eggermont, K. 2783, 3763, 11778
Eggi, E. 10912
Egli, M. A. 8622, 12145
Eglinton, J. K. 1997
Egnin, M. 10168
Egorova, I. A. 7458-7459
Eguiarte, L. E. 1678, 1763, 5793
Eguiluz-Piedra, T. 12888
Egwemi, J. 12577
Ehdaie, B. 988, 3804, 7740, 8581, 9536
Ehleringer, J. R. 5355
Ehlert, P. A. D. 2311
Ehlting, J. 10508
Ehrenberger, K. 8751
Ehrenbergerová, J. 6172
Ehrenbergerova, J. 6356
Ehrendorfer, F. 1741
Ehrenshaft, M. 11386
Ehret, C. 5911
Ehrhart, Y. 829
Eiadthong, W. 5647
Eibl, C. 9286, 12806
Eiblmeier, M. 5806
Eichler, T. 6936
Eide, D. 9370
Eiga, S. 5824
Eigenbrode, S. D. 2701
Eiguchi, M. 10806, 12186
Eimert, K. 3323
Eisenheld, C. 5620
Eisenstein, D. 1523
Eisner, G. 902
Eissa, M. M. 3853
Ejiri, S. 5166
Ejiri, S. I. 6276, 10805
Ekberg, I. 10284, 10320, 10328
Ekramoddoullah, A. K. M. 12891
El-Aidi, J. 2666
El-Aref, H. M. 7676, 7813-7814
El-Ashry, Z. M. 9814
El-Banna, Y. 9572
El-Batsri, R. 1523
El-Baz, M. G. M. 11332
El-Bellaj, M. 8023
El-Bendary, A. A. 6221, 9629, 10203
El-Bouhssini, M. 1987
El-Din, E. M. G. 825
El-Fakharani, Y. M. 4492
El-Farach, E. M. 7899
El-Farash, E. M. 7676
El-Gamil, K. 10913
El-Gawad, Y. G. A. 9517
El-Ghazaly, G. 3779
El-Hadrami, I. 576, 8023
El-Hady, M. M. 5338, 5346
El-Haramein, F. J. 3928
El-Haris, M. K. 3876, 8583
El-Helw, M. R. 7813-7814
El-Hilali, I. 8382
El-Hossary, A. A. 1075
El-Idrissi, A. 8023
El-Imam, M. A. 11337
El-Jaafari, S. 8023
El-Kassaby, Y. A. 9150, 10307
El-Keblawy, A. 3260, 9998, 10430
El-Khattabi, N. 6076
El-Kobbia, A. M. 4489, 4489-4490, 4490
El-Maarouf, H. 9873
El-Maâtaoui, M. 10331
El-Maataoui, M. 579
El-Mansouri, I. 2366, 12668
El-Metainy, A. 6221
El-Metainy, A. Y. 10203
El-Moneim, A. A. 6312
El-Morshidy, M. A. 9517
El-Morsy, S. I. 8167, 8174
El-Nagar, G. R. 9476, 9478, 9502
El-Nil, M. A. 8021
El-Oqlah, A. A. 3901
El-Sarag Mohamed, J. 8542
El-Sattar, A. A. A. 1075
El-Tinay, A. H. 6240
El-Zik, K. M. 724, 4603, 4616-4617, 6958, 11425
Elbersen, H. W. 10766
Elborough, K. M. 9277
Eldeen, T. M. N. 5470
Elden, T. C. 8776
Eldik, G. J. van 2234
Elevitch, C. 4156
Elfar, M. M. 5470
Elfverson, C. 8609, 10665
Elias, E. 11870
Elias, E. M. 1931, 11832
Elias, L. 413
Eliasson, A. C. 5121
Elich, T. D. 9343
Elisiário, P. 2428
Elisiário, P. J. 6729
Elkan, C. P. 6541
Elkonin, L. A. 228, 5137, 10740, 10742
El'konin, L. A. 10744
Ellard-Ivey, M. 4382
Elle, E. 7139, 12957
Elleman, C. J. 1366
Ellerbrook, C. 4964
Ellers-Kirk, C. 12856
Ellersieck, M. R. 12363
Elleuch, H. 3638, 11746
Ellialtioglu, S. 12591
Elliot, M. 759
Elliott, A. R. 1588, 8447
Elliott, M. C. 9545, 11711, 12309
Elliott, R. C. 10988
Ellis, B. E. 10317
Ellis, J. 7195, 12126
Ellis, J. G. 2050, 2560, 4621, 6979
Ellis, J. R. 3062
Ellis, M. H. 8714
Ellis, N. 1298
Ellis, P. J. L. 1483, 3319, 7983, 10050
Ellis, P. R. 456
Ellis, R. 5398
Ellis, R. H. 1800, 4182-4183, 11334
Ellis, R. P. 97, 6173
Ellis, T. H. N. 1296, 3112, 6432
Ellison, F. 11978
Ellison, N. W. 5257
Ellissèche, D. 8840
Ellsworth, J. W. 4160
Elmaki, H. B. 6240
Elmayan, T. 32, 691, 2730
Elmer, W. H. 11084
Elomaa, P. 1727, 1735, 3603, 11535
Elorong, E. E. M. 9517
Elortza, F. 9832
Elsen, J. M. 5935
Elster, R. C. 12942
Elsy, C. R. 1156
Elvira-Recuenco, M. 5386
Elzubeir, E. A. 5150
Emam, Y. 10652
Emebiri, L. C. 2595-2596
Emel'yanova, L. V. 1403
Émile, J. C. 2936
Emile, J. C. 1082, 7660
Emmanuel, C. J. S. K. 8368
Emmerlich, A. 6481
Emons, A. M. C. 11025
Empilli, S. 139, 1924, 5007, 10600
Emtehani, M. H. 8211
Emygdio, B. M. 1291, 2203
Enaleeva, N. K. 10743
Enaleeva, N. Kh. 5137, 7485
Encheva, J. 6852
Encina, C. L. 5540, 7882
Ende, J. E. van den 2463
Endo, N. 3022
Endo, R. M. 2194
Endo, T. 4932, 6233, 7257, 9102
Endo, T. R. 1032, 9437
Endo, Y. 4148
Endo-Inagaki, T. 9010, 11228, 12690
Endoh, A. 5367
Endondo, C. 2215
Endre, G. 6350
Endress, P. K. 1746
Enei, H. 5917
Eneva, T. 3233
Engelberg, D. 10540
Engelborghs, I. 5630
Engelke, T. 12608
Engelmann, F. 2510, 5697, 7185, 8117, 9913
Engels, C. 5467
Engels, J. 5746
Engels, J. M. M. 4809, 5697, 5701, 8431
Engen, P. C. 2229
Engen, S. 676
England, P. R. 8278
Engle, L. 12566
Engler, G. 7244, 9381, 9603, 10526
Engler, J. A. de 4064, 10526

Engler, J. de A. 4862
Englert, J. 11525
Engqvist, G. 2447
Engström, P. 3580
Engstroom, P. 3636
Enikuomehin, O. A. 11891
Enishi, O. 8707
Enjalbert, J. 965, 2952, 4966, 6152, 11849
Enjuto, M. 7245
Ennaffah, B. 12244
Enneking, D. 4817
Enno, T. 976, 8586, 9457
Ennos, R. A. 4673, 8232, 9382, 11522
Enns, J. M. 4452
Enomoto, S. 463, 8891
Enríquez, I. I. 5488
Enríquez-Obregón, G. A. 2486
Entrup, N. L. 12116
Ephritikhine, G. 8483, 8498
Epifanov, V. S. 1212
Epperson, B. 5879
Epplen, J. T. 3651
Epstein, E. 9380
Erazzú, L. E. 5464
Erb, W. A. 11201-11202
Erbenová, M. 7968
Ercosi Cardelli, L. 9495
Erdemgil, Z. 11620
Erdmann, V. A. 3719, 5972
Erdoğan, C. 11002
Ereifej, K. I. 3868
Erel, N. 2828, 9504
Ergon, Å. 11888
Erhardt, M. 6944
Erickson, D. 10140, 10151
Erickson, F. L. 8155, 12822
Ericsson, T. 7022, 8243
Erik, S. 4147
Eriksen, B. 11825
Eriksen, T. A. 10510
Eriksson, G. 3581, 8244-8245, 10284
Eriksson, K. E. L. 10304
Eriksson, T. 3636
Eriş, A. 7991
Erismann, N. de M. 9120
Erlich, O. 12460
Ermakov, I. P. 2533, 4977
Ermantraut, E. R. 11351
Ermishin, A. P. 9898
Ernst, D. 765
Ernwein, C. 12948
Erquiaga, D. L. 656
Errebhi, M. 8831
Errico, A. 2233, 4266
Erskine, W. 1307-1308, 5292, 5396-5397, 5405, 5407, 12406-12408
Ersoy, N. 11225
Ertl, J. R. 2324
Erven, A. S. W. 10424
Eržen-Vodenik, M. 4764
Esaka, M. 2322
Esbroeck, G. A. van 8165
Esbroeck, G. van. 5776
Esbroeck, G. van 6241
Escalant, J. V. 1507, 7996
Escaravage, N. 12901
Esch, E. 2453
Esch, J. J. 52, 3734, 11765
Esch, R. J. van 7887
Escribano, J. M. 2749
Escudero, A. 3568
Esele, J. P. 12117
Esen, A. 1063, 6208
Esendal, E. 2531
Eshed, Y. 4361
Eshita, S. M. 6999
Eskes, A. B. 1605, 4564
Eskes, B. 5746
Eskridge, K. M. 365
Esmenjaud, D. 3285, 8976, 12652
Esmon, C. A. 11737
Esnault, R. 5348
Espárrago, G. 7882
Espelie, K. E. 8283
Espinar, L. A. 9183
Espinosa, A. 8628
Espinoza, C. 1128
Espinoza, F. 2266, 4118
Espinoza, J. 8638, 8653-8655
Espitia-Rangel, E. 11830, 11846, 11848, 11873
Esquerré-Tugayé, M. T. 12811
Esquibet, M. 5348
Esquinas-Alcázar, J. 2713
Essaid, A. 6076
Esselen, F. 12686
Esselen, L. L. 12686
Esselman, E. J. 6335
Essigmann, B. 10529
Essl, D. 11368
Estabrooks, E. N. 3301
Esteban, E. 10654
Esteban, J. 5861
Esteban, R. 6449
Estelle, M. 1866, 6015, 9359, 10541, 11687
Estes, J. R. 3031
Estévez, A. 7794-7795, 8814
Esti, M. 564
Estorninos, L. E., Jr. 12270
Estoup, A. 3651
Estrada, E. 3367
Estrella, J. 2261, 2269, 3193
Estrella E., J. E. 2696
Eta-Ndu, J. T. 7492
Etheridge, N. 9301
Ethington, S. 2249
Ethridge, M. D. 11431
Eti, S. 5586, 11193
Etienne, C. 12659
Etienne, H. 10211
Etienne, M. 10470
Etissa, E. 1353
Etoh, K. 9513
Etscheid, M. 4677
Etuk, E. U. I. 11090
Eubanks, M. W. 12104, 12142-12143
Eujayl, I. 1308, 5407, 12408
Eun, J. S. 2660, 6550
Eun, M. Y. 5096, 6259, 7596, 8690, 9697
Eun JongSeon 2660, 6550
Eun MooYoung 5096, 6259, 7596, 8690, 9697
European Association for Grain Legume Research 5924
Evangelista, A. R. 6360
Evans, A. S. 651
Evans, B. R. 12997
Evans, C. 1216
Evans, C. K. 11886
Evans, D. E. 1997, 5984
Evans, D. O. 11645
Evans, D. R. 298
Evans, G. D. P. J. R. 8144
Evans, G. M. 1216, 3436, 9043
Evans, I. J. 3699
Evans, K. 6633, 11044
Evans, K. J. 8986
Evans, K. M. 6646, 6656
Evans, M. H. 9080
Evans, M. L. 3740
Evans, N. 4393
Evans, P. M. 1239-1240, 4101
Evans, S. A. 298
Evans, S. D. 6487
Eveans, I. M. 5285
Evenson, P. D. 6141
Evenson, R. E. 2705, 2708, 2817, 2955-2957, 2959, 3664-3665
Everett, R. L. 1251
Evers, A. M. 10465
Evers, D. 11036
Evert, R. F. 4584
Every, D. 11059
Evett, S. R. 194
Evtushenko, Yu. V. 8643
Ewald, A. 9190
Eyssen, R. 6638
Eysteinsson, T. 8262
Ezaki, B. 8439
Ezaki, Y. 8439
Ezura, H. 9994, 12588
Fabbri, A. 743
Fabini, G. 7228
Fabisik, J. C. 9108
Fabrizio, C. 3396
Facchini, P. J. 1770, 10426, 11260
Faccini, N. 1924, 2896, 8594-8595, 10658
Faccioli, P. 3909, 6177, 8595, 8600
Facciotti, M. T. 10123
Fady, B. 761
Faedi, W. 550, 552, 3310-3311, 5613, 8990-8991
Faeti, V. 4624
Fageria, M. S. 2303
Fageria, N. K. 6426, 8580
Fagerström, T. 10578
Fahey, T. D. 7036
Fahima, T. 6087, 8550, 8593
Fahleson, J. 2449
Fahmi, A. I. 2928
Fahmy, E. M. 3390
Fahmy, F. G. 8113
Fähr, S. 212
Fahrig, L. 8666, 8674
Fahy, D. 10378
Faint, M. A. 9776
Fairbanks, D. J. 4082
Fairbanks, M. W. 11437
Fairchild, C. D. 915
Faist, K. 3640
Faivre-Nitschke, S. E. 11723
Fajkus, J. 1728, 3532
Fakir, S. 9023
Fakrudin, B. 832, 9654
Falak, I. 11963
Falavigna, A. 2290, 2309, 3231, 7874
Falcão, T. M. M. de A. 5713
Falcinelli, M. 2136, 4810, 10341, 12989
Faleiro, F. G. 9826
Falk, A. 6042
Falk, D. E. 3101, 6168, 11963
Falk, J. 2879
Falk, K. C. 601
Fallahi, E. 1427
Fallavier, P. 1089
Fallico, B. 569, 1521
Falloon, P. G. 7871
Fallot, J. 2381
Falshaw, R. 10462
Falusi, J. 1939, 10644
Fambrini, M. 3437, 8064, 11283
Faměra, O. 10621
Fan, B. F. 2537, 5476, 10240
Fan, B. X. 2548
Fan, B. Y. 1413
Fan, C. Z. 6420
Fan, G. K. 2610
Fan, H. J. 9427
Fan, H. Q. 794, 9426
Fan, H. W. 978
Fan, J. Y. 5513
Fan, K. H. 2961, 10802
Fan, L. 1944, 2836, 6033, 7354
Fan, L. M. 697
Fan, M. J. 6462, 8896
Fan, P. 978
Fan, S. 7025, 7029
Fan, S. H. 7025, 7029, 8265
Fan, S. L. 8166
Fan, W. H. 9377
Fan, X. C. 9003
Fan, X. L. 4596, 5018, 9119, 12849
Fan, X. P. 4601
Fan, Y. L. 2117, 4596
Fan, Y. Q. 6951
Fan, Z. J. 2098
Fan BaoFang 2537, 5476, 10240
Fan BaoXiang 2548
Fan BingYou 1413
Fan ChuanZhu 6420
Fan GuoKuan 2610
Fan HeJun 9427
Fan HeQun 9426
Fan HongWei 978
Fan HuiQin 794
Fan JianYing 5513
Fan KunHua 2961, 10802
Fan Lian 2836
Fan LiuMin 697
Fan Lu 1944, 7354
Fan MingJen 6462, 8896
Fan Ping 978
Fan ShenHou 8265
Fan ShiHe 7025, 7029
Fan ShuLi 8166
Fan WeiHua 9377
Fan XianLin 4596, 9119, 12849
Fan XiaoLin 5018
Fan XiaoPing 4601, 6952
Fan XiouCai 9003
Fan YunLiu 2117, 4596
Fan YunQian 6951
Fan ZhuJun 2098
Fang, C. F. 7003
Fang, D. Q. 1522, 4479, 6743, 8015
Fang, G. H. 613, 10125
Fang, H. J. 9947
Fang, H. M. 10789
Fang, J. C. 4079
Fang, J. G. 7959, 11239
Fang, J. L. 7538
Fang, J. P. 11415
Fang, L. M. 2567
Fang, T. K. 23
Fang, W. C. 8980
Fang, W. M. 786, 6675, 7096, 7953
Fang, X. J. 9666
Fang, X. W. 1972, 6110, 11883
Fang, Y. M. 5610
Fang, Z. F. 8209
Fang, Z. Y. 3234, 7850
Fang ChenFu 7003
Fang DeQiu 4479
Fang GuangHua 613, 10125
Fang HongJun 9947
Fang HongMing 10789
Fang JiangLin 7538
Fang JianPing 11415
Fang JiChao 4079
Fang JingGui 7959, 11239
Fang LuMing 2567
Fang WeiChao 8980
Fang WeiMin 786, 7096, 7953
Fang WeiMing 6675
Fang XainWen 11883
Fang XianWen 1972, 6110
Fang XuanJun 9666
Fang YiMin 5610
Fang ZhenFu 8209
Fang ZhiYuan 3234, 7850
Fanizza, G. 3375, 8998, 9021
Fankhauser, C. 43, 9343
Fantechi, P. 564
Fantino, M. G. 5385
Faqir Hussain 5732
Farahat, F. A. 2431
Fardossi, A. 558
Fares, C. 8568
Fargette, D. 2124-2125, 12481
Fári, M. 1393
Faria, J. C. 3104
Faria, J. L. C. 818
Faria, M. N. de 6382
Farias, F. J. C. 5790, 6965, 10259
Farias, I. 2432
Farías-Rodríguez, R. 364
Faris, J. D. 1988, 3879, 3885
Farman Ullah 9047
Farmanullah Khan 1001, 8585
Farmer, A. 5964
Farmer, E. E. 6493
Farmer, M. J. 12799
Farnham, M. W. 11071
Farooq, C. M. 8894
Farooq, S. 3878
Farooqui, M. A. 5551
Farooqui, N. 822
Farooqui, U. M. 9128
Farris, J. S. 2796
Farshadfar, E. 8554, 11863
Farshadfar, M. 8554, 11863
Faruque, M. O. 9692
Farzana, T. 9692
Farzana Jabeen 3438
Fasoula, D. A. 2172

Fasoulas, A. C. 10688
Fatkhutdinova, R. A. 7342
Fatta, N. 4979
Fatta del Bosco, S. 1520, 5638
Fattah, Q. A. 11450
Fauquet, C. 2082, 3020, 5225
Fauquet, C. M. 1128, 2968, 5775, 8128
Faure, B. 12381
Faure, J. D. 45
Faure, N. 11271
Faure, O. 1487, 11609, 11611, 11614
Faurie, E. 6492
Faust, M. 3284
Fautrier, A. G. 7865, 7875
Favarger, C. 3613
Favery, B. 1881
Faville, M. J. 7869-7870
Favre, J. M. 2571, 12892
Fawzi, N. 10437
Fay, M. F. 2796, 4755
Faye, L. 4829, 9335, 11368
Fazio, G. 5544
Fazle Subhan 9047
Fedak, G. 3882, 5237, 8747, 9522
Fedders, J. 2150
Fedele, J. 11732
Fedenko, E. P. 6112
Federer, W. T. 1803
Federici, C. T. 1522
Federico, R. 5291, 5412
Federizzi, L. C. 1052-1053, 2793, 8623, 9578, 10599, 10682
Fedorenko, O. M. 7661
Fedoroff, N. 2024
Fedoroff, N. V. 7474
Fedorov, N. I. 12953
Fedorova, L. I. 1638
Fedotov, A. R. 1638
Fedotova, Yu. S. 7457
Fehér, A. 9603, 10699
Fehr, W. R. 12349
Fei, D. B. 2451
Fei, H. M. 9316
Fei, Y. 4600, 7273
Fei DiBo 2451
Fei HouMan 9316
Fei Yue 4600
Feijó, J. A. 11178
Feijo, J. A. 5804
Feix, G. 2033, 2036, 12048
Felber, F. 7279, 10579
Feldman, J. 12473
Feldman, L. J. 60
Feldman, M. 977, 1943, 2825, 3861, 4971, 5453, 9438
Feldmann, K. A. 919, 2745, 4884, 6018, 11660
Felföldi, J. 6519
Felício, J. C. 10636, 11829
Felipe, A. J. 3377, 3385, 3387, 6766, 9024, 12707
Felix, G. 8504
Felix, L. P. 4756
Felker, P. 10944
Fellers, J. P. 703
Fellner, M. 8498
Felsenstein, J. 930
Feng, C. F. 8168
Feng, G. H. 4953
Feng, G. Q. 2451
Feng, H. 3215, 6167
Feng, L. R. 11163
Feng, Q. 5331
Feng, S. 11598
Feng, S. H. 10844
Feng, T. Y. 5752
Feng, X. C. 1932
Feng, X. T. 6545
Feng, X. Y. 8089, 11494
Feng, Y. W. 4318
Feng ChunFu 8168
Feng GuanQuan 2451
Feng GuoHua 4953
Feng Han 5076, 6167, 9563
Feng Hui 3215
Feng LeRong 11163
Feng Qing 5331
Feng Shao 11598
Feng ShuangHua 10844
Feng XiangYun 8089
Feng XiaoTang 6545
Feng XiaoYan 11494
Feng XiChang 1932
Feng YiWu 4318
Fenn, P. 6718, 7992
Fennell, S. R. 2193
Fennema, M. 9307
Fenner, M. 82
Fennimore, S. A. 2892
Fenning, T. M. 4418, 4634, 4655
Fennoy, S. L. 220
Fenzi, F. 5529
Férault, M. 37, 2754
Ferdy, J. B. 6051
Ferenczy, A. 3163, 8822
Fereres, A. 1882
Ferguson, C. 11102
Ferguson, E. 6173
Ferguson, I. B. 525
Ferguson, L. 3399, 3407, 3655, 6724, 7175
Ferguson, M. E. 2213, 3115, 6444
Ferioli, V. 8189
Ferl, R. J. 2913, 6012, 7858, 10464, 11729
Fermanian, T. W. 2135
Fermaud, M. 2382
Fermin, G. 12700
Fernandes, A. A. 6757
Fernandes, K. V. S. 1384
Fernandes, M. 11329
Fernandes, M. I. B. de M. 7351
Fernandes, P. D. 5789, 6429, 6966
Fernandes Coelho, A. D. 7908
Fernández, A. 4384, 12542
Fernandez, A. 10546
Fernandez, C. 11514
Fernandez, D. E. 8521
Fernandez, G. C. J. 8811
Fernandez, I. G. 2243
Fernández, J. 6849
Fernández, M. 11498
Fernandez, M. R. 967, 2822-2823, 11831, 11912
Fernández-Alés, R. 9132
Fernández-Calvín, B. 5502
Fernández de Cordova, P. 5564, 7904
Fernández-López, M. 1253
Fernández-Martínez, J. M. 6824, 6849, 6855, 12742
Fernández-Muñoz, R. 6568, 7882
Fernández-Romero, M. D. 5419
Fernando, W. M. U. 12744
Ferrante, M. P. 8576
Ferrara, E. 5626
Ferrara, G. 8998, 9021
Ferrare, K. 10153
Ferraresi, A. 139
Ferrari, M. R. 4146
Ferrarini, A. 8503
Ferrarini, M. 11993
Ferrario, S. 764, 4026
Ferraz, C. T. 5790
Ferraz, E. 7901, 11133
Ferraz, S. 9808
Ferraz Lopes, F. C. 12106
Ferree, D. C. 1425
Ferreira, A. S. 2059, 4004, 12158
Ferreira, A. T. 8868
Ferreira, D. F. 4211, 5939, 12379
Ferreira, E. 6302
Ferreira, E. L. 3376
Ferreira, F. 10417
Ferreira, F. R. 6750
Ferreira, G. A. D. 9621
Ferreira, J. J. 954
Ferreira, K. L. 11446
Ferreira, M. A. 1604
Ferreira, P. 10085
Ferreira, P. C. G. 3774
Ferreira, P. T. O. 11135
Ferreira, R. de P. 4122, 9706, 10903, 12106
Ferreira, R. T. 9827
Ferreira Filho, A. W. P. 10636-10637
Ferreira Júnior, E. 6302
Ferrer, A. 8471
Ferrer, E. 1031, 1050, 3911
Ferrer, O. 6338
Ferrero, C. 101
Ferrero, M. 101, 10714
Ferret, V. 4648
Ferrière, N. M. 2082
Ferris, R. S. B. 8000
Ferro, D. N. 12470, 12474
Ferrol, N. 637
Ferry, M. 576
Ferullo, J. M. 9748
Fery, R. L. 1402, 2216, 5558-5559
Fetch, T. G., Jr. 11953
Fettig, S. 9428
Feucht, W. 6661
Feuerbach, F. 2730
Feuillet, C. 959, 3369, 9520, 10594
Fevereiro, P. S. 5256
Fey, J. 9403
Feyereisen, R. 2745
Feys, B. J. 6042
Fialho de Resende, J. C. 7387
Ficarelli, A. 10217
Ficca, A. G. 3649
Ficcadenti, N. 2309
Fickus, E. W. 8775
Fidantsef, A. L. 399
Fideghelli, C. 5597
Fido, R. 11878
Field, R. J. 7865
Fieldes, M. A. 6977
Fierens-Onstenk, J. 6580
Fife, J. H. 2553
Fifield, W. 5394
Figueira, A. 9079
Figueiredo, J. de 2412
Figueiredo, J. O. de 2426, 4482
Figueras, M. 1820
Figueroa, P. 10695
Figueroa M., J. 3967
Figueroa S., H. 9500
Fikadu, A. 1045
Fila, G. 4286
Filatenko, A. 3815
Filgueiras, T. S. 10899, 12300
Filho, C. F. D. 3971
Filho, H. D. C. 4482
Filho, J. S. de S. B. 5939
Filipenko, E. A. 6927
Filipenko, M. L. 6927
Filipowicz, W. 4575
Filippetti, A. 5288, 5343
Filippetti, I. 11209, 11213
Filippi, F. 9134
Filippis, L. de 751
Filippone, E. 2243
Filippov, E. G. 7690
Filleur, S. 4878, 7306, 9367
Fillion, L. 12675
Filmore, K. 8311
Filotico, F. 4259
Fils-Lycaon, B. 11190
Fils-Lycaon, B. R. 6673
Fincher, G. B. 6165
Finer, J. J. 12880
Fineschi, S. 9130
Finger, F. L. 6757, 7891
Fink, G. R. 4904, 9351
Finkeldey, R. 7009, 8219
Finland, Foundation for Forest Tree Breeding 8408
Finlayson, S. A. 10748
Finley, D. 7239
Finley, K. W. 6427
Finn, C. 2365
Finnegan, E. J. 917, 2560, 4621
Finnegan, P. M. 1274, 9792, 12296
Finnemann, J. 6803
Finney, P. L. 132-133
Fiordiponti, P. 11629
Fiorino, P. 2474, 5704
Fioritto, R. J. 7700
Fırat, M. Z. 7293
Firmin, J. 12814
Firmin, L. 5911
Firmino, P. de T. 10176
Firon, N. 7889
Firoozabady, E. 3548
Firouzi, M. 11875
Fisahn, J. 2238, 3244, 4353, 5477, 7808, 7892, 9901, 12446
Fisch, R. D. 4831
Fischer, C. 6, 1429, 2329, 2339-2340, 5576, 6656, 6658, 8918, 10019, 11183, 12622
Fischer, G. 10466
Fischer, J. D. 1261, 9788
Fischer, K. S. 5929
Fischer, M. 528, 1429, 1431, 1466-1467, 2329, 2339, 5576, 6658, 6662, 10019
Fischer, R. 11387, 12826
Fischer, R. A. 3846
Fischer, R. L. 1903, 6006-6007
Fischer, S. 1829, 11731
Fischer, V. M. 7361
Fiscus, E. L. 9375
Fisenko, Yu. Yu. 8908
Fish, L. 4963, 9401
Fish, L. J. 10587
Fisher, A. G. 5355
Fisher, A. J. 4873
Fisher, D. D. 2192
Fisher, D. K. 2910, 8632
Fisher, K. J. 7860
Fisher, S. J. 8114, 8411
Fisk, D. G. 7472
Fites, R. C. 5989
Fits, L. van der 1768
Fitt, B. D. L. 12723
Fitzgerald, M. 7537
Fitzpatrick, B. 7057
Fitzsimmons, K. 1210
Fjell, D. L. 1101
Fladung, M. 729, 5805
Flament, M. H. 5748
Flamme, W. 4280, 8612
Flanders, D. J. 3728
Flanders, K. L. 2701
Flavell, A. J. 6432
Flavell, R. B. 8322
Fleck, D. 759
Fleck, J. 3523, 5764
Fleischer-Notter, H. 5465, 5477
Fleischmann, F. 4294
Fleming, M. P. 5795
Fleming, Y. 4867
Flesch, R. D. 1286
Fletcher, G. 1773
Fletcher, J. C. 4888
Fletcher, J. D. 1336
Fletcher, P. J. 1336
Fleury, A. 3423
Fliedel, G. 227
Fliniaux, M. 10425
Flint, H. M. 12852
Flintham, J. E. 3801, 9445, 10587
Flipse, E. 8827, 9904
Flis, B. 3175
Flores, F. 1258, 5416
Flores, T. C. 4921
Flori, A. 11797
Fluch, S. 2571
Fluhr, R. 4361, 11107
Fluminhan, A. 210
Flynn, D. 7803
Flynn, R. 12856
Fock, H. 1856
Focks, N. 906, 9339
Fodor, J. 6179
Fofana, B. 4205, 5358, 10963
Fogelfors, B. M. 10679
Foggi, B. 8745
Foisset, N. 602, 1550
Fokar, M. 1010-1011
Foley, M. E. 2892, 5957
Folkard, G. 6881
Folkers, U. 10537
Folkerts, O. 202
Folkertsma, R. T. 5548

Folling, M. 2138
Folta, K. M. 10981
Fomenko, T. I. 6485
Fominaya, A. 1050
Fondio, L. 1363
Fondoun, J. M. 12703
Fonrouge, A. G. 7245
Fonseca, F. S. da 6982
Fonseca, J. R. 6423
Fonseca, M. E. N. 7820
Fonseca, N. S., Jr. 2182
Fonseka, H. H. D. 5431
Fontana, F. 4544
Fontanazza, G. 2473, 11307, 11320
Fonzo, N. di 995, 3852, 6135, 8568, 10633, 11881, 12108-12109
Food and Agriculture Organization of the United Nations 5931
Foolad, M. R. 2302, 3245, 3918, 6555, 6570-6571, 7898, 7900, 12535
Forapani, S. 4624
Force, A. 10564
Forcioli, D. 12152
Ford, R. 4224
Ford, V. S. 7103
Ford-Lloyd, B. V. 2213, 2510, 2963, 3115, 4326, 9936
Forde, B. G. 2167, 4872, 9321
Fordham, R. 680, 3454
Fordham-Skelton, A. P. 5285
Forestier, C. 4875
Forfang, A. S. 2627
Forino, L. M. C. 10964
Forkmann, G. 3588, 9176
Fornara, M. 109, 215, 7507, 9633
Forni, E. 449
Forni-Martins, E. R. 4931
Foroni, C. 5110
Forrest, G. I. 11492
Forrest, J. 6173
Forrester, R. I. 12338
Forsberg, J. 4502
Forsberg, R. A. 11940, 11970-11972
Forster, B. P. 8598
Forster, C. 5381, 7762, 9846
Forster, J. W. 1216, 4097, 12316
Forster, P. I. 1664, 2608, 8354
Fort, S. B. 6543
Fortunato, R. H. 10311
Fory, L. F. 12390
Fossati, A. 1912
Fossati, D. 115
Fossen, T. 1766
Foster, G. S. 9133
Foster, K. R. 229
Foster, M. A. 3556
Foster, R. 1560, 1650, 4880, 9262
Foster, R. G. 6022
Foster, T. 12081
Fotadar, R. K. 9004
Foucher, F. 9750
Foulkes, M. J. 2690
Foulley, J. L. 10558
Fountain, M. D. 5227-5228, 8730
Fourcroy, P. 3533
Fourie, P. 6488
Fournet, F. 5935
Foury, C. 12586
Fowler, D. B. 9418, 11824
Fowler, J. E. 9611
Fowler, J. L. 3556
Fowler, M. C. 12311
Fowler, T. E., Jr. 11424
Fox, P. N. 112
Fox, R. 10054
Fox, T. W. 12036-12038, 12040
Foy, C. D. 10973
Foyer, C. H. 42, 748, 1668, 8136, 9971, 11108
Fraga, H. P. 9499
Fraga, R. 5488
Fraire-Vasquez, G. 8118
Fraissinet-Tachet, L. 5763
Fraj, M. 8627
Franc, A. 11510-11511
Franca, A. 4100, 4102
França, J. G. E. de 11133
France, Centre de Coopération Internationale en Recherche Agronomique pour le Développement 2692
France, Institut National de la Recherche Agronomique 2689
France, Union Nationale Interprofessionnelle des Légumes Transformés 4216
Frances, S. 3237
Franceschi, V. R. 1698, 3258
Francesco, A. di 3706
Franche, C. 8213, 11489
Franchini, C. R. B. 10726
Francis, C. 2704
Francis, C. M. 7645
Francis, D. 2137, 4731
Francis, P. B. 10729
Francis, S. 3495
Francis, S. A. 9075
Francisco, F. G. 12386
Francisco, P. B., Jr. 6271, 7554
Francisco-Ortega, J. 11340
Francke, W. 10401
Francki, M. 9532
Francki, M. G. 11841, 11926
Francl, L. J. 3825, 11895
Franco, J. 185, 3677, 5949
Franco-Lara, L. 12466
Franco-Zorrilla, J. M. 5502
Franconi, R. 8157
Frandsen, G. I. 1836
Frank, M. 9328, 9385
Frank, M. R. 2745
Frank, T. E. 6200
Frankard, V. 7227
Franke, J. 7152
Franke, R. 7134
Franken, J. 7244
Franklin, A. E. 7276, 9605
Franklin, F. C. H. 817, 7231, 11369
Franklin, H. 1773
Franklin-Tong, V. E. 817, 1773, 7285
Frankovskaya, M. T. 10701
Franssen, H. 5758
Fransz, P. 3213, 9283
Fransz, P. F. 6579
Franz, C. 854, 7152
Franzke, A. 3793
Franzone, P. M. 5004
Frary, A. 9961
Frascaria-Lacoste, N. 4654
Frascaroli, E. 197
Fraschina, A. A. 478
Fraser, C. 2389
Fraser, M. L. 6321-6322, 6327-6328, 12281-12282
Frasse, P. 11103
Frauen, M. 2445
Fraval, F. 1297
Frayssinet, N. 12295
Frček, J. 4241
Fredericks, C. 300
Frederiksen, R. 4007
Frederiksen, R. A. 12160
Frederiksen, S. 2009, 7668
Fredriksen, S. 8404
Fredshavn, J. R. 5741
Freeling, M. 5098, 6211, 9611, 11994-11995, 12061-12064
Freeman, D. C. 2131, 10430
Fregene, M. 8847
Frei, U. 1329, 2231, 4256, 12441
Freialdenhoven, A. 175
Freire, A. B. 2122
Freire, E. C. 3550, 5790, 6965
Freire-Fierro, A. 3299
Freitag, M. 12116
Freitas, J. A. de 8889
Freitas, J. R. de 8531
Freitas, M. A. 12353
Freitas, N. S. 5713
Freitas, P. M. de 12294
Freitas, R. T. F. de 6382
Freitas, V. de P. 4122
Freitas, V. P. 7525
French, C. 12856
French, C. E. 8134
Frendo, P. 4126
Frenkel, C. 477
Freshwater, D. W. 10892
Freudenstein, J. V. 5882
Frewen, B. E. 2633
Frey, A. 3531, 10232
Frey, F. 2440, 11267
Frey, K. 1051
Freyer, R. 10107
Freyermuth, S. K. 4872, 10947
Freyre, R. 1288
Freytag, U. 2801
Frias, J. 5404
Frick, G. 8481
Frick, S. 5897
Fricke, W. 7438
Fridborg, I. 10521
Fridlansky, F. 3679, 4914
Fridlender, A. 3607
Friebe, B. 3814, 5257, 9538, 11842
Friebe, B. R. 10606, 10655
Friedberg, J. N. 12107
Friedman, M. 8825
Friedman, W. E. 12868
Friedmann, M. 5545
Friedt, D. W. 11339
Friedt, W. 592, 2467, 4524, 10105, 10111, 11967
Frieman, M. 10104
Fries, A. 7022, 8243, 10321
Friesen, K. R. D. 614
Friesen, N. 2278, 7845, 8863
Frigerio, J. M. 4669
Frijters, A. 6580
Frimodt-Møller, C. 10373
Frishman, D. 5967
Frisinghelli, C. 559
Frison, E. A. 2388
Fristensky, B. 12726
Fritig, B. 5763
Fritsch, C. 6944
Fritsch, R. M. 3201, 8862
Fritz, A. K. 11932
Fritz, J. O. 5131
Fritz, R. S. 2581-2582, 4825
Fritze, K. 5758
Frizzo, C. D. 10452
Froehlich, J. E. 6032
Froelicher, Y. 2423
Froger, N. 11255
Frohberg, R. C. 7375, 9523, 11905
Frohnmeyer, H. 10540
Froidmont, D. de 7450
Froidmont, F. 7450
Froment, M. A. 1559
Fromm, H. 7109
Fromme, F. J. 2008
Frommer, W. 9902
Frommer, W. B. 1624, 2239, 5889, 6559, 9369, 9833, 11674
Froněk, D. 8108
Froneman, S. 8011
Fronza, V. 7387, 9827
Froseth, J. A. 7442-7443
Frost, D. V. 4621
Frost, L. N. 1877, 6042
Frova, C. 12108-12109, 12148
Frøynes, O. 1450
Frugis, G. 8073, 10900, 11479
Frugoli, J. A. 1834
Fründt, C. 1611
Frusciante, L. 4288, 6479
Frutz, T. 8213, 11489
Fry, J. E. 9441
Fry, W. 411
Fryer, M. 12814
Ftirich, A. 8627
Fu, D. X. 9468
Fu, F. 6602
Fu, G. M. 5324
Fu, H. Y. 4180, 7239, 9305
Fu, J. 8361, 11916
Fu, J. H. 5097, 7480
Fu, J. R. 8081
Fu, M. 8089
Fu, Q. 6300
Fu, R. X. 7538, 10788
Fu, S. Z. 2461, 4507, 5668-5669, 8040
Fu, T. D. 604, 5672, 10116
Fu, X. D. 3023
Fu, X. Q. 2975
Fu, Y. 5513
Fu, Y. B. 1332, 3773, 6987
Fu, Y. F. 7483
Fu, Y. M. 3621
Fu, Y. P. 5204, 12202
Fu, Y. S. 4167
Fu, Y. X. 75
Fu DaXiong 9468
Fu Fan 6602
Fu GuangMing 5324
Fu HongYi 4180
Fu HongYong 7239, 9305
Fu JiaRui 8081
Fu Jie 11916
Fu Jin 8361
Fu JunHua 5097, 7480
Fu Min 8089
Fu Qiang 6300
Fu RongXing 7538, 10788
Fu ShouZhong 2461, 4507, 5668-5669, 8040
Fu TingDong 5672
Fu XiangDong 3023
Fu XiQin 2975
Fu YaPing 5204, 12202
Fu YaShu 4167
Fu YingBin 1332
Fu Yong 5513
Fu YongBi 6987
Fu YongFu 7483
Fu YunXin 75
Fuangthong, M. 188
Fuchs, E. 888, 4410, 5580, 12636, 12640
Fuchs, J. 2804, 2873, 3092
Fuchs, M. 6599, 7928
Fuchs, T. 12297
Fuente-Martínez, J. M. de la 9252
Fuentealba A., J. 6131
Fuentes-Davila, G. 3884
Fuentes-Granados, R. G. 838
Fuertes-Aguilar, J. 11340
Fugro, P. A. 12617
Fujibuchi, W. 5963
Fujie, M. 1254, 3586
Fujihira, K. 4877
Fujii, K. 11569
Fujii, N. 10985
Fujii, T. 10815-10816, 12176
Fujiie, A. 311
Fujime, Y. 3219
Fujimori, K. 884
Fujimoto, D. K. 3169
Fujimoto, F. 301-302, 315, 8736, 8739
Fujimoto, H. 4506
Fujimoto, Y. 9876
Fujino, M. 472, 1181, 2999, 10845
Fujioka, D. 8001
Fujioka, S. 61, 4884, 5532, 6018, 8483, 10532
Fujioka, T. 9843-9844
Fujisawa, Y. 5832, 5834, 12200
Fujishige, N. 7950
Fujita, K. 1323, 10075, 10691
Fujita, M. 9843-9844
Fujita, N. 6271
Fujita, T. 1380
Fujita, Y. 6251
Fujitomi, S. 12974
Fujiwara, A. 878
Fujiwara, H. 2632, 2773, 2981, 3009, 6292
Fujiwara, M. 7631
Fujiwara, T. 347, 1167, 5295
Fukada-Tanaka, S. 7093
Fukaki, H. 9297, 9358
Fukamachi, H. 4404
Fukami, M. 311, 6438
Fukao, T. 1109

Fukasawa, H. 9876
Fukaura, S. 1, 237
Fukayama, H. 1975, 2912
Fukazawa, C. 7710
Fukuchi-Mizutani, M. 2632, 3729, 6884
Fukuda, H. 4574, 11048
Fukuda, M. 11630-11631
Fukuda, S. 3630
Fukuda, T. 2656
Fukuda, Y. 8130
Fukuhara, T. 6261, 9665, 12943
Fukui, A. 8729
Fukui, H. 2617, 6636, 10359
Fukui, K. 277, 293, 2086, 3027, 3426, 5794, 6251, 10189, 10586, 12951
Fukui, M. 1601, 9077
Fukui, T. 12803
Fukui, Y. 2632, 6884
Fukumasa-Nakai, Y. 11631, 12979
Fukumoto, M. 3339, 8688
Fukuoka, H. 6281, 7674
Fukuoka, S. 2969, 4034
Fukushi, H. 342
Fukuta, N. 8779
Fukuta, Y. 277, 1207, 2986, 6275, 6301, 10827
Fukutoku, Y. 9356
Fukuyama, T. 6275, 10827
Fulcher, R. G. 165, 7402, 8613, 8622
Fulker, D. W. 10560
Fuller, G. 11651
Fuller, J. 6173
Fuller, J. D. 176
Fullerton, S. 2048
Fulnečková, J. 3532
Fulton, D. C. 4277
Funakoshi, M. 10704
Funakoshi, S. 1694, 5822
Funatsuki, H. 2105
Fundora, Z. 5643
Funes, I. 422
Fung, R. W. M. 1495
Fungwe, T. V. 4003
Funk, C. R. 6321, 6327-6328, 12282
Furbank, R. 8475
Furbank, R. T. 4084
Furlani, A. M. C. 2047, 2938
Furness, C. A. 3778, 9392
Furness, N. H. 1475
Furnier, G. R. 6706, 10298, 12875
Furowicz, B. 6844
Furudate, A. 4278
Furudoi, Y. 6233
Furukawa, K. 7593
Furumoto, T. 8641
Furushima-Shimogawara, R. 10586
Furusho, M. 1041, 8610
Furuta, E. 7674
Furuya, H. 3600
Furuya, M. 808, 1852
Furuyama, T. 8042
Fuse, T. 10816, 12176
Fuselli, D. 107
Futamura, N. 10295, 11477
Fütterer, J. 8618, 9667
Fyad-Lameche, Z. 2147
Gabara, B. 9582
Gabellini, E. 5735
Gabor, B. 1389
Gáborjányi, R. 10487
Gabriel, E. 8363
Gabrielsen, T. M. 3599
Gabunada, F. 9779, 9781
Gachotte, D. 7230
Gadal, P. 2515
Gaddour, K. 3894
Gadeva, P. 12027
Gadzhiev, N. M. 8815
Gaedeke, N. 10489
Gaff, D. F. 8753
Gafni, Y. 9981
Gage, D. A. 2536, 9336, 9348
Gagliardi, D. 11279
Gagne, G. 2468, 11296
Gago, G. M. 10494
Gahakwa, D. 9660
Gahrtz, M. 11755
Gai, J. Y. 71, 342, 1268, 2106, 2163, 4163, 4200, 5334, 9783
Gai JunYi 71, 342, 1268, 2163, 4163, 4200, 5334, 9783
Gaike, V. 3913
Gaikwad, A. 10983, 12394
Gaikwad, K. 2448, 2456
Gaines, C. S. 133
Gaitán-Hernández, R. 4787
Gaj, M. D. 3043
Gajendra Chandrakar 12553
Gakière, B. 15
Gakiere, B. 11730
Gal, S. 4893
Gal-On, A. 11134
Galal, A. A. 9825
Galán, J. D. M. 6204
Galán Saúco, V. 2394, 2693
Galande, A. 9530
Galano, G. 6771
Galanopoulou-Sendouca, S. 10245
Galarreta, J. I. R. de 4273
Galasso, I. 2217, 3100
Galati, B. G. 753
Galaud, J. P. 2752
Galbraith, D. W. 1839, 2745, 9294, 9389
Galdames, R. 12336
Galderisi, U. 6771
Gale, M. D. 969, 2735, 3801, 10473, 10587, 10819, 11833
Galek, R. 11974
Galetto, L. 7069
Galgal, K. K. 9777, 9779
Galgaro, L. 1574
Galián, L. R. 12090
Galiba, G. 4963, 5019, 11882
Galili, S. 2825, 12350
Galinat, W. C. 12080
Gallagher, J. A. 304
Gallagher, T. F. 1428, 5572
Gallaher, R. N. 10725
Gallais, A. 77, 2905, 3954, 3970, 6196
Gallant, J. B. 778
Gallardo, F. 4669
Gallego, F. 959
Gallego, F. J. 2010
Gallego, M. E. 3731
Gallerani, R. 3537, 3716
Galleschi, L. 5020, 10638
Gallesi, D. 4126
Gallet, M. 4398
Galletta, G. J. 4452
Galletti, G. C. 994, 3644
Galletti, S. 4544
Gallez, A. 1499
Gallie, D. R. 979, 7358
Gallino, M. 843
Gallis, A. T. 2600
Gallo, A. 10965
Gallo, G. 110, 2861
Gallo, L. 752
Gallo, P. B. 2466, 11829
Gallois, P. 1848, 1850, 4899
Gallotti, G. J. M. 1286
Gally, M. E. 3090
Galmarini, C. R. 1397
Galterio, G. 1924, 10601
Galtier, N. 42, 9971, 11108
Galvão, E. R. 2180
Gálvez, G. 10962
Gälweiler, L. 1863, 2766
Galwey, N. W. 2603, 10191, 10926, 12378
Gama-López, S. 3631
Gamas, P. 1235
Gamba, F. M. 11892-11893
Gamberini, G. 8189
Gamble, R. L. 8496
Gamboa, D. 4534
Gamiette, F. 6509
Gammar, Z. G. 9766
Gan, L. 598, 8039
Gan, L. H. 12939
Gan, S. S. 5757, 10231
Gan, Y. T. 182
Gan, Y. Y. 12939
Gan LeongHuat 12939
Gan Li 598, 8039
Gan SuSheng 5757, 10231
Gan YikYuen 12939
Gana, J. A. 3049
Ganajaxi, M. H. 10155
Ganal, M. 12540
Ganal, M. W. 114, 1379, 4962, 9443, 9551, 11099
Gañán, J. A. G. 5400
Ganapathi, A. 6775
Ganapathi, T. R. 10068
Ganapathy, M. 6859
Ganapaty, S. 7110
Gandhi, M. 11050
Gandhi, R. 6286, 11733
Gandhi, S. D. 7522
Gandhi, S. K. 2304
Gandilyan, P. A. 3869
Ganesamurthy, K. 396
Ganesan, K. N. 1143
Ganesan, N. M. 10782
Ganesen, J. 3476
Ganesh, M. 5694, 7494
Ganeshan, D. 7875
Ganeshan, G. 418, 435
Ganeshkumar 6078
Ganeva, G. 2865, 4968, 5017, 5041, 9448, 11843
Ganeva, G. D. 6098
Gang Chen 9667
Gangadhariah, S. 1122, 1137
Gangaprasad, A. N. 10403
Gangashetti, M. G. 2930
Gangopadhyay, G. 1578
Ganguli, D. K. 5553
Ganguli, R. N. 4520, 8722, 12261, 12553
Ganguly, A. K. 11140
Ganguly, S. B. 9863
Gannaway, J. 11438
Gannaway, J. R. 12843
Gans, P. 8840
Gantt, J. S. 316, 6353
Ganz, P. R. 12801
Gao, B. 6707
Gao, C. M. 9985
Gao, D. Y. 1945
Gao, F. K. 6664
Gao, H. B. 10180
Gao, H. G. 2070
Gao, H. T. 3821
Gao, H. Y. 4236
Gao, J. 6244, 6552
Gao, J. P. 8298
Gao, J. Y. 5838
Gao, L. 479, 5331
Gao, L. Z. 7535, 7698, 10804
Gao, M. 1253, 2910, 8632
Gao, M. G. 7884
Gao, M. L. 12881
Gao, M. Q. 2282, 5496, 5499
Gao, M. W. 4052
Gao, M. Y. 12598
Gao, P. P. 7323
Gao, Q. K. 3497
Gao, Q. X. 3994
Gao, R. P. 7513
Gao, R. Q. 2544
Gao, S. G. 7405
Gao, S. J. 6897
Gao, S. T. 8032
Gao, S. Y. 1008
Gao, W. D. 8664
Gao, W. S. 3864, 7384
Gao, X. Q. 1767
Gao, Y. 263, 4079
Gao, Y. F. 8160
Gao, Y. K. 324
Gao, Z. H. 6674, 7958
Gao, Z. S. 6357
Gao, Z. Y. 5219, 7623
Gao Bin 6707
Gao ChunMei 9985
Gao DongYing 1945
Gao FuKui 6664
Gao HaiTao 3821
Gao HengGuang 2070
Gao HongYu 4236
Gao JiYin 5838
Gao Jun 6552
Gao JunPing 8298
Gao Ling 5331
Gao LiZhi 7535, 7698, 10804
Gao MeangSheng 1253
Gao MeiLing 12881
Gao MingGeng 7884
Gao MingWei 4052
Gao MingYu 12598
Gao MuQiang 2282, 5496, 5499
Gao PingPing 7323
Gao QiKang 3497
Gao QiuXia 3994
Gao RongQi 2544
Gao RuPing 7513
Gao SanJi 6897
Gao ShangYi 1008
Gao ShaoTang 8032
Gao ShengGuo 7405
Gao WeiDong 8664
Gao WenShu 3864, 7384
Gao XiangQun 1767
Gao YiKe 324
Gao Yong 263
Gao Yuan 4079
Gao YueFeng 8160
Gao ZhenSheng 6357
Gao ZhenYu 5219, 7623
Gao ZhiHong 6674, 7958
Garab, G. 8414-8418
Garambe, T. G. de 6906
Garanko, I. B. 11113
Garavelli, J. S. 3717
Garba, M. 2218
Garbe, V. 9042
Garber, K. 7739
Garcés, R. 5695, 6849, 6853-6854
Garcés de Granada, E. 12926
García, A. 8647
Garcia, A. B. 4064
Garcia, C. E. A. 716
García, E. 4475
Garcia, E. 483
Garcia, F. R. M. 8985
Garcia, I. 6004
García, J. A. 7417, 12823
García, J. E. 3387, 9020
Garcia, J. S. 7530
García, M. 3184
García, M. B. 4534
García, M. D. 9604, 12011-12012
García, P. 5403
García, R. 427, 3184
García-Aguilar, L. 6338
García-Berenguer, A. 11330
Garcia C., M. 3967
García Gonzalo, P. 3058
García-Hernández, M. 910, 3728
Garcia Júnior, A. 2427
García-Lepe, R. 4887
García-Luque, I. 4375
Garcia-Maroto, F. 4251
García-Martínez, J. L. 3654
García-Mendoza, A. 8193
García-Olmedo, F. 5750, 8835
García-Ortiz, A. 11328
García-Pineda, E. 1911
Garcia-Pineda, E. 11153
Garcia-Rios, M. 1380
Garcia-Rossi, D. 12291
García-Vallejo, M. C. 6993
García Velázquez, A. 9180
Garcin, A. 8031
Gardeström, P. 7258
Gardies, A. M. 9299
Gardiner, S. 6633
Gardner, C. D. 5370, 7756
Gardner, G. 12875
Gardner, K. 11277
Gardner, R. C. 1495, 2594, 3265, 3267, 6064, 6092, 8439, 8912
Gareil, M. 9873
Garello, G. 4395
Garg, B. K. 6468, 10144
Garg, D. K. 1013
Garg, G. K. 3002
Garg, S. 12728

Garg, S. N. 11607, 11613
Garin, E. 3578
Garin, J. 9944
Garkar, R. M. 10188
Garland, S. H. 12189
Garmendia, F. M. 4408
Garnero, L. 850, 7170
Garnica, J. 11092
Garnock-Jones, P. J. 1722
Garrad, T. J. 4698
Garreffa, P. 5463
Garrido, D. 4225
Garrido-Ramos, M. A. 7114, 11533
Garriga-Calderé, F. 8818, 9967
Garrison, S. 7864
Garrison, S. A. 11082
Garrity, G. M. 5968
Garstka, M. 3982, 10718
Gartland, J. S. 4634, 4655
Gartland, K. M. A. 4634, 4655
Gartner, B. L. 9149
Garton, S. 426, 3190
Garvin, D. F. 169
Gasanov, Z. M. 6676
Gasenko, N. V. 4526
Gašić, K. 6659
Gašić, O. 1568-1569
Gaspar, M. 10720
Gasquez, J. 6072
Gasser, C. S. 3737
Gasser, F. 10491
Gassmann, W. 955
Gassó, A. M. M. 12122
Gasverde, E. 12397
Gataulina, G. G. 9765
Gatehouse, A. M. R. 4310, 5454
Gatehouse, J. 12337
Gatehouse, J. A. 3023, 3895, 4310, 5285, 5454, 8832, 10865
Gatehouse, L. N. 5454
Gates, P. 8832
Gates, R. N. 2148, 6188, 12171
Gatt, M. 12913
Gatti, I. 7866
Gatto, A. del 8066
Gattoni, R. 7228
Gatz, C. 2732, 3944, 4839, 8821, 11361
Gau, A. E. 889
Gauch, S. 7214
Gaude, T. 6529, 8043, 9944
Gaugitsch, H. 946
Gauillard, F. 6673
Gaul, B. L. 3545
Gaur, P. C. 1337, 7796, 11018, 11033
Gaut, B. S. 1085, 2025, 2287, 11822
Gautam, A. S. 3137, 9820, 12084
Gautam, P. L. 4936, 5923, 7328, 11659
Gautam, R. K. 2840
Gautam Sarath 6391
Gautheret, R. J. 10577
Gauthier, P. 3032
Gauthier, S. 1692
Gautier, M. F. 879, 9429
Gavazzi, G. 2927, 12071
Gavrilenko, T. 4261, 11024
Gavrilenko, T. A. 4265
Gavrilets, S. 2646
Gawienowski, M. C. 8634
Gaxiola, R. A. 4904
Gay, D. C. 5310
Gay, G. 1935
Gay Eynard, G. 2371
Gazar, A. A. 9825
Gazea, F. 1519
Gazeau, C. 3638
Gazecka, B. 6800
Gazel Filho, A. B. 10085
Gaziola, S. A. 9626
Gazit, S. 1523, 1525, 4486
Gazo, J. 8989
Gazzarrini, S. 9369
Gbur, E. E., Jr. 4672
Ge, H. B. 7978
Ge, J. G. 8340
Ge, M. H. 11500
Ge, M. R. 3854
Ge, S. 4747, 7040, 8308, 8366, 10804
Ge, X. C. 4073, 9117
Ge, Z. L. 6954
Ge HuiBo 7978
Ge JiGuang 8340
Ge Jin 2324
Ge MeiRong 3854
Ge MingHong 11500
Ge Song 4747, 7040, 8308, 8366, 10804
Ge XiuChun 4073, 9117
Ge ZhiLiang 6954
Gealy, D. R. 6303, 12268-12270
Gearlds, J. D. 8890
Gebauer, M. 8837
Geber, M. A. 7102
Gebeyehu, G. 1573
Gebhardt, C. 1333, 5468, 6492
Gebhardt, J. S. 2188, 8766, 9793
Geburek, T. 8203, 8252-8253
Gedykh, V. B. 12666
Geelen, D. 4581
Geerts, P. 5357
Geest, A. van der 691
Geetha, K. 3076, 9609
Geetha, N. 1572, 5441, 12753
Geetha, S. 2995, 3008, 8679, 9688
Geffroy, V. 1288, 8792, 12387
Gehrig, H. 3640
Gehring, J. L. 11531
Geibel, M. 2329, 2340, 6661
Geigenberger, P. 57, 5465, 7805, 12454
Geiger, H. H. 2007-2008, 5138, 7503, 8665
Geiger, J. P. 12840
Geiger, M. 5467
Gelati, M. T. 3585
Gelbart, W. M. 2736
Geldre, E. van 3635
Gelfand, M. S. 5978
Geli, M. I. 1078
Geller, D. P. 1582, 3481
Gelli, A. 11125
Gellner, J. L. 3827-3828
Gelvin, S. B. 893, 11704
Gemesne, J. A. 12564
Geml, J. 7167
Genç, İ. 120, 2848, 6138
Genchi, G. 9631
Gendreau, E. 8466
Genetic Resources Action International 5946, 9247
Genetics, Selection, Evolution 12984
Geng, J. F. 2282, 5499
Geng, J. Y. 8181
Geng, M. J. 2462
Geng, Z. 9787
Geng JianFeng 2282, 5499
Geng JunYi 8181
Geng MingJian 2462
Geng Zhen 9787
Gengenbach, B. G. 8622, 12145
Genger, R. 917
Génier, G. 12307
Genna, A. 1439
Gennes, P. G. de 11692
Gens, J. S. 6030
Genschik, P. 3523
Gentile, A. 5639
Gentzbittel, L. 12737
Genualdo, G. 2233
Geoghegan, I. E. 4310, 5454
George, F. 12963
George, J. K. 2675, 8369, 12960
George, L. 646
George, P. 8409
George, S. W. 12328
George, T. 1187
Georges, M. 73
Georgescu, M. 3208
Georgieva, I. D. 4597
Georgieva, V. 11843
Georgiou, A. 5050
Gepts, P. 1288, 4204, 10971, 12387
Gera, M. 9209
Gera, N. 9209
Gerage, A. C. 1059, 10689
Geraldo, J. S. 10343-10344
Gerats, T. 4064, 9284, 10377
Gerbeau, P. 11378
Gerendás, J. 10947
Gergely, L. 12464
Geritz, S. A. H. 2797
Gerlach, H. K. 515, 1462
Germain, E. 8031
Germanà, M. A. 1520
Germani, R. 998, 11829
Germano, J. 12895
Germany, Bundesanstalt für Züchtungsforschung an Kulturpflanzen 4792, 7174, 12992
Germida, J. J. 8531
Germishuizen, G. 6057
Gerrits, H. 68
Gershenzon, J. 2725
Gerster, J. L. 5670
Gerttula, S. 9677
Gervais, J. A. 5603
Gesch, R. W. 1198
Gessler, C. 2341, 6625, 6654, 6656, 7944
Gessler, D. D. G. 3771
Gestat de Garambe, T. 2507
Getinet, A. 620
Geuna, F. 7987
Geurts, R. 1304, 4159
Ghadimzadeh, M. 11001
Ghaffari, S. M. 7149
Ghafoor, A. 3349, 11016
Ghai, T. R. 7919, 7926
Ghandorah, M. O. 9509
Ghannadha, M. R. 5046, 6147
Ghanta, P. K. 8019
Gharbi, M. S. 9417
Ghareeb, A. 10437
Ghassemian, M. 48
Ghawana, S. 2720
Ghazal, H. 3928
Ghazanfar, S. A. 4496
Ghedini, R. 5735
Ghesquière, A. 2124-2125
Ghetie, V. 8086
Gheysen, G. 3701, 8441, 9381, 11660
Ghică, M. 3252
Ghijsen, H. 2716
Ghirardi, E. 4350
Ghisalberti, E. L. 836, 1716, 8758, 12320
Ghislain, M. 1342, 5933
Ghoderao, B. N. 725
Ghodke, K. M. 11287
Ghooshchi, F. 5086
Ghoraishi, S. R. 4499
Ghorbel, A. 6774
Ghorbel, R. 1518, 12688
Ghorbel, S. 5896
Ghorpade, P. B. 3080, 10952
Ghorpade, S. R. 4535
Ghosh, B. 10860
Ghosh, D. 5981
Ghosh, D. C. 6132
Ghosh, I. 6577
Ghosh, J. 5112, 12738, 12766
Ghosh, M. 6980
Ghosh, N. 9472, 12272
Ghosh, P. 5369
Ghosh, R. 10303
Ghoshal, K. K. 12272
Ghoshroy, S. 3764
Ghulam Abbas 9854
Ghulam Sarwar 9854
Gianello, R. D. 8753
Gianfranceschi, L. 6654, 7944
Giangrande, E. 11881
Gianibelli, M. C. 2854
Gianinazzi, S. 854
Gianinetti, A. 9656
Giannino, D. 10900
Gianquitto, P. 11959
Giansante, L. 944
Giband, M. 178
Gibb, E. S. 10898
Gibbs, M. 12337
Gibbs, P. 9772
Gibby, M. 5888, 8287, 9166
Giblin, E. M. 9346
Gibson, J. P. 3685, 9072
Gibson, P. T. 7723
Gibson, R. W. 2256
Gibson, S. I. 7256
Gichner, T. 10228
Gidley, M. 4277
Gidley, M. J. 5473, 9892
Gidzińska, M. 10697
Giegé, P. 4883
Gielen, J. 7237, 9295
Gielis, J. 11623
Gierdziewicz, M. 6816
Giersch, T. M. 8570
Gietl, C. 2319, 5998, 8456
Gigord, L. 8376
Gigot, C. 2521, 4578, 10222
Gijzen, M. 12348
Gil, J. 3121, 5416, 5419
Gil, L. 11480, 11498
Gil, N. 1881
Gil, Z. 10678
Gil-Mascarell, R. 4869
Gilardi, P. 4375
Gilbert, J. 10917
Gilbert, J. E. 8760
Gilbert, M. G. 10443
Gilbertson, R. L. 2549
Gilchrist, D. G. 3693
Gilchrist, L. I. 3884
Gildow, F. E. 8624
Giliberti, G. 5515
Gill, B. 9530
Gill, B. S. 148, 1941, 1988, 2870, 3814, 3879, 3885, 4963, 7399, 7404, 7411, 7415-7416, 9430, 9538, 10606, 10655, 11842, 11882, 11932
Gill, H. S. 9044
Gill, K. 9530
Gill, K. S. 148, 9430, 9455, 11932
Gill, S. S. 5436
Gillandt, S. 4857
Giller, Y. 12532
Gilles, T. 12723
Gillet, B. 2241
Gillet, F. 4457, 10425
Gilliam, C. 5846
Gillies, A. 2269
Gillies, A. C. M. 9770
Gillissen, B. 9902
Gillman, J. H. 10358
Gilmartin, P. M. 1730
Gilmore, J. 26
Gilmore, S. 12344
Gilmour, S. J. 1873, 2781
Gilpin, B. J. 3109
Gilpin, M. J. 8603
Gilroy, S. 876
Gimenes, M. 1574
Giménez, D. 7421
Gimenez, M. J. 3912
Gindullis, F. 11367
Giner, M. 719
Gingera, G. R. 3992
Gingerich, D. 45
Ginkel, M. van 98, 9420
Gintzburger, G. 6312
Ginzberg, I. 2146
Giordani, E. 5595, 7993, 8954
Giordani, T. 973, 3437, 8064
Giordano, C. 5735
Giordano, I. 3152, 11118
Giordano, L. B. 12539
Giordano, L. de B. 11135
Giordano, R. 3311, 8991
Giorgi, B. 963, 972, 1795
Giorgi, D. 5052
Giorio, G. 11320
Giorni, E. 2886, 7447
Giosuè, S. 12784
Giovannessi, L. 449
Giovanni, C. de 970
Giovannini, A. 12912

Giovannoni, J. 8886
Giovannoni, J. J. 2300, 9930, 9969
Giraldi, E. 5350
Giranton, J. L. 8043, 9944
Girard, B. 542
Girard, C. 4519, 8055
Girard, L. 5098, 9611, 11994
Giraudat, J. 913, 4905
Gireesan, K. 8025
Giri, A. P. 11003
Giri, C. C. 3000
Giri, S. P. 274, 4053
Giridharan, M. P. 12674
Giridharan, S. 1593, 12746
Girija Ganeshan 418, 435
Girma, M. 12161
Girod, P. A. 7239
Girotti, A. 12798
Giroux, M. J. 5010
Giroux, R. W. 10598
Girsch, L. 1891
Gisbert, C. 7883
Gisel, A. 6084
Gissot, L. 9306
Gite, B. D. 11287, 11416
Gittus, K. 11116
Giudici, P. 3329
Giuliani, M. M. 2925
Giuliano, G. 9968
Giurfa, M. 7291
Giussani, L. M. 5246
Giust, M. 557
Giusti, M. M. 4319
Giustiniani, L. 5512
Givondov, A. 7965
Glab, N. 4579
Gladders, P. 12723
Gladstones, J. S. 4152, 4804
Gland-Zwerger, A. 9042
Glasl, S. 5904
Glass, A. D. M. 955, 3704, 4896, 8036, 11772
Glaszmann, J. C. 5727, 11797, 12764
Glavan-Podbrščček, A. 11091
Glavin, R. 1425
Glaz, B. 5726
Glazkov, M. V. 5987
Gleave, A. P. 705, 10226
Gleba, D. 9264
Gleba, Y. Y. 9264
Gleissner, P. 11458
Glen, D. M. 11781
Glenn, E. 1210
Glenn, E. P. 1210
Gliddon, C. J. 6044, 12502
Glimelius, K. 2449, 4502, 12720
Gloser, J. 7369
Gloser, V. 7369
Glössl, J. 888, 2375, 2571, 4641, 11212, 11368, 12870
Glover, B. J. 8467
Glover, D. V. 12096
Glover, K. D. 4198
Głowniak, K. 11594-11595
Gmitter, F. G., Jr. 2415, 2424, 4476-4477
Gnau, P. 6611
Gniazdowska-Skoczek, H. 1035
Go, G. D. 2317
Go GwanDal 2317
Goad, C. L. 11854
Goatley, J. M., Jr. 6333
Gobat, J. M. 4457
Gobelman-Werner, K. 8637
Gobind Ram 11607
Gocal, G. F. W. 6323
Goda, S. 9221
Goda, Y. 9800
Godager, L. H. 7229
Goday, A. 1820, 9618
Goddard, M. E. 2566, 3667
Goddijn, O. J. M. 10543
Godelle, B. 1615, 6051
Godiard, L. 4911
Godin, B. 5109
Godini, A. 3375, 5584, 9018, 9021, 11192, 11248
Godino, G. 11312
Godiot, A. 2379
Godo, T. 803
Godon, C. 2730
Godoy, A. S. 716, 5779-5780
Godoy, G. 12385
Godoy-Hernández, G. C. 1911
Godwin, I. D. 574, 2397, 10162, 10736
Goel, R. K. 3021
Goenaga, R. 5486
Goerre, M. 3264, 5573, 6625, 8919
Goetghebeur, P. 11623
Goetz, D. H. 6025
Goff, S. 1876
Goffman, F. D. 5684, 6821, 8099
Goffner, D. 4631, 10294, 11709
Goforth, J. 9143
Gogel, B. 3
Goggi, A. S. 10754-10755, 10758, 10761-10762
Goggin, F. L. 497
Gogorcena, Y. 10052
Goh, C. J. 2658, 5881, 7123, 9199
Goh ChongJin 2658, 5881, 7123
Gojobori, T. 5962, 5975
Gojon, A. 9367, 9369
Göksoy, A. T. 4529, 11285, 12736
Golan-Goldhirsh, A. 3398
Gołaszewski, J. 5286
Goldbach, R. W. 5548
Goldberg, R. 8472
Goldberg, R. B. 4864, 6006-6007
Goldblatt, P. 3616, 4801, 11553, 11557
Goldenkova, I. V. 8124
Goldingay, R. L. 7066
Goldman, D. H. 5883
Goldman, I. L. 4320
Goldman, T. 11987
Goldringer, I. 965, 4966, 11849
Goldsack, R. J. 1664
Goldsbrough, A. P. 6148
Goldsbrough, P. B. 10551
Goldway, M. 7939
Gołębiowska-Małek, H. 6140, 10634
Golestani Araghi, S. 146
Golhar, S. R. 10615, 11286, 11416
Golik, P. 5965
Goliński, P. 11958
Golldack, D. 10500
Gölles, R. 11389
Gollin, D. 2708, 2715, 2955, 2957, 3664-3665
Golmirzaie, A. 1342, 5933
Golmirzaie, A. M. 2223, 2235
Golob, T. 8656
Golombek, S. 2191, 5262, 9816
Golovkin, M. 31, 1837
Golstein, C. 494
Golyanovskaya, S. A. 7797
Golz, J. F. 6211, 6931, 12810
Gomathinayagam, P. 396
Gomes, A. M. A. 7901
Gomes, E. P. 10602
Gomes, J. A. 8670
Gomes, J. E. 10972
Gomes, L. A. A. 1392, 8889
Gomes e Gama, E. E. 5123
Gomez, C. R. 10758
Gómez, E. 1435
Gómez, I. 10695
Gómez, L. 3395
Gómez, M. 3184
Gómez, N. 2749
Gómez, P. 11636
Gómez, R. 1399
Gomez, R. M. 11190
Gómez-Aparisi, J. 3377
Gómez Aparisi, J. 3385, 6766
Gómez-Aparisi, J. 9024
Gómez-Bayón, N. 633
Gómez-Cadenas, A. 5068, 11945
Gómez Campo, C. 3434
Gómez-Campo, C. 9036, 11340
Gómez-Gómez, L. 8504
Gómez-Guillamón, M. L. 12599
Gómez-Ibarlucea, C. 128
Gómez-Jiménez, M. C. 4225
Gomez L., R. 3967
Gómez-Ladrón de Guevara, R. 1400
Gómez-Pompa, A. 8024
Gomez-Sanchez, D. 11292
Gomord, V. 11368
Gömöry, D. 4644, 8204
Gonçalves, M. I. F. 1392
Gonçalves, P. de S. 1654-1655, 11455
Gonçalves, P. S. de 6982
Gonçalves, W. 12794-12795
Gonçalves de Oliveira, C. M. 12793
Gonçalves Ungaro, M. R. 2466
Gonçalves-Vidigal, M. C. 6422
Goncharenko, G. G. 2601, 8241
Goncharov, N. P. 2827, 7365, 11857
Goncharova, V. M. 187
Gonda, K. 1614
Gondim, P. 1586
Gondim-Tomaz, R. M. A. 9120
Gong, F. C. 8984
Gong, F. R. 461, 9984, 12522
Gong, G. 5513
Gong, L. H. 2805
Gong, Y. C. 8192
Gong, Y. M. 4613
Gong, Y. Q. 5485, 6510, 12555
Gong, Z. Z. 4545, 6884
Gong FangCheng 8984
Gong FanRong 461, 9984, 12522
Gong Gao 5513
Gong LiHong 2805
Gong YaMing 4613
Gong YiQin 5485, 6510, 12555
Gong YouCai 8192
Gong ZhiZhong 4545, 6884
Gonsalves, C. 12700
Gonsalves, D. 2723, 4487, 6599, 7928, 10361, 12678, 12700
Gontijo Labory, C. R. 9982
Gonzalea Garcia, J. 11435
Gonzales, O. M. 4068
González, A. 1365, 5643, 7897, 9824
González, A. G. 2511
González, C. 7897
González, C. A. L. 1585
Gonzalez, D. H. 10494, 11275
González, E. 7973
González, F. 8781, 12385
González, G. 6753
Gonzalez, H. 1069
González, J. 5643
González, J. A. 5564, 7882
González, J. L. 8017
Gonzalez, K. 11751
González, M. 1370-1371
González, M. A. 11636
González, M. E. 7794-7795, 8814
González, M. I. 9934
Gonzalez, M. R. 5365, 5384
Gonzalez, P. 1789, 7169, 9224
González-Andrés, F. 5821
González-Benito, E. 5784
González-Benito, M. E. 10292, 10376
González-Cabrera, J. 3488
González-Candelas, F. 8306
González-Castañón, M. L. 7868
González Cossío, F. V. 8517
González-García, J. 11429
González Hernández, V. A. 1677, 2948, 5533
González Martín, M. 3639
González-Melendi, P. 6516
Gonzalez-Pérez, M. A. 8403
Gooch, M. D. 4377
Good, A. G. 2014, 10630
Good, G. 9491
Goodall, J. A. 7012
Goode, J. H. 11725
Goodenough, D. C. W. 1211
Goodin, J. R. 3548
Gooding, M. J. 1005, 8573
Gooding, P. S. 6148
Goodman, H. M. 890, 6014, 6024, 7223, 9296
Goodman, M. M. 3956, 3972, 5099
Goodrum, J. W. 1582, 3481
Goodwin, P. H. 491, 10357
Goodwin, W. H. 307
Goormachtig, S. 1253, 12342
Goosey, L. 6019
Goossens, A. 12377
Gopal, J. 4268, 4272, 5469, 7816, 11030
Gopalakrishna, R. 12740
Gopalakrishnan, T. R. 12557
Gor, H. K. 3464, 9049
Gorb, L. 328
Gorbunov, A. B. 3303
Gorbunova, V. 9388
Gordeĭ, I. A. 5960
Gordei, S. 6187
Gordon, A. J. 3113, 10989
Gordon, F. E. 11426
Gordon, S. 10035
Gordon, S. C. 11208
Gordon, T. R. 11499, 11499
Gordon, W. B. 1101
Gordon-Kamm, W. J. 6206
Gore, P. L. 4635
Górecki, R. J. 5373
Gorel, F. L. 8795
Goren, R. 3363
Gorenstein, N. M. 11814
Gorham, J. 6969
Gori, P. 1629
Goring, D. R. 9033
Gorinova, N. 7889, 12242
Gorla, M. S. 2034, 12148
Görlach, J. 8587
Górny, A. G. 7448, 9474
Gorodilov, N. 6524
Gorovoĭ, P. G. 8379
Gorpinichenko, S. I. 226
Gorshkova, N. S. 9977, 11127
Górski, M. 10945
Goryachkovskaya, T. N. 5979
Gosal, S. S. 11030
Goshima, N. 7234, 11383
Gossen, B. D. 3054, 10992
Gossen, K. K. 11067
Gossett, D. R. 11424, 11426
Gosti, F. 913
Gostimskiĭ, S. A. 6433-6434
Gostovic, P. 3070-3074
Goswami, P. K. 670
Goto, F. 5296
Goto, K. 8493
Goto, R. 1733
Goto, S. 5963, 7553, 8225
Goto, T. 12518
Gotowda, M. 11534
Gotsch, N. 4566
Gottardi, M. V. C. 1654
Gottlieb, L. D. 7103
Gottlieb, O. R. 85
Gou, X. D. 9916
Gou XiaoDing 9916
Goubely, C. 28, 4501
Gouble, B. 11190
Gouda, A. 4854
Goudet, J. 1907
Gouesnard, B. 223, 7475
Gouet, P. 3724
Gough, G. 7052
Gough, S. P. 1995
Gouis, J. le 7450, 10670
Goulão, L. 7946
Goulard, M. 12273
Goulart, B. L. 6698, 11201-11202
Gould, F. 12993
Gould, J. H. 11407
Goulding, N. 10812
Gouli-Vavdinoudi, E. 5356
Gour, V. K. 3081, 5306, 5315
Gourierrec, J. le 4858

Gourley, L. M. 10754-10755, 10758, 10761-10762
Gourlot, J. P. 719
Gourrierec, J. le 10515
Gouyon, P. H. 6051, 7206
Govi, G. 2925
Govil, C. M. 2669
Govil, J. N. 12418
Govila, O. P. 12170
Govindarasu, R. 5715, 5719, 6877
Govindjee 8491
Govoni, M. 8937
Gowda, A. 9747
Gowda, B. T. S. 2953
Gowda, M. B. 11000, 11007
Gowda, M. V. C. 3474
Gowda, N. A. J. 11603
Gowda, P. H. R. 4317, 12560
Gowda, R. V. 418, 431, 435
Gowdar, B. B. C. 9643
Gowen, S. R. 2409
Gowers, S. 419, 12506
Goyal, K. C. 6398, 6590
Goyal, S. 11884
Goytia, M. A. 8788
Gozález, J. A. 7904
Gozlan, S. 9564
Gözlekçi, Ş. 11225
Gözükirmizi, N. 11941
Grace, J. P. 12835
Gracia, M. P. 153, 2947
Gradziel, T. M. 1472, 2434, 3373, 3380, 3392, 5658, 10090, 11188, 12708
Grafe, C. 3269, 11183
Grafius, E. J. 4308, 7815
Grafton, K. F. 4213, 7749, 12376
Gragera, J. 7882
Gragera Facundo, J. 11114
Gragson, G. M. 1808
Graham, E. T. 4689
Graham, G. I. 12099
Graham, I. A. 4867, 7256
Graham, J. 11208, 12664
Graham, J. H. 2131
Graham, M. W. 1632, 10066
Graham, N. S. 25
Graham, P. H. 9823
Graham, R. 3670
Graham, R. A. 2742
Graham, R. D. 3873
Graham, S. A. 8098
Graham, T. W. G. 10939
Graifenberg, A. 5512
Grains Research and Development Corporation 6777
Grajal, A. 3687, 11672
Grajal-Martín, M. J. 2393
Grallath, S. 6559
Grama, A. 8593
Grami, A. 5449
Grams, R. A. 997
Granado, J. D. 1791
Grandbastien, M. A. 12543
Grandillo, S. 1131, 11115
Grandis, S. A. de 2731
Grando, M. S. 557, 559
Grando, S. 174, 1045, 2881
Grané, N. 10094
Grané-Teruel, N. 1539, 6764-6765
Granell, A. 6436
Graner, A. 959, 2889, 3940, 6080, 7428, 8599, 9552, 11967
Granett, J. 12679
Granetti, B. 8401
Granger, A. R. 1444, 6684
Granger, C. L. 2192
Granobles, J. C. 2145
Granot, D. 12532
Grant, C. A. 2000
Grant, D. 11984
Grant, J. 5394
Grant, J. E. 3109
Grant, M. R. 8052
Grant, N. J. 541, 4418
Grant, S. 2051
Grant, S. G. 11652
Grant, S. R. 3715
Grapin, A. 1507
Gras, P. 3866, 11878
Grassi, G. 402, 6723
Grassotti, A. 800, 11530
Gratapaglia, D. 6499
Grattapaglia, D. 1662
Gratton, W. S. 11502
Grau, A. 2262
Grau, J. M. 2576
Grauke, L. J. 1540, 5660
Grausgruber, H. 2860, 5027, 7407
Graves, B. 12489
Graves, J. B. 2553, 4619
Gravois, K. A. 2078
Gray, A. J. 2133, 12502
Gray, D. 2697
Gray, D. J. 6713
Gray, G. 6936
Gray, J. C. 5966, 6938, 7251, 9091, 9829, 9835, 11720, 11765
Gray, J. E. 4577, 10224
Gray, M. W. 8451
Gray, S. 10736
Gray, S. M. 11926
Gray, W. M. 10541, 11687
Gray-Mitsumune, M. 8206
Graybosch, R. A. 4974, 7420, 8572, 11846, 11873
Grayer, R. J. 4925
Graziano, M. 8567
Graziano, S. 11304
Graznak, S. 9463
Grazzini, R. A. 12910
Grebenok, R. J. 1839
Grebenstein, B. 3044
Greco, C. I. 3409
Greco, R. 1827
Greef, B. de 739, 2579, 4651, 8208
Greef, J. M. 9628
Greef, W. de 5992
Green, A. G. 727, 8171, 9112
Green, D. E., II 4104, 12285
Green, P. J. 683-684, 3759
Green, R. 10917
Green, R. M. 4856, 6008
Green, T. G. A. 7869-7870
Greenberg, J. T. 1874
Greene, A. E. 11136, 11926
Greene, D. W. 2330
Greene, S. L. 11667, 12315
Greene, T. W. 403, 9275
Greenfield, R. G. 9729
Greenfield, S. M. 5929
Greenland, A. 1066
Greenland, A. J. 1612, 2368, 3699
Greenplate, J. 11433
Greenwood, J. 11258
Greenwood, M. S. 5825, 8262, 11495
Greet, A. D. 672
Greffier, L. 2454
Gregersen, P. L. 1046
Gregerson, R. G. 10937
Gregori, C. 3649
Gregorius, H. R. 8216
Gregory, B. D. 4884, 6018
Gregory, P. 1342
Gregová, E. 6159, 10624
Greilhuber, J. 1900, 1916, 9931, 12345
Greiner, S. 12451
Greinwald, R. 9165
Grellmann, E. O. 1494
Grenan, S. 1493
Greppin, H. 11036, 11164
Gressel, J. 11685
Gresshoff, P. M. 1267, 8773, 8797, 9269, 10956
Greub, L. J. 4111
Greuter, W. 945
Grewal, M. S. 11982
Grewal, R. P. S. 8669
Grewal, S. 9215
Grewal, T. S. 5038
Grey, W. E. 9212
Grey-Wilson, C. 10373
Grezes-Besset, B. 11296
Gridneva, N. M. 8643
Grienenberger, J. M. 5965, 11723
Griensven, L. J. L. D. van 4788, 8391
Grierson, D. 473, 1919, 8886, 9969, 11660
Griesbach, E. 12512, 12540, 12908
Griesbach, R. J. 1737, 1755, 4744
Grieve, C. M. 5951
Grieve, T. M. 5528
Grif, V. G. 1638, 1895, 8332
Griffey, C. A. 11869
Griffin, W. B. 6099
Griffith, M. E. 10533
Griffiths, D. W. 8824
Griffiths, G. 12447
Griffiths, S. 5173
Griga, M. 5378, 5390
Grignon, N. 3533
Grigoryev, S. V. 2561, 5796
Grijalba, P. 3090
Grill, E. 54, 1842
Grillo, G. 5971
Grillo, G. S. 2399
Grillo, S. 1822
Grima-Pettenati, J. 4631, 11709
Grimanelli, D. 3665
Grime, J. P. 1897
Grimm, B. 7308, 11379, 12820
Grimm, C. 2782
Grimm, M. 2518
Grimm, R. 6473
Grimme, L. H. 5064, 8605
Grimmig, B. 3598, 10446
Grimsley, N. H. 6574
Grini, P. E. 4865
Grisafi, P. 4904
Grisvard, J. 7881
Griveau, Y. 11291
Grivet, D. 12892
Grivet, L. 1565, 11797, 12764
Grob, T. 7427
Grobet, P. J. 1967
Grochowski, L. 11974
Grodzinski, B. 11380
Groen, L. E. 11577
Groenendijk, J. 6580
Grof, C. P. L. 1588-1589, 8447
Gröger, S. 116
Groh, S. 8622
Grohmann, L. 6930
Grønlund, M. 9807
Grönroos, R. 9404
Groot, N. de 5972
Groot, P. W. J. de 4788, 8391
Grosdemange, F. 8071
Grosjean, F. 5374, 6440-6441
Gross, J. 283
Grosser, J. W. 2424, 4476-4477, 8020
Grosset, J. 9618
Grossi, C. 782, 5847
Grossi, M. 2886, 7447
Grossnickle, S. C. 7025, 7029
Grossniklaus, U. 2755, 2923
Grote, K. 2762
Groten, J. A. M. 3978
Grotewold, E. 11747, 11997, 12047, 12069
Groth, D. 5208
Grover, A. 2116, 2720, 2720, 6940, 9250, 9250, 9708
Grover, H. 11732
Grover, M. 271
Grsic, S. 1858
Grubb, P. J. 5
Gruber, P. 10417
Gruber, V. 9354
Grudina, R. 8875
Gruissem, W. 4351, 7109, 7310, 9963
Grum, M. 2276, 3368
Grünanger, P. 2659, 10406
Grundy, B. 3666
Grundy, W. N. 6541
Grüneberg, W. J. 2262-2263
Grüntzig, M. 4410, 5580, 12636, 12640
Grusak, M. A. 9366, 11664
Gruszecka, D. 2011
Grzyb, Z. 8975
Grzyb, Z. S. 8946, 8950, 8962, 9228
Gu, G. B. 266, 4981
Gu, H. 8999
Gu, H. P. 6402, 7728
Gu, H. Y. 11128
Gu, J. H. 5481
Gu, J. T. 117
Gu, K. Y. 4600, 12178
Gu, L. S. 2070, 2074, 5159
Gu, M. F. 266
Gu, M. H. 254, 3018, 5178, 5182, 5189, 12230
Gu, Q. M. 5298
Gu, S. L. 5171
Gu, W. C. 4649, 11469
Gu, W. H. 507
Gu, X. 2870
Gu, X. Y. 7611
Gu, X. Z. 346, 5304, 5332
Gu, Y. 357
Gu, Y. C. 1117
Gu, Y. H. 9775
Gu, Y. Q. 490, 1090, 12534
Gu, Y. Z. 5111
Gu, Z. H. 8361
Gu, Z. J. 1703, 7040
Gu GenBao 266, 4981
Gu HePing 6402, 7728
Gu Hong 8999
Gu HongYa 11128
Gu JianHui 5481
Gu JunTao 117
Gu KeYu 4600, 12178
Gu LaiShun 2070, 2074, 5159
Gu MinFeng 266
Gu MingHong 3018, 5178, 5182, 5189, 12230
Gu MinHong 254
Gu QiMin 5298
Gu ShiLiang 5171
Gu WanChun 4649, 11469
Gu WeiHong 507
Gu XingYou 7611
Gu XiuZhi 346, 5304, 5332
Gu YeonChung 1117
Gu Ying 357
Gu YiQing 1090
Gu YongQiang 490, 12534
Gu YueHua 9775
Gu ZengHui 8361
Gu ZhiJian 1703, 7040
Gualberti, G. 6926
Gualberto, D. G. 132
Gualberto, J. M. 11723
Guan, C. H. 1863, 2766
Guan, C. Y. 589, 6791
Guan, H. 8645
Guan, H. P. 8645
Guan, H. X. 2974
Guan, J. F. 8907
Guan, L. Q. 6212
Guan, P. C. 5504
Guan ChangHui 1863, 2766
Guan ChunYun 589, 6791
Guan HanPing 8645
Guan HeXin 2974
Guan JunFeng 8907
Guan LingQiang 6212
Guan PeiCong 5504
Guang, W. 6026
Guang Wu 6026
Guarda, G. 3152
Guardiola, J. L. 3654
Guarienti, E. M. 10602
Guarín, S. 3161
Guarino, L. 2510, 9238
Gubanova, N. V. 4222
Guberac, V. 5015, 9424, 9475
Gubin, E. N. 555
Gubler, F. 2875, 6323
Güçlü, J. 11378
Gudkovskiĭ, V. A. 8906
Guedeney, G. 9104
Guedes, A. R. 10176-10177
Guedes, M. L. S. 12897

Guedes-Lafargue, M. R. 3650
Guedes-Pinto, H. 953, 4943, 6079
Gueguen, C. 9354
Guéguen, J. 4220, 5375
Guelemerov, S. 1630
Güemes, J. 10335
Guen, J. le 5348
Guénet, Y. 32
Guenoune, D. 12350
Guenter, W. 11266
Guérif, P. 8925
Guérin, B. 1823
Guérin, D. 6197
Guerin, G. 12672
Guérin, L. 2251
Guerineau, F. 4858
Guerinot, M. L. 6038, 9370
Guerra, E. P. 9785
Guerra, M. 3134, 4756, 7274, 12477
Guerra, V. Q. de 12130
Guerra Izquierdo, M. 7356, 7359, 7362
Guerreiro Filho, O. 4564
Guerrero, J. L. 8653-8655
Guerrier, G. 484
Guerriero, R. 11189
Guerzoni, R. A. 4165
Guetta, E. 2286
Guevara, C. 3181
Guevara, P. 3986
Guevara-García, A. 2520
Guevara-García, A. A. 1911
Gugel, R. K. 1555, 1557
Gugerli, P. 7980
Guggenberger, S. 2375
Guggenbuehl, B. 5573
Guh, J. O. 9107
Guha, A. 2508
Guha, C. 7754, 9365
Gui, C. 5314
Gui, F. 4649, 11469
Gui, S. X. 10261
Gui Chen 5314
Gui Fu 4649, 11469
Gui ShuXiang 10261
Guibert, D. 993
Guiderdoni, E. 2082, 9429
Guidi, C. 8393
Guidi, L. 9134
Guidolin, A. F. 6424, 10970
Guiducci, M. 9703
Guilford, P. 6633
Guilfoyle, T. 948
Guilfoyle, T. J. 4846, 7261, 11752
Guillemette, R. J. D. 6388-6390
Guilleminot, J. 3726, 9354
Guillén, P. 2381
Guilleroux, M. 9972
Guillet, J. M. 2494
Guilley, H. 2501, 6944
Guillin, E. 2894
Guilloteau, A. 5265
Guiltinan, M. J. 2910, 8632, 10213
Guimarães, C. T. 8102, 9059
Guimarães, F. B. 4004-4006, 12158
Guimarães, M. 8406
Guimaraes, P. E. O. 9626
Guinberteau, J. 849
Guingo, E. 6273
Guis, M. 2381, 3256
Guitián, J. 1784
Guitián, P. 1784
Gül, M. K. 1926
Gülcan, R. 6730, 10061
Guldmann, L. L. 12397
Gülen, H. 6693
Guleria, S. K. 5037
Güleryüz, M. 8977
Gull, T. 10999
Gullberg, U. 7001
Gülümser, A. 942, 1076
Gulya, T. J. 6861
Gulzar Ahmad 141
Guma, I. R. 6326
Gumber, R. K. 2053, 6409
Gunasekaran, M. 11010
Gund, C. 11732
Güneş, A. 7618
Gunn, N. 11780
Gunning, B. E. S. 2763
Guo, A. P. 8192
Guo, B. D. 2543
Guo, B. H. 1942, 9454
Guo, B. T. 5108
Guo, B. Z. 12138
Guo, C. C. 6667
Guo, C. F. 8101
Guo, C. Z. 4600
Guo, D. P. 6801
Guo, F. L. 4973, 7483
Guo, G. Q. 3617
Guo, H. 6695, 7417
Guo, H. M. 709
Guo, H. S. 12823
Guo, H. W. 11768
Guo, J. H. 10244
Guo, J. L. 9601
Guo, J. Y. 5594, 7971
Guo, J. Z. 5556, 6596, 7905
Guo, L. C. 7961
Guo, L. P. 1647
Guo, L. W. 3915
Guo, P. 9795
Guo, Q. 4653, 9601
Guo, Q. Y. 8089
Guo, Q. Z. 3551
Guo, S. D. 2555, 4601, 8159, 12849, 12857
Guo, S. F. 8626
Guo, T. 7696
Guo, T. C. 6104
Guo, W. W. 6744, 8007, 8014
Guo, W. Z. 6971, 10247
Guo, X. D. 7833
Guo, X. L. 6576, 8900
Guo, X. M. 6950
Guo, X. P. 6962
Guo, X. Q. 196, 6874
Guo, Y. 6578
Guo, Y. C. 294
Guo, Y. H. 2584
Guo, Z. C. 1690
Guo, Z. F. 374
Guo, Z. H. 353
Guo, Z. Y. 7340
Guo AnPing 8192
Guo BaoDe 2543
Guo BaoTai 5108
Guo BeiHai 1942, 9454
Guo ChangCheng 6667
Guo ChangZuo 4600
Guo ChenFu 8101
Guo DePing 6801
Guo FengLi 4973, 7483
Guo HengMin 709
Guo Hong 6695
Guo HongWei 11768
Guo HuiShan 12823
Guo JiaZhen 5556, 7905
Guo JiaZheng 6596
Guo JieHua 10244
Guo JingLun 9601
Guo JiYing 5594, 7971
Guo LiChun 7961
Guo LingWei 3915
Guo LiPing 1647
Guo Pei 9795
Guo Qiang 9601
Guo QingYuan 8089
Guo QingZheng 3551
Guo Qun 4653
Guo SanDui 2555, 4601, 8159, 12849, 12857
Guo ShuFen 8626
Guo Tai 7696
Guo TianCai 6104
Guo WangZhen 6971, 10247
Guo WenWu 8014
Guo XiangMo 6950
Guo XiaoDing 7833
Guo XiaoPing 6962
Guo XiaoQiang 196
Guo XingQi 6874
Guo XiuLin 6576
Guo XueLan 8900
Guo Yong 6578
Guo YouHao 2584
Guo YuChun 294
Guo ZhiHua 353
Guo ZhiYuan 7340
Gupta, A. 2862
Gupta, A. K. 3021, 3118, 5045
Gupta, A. P. 2669
Gupta, C. G. 12571
Gupta, H. S. 3001, 6279, 12197
Gupta, I. C. 10144
Gupta, K. R. 10831
Gupta, M. D. 2655
Gupta, M. G. 8750
Gupta, M. K. 375, 2211
Gupta, M. M. 2669, 11579
Gupta, P. 1771, 4231, 11901, 12364, 12439
Gupta, P. K. 2843, 5947, 9850, 10575, 11655, 11834, 11868
Gupta, R. 3858, 3897, 6016
Gupta, R. K. 5837
Gupta, R. P. 5433
Gupta, S. 1578, 3014, 4151, 8750, 10849, 10860, 10924, 12299
Gupta, S. C. 10100
Gupta, S. D. 6243, 8677
Gupta, S. K. 3442, 8800, 10100, 11339
Gupta, S. K. D. 1301
Gupta, S. R. 12299
Gupta, T. C. 9640
Gupta, T. D. 5718
Gupta, T. R. 10128
Gupta, U. S. 5731
Gupta, V. 9530
Gupta, V. P. 3117, 7766
Gupta, V. S. 148, 3005, 5214, 7345, 9858, 11003, 11714, 11817
Gupta, Y. 3875
Gupton, C. L. 4452
Gürcan, Ş. T. 585
Gurdeep Kaur 4618
Gürel, E. 678, 6851, 8059
Gürel, F. 11336
Gürel, S. 678
Gurley, W. B. 4844
Guru, S. K. 1161
Gurumurthi, K. 10288
Gusakovskaya, M. A. 4977
Guseva, N. 3696
Gus'kov, E. P. 8061
Gusta, L. V. 10631
Gustafson-Brown, C. 10536
Gustafsson, P. 7258
Gustavsson, N. 8502
Gustine, D. L. 407, 7682, 12166
Gut, M. 6140, 10634
Guteva, Y. K. 12314
Gutezeit, B. 9949
Gutierres, S. 1615, 12809
Gutiérrez, C. 7417, 10472, 10699
Gutierrez, C. 11847
Gutiérrez, E. D. R. 9499
Gutiérrez, J. C. 6969
Gutierrez, M. 8837
Gutierrez Afonso, V. L. 11217
Gutiérrez C., M. L. 3099
Gutiérrez-Nava, M. L. de la 2022
Gutierrez-Pesce, P. 11309
Gutiérrez Sánchez, J. R. 8662
Gutmann, M. 6661
Gutteridge, R. C. 9780, 10468
Gutteridge, S. 4576, 8139
Gutterman, Y. 9564
Guttieri, M. J. 8845, 12717
Guttman, D. S. 11652
Gutunoiu, A. 3252
Guy, C. L. 4338
Guy, S. 3979
Guy, S. O. 3826
Guye, A. 1470, 4442
Guyer, D. 4874, 4874
Guyon, A. 37, 2754
Guyot, B. 3506, 6917
Guyot, J. 4628
Guzina, V. 3560
Guzman, C. A. 354
Guzman, N. de 8219
Guzman, P. S. 6202
Gwag, J. G. 295, 8096
Gwag, J. K. 8116
Gwag JaeGyun 295, 8096
Gwag JaeKyun 8116
Gwanama, C. 510
Gy, I. 7233, 7236
Gyanendra Singh 5448
Gyorgyey, J. 9749
Győri, Z. 7500
Gysel, A. van 7997
Gyulai, G. 9532, 12564
Ha, H. J. 8129
Ha, K. Y. 7543-7544
Ha, S. 10189
Ha, S. B. 10551
Ha, Y. M. 562, 6719, 11523
Ha, Y. W. 1023-1026, 7455
Ha HyunJung 8129
Ha KiYong 7543-7544
Ha Sen 10189
Ha SukBong 10551
Ha YongWoong 1023-1026, 7455
Ha YooMi 562, 6719, 11523
Haake, V. 5467
Haan, R. L. de 4130
Haan-Archipoff, G. 11525
Haanstra, J. P. W. 491, 12525
Haas, J. M. de 8892
Haas, K. 6270
Haas, R. J. 7665
Haasen, D. 11738
Habash, D. 9094
Habegger, R. 416
Haberer, G. 1844
Haberlach, G. T. 8834
Haberle, J. 956
Habermeyer, J. 4294
Habib, G. 992
Habu, Y. 2631, 5455
Habutsu, S. 1480-1481
Hackauf, B. 4249
Hacker, J. B. 7649
Hackett, C. A. 4310
Hackett, R. 8886
Hackett, W. P. 2528, 12875
Hada, M. 7855
Haddad, O. 4475
Hadfield, K. A. 947
Hadi, T. S. 11481
Hadidi, A. 12985
Hadjichristodoulou, A. 5708, 9542
Hadley, P. 2368
Haecker, A. 3743
Haegeman, J. 4688
Hafeez-Ur-Rahman 1640
Hafeez-ur-Rahman 9115
Hafele, Y. 8533
Hafner, P. 4458
Hafskjold, R. 6124
Hagan, A. 5846
Hage, T. 12910
Hagen, G. 948, 4846, 7261, 11752
HagenBeek, D. 9007
Häger, K. P. 765
Hägg, M. 10044, 10465
Häggman, H. 2593
Häggman, H. M. 1682, 2592, 8260
Hagidimitriou, M. 1567
Hagio, T. 881, 9419
Hägnefelt, A. 4312, 4337, 4339
Hahlbrock, K. 905, 4778
Hahn, H. 1552, 12283
Hahn, N. 11488
Hahn, S. J. 6518
Hahn, T. R. 343, 595, 8725
Hahn, V. 8068, 11295
Hahn SangJung 6518
Hahn TaeRyong 343, 8725
Haïcour, R. 7287, 7998
Haidar, Z. A. 5674
Haider, Z. A. 5677
Hajdu, E. 3330, 3658
Hajduch, M. 5309
Hajdukiewicz, P. T. J. 12442
Haji, T. 5581, 6691, 8983, 12641

Hajika, M. 3085
Hajirezaei, M. 9099
Hake, S. 11382, 11702, 12056-12057, 12081
Hakerlerler, H. 11224
Hakim, M. S. 10647
Häkkinen, U. 10044
Hakoda, N. 534, 1480-1481, 9178
Hakoyama, S. 12781
Hakulinen, J. 11459
Halafihi, M. 2264, 3197
Haldeman, J. H. 5842
Haldimann, P. 219, 10717
Haldrup, A. 2738, 4894, 8484
Haley, C. S. 80, 936
Haley, S. D. 3827-3828, 6141, 7380
Halgryn, H. 8911
Halila, H. 5430
Halimi, E. S. 320
Halkier, B. A. 2465
Hall, A. E. 52, 3734, 12426
Hall, B. D. 11793
Hall, J. L. 6876, 12757
Hall, L. N. 1072
Hall, R. 11042
Hall, R. D. 8109
Hall, T. 691
Hall, T. C. 2964, 9818, 10464, 11364
Hall, T. J. 10939
Hallahan, D. L. 6093
Hallard, D. 3528
Hallauer, A. R. 2931, 3951, 6199-6200
Halldén, C. 2491
Hällgren, J. E. 11505
Halliday, K. J. 5191, 6023, 7260
Halloin, J. M. 6908, 12785
Halloy, S. R. P. 5860
Halpin, C. 4828, 9278
Halseth, D. E. 5457
Ham, R. W. J. M. van der 1362
Hamachi, Y. 5161
Hamada, S. 12975
Hamada, T. 1625
Hamaker, B. R. 230, 232, 5142
Hamal, A. 3727, 11254
Hamama, A. A. 12330
Hamamoto, Y. 9923
Hamann, A. 10307
Hamann, O. J. 2696
Hamauzu, Y. 8941
Hamblin, J. 4804, 5283
Hamburger, A. J. 10749
Hamburger, D. 1247
Hamdi, S. 4769
Hamel, P. 7240
Hamester, W. 8422
Hamid, A. 141
Hamill, J. D. 4636, 8753
Hamill, S. D. 2407
Hamilton, A. J. 473
Hamilton, C. M. 9961
Hamilton, D. 3534
Hamilton, D. A., Jr. 12890
Hamilton, R. I. 2926, 8639
Hamity, M. G. A. de 12130
Hammatt, N. 541, 4418
Hammer, K. 454, 2801, 3813, 3815, 5941, 6059, 10447, 12512
Hammerschlag, F. 3266
Hammerschlag, F. A. 2357, 7975
Hammes, P. S. 3166, 6488
Hammett, K. 12913
Hammett, K. R. W. 8331
Hammond, E. G. 351, 12349
Hammond, R. B. 7731, 12374
Hammond-Kosack, K. 1390
Hammond-Kosack, K. E. 4592
Hammond-Kosack, M. 11836
Hamon, P. 227, 3998, 7834, 11797
Hamon, S. 6917, 8071, 8117, 10159, 11797
Hampson, C. 8917
Hampson, C. R. 10012-10014
Hampton, J. G. 313
Hamrick, J. L. 7948
Hamzah, S. 10273-10274
Han, B. H. 804
Han, C. F. 10799
Han, C. G. 9938
Han, F. 1030, 5076, 6167, 9563
Han, F. P. 1940, 7353
Han, F. X. 7788
Han, H. S. 5244
Han, J. H. 1944, 8087
Han, J. M. 1413
Han, K. C. 9196
Han, K. H. 5797-5799, 11454
Han, L. X. 9003, 12654
Han, M. L. 3358
Han, O. S. 9107
Han, S. J. 5187
Han, S. S. 8817
Han, T. F. 1268
Han, T. H. 7111
Han, T. J. 826
Han, T. L. 11163
Han, W. Y. 7753
Han, X. M. 2546, 7517, 10249
Han, Y. 7541
Han, Y. F. 5801
Han, Y. H. 473
Han, Y. P. 5499
Han, Y. Z. 7483
Han, Z. H. 7616
Han, Z. J. 1083
Han BongHee 804
Han CanGong 9938
Han ChunFeng 10799
Han FangPu 1940, 7353
Han FenXia 7788
Han HakSuk 5244
Han JianMing 1413
Han JingHua 1944
Han JongHwan 8087
Han KyungChul 9196
Han KyungHwan 5797-5799, 11454
Han LiXing 9003, 12654
Han MeiLi 3358
Han SangJun 5187
Han TaeJin 826
Han TaiLi 11163
Han TianFu 1268
Han WonYoung 7753
Han XiangMing 2546, 10249
Han XueMei 7517
Han YiFan 5801
Han Yong 7541
Han YongPing 5499
Han YuanHai 473
Han YuZhen 7483
Han ZhaoHong 7616
Hanada, K. 7726
Hanamaratti, N. G. 9691
Hanchinal, R. R. 1014-1015, 9566
Hancke, F. L. 797
Hancock, J. 2365, 4728
Hancock, J. F. 6706, 7301, 11201-11202
Hancock, J. T. 1826, 2740
Hancock, K. R. 213
Handa, A. K. 477
Handa, H. 5666, 9505
Handa, T. 2611, 8284
Handberg, K. 325
Handel, C. L. 8620, 10682
Handelsman, J. 4206, 6396
Handique, R. 9078
Handley, J. A. 673
Handley, L. 5370
Handley, P. N. 11245
Handley, V. 8155, 8890, 12822
Handoo, J. K. 12198-12199
Hanelt, P. 436, 7845
Hang, A. 2877, 6158
Hang, A. N. 2200, 2204, 4214, 7751
Hang, C. 2610
Hang Chao 2610
Hanh Le 979
Haniš, M. 4958
Hanišová, A. 4958, 8566
Haniuda, T. 2380
Hanke, A. 416
Hanley, S. Z. 9277
Hanna, W. 8748
Hanna, W. W. 234, 1105, 5244, 10770, 10780, 12162, 12166
Hannachi, A. S. 12306
Hannah, L. C. 8635
Hannan, R. 7748
Hannappel, U. 1379
Hanneman, R. E., Jr. 401, 11587
Hannerz, M. 11504
Hannon, M. 6006-6007
Hannoufa, A. 902
Hannrup, B. 3577, 10320
Hannweg, K. 8009
Hänsch, R. 7422
Hanselle, T. 10995
Hansen, A. C. 10911
Hansen, C. R. 11501
Hansen, G. 9282, 12982
Hansen, J. K. 7027-7028, 11506
Hansen, J. L. 6095
Hansen, K. 852
Hansen, L. N. 3221
Hansen, M. 6439, 9071
Hansen, N. 11070
Hansen, N. J. P. 974, 7374
Hansen, U. P. 10552-10553
Hanson, A. D. 2536
Hanson, J. 6315, 7637
Hanson, L. 4633
Hanson, M. R. 9189
Hanson, P. 468
Hanson, R. E. 1636
Hansson, A. 5069
Hansson, B. S. 10401
Hansson, M. 1995, 5069
Hantke, S. 2051
Hanumappa, M. 6166
Hanušová, R. 3807
Hany, V. 12750
Hanzawa, H. 1852
Hao, C. C. 10242
Hao, G. X. 130
Hao, L. 9307
Hao, S. 1940, 7353
Hao, X. M. 5498
Hao, Z. R. 7216
Hao ChunCai 10242
Hao DongYun 3521
Hao GuiXia 130
Hao Shui 1940, 7353
Hao XiuMing 5498
Hao ZhengRong 7216
Happel, N. 9313
Haq, A. U. 7786
Haq, N. 10862
Haque, M. F. 10833
Haque, M. S. 4325
Hara, M. 8006
Hara, R. 8326
Hara, T. 4061, 7821, 11046, 12181
Hara-Nishimura, I. 4903, 9287, 10539
Harada, E. 10549
Harada, H. 302, 3178-3179, 8460, 10577
Harada, J. J. 1903, 6006-6007
Harada, K. 6271, 9695, 12188
Harada, T. 6635, 7711, 12517
Harada, Y. 3776
Harakava, R. 2426-2427, 4482
Haralampidis, K. 5705, 10164
Harasawa, N. 9923
Harbaugh, B. K. 8301
Harberd, N. P. 2764, 6031, 10587
Harbord, R. M. 3611
Harch, B. D. 5707
Hardegger, M. 4315, 12343
Harder, D. E. 2006
Harder, L. D. 3777, 6050
Hardin, S. C. 191
Harding, A. H. 6063
Harding, K. 4257
Harding, R. M. 673
Härdling, R. 4927
Hardner, C. 8198
Hardy, A. 1246, 10914
Hardy, R. W. 6077
Hardy, R. W. F. 12993
Hare, J. D. 7139, 12957
Hare, P. D. 4906
Hareland, G. A. 8621, 9492
Harger, C. 5964
Hari Singh 7893
HariHar Ram 12361
Haripriya, C. V. 9046
Haripriya, K. 8383
Haris, W. A. A. 12438
Haritha, V. 12756
Harjit Singh 5038
Harkal, S. R. 3011
Harkins, D. M. 3579
Harley, E. H. 10880
Harling, H. 5758
Harman, G. E. 2243
Harmon, M. 11512
Harms, H. 2506, 10206
Harms, K. 3553
Harn, C. H. 7798, 10221
Harn CheeHark 7798
Härndahl, U. 8502
Haro, A. de 6824
Harp, T. K. 351
Harper, J. A. 4097-4098
Harper, J. E. 6401
Harper, J. F. 6030
Harper, L. 9611
Harper, R. M. 3741
Harpold, M. 5964
Harpster, M. H. 4346, 4453
Harries, H. C. 3402, 3457
Harrington, S. 7614
Harris, C. H. 11869
Harris, J. W. 6708
Harris, N. 1999, 8832
Harris, P. J. C. 5810
Harris, P. S. 5933
Harris, S. 4657
Harris, S. A. 2156, 6647
Harris, W. K. 8293
Harrison, G. 11933
Harrison, G. E. 3908
Harrison, H. C. 7743, 8357
Harrison, H. F. 1402
Harrison, J. M. 6694
Harrison, K. 1390, 2305, 4592, 5532
Harrison, M. J. 3792, 7678
Harrison, R. E. 6706
Harrison, S. 8726
Harrison, S. A. 11885, 11969
Harriss, F. C. L. 9214
Harsh Mehta 2863
Harshemesh, H. 11306
Harsulkar, A. M. 11003
Hart, C. 1066
Hart, C. A. 11362
Hart, G. E. 10473, 10735, 10737
Hart, T. C. 11667, 12315
Hartana, A. 3183
Härtel, H. 8486, 10529
Harter, K. 11769
Hartings, H. 7987, 11988
Hartl, L. 8588
Hartley, N. M. 10587
Hartman, F. C. 1369
Hartman, G. L. 5328
Hartman, J. B. 4366
Hartman, T. P. V. 4633, 5905
Hartmann, C. 11246
Hartmann, S. 175
Hartmann, U. 905
Hartmann, W. 1437-1438, 3283, 8953, 8970, 12642, 12649
Hartnell, J. 3665
Hartung, F. 11740
Hartvig, P. 4738
Hartweck, L. M. 6355
Hartwell, J. 11985
Hartwig, E. E. 1263
Hartwig, U. A. 4
Haruki, H. 7932
Haruki, K. 802
Harvey, A. 8693
Harvey, A. J. 111, 1062
Harvey, B. M. R. 1339
Harvey, R. G. 12150

Harvey, T. L. 7399
Harwood, J. L. 5922
Harwood, W. A. 8693
Haryanto, T. A. D. 2056-2057, 7524
Harzic, N. 5264-5265, 5267, 9768, 10925, 12323
Hasan, A. 3450
Hasan, S. 58, 9461
Hasan Tanveer 11608
Hase, S. 12629
Hase, T. 1610
Hasebe, K. 11633
Hasebe, M. 12980
Hasegawa, A. 272
Hasegawa, K. 9088, 9437
Hasegawa, P. M. 2779, 3520
Hasegawa, S. 11230
Hasenkampf, C. A. 4751
Hasenstein, K. H. 9970
Hash, C. T. 975, 1106, 2064, 10772, 10781
Hashemi-Dezfouli, A. 5086
Hashiba, T. 3722
Hashimoto, A. 5753
Hashimoto, G. 2641, 5863, 5865, 8326
Hashimoto, J. 4035
Hashimoto, K. 10946
Hashimoto, R. Y. 5523
Hashimoto, T. 1845, 3529, 7257, 7855, 9314, 10420, 10427, 10703-10704
Hashimoto, W. 7610
Hashimoto, Y. 9876
Hashino, Y. 12176
Hashizume, H. 741
Hashizume, K. 3529
Haskal, A. 11306
Haskell, D. W. 4338
Haslberger, A. G. 4930
Haslett, S. J. 313
Hassa, P. 58
Hassall, A. K. 1497
Hassan, A. A. 5560
Hassan, G. 9579
Hassan, M. F. 992
Hassan, M. S. 12406-12407
Hassan, S. 412
Hassanein, E. E. 8780
Hassawi, D. S. 11932
Hasselt, P. R. van 9978
Hassen, H. 6345
Hasumi, A. 9928
Hata, S. 1074, 8641, 9608, 10583
Hatakeyama, K. 3429
Hatanaka, T. 4563
Hatano, S. 10814
Hatano, T. 1127
Hatch, A. H. 12660
Hatchett, J. H. 1987, 3827-3828
Hatey, F. 10491
Hatipoğlu, R. 2848
Hatley, E. O. 4168-4170
Hatton, D. 9829
Hatton, J. 7039
Hattori, J. 5682
Hattori, K. 4325
Hattori, M. 8848
Hattori, T. 8424, 9676
Hatzack, F. 3927
Hatzfeld, Y. 6000
Hatzios, K. K. 9718
Hatzixanthis, K. 1390, 2305
Hatzopoulos, P. 1567, 5705, 10164
Hau, B. 9116, 11004
Hauer, D. 9065
Haughn, G. W. 8465, 9330
Haukioja, E. 2568
Haunold, A. 12976-12977
Haupt, S. 1856
Haupt, W. 1844, 2699
Haurogné, K. 1297-1298
Hauschild, R. 11023
Hause, B. 5063
Hause, G. 1552
Hauser, B. A. 3737
Hauser, M. T. 888
Hauser, T. P. 597, 4503-4504, 8047
Häusler, R. E. 11028, 12444
Hausman, J. F. 10434, 11036
Hausner, G. 3554, 6978, 12860
Haussmann, B. I. G. 5138
Havaux, M. 3724, 3902, 8488, 10544
Havel, J. 8097
Havel, L. 9142
Havelda, Z. 8153
Havey, M. J. 5489, 9933, 12497
Havlíčková, H. 3807
Havstad, L. T. 8744
Haware, M. P. 11005
Hawes, C. R. 5984
Hawes, M. C. 4218, 10987
Hawf, L. 11444
Hawk, J. A. 11980
Hawkes, J. G. 6058
Hawkins, B. J. 10329
Hawkins, C. D. B. 1661, 9125, 10280
Hawkins, G. P. 625
Hawkins, J. A. 2156
Hawkins, S. 10294
Hawksworth, D. L. 945
Hay, A. 2664, 5487
Hay, A. J. 845
Hay, R. K. M. 97
Hayakawa, T. 7553, 7579
Hayasaka, H. 9705, 10870
Hayashi, H. 821, 1167, 1411, 1872, 5226, 5295, 5758, 8500, 8729, 9361
Hayashi, K. 2212, 11372
Hayashi, M. 1411, 4383, 5455, 9287, 11756
Hayashi, N. 12253
Hayashi, T. 2212, 2344-2345, 4602, 4607, 6690, 7271, 8469, 10297, 10556
Hayashi, Y. 7579
Hayashida, N. 1614, 4850, 11477, 11724
Hayden, A. 628
Haydock, P. P. J. 8411
Hayek, B. 8751
Hayes, J. E. 10893
Hayes, P. M. 5076, 6168, 7429, 8613
Hayes, T. R. 11265
Haynes, J. L. 12684
Haynes, K. G. 411, 492
Hays, D. B. 6817
Hayward, M. D. 1216, 2133, 4097, 7288, 7669, 8741
Haywood, V. 9289
Hazanovsky, M. 12460
Hazard, L. 7660
Hazebroek, J. 7312
Hazekamp, T. 9230
Hazra, C. R. 9652
Hazra, S. 1643
Hazzam, H. 2881
He, B. 982
He, B. Z. 539
He, C. 901, 8869
He, C. X. 2104, 7343, 7581, 12221
He, D. 12726
He, D. Z. 9323
He, F. Y. 7540
He, G. C. 1180, 4028, 7582
He, G. G. 3004
He, G. H. 2099
He, G. Y. 2810, 7376, 9440, 11878
He, H. 3358
He, H. H. 2983, 12192
He, J. B. 5036, 10641
He, J. M. 10608
He, J. X. 164, 3929
He, L. L. 6891
He, M. 4074
He, M. Y. 475, 1940, 7353, 7890
He, P. 2971, 6289, 9671
He, Q. F. 12395
He, Q. R. 1165
He, R. J. 2422
He, S. A. 2707
He, S. C. 6891
He, S. L. 502
He, S. S. 2074
He, W. 2065
He, W. L. 5036
He, W. Q. 5018
He, X. P. 10265
He, X. Y. 7609, 9667, 12881
He, Y. 1179, 2436
He, Y. K. 1194, 1196
He, Y. Q. 259, 2974
He, Y. X. 2169
He, Z. C. 2871, 7952
He, Z. H. 291, 762, 2120, 5223, 6297, 9323, 9713, 11915, 12246
He, Z. L. 8138
He Bing 982
He BiZhu 539
He ChenXia 7343
He CiXin 2104, 7581, 12221
He DaoYao 2962, 7559
He DeZe 9323
He FangYin 7540
He GuangCun 1180, 4028, 7582
He GuangHua 2099
He GuanGuon 3004
He HaoHua 2983, 12192
He Hong 3358
He JiaBi 5036, 10641
He JueMin 10608
He JunXian 164, 3929
He LiLian 6891
He MengYuan 475, 1940, 7353, 7890
He Min 4074
He Ping 2971, 9671
He QingFang 12395
He QingRui 1165
He RongJun 2422
He ShanAn 2707
He ShuiLin 502
He ShunChang 6891
He ShunShen 2074
He Wei 2065
He WenLan 5036
He WenQin 5018
He XiaoYuan 9667
He XiuYing 7609
He XueYou 12881
He XuPing 10265
He YuanKang 1194, 1196
He YunXia 2169
He YuQing 259, 2974
He ZhaoHeng 762
He ZhengChao 7952
He ZHengHui 9323
He ZhiChang 2871
He ZhiLi 8138
He ZuHua 291, 2120, 5223, 6297, 9713, 12246
Head, G. 11433, 12470
Heath, I. B. 9033
Heath, R. 4095
Heaton, H. J. 8024
Heazlewood, J. 11745
Hebb, D. M. 6092
Hebbara, M. 9046
Heberle-Bors, E. 1620, 3091, 4127, 6516, 9481
Hébert, Y. 1082, 6217, 6273
Hecht, V. 5305
Heck, D. A. 12055
Hedau, C. V. 784
Hedden, P. 1854, 4767, 4887, 7135, 9259, 9405
Hede, A. R. 6137
Hedge, D. M. 10156
Hedge, I. C. 4782
Hedge, S. 1190
Hedin, P. A. 9118, 10728
Hedley, C. 5370, 5373, 5381, 5383
Hedley, C. L. 5404, 9845
Hedley, M. J. 10208
Hedrich, R. 6013, 11758
Hedrick, P. W. 4916, 9144
Hedtke, B. 4857
Heenan, P. B. 10883
Heese, M. 8520
Hegde, S. 10858
Hegde, S. G. 3899
Hegstad, J. M. 5310
Hehl, R. 6492, 12456
Heide, L. 3519, 8266
Heidekamp, F. 3923
Heiden, M. G. vander 18
Heidenreich, S. C. 10888
Heider, C. 2365
Heifetz, P. 1828
Heijbroek, W. 12786
Heijden, G. van der 8435
Heijden, M. W. van der 5058
Heijden, R. van der 1768
Heijnen, L. 9295
Heikkilä, M. 4687
Heilig, E. 4895
Heim, U. 2191, 5262, 9816
Heiman, A. 3665
Hein, J. 10488
Hein, W. 2699
Heine, H. 471, 2676, 5910, 8355
Heineke, D. 9902
Heinemeyer, T. 5982
Heinen, L. 6580
Heinhorst, S. 7712
Heinkel, R. 1437-1438, 3283
Heino, P. 2240
Heinrichs, E. A. 2701
Heins, L. 11583
Heins, R. D. 1731
Heintzen, C. 9355
Heinz, D. 10189
Heinz, E. 3441
Heinze, B. 8205, 12870
Heiser, C. B. 639
Heisey, P. W. 3665
Heiss, S. 8045
Heisterborg, C. M. 11420
Heizmann, P. 1549, 5501, 5830
Hejazi, S. M. H. Z. 6096
Helariutta, Y. 1727, 1735, 3603, 11535
Helberg, N. 11199
Held, D. 1725
Helgeson, J. 1372
Helgeson, J. P. 1326, 5472, 8834, 9907, 12457
Hell, R. 7224
Hellebrand, M. 9032
Heller, W. 12820
Helliwell, C. 917
Helliwell, C. A. 49
Helliwell, S. 2004
Hellmich, R. L. 10721
Helm, E. M. 5709
Helm, J. H. 3906
Helms, T. C. 4171-4172, 7701, 7703
Hema, D. 6223
Hemaprabha, G. 9063-9064
Hemeida, A. 9964
Hemelings, C. 1499
Hemerly, A. S. 3774
Hemery, G. E. 6768
Hemery-Tardin, M. C. 11293
Hemleben, V. 3044, 4250, 6598, 12802
Hemmat, M. 5575, 7319
Hemmingsen, S. M. 11258
Hemp, S. 1286
Hempel, A. L. 9384
Hempel, F. D. 60
Hénaut, A. 8453
Hendershot, J. D., III 11737
Henderson, A. 8028, 8222
Henderson, D. M. 1251
Hendre, R. R. 3005, 4051
Hendriks, T. 11088
Heneen, W. K. 4505, 12715
Heng, A. J. 10739, 10747
Heng, Y. X. 9655
Heng YingXi 9655
Henikoff, S. 1833
Henk, A. 67
Henk, A. D. 7221
Henken, B. 433, 12499
Henmi, K. 5221
Henn, H. J. 8060, 8065

Henneberry, T. J. 11430, 11432, 12848, 12850
Hennig, A. 5465
Hennig, J. 1607
Hennin, C. 4518
Henning, J. A. 318, 4136, 7675, 7680, 12976-12977
Hennion, S. 5765
Henny, R. J. 12925
Henrich, C. 9667
Henrichs, G. 6480, 6480
Henriksen, K. 7880, 11061
Henry, R. 2811, 12189
Henry, R. J. 285, 8381, 9214
Henry, Y. 3727, 11254
Hentges, F. 8063
Hentzen, A. E. 9965
Henzell, R. G. 233
Henzi, M. X. 7851, 9940
Heo, H. Y. 7455
Heo, Y. C. 7923
Heo HwaYoung 7455
Heo YoonChan 7923
Hepaksoy, S. 7175, 11224
Hepting, L. 4258
Hepworth, D. G. 8135
Hequet, E. 719
Hequet, E. F. 11431
Herbers, K. 7205, 9099, 11695, 12451
Herbert, D. A., Jr. 4542
Herbert, R. J. 4731
Herck, J. C. van 9957
Herde, O. 3244, 4353, 7892
Heredia Z., A. 2270
Heredia-Zepeda, A. 427
Heremans, B. 4360
Herman, B. 4895
Herman, E. 9504
Herman, S. 12342
Hermann, G. 7861
Hermann, M. 6512
Hermann, R. 1791
Hermanutz, L. 7068
Hermanutz, L. A. 1772
Hermitage Nursery 4699
Hermoso, M. 11328
Herms, D. A. 12829
Hernandez, A. C. 8016
Hernández, D. 11343
Hernández, F. 639
Hernández, J. B. P. 2394
Hernández, L. 1249
Hernández, M. 5643
Hernández, N. 1324
Hernández, P. 7319-7320, 9831, 10654
Hernandez, P. 3912
Hernández G., E. del R. 12380
Hernández-Jasso, A. 11439-11440, 12854
Hernández Livera, A. 8784
Hernández Livera, A. E. 8784
Hernández V., I. 299
Hernandez-Velasco, B. 8118
Hernnández, R. E. 1669
Hernould, M. 6932
Herold, M. 8821, 11361
Hérouart, D. 4126
Herpen, M. M. A. van 2234
Herradón, E. 10292
Herralde, F. de 3391, 10093
Herrán, R. de la 7114, 11533
Herranen, M. 2285
Herrera, J. 3986
Herrera, J. B. R. 8470
Herrera, P. S. 7726
Herrera-Arrieta, Y. 12300
Herrera-Estrella, L. 2520, 4027, 9252, 9263
Herrero, M. 584, 1543, 7282
Herrero, R. 2417
Herrmann, A. 12343
Herrmann, P. 47
Herrmann, R. G. 883, 889, 2285, 6194, 8443, 10225
Hertel, S. C. 5063
Hertzberg, M. 2574
Hertzler, G. L. 2603
Hervé, C. 7226
Hervé, Y. 428
Herzog, E. 6944
Herzog, G. A. 12851
Herzog, M. 9342
Hesemann, C. U. 2852
Heshiki, R. 12682
Heslop-Harrison, J. S. 1597, 1748, 2497, 3723, 3908, 4501, 4943, 11933
Hess, D. 9428
Hess, J. L. 6361
Hess, W. M. 1160
Hess, W. R. 11712
Hess-Pierce, B. 3458
Hesse, M. 11485
Hesse, P. R. 12777
Hesselbach, J. 1333, 6492
Hester, H. 12057
Heszky, L. 12564
Hetherington, A. M. 857, 4898
Hetherington, S. 5816, 8233
Hetherington, S. E. 2397, 6748
Hetterscheid, W. L. A. 1362
Hettiarachchi, K. 5431
Hetzal, K. 7077
Heu, H. Y. 7339
Heu HwaYoung 7339
Heuer, S. 12030
Heumann, K. 5967
Heumez, E. 10670
Heun, M. 154
Heusden, A. W. van 4364, 12525
Heusden, S. van 6633, 11142
Heuvel, K. J. P. T. van den 7887
Heuven, B. J. van 1362
Hew, S. Y. 4485
Hewett, E. W. 1433
Hey, J. 5125
Hey, S. 11856
Heyer, A. 2495
Heyer, A. G. 11696
Heyes, J. A. 11538
Hiatt, B. 10502
Hiatt, E. N. 12004
Hibbard, B. E. 12135, 12140
Hibberd, J. M. 1624, 5966, 11720
Hibbert, D. B. 1664, 6992, 11464
Hibbett, D. S. 852
Hibi, T. 7559
Hibino, T. 11534
Hickman, M. 2558
Hicks, A. J. 10399
Hicks, M. 5815, 8227
Hicks, S. N. 6011
Hida, A. 5870
Hida, K. 450, 10148, 12513, 12722
Hidaka, M. 11053
Hidaka, S. 6276
Hidalgo, H. 8649
Hidalgo-Fernández, P. J. 11615
Hidayat Ullah 511
Hidvégi, M. 880
Hieber, A. D. 2513
Hiebert, E. 4377
Hiei, Y. 8424
Higashi, H. 11146
Higashi, K. 2250, 3179, 9994
Higashi, M. 277
Higashi, T. 10790
Higashiguchi, K. 11098
Higashitani, A. 10985
Higashiyama, T. 3601, 5851
Higeta, D. 3136
Higgens, S. 774
Higgins, B. 3039
Higgins, T. J. 5283
Higgins, T. J. V. 12816
Higgins, V. J. 11125
Higginson, T. 9288
Higo, H. 8712
Higo, K. 5977, 8712, 10809
Higuchi, K. 9556
Higuchi, T. 425
Higuchi, Y. 9178
Higuita C., J. C. 3098
Hijiya, K. 6612
Hijmans, R. J. 8810, 9238
Hilbert, J. L. 11088
Hildebrandt, K. M. 12145
Hildenbrandt, G. 406
Hill, A. 9442
Hill, A. S. 8570
Hill, D. E. 6203
Hill, G. D. 5408, 11647
Hill, G. M. 6188
Hill, J. 3886, 3891, 11898
Hill, J. E. 5993
Hill, K. D. 8268-8269, 10350
Hill, L. 1338
Hill, M. 11991
Hill, M. K. 10266
Hill, R. D. 9559
Hill, S. A. 4881
Hill, W. G. 76
Hille, J. 5548, 11130
Hillebrand, A. 12603
Hillel, J. 1525, 5651, 11239
Hillier, L. 11732
Hilliou, F. 4768
Hillman, J. R. 4835
Hills, H. G. 5883
Hilpert, B. 4849
Hils, U. 8422
Hilson, P. 2758
Hilton, H. 1085
Hiltunen, R. 11593
Himanshu Dubey 2720
Himelblau, E. 20
Himelrick, D. 4452
Himeno, M. 9185
Himly, M. 10417
Himmelbach, A. 54
Hinata, K. 3428-3429
Hinchcliffe, S. 9399
Hinchee, M. 1351, 11751
Hindar, K. 676
Hindson, S. 8755
Hino, A. 3713, 9800
Hintum, T. J. L. van 587, 11670
Hinz, P. N. 12139
Hipkins, V. 7019
Hipolito, L. R. 7530-7531
Hipskind, J. D. 12157
Hirabayashi, T. 5653, 12589
Hirae, M. 1207, 6301
Hiraga, S. 12800
Hirahara, Y. 2108, 7586
Hirai, A. 2083, 10814, 12188
Hirai, D. 4210
Hirai, M. 1377, 1914, 8848, 8891, 11074, 12515
Hirai, N. 8001
Hiraiwa, N. 10539
Hirakawa, N. 5622, 5653
Hiramatsu, M. 2291
Hirano, H. 2434, 6126, 7937
Hirano, H. Y. 1168, 5211, 6939, 12186
Hirano, K. 1486
Hirano, M. 8700
Hirano, T. 5917, 9293
Hirao, A. 3185
Hiraoka, N. 821
Hirasawa, E. 5856
Hirasawa, H. 1163, 2960
Hirasawa, T. 10985
Hirata, K. 9221
Hirata, Y. 1398, 12567
Hiratsuka, K. 10397, 10982
Hiratsuka, R. 10397
Hiratsuka, S. 10023, 11184
Hirayama, M. 2960
Hirayama, T. 9357
Hirel, B. 4349, 5305, 6370
Hiremath, R. V. 9642-9643, 9646, 12159
Hirimburegama, K. 11226
Hirner, B. 1624
Hirochika, H. 4859, 5168, 8424, 10219
Hirohashi, T. 10506, 10525
Hironaka, C. 9441
Hirooka, T. 12831-12832
Hirose, S. 2912, 4031
Hirose, T. 8642, 9087, 9100, 11564, 12449
Hirota, N. 10669
Hirsch, A. M. 9761
Hirsch, H. J. 11028, 12444
Hirsch, R. E. 11666
Hirschberg, J. 5527, 11699
Hirsinger, C. 5764
Hirt, H. 4127, 5542
Hiruta, M. 4404
His, I. 51
Hisabori, T. 458
Hisada, H. 425
Hisada, S. 9010
Hisajima, S. 6305
Hisatomi, Y. 2631
Hiscock, S. J. 1366
Hitchin, E. 5381
Hittalmani, S. 9654, 9715, 10829
Hiura, T. 11478
Hizume, M. 8308
Hjeltnes, S. H. 8957
Hladilova, R. 9170
Ho, C. L. 1832, 4870, 8485, 8631
Ho, D. T. H. 7757
Ho, J. 8049
Ho, K. M. 9544
Ho, L. C. 9990
Ho, M. W. 12993
Ho, T. H. D. 4823, 5068, 11945
Ho ChaiLing 1832, 4870, 8485
Ho ChanLee 8631
Ho Huu Nhi 2385
Ho MaeWan 12993
Ho Trung Chien 10450
Hoad, S. P. 10610
Hoang Dinh Dinh 12241
Hoare, K. 4693
Hoare, R. 4693
Hoban, T. J. 12993
Hobbie, L. 10541
Hoberg, E. 4279, 4282, 7877
Hobo, T. 8424
Hoc, P. S. 6758
Hochberg, A. 5972
Hocher, V. 8071
Hochholdinger, F. 2033, 2036
Hochstrasser, M. 7239
Hocquart, S. 851
Hodge, G. 11462
Hodge, G. R. 4667
Hodges, M. 2515, 2519
Hodges, T. K. 7614
Hodgetts, R. 5815
Hodgetts, R. B. 8227
Hodgkin, T. 11669
Hodgkinson, S. M. 5077
Hodgskiss, P. D. 12888
Hodgson, I. 7400
Hodgson, J. 7684
Hodgson, W. 4761
Hodkinson, T. R. 2137
Hodun, G. 8950
Hodun, M. 8950
Hoe, K. L. 11068
Hoe KwangLae 11068
Hoecker, U. 6029
Hoehn, E. 5573
Hoekstra, F. A. 1849
Hoekstra, R. 4242, 4246
Hoekstra, S. 5058
Hof, J. van't 10246
Hof, L. 650, 6887-6888
Hofäcker, W. 1489
Hofer, J. M. I. 3112
Höfer, M. 11183
Hoff, T. 1836
Hofferbert, H. R. 2230, 4263
Hoffman, B. 369
Hoffman, D. D. 5328
Hoffman, D. L. 6158
Hoffman, N. E. 3724
Hoffman, T. 6404
Hoffman, T. K. 6401
Hoffmann, F. 7843
Hoffmann, M. 7754, 8461
Hoffmann-Benning, S. 5477, 10529
Höfgen, R. 5460
Hofmann, C. J. B. 5921
Hofmann, P. N. 506
Höftberger, M. 4752
Höfte, H. 51, 2734, 8466

Höfte, M. 4518
Hogan, G. D. 11473
Hogarth, D. M. 658, 856
Högberg, K. A. 8256, 10328
Hoge, J. H. C. 1768, 4040
Hogers, R. 6580, 9295
Hoglund, S. J. 3109
Hohe, A. 10393
Hohenberg, H. 83
Hohlfeld, B. 1466-1467, 2329
Hohmann, U. 6194
Hohn, B. 899, 10499
Höhn, E. 3264, 11175
Hohn, T. 9667
Höhne, M. 6611
Hoisington, D. 9241
Hokanson, S. C. 1423
Holá, D. 12054
Holappa, L. D. 5068
Holcomb, G. E. 11517
Holdbrook-Smith, K. 1241-1242
Holdsworth, M. 9315
Holdsworth, M. J. 3801
Hole, C. 8832
Hole, D. 6989
Hole, D. J. 9738
Holefors, A. 2333, 7942
Holguin-Melendez, F. 8118
Holkar, A. S. 2902
Holland, D. 3363
Holland, R. F. 11408
Hollick, J. B. 1065
Hollier, A. A. 8836
Holliger, C. 8472
Hollingsworth, M. J. 11075
Hollingsworth, W. O. 7872
Hollington, P. A. 7393
Holm, D. G. 8828
Hölm, E. 516
Holme, I. B. 7374
Holmes, E. 521
Holmes, G. 8293
Holmes, M. G. 2004
Holsinger, K. E. 10572
Holst, G. J. van 11072, 12509
Holsters, M. 1253, 12342
Holt, C. 413
Holtgrefe, S. 6481
Holtmann, B. 2618
Holtorf, H. 6935
Holtsford, T. 4728
Holub, E. 67, 70, 1874, 9379
Holub, E. B. 1876-1877, 11780
Holub, J. 3296
Holubec, V. 3807, 6154, 7424
Holubowska, M. 4311
Holuigue, L. 8837
Holulgue, L. 10695
Holzberg, S. 8155, 12822
Honarnejad, R. 12228
Honda, G. 12973
Honda, I. 9698
Honda, Y. 2686, 11625
Hondred, D. 10214
Honée, G. 11679
Honeycutt, R. J. 8102
Hong, B. H. 9416, 9486
Hong, B. M. 6030
Hong, C. B. 689
Hong, C. H. 440
Hong, C. X. 6964
Hong, D. K. 11560
Hong, D. L. 2982, 5180, 5195
Hong, D. Y. 3605, 4056, 4701, 4747, 7535, 7698, 8308, 8366, 9157, 10421, 10804
Hong, E. H. 7781-7782
Hong, F. Z. 6357
Hong, G. H. 6534
Hong, G. N. 7541
Hong, H. C. 1118
Hong, H. P. 5670
Hong, J. 9194-9196
Hong, J. K. 2314
Hong, J. S. 770
Hong, K. H. 7923
Hong, K. N. 745
Hong, L. 5621
Hong, M. 9939
Hong, M. M. 254, 8125
Hong, R. 2422
Hong, S. H. 1852, 2851
Hong, S. J. 6756
Hong, Y. H. 5133-5134, 6258
Hong, Y. P. 745
Hong, Y. Y. 6903
Hong BiMei 6030
Hong ByungHee 9416, 9486
Hong CaiXia 6964
Hong ChangHui 440
Hong ChooBong 689
Hong DaeKi 11560
Hong DeLin 2982, 5180, 5195
Hong DeYuan 3605, 4701, 4747, 7535, 7698, 8308, 8366, 9157, 10421, 10804
Hong EunHi 7781-7782
Hong FuZeng 6357
Hong GuangNan 7541
Hong GyungHoon 6534
Hong HaCheol 1118
Hong Jeong 9194-9196
Hong JeumKyu 2314
Hong JuSheng 770
Hong KueHyon 7923
Hong KyungNak 745
Hong Li 5184
Hong Lin 5621
Hong Ma 9939
Hong MengMin 254, 8125
Hong PakChang 1110
Hong Rong 2422
Hong SeJin 6756
Hong SungHie 2851
Hong SungHyun 1852
Hong YaHui 5133-5134, 6258
Hong YongPyo 745
Hong YueYun 6903
Hongtrakul, V. 638
Honjo, H. 4404
Honma, M. 12800
Honma, M. A. 10531
Honrao, B. K. 5619
Hons, F. M. 6241
Hontelez, J. 6580
Honzík, I. 400
Hood, E. E. 10495, 12094
Hooda, I. 11956, 12437
Hooda, J. S. 9865
Hoog, S. de 5969-5970
Hoogenboom, G. 5950
Hoogendoorn, C. J. 4304
Hoogkamp, T. J. H. 11965
Hooks, M. A. 4867
Hooley, R. 30, 857, 2002, 10535
Hoopen, R. ten 3611
Hoot, S. B. 3784
Hootman, S. 1714
Hooykaas, P. J. J. 17, 3754, 6039, 7241
Hop, D. van 12394
Hope, B. 1691
Hopkins, N. 202
Hopkins, R. B. 4382
Hopp, H. E. 10302
Hoppe, G. 2012
Hopper, S. D. 9126
Hor, Y. L. 9239
Horčička, P. 8566
Horejsi, T. 9999, 10001, 12606
Horgan, K. 2598
Horii, T. 11098
Horiike, G. 11584
Horikoshi, K. 12803
Horikoshi, M. 12831-12832
Horiuchi, H. 6251, 6261, 9665
Horiuchi, T. 5163
Horlow, C. 37, 2754, 10519
Horman, A. 9925
Hormaza, J. I. 1543, 7967, 12579
Hormchan, P. 3133
Horn, R. 2467, 4524, 12441
Hornbeck, J. 11441
Hornbeck, J. M. 11396
Horne, K. L. 894
Horne, P. 9780
Horne, P. M. 9779
Horner, H. T. 4179, 6393, 7484
Hornostaj, A. 9846
Hornung, R. 642, 8071
Hornung, R. K. W. 3451, 3453, 3455
Horry, J. P. 1503, 5629, 10067
Horsman, K. 4265
Horst, J. ter 5864
Horstmann, C. 9816
Horticulture Research International 10010-10011
Horton, P. 6481
Horton, W. H. 4107
HortScience 4794
Horvais, R. 602
Horváth, É. 1831
Horváth, E. 9104
Horváth, E. M. 12805
Horváth, G. V. 5255, 10699
Horváth, J. 4299, 10487
Horváth, S. 4300
Horvath, S. 5472
Horwath, M. 12025
Hosaka, K. 401, 5461, 7799
Hosein, F. 2268
Hosfield, G. L. 1289, 6412-6414, 7738
Hoshi, T. 11758
Hoshi, Y. 1415
Hoshino, T. 8188
Hosoki, T. 802
Hosono, N. 821
Hosoya, H. 179, 181
Hosoya, K. 9994
Hospital, F. 77
Hossain, F. 12214
Hossain, H. S. 4656
Hossain, K. G. 1216
Hossain, M. 12214
Hossain, M. A. 1001, 7614, 8585, 8754
Hossain, M. K. 4656
Hossain, M. M. 5514, 11073
Hosseini, K. 4954, 5043
Hosseinipour, M. H. 4954, 5043
Hotchkiss, T. L. 11075
Hoth, S. 11758
Hotta, H. 7555
Hotta, M. 179, 181
Hotta, Y. 10397
Hou, A. F. 3234
Hou, L. 2099
Hou, L. X. 5481
Hou, S. S. 11412
Hou, S. W. 1778
Hou, S. Z. 7409
Hou, X. L. 5498, 6070, 6535
Hou, Y. J. 3496
Hou, Z. J. 12248
Hou AnFu 3234
Hou Lei 2099
Hou LiXia 5481
Hou ShuZhen 7409
Hou SongSheng 11412
Hou SuiWen 1778
Hou XiLin 5498, 6070, 6535
Hou YuJia 3496
Hou ZhanJun 12248
Houba-Hérin, N. 5104
Houben, A. 10586
Houchins, K. 11984
Houdt, H. van 4847
Hough, J. 2229
Houghton, J. M. 1873
Houlné, G. 503, 4580, 7906
Houterman, P. M. 10239
Houtz, R. L. 694, 7857
Houwe, I. van den 1502, 2392
Houwelingen, A. van 12929
Hovav, R. 7769
Hove-Jensen, B. 9954, 10510
Hovermale, C. H. 6347
Hovinen, S. 2003
Hovmøller, M. S. 11825
Howad, W. 5136, 8668
Howard, J. 10495
Howard, J. A. 12094
Howden, R. 885, 7243, 10551
Howe, C. J. 4922
Howe, G. T. 12875
Howell, S. H. 45
Howell, T. A. 194
Howell, W. 1455
Howieson, J. G. 6375
Howlett, B. J. 12724
Hoy, C. W. 12469-12470
Hoyt, J. M. 4164
Hrazdina, G. 11180, 12625
Hrmova, M. 6165
Hrotkó, K. 1440
Hrouda, M. 3517
Hrubá, P. 5760
Hrubíková, K. 11447
Hsam, S. L. K. 1017, 6142, 6187, 8588, 9528
Hsia, C. N. 1715, 10851
Hsia ChiNi 1715, 10851
Hsiao, C. 7650
Hsiao, C. H. 3226, 3230, 11157
Hsiao, J. Y. 5875, 7164
Hsiao ChiHsiung 3226, 3230, 11157
Hsiao JuYing 5875
Hsieh, L. S. 4488
Hsieh, M. H. 895, 1871
Hsieh, R. M. 3621
Hsieh, T. F. 6004
Hsieh, T. H. 8384
Hsieh MingHsiun 895, 1830, 1871
Hsieh TsungHsin 8384
Hsieh TzungFu 6004
Hsu, A. N. 7604
Hsu, C. Y. 10243
Hsu, H. T. 4686
Hsu, W. S. 11157
Hsu, Y. C. 4864
Hsu AiNa 7604
Hsu ChuanYu 10243
Hsu WhaShin 11157
Hsu YungChao 4864
Hu, B. 4060, 7612, 7840
Hu, B. C. 607
Hu, C. P. 7720
Hu, D. F. 1933
Hu, D. Q. 7300
Hu, D. W. 1981
Hu, G. B. 12695
Hu, G. C. 5204, 12202
Hu, G. F. 5549
Hu, G. W. 7120
Hu, H. 7412
Hu, H. N. 4590
Hu, H. Q. 1982
Hu, H. Y. 6300
Hu, J. 6512
Hu, J. E. 11415
Hu, J. G. 10810
Hu, J. J. 5801
Hu, L. C. 4181
Hu, L. T. 10788
Hu, M. F. 7163
Hu, M. H. 4509
Hu, M. S. 10795
Hu, P. S. 7595
Hu, Q. Z. 11065
Hu, R. Y. 6267, 7565
Hu, S. L. 762
Hu, S. Y. 7830, 8339
Hu, T. 9441, 10620
Hu, T. C. 9453
Hu, W. G. 10167
Hu, W. M. 2023
Hu, W. X. 4039
Hu, W. Y. 7978
Hu, X. A. 3948, 9592
Hu, X. B. 2331
Hu, X. J. 6826
Hu, X. L. 3271
Hu, X. M. 1679
Hu, X. P. 7696
Hu, X. R. 11839, 11851
Hu, X. S. 9382
Hu, Y. L. 4480
Hu, Y. M. 9606
Hu, Y. S. 12730
Hu, Y. Y. 5205
Hu, Y. Z. 5331
Hu, Z. 1777, 5326, 10439
Hu, Z. A. 7714, 8201
Hu, Z. F. 3958
Hu, Z. H. 6687, 8177, 10106
Hu, Z. L. 6285
Hu, Z. M. 7715
Hu BaoCheng 607

Hu Bin 7612
Hu Bo 7840
Hu ChuanPu 7720
Hu DaoFen 1933
Hu DongQiong 7300
Hu DongWei 1981
Hu GongFa 5549
Hu GuangWan 7120
Hu GuiBing 12695
Hu GuoCheng 5204, 12202
Hu HanQiao 1982
Hu HeNing 4590
Hu Hui 7412
Hu HuiYing 6300
Hu JianJun 5801
Hu JinGuo 10810
Hu JuEr 11415
Hu LiCheng 4181
Hu LongTing 10788
Hu MaoSong 10795
Hu MeiHua 4509
Hu MinFu 7163
Hu PeiSong 7595
Hu QiZan 11065
Hu RuYing 6267
Hu ShiYi 7830, 8339
Hu SiLin 762
Hu Tianci 10620
Hu WanXing 4039
Hu WeiMing 2023
Hu WenGuang 10167
Hu WenYu 7978
Hu XiaoBao 2331
Hu XiaoJia 6826
Hu XiaoRong 11839, 11851
Hu XinMang 1679
Hu XinSheng 9382
Hu XiPing 7696
Hu XueAn 3948, 9592
Hu XuLan 3271
Hu YanMin 9606
Hu YanYu 5205
Hu YouLi 4480
Hu YunZhu 5331
Hu YuShan 12730
Hu ZanMin 7715
Hu ZhangHua 10106
Hu ZhangLi 6285
Hu ZhengHai 8177
Hu ZhiAng 7714, 8201
Hu ZhiFang 3958
Hu Zhong 1777, 10439
Hu ZiHua 6687
Hua, S. L. 2543
Hua, Z. H. 4033, 5219, 7623, 9716, 12266
Hua SuiLan 2543
Hua ZhiHua 4033, 5219, 7623, 9716, 12266
Huamán, Z. 7827, 8810
Huang, A. H. C. 6790
Huang, B. B. 4681
Huang, B. C. 8710
Huang, B. Q. 444, 2130, 2921, 5550, 7353, 7890, 9291, 10179
Huang, C. 10332
Huang, C. L. 5097, 7480
Huang, C. M. 6272
Huang, C. N. 848, 8340
Huang, C. Y. 5332, 9368, 12354
Huang, D. F. 3212
Huang, D. I. 9716
Huang, D. N. 4033, 5204, 5219, 7623, 12266
Huang, D. X. 2998
Huang, D. Y. 3540
Huang, F. H. 2458, 4672
Huang, F. S. 239, 7595
Huang, F. Y. 12254
Huang, G. K. 1090
Huang, G. P. 8680
Huang, H. 353, 11494
Huang, H. C. 6419, 6862, 7736-7737, 9817
Huang, H. J. 2998
Huang, H. L. 3680
Huang, H. Q. 12881
Huang, H. W. 4493
Huang, H. X. 1410
Huang, H. Y. 12430
Huang, I. C. 8338
Huang, J. C. 2166, 4753, 9914
Huang, J. H. 2884, 5686
Huang, J. L. 2975
Huang, J. Q. 2539, 2554
Huang, J. R. 7589
Huang, J. S. 2585, 12881
Huang, L. B. 773
Huang, M. 344-345, 12501
Huang, M. R. 11470
Huang, N. 2121, 2984, 3012, 7562, 8717, 9700
Huang, N. R. 6266, 7577-7578, 12191
Huang, P. L. 6740, 7121
Huang, Q. C. 6272, 9675, 10822
Huang, Q. J. 6826
Huang, Q. M. 7577-7578, 8159, 9425
Huang, Q. Z. 10439, 11598
Huang, R. 7917
Huang, R. F. 3573, 8237
Huang, R. H. 1373
Huang, R. Z. 10106
Huang, S. H. 11556
Huang, S. J. 10794
Huang, S. Q. 2584
Huang, S. S. 2773
Huang, S. W. 762, 6596, 7905
Huang, S. Z. 8081
Huang, T. 7617
Huang, T. C. 3841, 3864, 7384, 8384
Huang, T. T. 11129
Huang, W. 5964, 7558
Huang, W. G. 3338, 12658
Huang, W. H. 8159
Huang, X. B. 258, 2098, 4039
Huang, X. F. 6511
Huang, X. J. 6812
Huang, X. L. 9606
Huang, X. M. 794
Huang, X. Q. 1130, 1777, 6142, 6268, 9997, 10959
Huang, Y. 2081
Huang, Y. F. 6016
Huang, Y. H. 1016, 6090, 8230, 10306, 10314
Huang, Y. L. 7297, 7582, 8285-8286
Huang, Y. M. 270, 9666
Huang, Y. Q. 11415
Huang, Y. S. 5067, 9561
Huang, Y. W. 2450, 2972, 7570, 7960
Huang, Y. Y. 2609
Huang, Z. G. 8900, 12654
Huang, Z. H. 4770
Huang, Z. L. 5729
Huang, Z. M. 8166
Huang, Z. Q. 2076
Huang, Z. R. 5057, 5067, 6162, 9561, 12695
Huang, Z. Y. 2805, 4600
Huang BaiQu 7353, 7890
Huang BangQuan 444
Huang BaoCai 8710
Huang BingQuan 2921, 9291
Huang BiQi 5550
Huang ChangLing 5097, 7480
Huang Chao 10332
Huang ChengYun 5332
Huang ChiYing 9368
Huang ChunMei 6272
Huang ChunNong 848, 8340
Huang ChunYan 12354
Huang DanFeng 3212
Huang DaNian 4033, 5204, 5219, 7623, 9716, 12266
Huang DaoXiang 2998
Huang DingYuan 3540
Huang FaSong 239, 7595
Huang FeiYuan 12254
Huang FengHong 2458
Huang GuangPing 8680
Huang GuoKun 1090
Huang HaiQing 12881
Huang He 353
Huang HengLu 3680
Huang HeXun 1410
Huang HongWen 4493
Huang Hui 11494
Huang HuiJun 2998
Huang HuiYing 12430
Huang IChing 8338
Huang JianCheng 2166
Huang JianHua 2884, 5686
Huang JianLiang 2975
Huang JinShui 2585, 12881
Huang JiRong 7589
Huang JongChin 4753
Huang JunChao 9914
Huang JunQi 2539, 2554
Huang LiBin 773, 4681
Huang Mei 344-345
Huang MinRen 11470
Huang Ning 2984
Huang NongRong 6266, 7577-7578, 12191
Huang PungLing 6740, 7121
Huang QiMan 8159
Huang QingZao 10439
Huang QinJie 6826
Huang QinZao 11598
Huang QiuMei 7577-7578
Huang QuanMin 9425
Huang QunCe 6272, 9675, 10822
Huang RongHua 1373
Huang RuiFu 3573, 8237
Huang RuiZhi 10106
Huang SanWen 6596, 7905
Huang ShangZhi 8081
Huang ShanJun 10794
Huang ShaoWei 762
Huang ShihShieh 2773
Huang ShuangQuan 2584
Huang SuHua 11556
Huang Tao 7617
Huang TieCheng 3841, 3864, 7384
Huang TingTing 11129
Huang TsengChieng 8384
Huang WeiHong 8159
Huang Wen 7558
Huang XianBo 258, 2098, 4039
Huang XiaoJun 6812
Huang XiaoMin 794
Huang XiLin 9606
Huang XingFang 6511
Huang XingQi 1130, 1777, 9997, 10959
Huang XiuQiang 6142
Huang XueQing 6268
Huang YaFan 6016, 6016
Huang YanLan 7582
Huang YanWen 7960
Huang YeLin 7297, 8285-8286
Huang YiHong 1016, 6090
Huang YingHua 8230, 10306, 10314
Huang YiQing 11415
Huang YouSheng 5067, 9561
Huang Yue 2081
Huang YuMin 270
Huang YuMing 9666
Huang YuWen 2450, 2972, 7570
Huang YuYuan 2609
Huang ZhaoHui 4770
Huang ZhengGuang 12654
Huang ZhenGuang 8900
Huang ZhenMao 8166
Huang ZhiRen 5057, 5067, 6162, 9561
Huang ZhiYong 4600
Huang ZhongQing 2076
Huang ZhongYang 2805
Huang ZhuoLie 5729
Huang ZiRan 12695
Hübel, A. 11660
Huber, D. 9226
Huber, S. C. 5506
Hubinger, G. 10417
Hübner, P. 3075
Hückelhoven, R. 6179
Huckett, B. I. 3487
Hucl, P. 137, 981, 2824, 6127, 9434, 9490
Hucl, P. J. 8531
Hudson, A. 6210
Hudson, G. S. 8138, 8140, 9096
Hudson, M. 7260
Huebert, T. 11258
Huerta-Espino, J. 11920
Huet, C. 8071
Huet, H. 1128, 5225
Huettel, B. 5428
Huff, D. R. 3039, 5242, 7682
Hufford, L. 940
Hughes, C. 4158
Hughes, C. E. 1797, 9778
Hughes, J. 7824
Hughes, M. A. 7824, 10676
Hughes, M. J. G. 3237
Hughes, S. J. 6344
Hugon, M. 719
Huguet, G. 2573
Huh, G. H. 3520
Huh, H. W. 10305
Huh, M. K. 10305
Huh GyungHye 3520
Huh HongWook 10305
Huh ManKyu 10305
Hui, D. W. 341
Hui DongWei 341
Huigen, D. J. 6477, 8818, 9967
Huijser, P. 1863
Hulánová, M. 3532
Hulbert, S. 12126
Hulbert, S. H. 2050, 3879
Hull, R. 8693
Hull, R. J. 8735
Hüls, R. 2852
Hülskamp, M. 4865, 8466, 9342, 10537
Humbeck, K. 2879
Humbert, C. 4742
Hume, D. J. 3070-3074
Humiston, G. A. 11716
Hummer, K. 11200
Hummer, K. E. 8921
Humphreys, J. 2005
Humphreys, M. O. 1216, 4101, 12337
Humphreys, M. W. 2134, 3034, 7653, 8734
Humphries, C. J. 2796
Hundera, F. 1209, 6306, 9743
Huner, N. P. A. 8608
Hung, H. H. 2077
Hunger, R. M. 11886
Hungerer, K. B. 792
Hunjan, G. 10435
Hunshal, C. S. 2845
Hunsigi, G. 10190
Hunt, A. G. 703, 1622, 4595
Hunt, C. L. 7683
Hunt, L. A. 8438
Hunt, M. D. 1878
Hunt, R. S. 1688
Hunter, D. A. 8756, 10909
Hunter, D. G. 8037
Hunter, D. J. 2
Hunter, D. M. 11186
Hunter, J. H. 12458
Hunter, J. T. 6991
Hunter, T. 10299
Huntley, E. D. 1839
Huntley, R. 4861
Hunyadi, K. 12313
Hunyady, M. 8922, 8924, 8933
Hunziker, J. H. 3612
Huo, A. H. 7518
Huo, G. C. 5319
Huo, N. X. 8664
Huo AHong 7518
Huo GuiCheng 5319
Huo NaXin 8664
Huopalahti, R. 12452
Huq, E. 7614
Hur, H. S. 8076, 8087
Hur, I. B. 4078
Hur, S. O. 7704-7705
Hur HanSun 8076, 8087
Hur IlBong 4078
Hur SeungOh 7704-7705
Hurka, H. 3793
Hurme, P. 4668-4669
Hurry, V. 8475
Husain, S. I. 12927

Huseby, D. J. 8621
Huskisson, N. S. 4127
Husnain, T. 3024
Hussain, A. 985, 2849, 9115
Hussain, A. J. 1148, 1152
Hussain, F. 5732
Hussain, M. 11914, 11918-11919, 11919, 12844
Hussain, S. 1120, 12583-12584
Hussain, S. S. 2946
Hussein, M. H. 11337
Husselmann, J. 2389
Husselstein, T. 7230
Hussendörfer, E. 10095
Hussey, B. 668
Hussey, M. A. 236, 6241, 10766
Hussey, P. J. 2035, 6230, 10730
Hussien, T. 7415
Hustiak, F. 2238
Hutcheson, S. W. 3692
Hutchinson, T. C. 7013
Hutchison, K. W. 11495
Huth, M. 8612
Huth, W. 1810
Hüttel, B. 5410, 8801
Hutvágner, G. 11020
Huxley, H. 4095
Huybrechts, I. 622
Huyghe, C. 1246, 1256, 4150, 5264-5265, 5267, 8761, 9768, 10914, 10916, 10925, 12323, 12325
Huyghebaert, A. 3708
Huyghebaert, G. 3818
Huylenbroeck, J. M. van 4688
Huynh, D. 11910-11911
Huynh, T. T. 11410
Huysmans, S. 3779
Hwang, B. 279
Hwang, B. K. 2314
Hwang, C. D. 7545
Hwang, C. J. 7707
Hwang, H. G. 1123, 7542, 7546-7550, 7584, 10787
Hwang, H. S. 2312-2313, 10007
Hwang, I. 6024
Hwang, I. H. 6041, 10545
Hwang, J. H. 518, 5574, 10007
Hwang, J. J. 7455
Hwang, J. M. 7913
Hwang, K. H. 1123, 7550
Hwang, S. B. 4510
Hwang, S. J. 279
Hwang, S. Y. 9136
Hwang, Y. H. 6399, 7704-7705, 7707
Hwang Baik 279
Hwang ByungKook 2314
Hwang ChongJin 7707
Hwang ChungDong 7545
Hwang HaeSung 10007
Hwang HeeSuk 2312-2313
Hwang HungGoo 1123, 7546-7547, 7549-7550
Hwang HungGu 7542, 7548, 7584, 10787
Hwang InHwan 6041, 10545
Hwang JaeMoon 7913
Hwang JeongHwan 518, 5574, 10007
Hwang JongJin 7455
Hwang KeeHo 1123, 7550
Hwang SeongBin 4510
Hwang ShawYhi 9136
Hwang SungJin 279
Hwang YoungHyun 6399, 7704-7705, 7707
Hwin, T. 8890
Hyatt, L. A. 651
Hyde, G. M. 11043
Hyder Ali 4231, 12439
Hylen, G. 11503
Hylton, C. M. 4277
Hyman, J. 7898
Hyman, J. R. 6571
Hymowitz, T. 2170, 4178, 8767, 9799, 12372
Hynek, V. 4644
Hyodo, H. 6759
Hyun, J. H. 1027
Hyun, J. N. 7338
Hyun, J. O. 745-746
Hyun, M. R. 11565
Hyun JongHae 1027
Hyun JongNae 7338
Hyun JungOh 745-746
Hyun MyungRyuk 11565
Hyung, N. I. 5618, 7984
Hyung NamIn 5618, 7984
Iaccarino, M. 4177
Iacono, E. 970, 9431
Iannelli, D. 1517
Ianni, G. 9048
Iannini, C. 3409
Iannotta, N. 8074, 11317, 11331
Iannucci, A. 3057
Iantcheva, A. 12309
Iauk, L. 1780
Iba, K. 886, 1625, 3006, 8482, 8487, 9090
Ibáñez, M. A. 1226
Ibáñez, M. V. 4228
Ibáñez, O. 9174
Ibaraki, Y. 415
Ibarra, F. 10401
Ibarra-Perez, F. J. 7740
Ibrahim, A. M. F. 4489, 4489-4490, 4490
Ibrahim, H. 11542
Ibrahim, H. M. 8780
Ibrahim, I. K. 12839
Ibrahim, I. K. A. 12524
Ibrahim, K. K. 12194, 12961
Ibrahim, R. 2616
Ibrahim, S. M. 7602
Ibrahim, T. M. 9779-9780
Ichida, A. 6030
Ichii, M. 2280, 2982
Ichikawa, H. 12812
Ichikawa, N. 10809
Ichikawa, S. 937, 4918
Ichikawa, T. 1611
Ichimura, K. 1733
Ichinose, K. 11372
Ichinose, Y. 5367, 5391, 12818
Ichitani, K. 2980
Iddi, S. 2590
Ide, Y. 4682-4683
Ideue, T. 9100
Idrisov, G. A. 6676
Idźkowska, M. 5286
Iezzoni, A. 1448
Iezzoni, A. F. 1459, 3288
Ifrim, A. 3106
Iftikhar Ahmed 1566
Igarashi, T. 7837
Igartua, E. 153, 1029, 2885, 2947, 7440, 8614
Igasaki, T. 10295
Igeño, M. I. 918
Igita, K. 10946
Iglesias, C. 3670, 7825
Iglesias, R. G. 7031-7035
Iglesias, V. A. 6084
Ignacimuthu, S. 12423
Ignatieva, E. V. 5979
Ignatov, A. 10148, 12513, 12722
Ignatova, S. A. 10712
Ignatova, S. I. 9977, 11113, 11127
Ihara, Y. 4602, 4607
Ihsan, J. 12845
Ihsan Khaliq 4995
Iida, A. 9876
Iida, S. 2631, 4210, 7093, 7117
Iimure, K. 12975
Iino, M. 34, 5492, 6517, 8859
Iizuka, K. 5824
Ijeoma, I. O. 2253
Ikawa, T. 7837
Ikea, J. 3132
Ikeda, A. 4045
Ikeda, H. 4682, 9185
Ikeda, K. 5176-5177
Ikeda, N. 11355
Ikeda, R. 1163, 10790
Ikeda, T. 6584
Ikeda, T. M. 8451
Ikegaya, F. 217, 10690-10691, 10708
Ikehashi, H. 2967, 11354, 12193
Ikemiya, H. 4472
Ikemura, T. 5975
Ikeshiro, Y. 821
Iketani, H. 2328, 2344-2345
Ikeyoshi, M. 7930
Ikhim, I. G. 12015
Ikhim, Y. G. 12016
Ikoma, Y. 8006, 10058, 11228, 12681
Ilag, L. L. 8717
Ilardi, V. 2307, 5546-5547
Ilarslan, H. 6393
Ileršič, J. 4085, 9122
Iliev, I. I. 6848
Ilieva, A. 4125, 4129, 4131, 4134
Ilieva, V. 10841
Ilyas, M. B. 11899, 11914
Ilyas-Ahmed, M. 1135, 1154, 1175
Ilyushko, M. V. 8336
Im, D. J. 4078
Im, K. H. 91
Im, S. H. 2317
Im DaeJoon 4078
Im KyungHoam 91
Im SungHee 2317
Imabayashi, S. 1162, 7586
Imada, S. 6584
Imagawa, M. 8852
Imai, R. 4354
Imai, T. 8848
Imaishi, H. 686
Imaizumi, N. 5238
Imaizumi, T. 3630
Imamoto, N. 260, 5165
Imamura, A. 3730
Imamura, J. 4506
Imamura, K. 5492
Imani, A. 3382, 3386, 6763
Imanishi, H. 12930
Imanishi, S. 3529, 11101
Imaseki, H. 512, 5753, 9875, 11026, 12182
Imazu, S. 10016
Imbe, T. 12253
Imbernon, M. 851
Imlau, A. 6036
Immonen, S. 2900
Imoto, M. 3185
Imparl-Radosevich, J. 8645
Imparl-Radosevich, J. M. 8645
Impembo, M. 9975
Impiglia, A. 174, 3860, 3862
Imrich, J. 9208
Imsande, J. 8768
Imura, Y. 12818
Inaba, A. 512, 4348, 10003, 11158
Inaba, T. 9838
Inada, H. 9090
Inada, N. 1608, 4573
Inagaki, M. N. 98, 971, 975, 3836
Inagaki, N. 8694
Inagaki, Y. 7093
Inam-ul-Haq, M. 12551, 12584
Inanaga, S. 4980, 10757
Inántsy, F. 8922, 8924, 8933
Inazu, A. 6126
İnceoğlu, Ö. 6318-6319
İnci, F. 1974
India, National Bureau of Plant Genetic Resources 5923
Indira, S. 10751, 12159
Indra Hooda 11956, 12437
Indraneel Ghosh 6577
Indrianto, A. 9481
Indu Sangwan 9805
Infantino, A. 5429
Informatore Agrario 537, 543, 3290, 6682, 7918, 8877, 9955
Ingeborg Myhr, A. 9281
Ingelbrecht, I. L. 6904
Ingemarsson, B. 2460
Ingersoll, J. C. 10200
Inglis, D. 5475
Ingram, G. C. 1745, 9619
Ingram, J. 2343
Ingram, R. 11366
Ingrouille, M. J. 2684, 4736, 11543
Ingver, A. 9527
Inman, J. 5964
Innan, H. 6508, 11748
Innes, D. 7068
Innes, D. J. 1772
Innes, R. W. 67, 7200, 7221, 9379
Ino, H. 6517
Inoce, M. 10790
Inokuchi, H. 9670
Inokuma, C. 5238
Inomata, N. 9941
Inoue, K. 4403, 4854, 8280, 8931, 12914
Inoue, M. 1109
Inoue, N. 1163, 5451-5452, 8671
Inoue, T. 10441, 11534
Inoue, Y. 4341, 10691
Inouye, D. W. 7290
Inouye, J. 1195
Insero, O. 5597
Institut International de Recherches Betteravières 2695
International Agricultural Development 8452
International Center for Agricultural Research in the Dry Areas 1792
International Network for the Improvement of Banana and Plantain 8407
International Society for Horticultural Science 854-855, 1794, 2693, 3653-3655, 3658, 7175, 7178, 9227-9228, 10466-10467, 11642-11643, 12985, 12987
Intrieri, C. 11209, 11213
Inukai, T. 1166, 7580, 8720
Inukai, Y. 10828
Invernizzi, C. 102, 2861
Inyang, E. G. 11090
Inzé, D. 64, 188, 1825, 2535, 2747, 3635, 3765, 3774, 4862, 4900, 5756, 5759, 7277, 8661, 9381, 9603, 10526, 10715, 11660
Inze, D. 11746
Ionescu, A. 3251
Iordan, I. 3229
Iordanskaya, I. V. 10650
Ippedico, M. 5971
Iqbal, M. J. 5022
Iqbal Singh 4998
Iranshahr, M. 7119
Ireland, R. J. 2129, 7636
Irfan, S. T. 278
Iriate, L. 1259-1260
Irie, T. 2686, 11625
Iriki, N. 7403, 7453
Irish, E. E. 201, 5530, 11652
Irish, V. F. 7262, 9350, 11767
Irizarry, H. 10212
Irkaeva, N. M. 6704, 7979
Irshad, M. 11914, 11918-11919
Irvine, J. E. 4551, 5728, 6904
Irvine, R. F. 857
Irvine, R. J. 4634
Irwin, J. 593
Irwin, J. A. 11660
Irzyk, G. P. 960
Isabel, N. 3578, 7015
Isaenkov, S. V. 8235
Isaeva, N. A. 3889
Isagi, Y. 8279
Isaksson, J. 887
Isangulova, A. A. 12953
Isato, Y. 2981
Īsayenokov, S. V. 11493
Ise, K. 1121, 4072, 9698
Ise K. 5213
Isebrands, J. G. 11473
Iser, M. 9428
İsfendiyaroğlu, M. 6733
Ishaq, N. M. 5731
Ishbirdina, L. M. 12953

Ishida, B. K. 11110
Ishida, K. 11478
Ishida, S. 1623
Ishige, F. 9262
Ishige, T. 2236, 12449
Ishiguro, K. 11053
Ishihara, M. 1197, 2960
Ishii, G. 9906
Ishii, K. 1681, 8225
Ishii, S. 5917
Ishii, T. 472, 8425
Ishii-Minami, N. 11477
Ishikawa, A. 12200
Ishikawa, H. 3740, 8941
Ishikawa, M. 1880, 4574
Ishikawa, R. 6635, 7711
Ishikawa, S. 534
Ishikawa, T. 5867
Ishiki, K. 7832, 8902
Ishikura, N. 3136
Ishimaru, C. A. 3159
Ishimaru, K. 2236, 7593, 12449
Ishimine, Y. 4047, 4050, 7585
Ishimizu, T. 4932, 5579, 8931, 12629
Ishimoto, M. 10976
Ishin, A. G. 228, 10740, 10744
Ishio, M. 9221
Ishioka, M. 11564
Ishita Ahuja 6810, 10117
Ishitani, M. 3758, 3761
Ishiuchi, D. 472
Ishiura, M. 9352
Ishiwata, K. 12505
Ishizaka, H. 2650, 5867
Ishizaka, S. 6251
Ishizaki, T. 12517
Ishizuka, M. 473
Ishtiaq Mahmood 2946
Ishwar Singh 5075
Islam, A. 6732, 6735, 8033
Islam, A. K. M. R. 9573
Islam, H. 7395
Islam, M. S. 5023, 8584, 9518
Islam, Q. N. 8368
Islam, R. 8297
Islam, S. 11169
Islam-Faridi, M. N. 1636
Isleib, T. G. 1264-1265, 7184
İşler, N. 1275, 6863
Ismail, A. A. 9476, 9478, 9502
Ismail, I. I. 12391
Ismail, M. I. 9507-9508
Isobe, A. 10075
Isogai, A. 3427-3428, 3538
Isogai, N. 11563
Isong, E. U. 8872
Isono, K. 11750
Ispizúa, V. N. 9897
Issakainen, J. 9400
Isshiki, K. 9800
Isshiki, S. 12492
Issinger, O. G. 9618
Istas, W. 4688
Iszály-Tóth, J. 4244
Itai, A. 10024, 11185
Italy, Assessorato Agricoltura Regione Emilia-Romagna 5230
Italy, Commissione Tecnica Nazionale 5736
Italy, Istituto Sperimentale per la Cerealicoltura 100
Itani, J. 4404
Itani, K. 5666
Itaya, A. 1626
Iten, M. 54
Itnyre, R. L. C. 12127
Ito, E. 217, 10690-10691, 10708
Ito, H. 6002, 9275, 12322, 12800
Ito, K. 155, 472, 1040, 4323, 9920, 10669
Ito, M. 10520, 11541, 12973
Ito, M. F. 12386
Ito, O. 384
Ito, P. J. 10098
Ito, S. 8549, 10613, 10856
Ito, T. 3748, 4850, 11724, 11734
Ito, Y. 311, 2336-2337, 6637, 8914, 10806
Itoh, J. I. 272, 8424
Itoh, S. 4045
Itoh, T. 9560, 12775
Itoh, Y. 3136, 3516
Itoya, Y. 5836
Iturriaga, G. 7635
Iuoras, M. 11281
Iváncsics, J. 8924, 8929, 8933
Ivandic, V. 2889, 7428
Ivanissevich, S. degli 5055
Ivanov, A. G. 8608
Ivanov, I. G. 1776
Ivanov, P. 2837, 5031, 6121-6122, 6852
Ivanov, S. 3974
Ivanova, I. 4387, 5031, 6121-6122, 6852
Ivanova, M. M. 7211
Ivanović, D. 9634
Ivanović, M. 9634
Ivascu, A. 2359
Ivashikina, N. V. 8538
Ives, C. L. 1796
Iveta, P. 12399
Ivshin, G. I. 9758, 9812
Ivshina, V. V. 9812
Iwaasa, A. D. 10901-10902
Iwabuchi, A. 594
Iwabuchi, M. 16, 4506, 5455, 11363
Iwabuchi, T. 9471
Iwahara, M. 1623
Iwai, H. 6496
Iwai, S. 4589
Iwai, Y. 9698
Iwama, K. 7807
Iwamoto, K. 7837
Iwamoto, M. 5977, 8712, 10870
Iwanaga, M. 2235
Iwanaga, Y. 508, 6603
Iwano, M. 3427, 3538
Iwasaki, T. 1129, 8689
Iwasaki, Y. 12200
Iwashita, T. 5060
Iwata, N. 1139, 2089, 2094, 2989, 5176-5177, 6252
Iyengar, B. R. V. 6565
Iyer, B. P. 3549
Iyer, J. K. 3549
Iyer, K. R. K. 3539
Iyer, L. 8796
Izawa, T. 8424, 12232
Izhar, S. 3313, 7889
Izimi, K. 247
Izmailov, S. 5383
Izquierdo, J. 89
Izui, K. 1074, 8641, 9608, 10583
Izumi, K. 248
Jaafar, H. 4567, 10273
Jaarsveld, E. J. van 11621
Jaarsveld, E. van 810
Jaaska, V. 4112, 7789
Jabbari, S. 1538
Jabeen, F. 3438
Jablonka, E. 943
Jaby, C. 1935
Jachuck, P. J. 9674
Jacinto, T. 1384, 4345
Jack, P. 11933
Jack, T. 41, 4895
Jackman, L. 2284, 11258
Jackson, A. 5528
Jackson, A. O. 11680
Jackson, B. R. 2077
Jackson, D. 95, 11382, 12056
Jackson, J. D. 1067, 11981, 12010, 12044, 12046, 12075-12077, 12100-12101
Jackson, M. 2700
Jackson, M. T. 6264
Jackson, P. 10008
Jackson, P. A. 669, 6902, 8104
Jackson, S. A. 890, 5132, 5170
Jackson, S. D. 9900
Jacob, H. B. 8928, 8951
Jacob, S. 1643
Jacob Pothen Sowmyalatha, M. K. S. 12866
Jacobi, A. 8612
Jacobs, A. 4847, 10377
Jacobs, M. 7227
Jacobs, S. W. L. 7650
Jacobsen, E. 433, 1748, 3182, 4265, 4746, 6477, 7111, 7811, 8818, 9904, 9967, 12499
Jacobsen, H. J. 5366, 8071
Jacobsen, J. V. 169, 2875
Jacobsen, S. E. 914, 9722
Jacoby, P. 10944
Jacqmard, A. 4861-4862
Jacquemart, A. L. 532, 2347, 8282, 9159, 10345, 11522
Jacquemin, J. 1460
Jacquemin, J. M. 7889, 8551
Jacquemond, C. 2428
Jacquet, C. 1432, 12821
Jacquin, A. 10425
Jactel, H. 8246
Jadhao, B. J. 784
Jadhav, R. Y. 10188
Jaeger, G. de 3697, 10377
Jaekel, K. 10540
Jag Shoran 7335
Jagadish Rane 10629
Jagannath, D. P. 4530
Jagannath, N. H. 11000
Jagdish Singh 11006, 12419
Jäger, A. K. 1750
Jäger, M. 5953
Jaggard, K. W. 8411
Jagielska, T. 5373
Jaglan, R. S. 2842
Jagmail Singh 4615
Jagpal Singh 11031
Jahan, B. 1033
Jahier, J. 3810, 5049, 5051, 9534
Jahn, M. K. 2316, 12565
Jahn, M. M. K. 7917
Jahnke, A. 2751
Jahoor, A. 6178
Jahufer, M. Z. Z. 8757
Jaimini, S. N. 4270
Jain, A. K. 10784
Jain, D. C. 11579, 12950
Jain, K. C. 1315, 5432
Jain, K. L. 9222
Jain, P. K. 4227, 7734
Jain, P. P. 11409
Jain, R. K. 5146
Jain, S. 1641, 7142, 9482
Jain, S. H. 830
Jain, S. K. 958, 9861
Jain, S. M. 11530, 11655
Jaiswal, S. 3522
Jaiswal, U. 8221
Jaiswal, V. S. 8221
J'Aiti, F. 8023
Jakobsen, H. B. 6439
Jakobsen, K. S. 7229
Jakobsone, G. 4717
Jakovleva, L. 3756
Jakowitsch, J. 4572
Jakše, M. 8857
Jakubowski, T. 8973
Jakuczun, H. 4283
Jalaluddin, S. M. 9211, 11605
Jalas, J. 8352
Jalli, M. 11955
Jalloul, A. 12840
Jalouzot, R. 7659, 10986
Jamadagni, B. M. 3145
Jamadar, M. M. 9886
James, A. R. 2134, 8734
James, C. L. 3113, 10989
James, C. M. 11765
James, D. J. 3270, 4392-4393, 4399
James, M. G. 3959, 8645
Jamet, E. 808, 5764
Jampen, M. 3264
Jamzad, Z. 7101
Jan, C. H. 8299
Jan, F. J. 12700
Jan FuhJyh 12700
Jana, A. 570
Jana, S. 3812
Jana, S. K. 1526
Janagoudar, B. S. 10250
Janas, K. 9582
Jančys, Z. 4143
Janda, T. 12112
Jänes, H. 1447, 4413, 8947
Jang, I. C. 253, 5096
Jang, J. C. 50, 8477
Jang, S. H. 10522
Jang, S. K. 10522
Jang, S. W. 496
Jang, Y. J. 11068
Jang, Y. S. 590, 644
Jang InCheol 253, 5096
Jang JyanChyun 50, 8477
Jang SeongHoe 10522
Jang SukWoo 496
Jang SungKey 10522
Jang YoungJoo 11068
Jang YoungSeok 590
Jang YoungSun 644
Janick, J. 2327
Janila, P. 5694
Jank, L. 7649
Jankiewicz, A. 11798
Jankun, A. 8958
Janney, N. 7857
Jannoo, N. 12764
Janoria, M. P. 1170, 8702, 12204
Janosi, L. 7856
Janowiak, F. 9039
Janse, J. 6633, 6641
Jansen, G. 4280, 8612
Jansen, J. 10398
Jansen, L. E. T. 17
Jansen, P. P. 5077
Jansen, R. K. 780, 11340
Janska, H. 8783
Janssen, B. J. 1495, 11808
Janssen, D. B. 9307
Janssen, G. J. W. 4304, 7819
Janssen, I. 946
Janssen, R. 7819
Jansson, C. 1034, 10662
Jansson, G. 8245
Jansson, S. 8608, 9325
Jantsch, V. 7739
Japan, Japanese Society for Horticultural Science 2694
Japan, National Institute of Agrobiological Resources 11641
Japan, Upland Agricultural Research Center, Hokkaido National Agricultural Experiment Station 12995
Jara, C. 367
Jaradat, A. A. 3813, 3832, 3859, 3901, 4795
Jardhari, V. 10481
Jardin, P. du 4205, 5358, 5468, 10326, 10963
Jarillo, J. A. 7249
Jaripa Begum 1786
Jarl, C. I. 7430, 8892
Jarl-Sunesson, C. 8502
Jarosch, B. 11960
Jarrell, D. C. 5883
Jarret, R. L. 1229, 7997, 12483
Jarrin, F. 6512
Jarvik, T. 8775
Jarvis, C. E. 5887
Jarvis, D. I. 11669
Jarvis, M. C. 9969
Jarvis, P. 43
Jarvis, R. P. 2775
Jarvis, S. B. 8816
Jarvis, S. F. 2566
Jashina, I. M. 4243
Jasik, J. 4500
Jaskolski, M. 6369
Jasso Mata, J. 1665, 1677
Jaswinder Singh 7919, 7926
Jat, R. G. 2303
Jauhar, P. P. 234, 867, 3837-3838
Jauneau, A. 51
Jáuregui, B. 2433, 6762
Javed, M. A. 657
Javor, P. 4950-4951
Javornik, B. 6643, 8387

Jawhar, M. 10673
Jaworski, J. G. 3725
Jay, M. 782, 4203, 5847, 11293
Jaya, T. 5551
Jayabalan, N. 1572
Jayalakshmi, V. 1577, 8080
Jayamani, P. 1143, 1145, 1155
Jayapragasam, M. 1320, 6562
Jayaprakash, T. L. 4065, 6078
Jayaraman, N. 5148-5149, 7521, 9609
Jayasankar, S. 6713, 8016
Jayasree, N. 3596
Jayasree, P. K. 10275
Jayasree, R. 10275
Jayjayanti Choudhuri 8083
Jaylal Mahto 652
Jean, M. 603, 608
Jeandroz, S. 12892
Jeannette, E. 7246
Jebb, M. 8350
Jech, J. 363
Jeddeloh, J. A. 10509
Jedra, M. 6076
Jee, H. J. 2186
Jee HyeongJin 2186
Jeffcoat, R. 9892
Jefferies, S. P. 9573
Jeffers, D. 8649
Jefferson, R. 5169
Jeffries, C. 1918
Jegadeesan, M. 10438
Jelaska, S. 5831
Jelesko, J. G. 9963
Jelitto, T. C. 25
Jena, S. N. 8374
Jenczewski, E. 933, 9751, 12303, 12307
Jendrzejczak, E. 9836
Jenes, B. 7422
Jenkins, E. S. 5675, 6010
Jenkins, G. I. 2771, 7309, 11985
Jenkins, J. N. 1635, 4604-4605, 5785, 10243
Jenkins, S. M. 9963
Jenkins, W. B. 9113
Jenks, A. D. 5329
Jenks, M. A. 5959
Jennings, A. 9321
Jennings, D. B. 11386
Jensen, A. B. 9618
Jensen, E. Ø. 9807, 10911
Jensen, J. E. 5741
Jensen, K. 9905
Jensen, K. B. 4107, 9738, 12275
Jensen, K. F. 11887
Jensen, K. L. 4848
Jensen, L. A. 6650
Jensen, L. F. 656
Jensen, L. G. 6161
Jensen, M. 6028
Jensen, R. B. 4848
Jensen, R. G. 7194
Jensen, T. J. 5270, 10936
Jeon, J. H. 6495
Jeon, J. S. 2977, 4029, 12184
Jeon, Y. H. 343, 8725
Jeon JaeHeung 6495
Jeon JongSeong 2977, 4029, 12184
Jeon YongHee 343, 8725
Jeong, B. C. 710, 7828
Jeong, E. G. 7615
Jeong, J. H. 8817
Jeong, M. G. 8362
Jeong, M. I. 8344-8345
Jeong, O. Y. 7547
Jeong, W. J. 7798
Jeong, Y. G. 1117
Jeong ByeongChoon 710, 7828
Jeong EungGi 7615
Jeong MoGeun 8362
Jeong MyeongIl 8344-8345
Jeong OYoung 7547
Jeong WonJoong 7798
Jeong YeeGeun 1117
Jeoung, J. M. 5131, 5135
Jeoung JeoungMee 5131
Jeppsson, N. 9005
Jepson, I. 1066, 1612, 4840, 11362, 11744
Jermini, M. 3320
Jermstad, K. D. 1700-1701
Jermyn, W. A. 7869-7870, 7879
Jersáková, J. 7125
Jerzmanowski, A. 8459
Jesaitis, L. 12061
Jeske, H. 3662
Jespersen, H. M. 4848, 10501
Jesse, T. 6580, 9295
Jessen, H. 7713
Jessop, A. C. 1820
Jessop, R. S. 11978
Jestin, L. 7450
Jestrović, Z. 1962
Jetly, V. 6295
Jeu, M. J. de 4746, 7111
Jewitt, S. 4643
Jeyakumar, P. 12746
Jeyalakshmi, C. 11156
Jezierski, G. 9126
Jeżowski, S. 1996, 5072, 10667
Jha, A. K. 11173
Jha, A. N. 6164
Jha, B. N. 10864
Jha, K. K. 11244
Jha, M. M. 12114
Jha, M. P. 9479
Jha, P. B. 5112, 11900
Jha, S. 12952
Jha, S. K. 2990, 10840, 12212
Jhorar, B. S. 8809
Ji, B. H. 1205, 5190, 8701
Ji, B. J. 261
Ji, C. 11678
Ji, F. 5318
Ji, H. Q. 6962, 9606
Ji, J. 1982
Ji, J. A. 8709
Ji, J. H. 4611
Ji, L. H. 1633
Ji, L. Y. 9606
Ji, Q. G. 1183
Ji, R. L. 4600
Ji, S. J. 3215
Ji, Y. F. 3541, 5099
Ji, Y. L. 7720, 11129
Ji, Z. F. 12128
Ji BenHua 5190, 8701
Ji BiaoJun 261
Ji BoHeng 1205
Ji Cheng 11678
Ji Feng 5318
Ji HaoQin 6962
Ji HongQiang 9606
Ji JiaHua 4611
Ji JianAn 8709
Ji Jing 1982
Ji LiangHui 1633
Ji LiangYue 9606
Ji QinGe 1183
Ji RongLong 4600
Ji ShuJuan 3215
Ji YuanFu 3541, 5099
Ji YuLing 7720, 11129
Ji ZhenFang 12128
Jia, E. J. 3999
Jia, J. F. 9775
Jia, J. H. 5918
Jia, J. Z. 4961, 7423, 11909
Jia, L. Z. 3948
Jia, N. T. 12029
Jia, Q. Z. 3887
Jia, S. R. 3830, 9412
Jia, X. 1942
Jia, Y. F. 349
Jia, Y. J. 6882, 10230, 12956
Jia, Y. L. 11123
Jia, Y. T. 8131
Jia EnJi 3999
Jia JianHang 5918
Jia JingFen 9775
Jia JiZeng 4961, 7423, 11909
Jia LianZhang 3948
Jia NaTi 12029
Jia QiuZhen 3887
Jia ShiRong 3830, 9412
Jia Xu 1942
Jia YanTao 8131
Jia YongJiong 6882, 10230, 12956
Jia YuFeng 349
Jia YuLin 11123
Jian, Y. Y. 3003
Jian Ren 10135
Jian YuYu 3003
Jiang, A. L. 3328
Jiang, B. H. 9597
Jiang, C. J. 260, 1129, 5165, 8694
Jiang, C. X. 4167
Jiang, C. Z. 124, 7367
Jiang, D. L. 10794
Jiang, D. Y. 7470
Jiang, G. L. 125, 4988, 5028
Jiang, H. 11360
Jiang, H. F. 6873, 8075
Jiang, H. Q. 4058
Jiang, J. 4476-4477
Jiang, J. L. 7163
Jiang, J. M. 890, 5132, 5170
Jiang, L. C. 10480
Jiang, L. H. 5652
Jiang, L. W. 8123
Jiang, M. L. 3841
Jiang, N. 3854
Jiang, P. 982, 12598
Jiang, Q. 5594, 7971
Jiang, R. C. 3025
Jiang, S. L. 6964
Jiang, S. Y. 261
Jiang, W. 12032
Jiang, W. C. 9110
Jiang, W. M. 11547
Jiang, W. S. 5499
Jiang, X. C. 2118-2119, 4236, 7885
Jiang, X. H. 2678, 5940
Jiang, X. P. 8040
Jiang, X. Z. 2165
Jiang, Y. 580
Jiang, Y. F. 7628
Jiang, Z. C. 8735
Jiang, Z. H. 767
Jiang, Z. N. 1121
Jiang, Z. Q. 2451
Jiang, Z. S. 8699
Jiang, Z. X. 772-773, 2076, 4681
Jiang AiLi 3328
Jiang BingHua 9597
Jiang ChangJie 260, 1129, 5165
Jiang ChenXi 4167
Jiang ChunZhi 124, 7367
Jiang DengYang 7470
Jiang DongLai 10794
Jiang GuoLiang 125, 4988, 5028
Jiang HaiQin 4058
Jiang Hao 11360
Jiang HuFang 8075
Jiang HuiFang 6873
Jiang JiMing 890, 5132, 5170
Jiang JinLong 7163
Jiang LiangCai 10480
Jiang LiWen 8123
Jiang LuHua 5652
Jiang MingLiang 3841
Jiang Ning 3854
Jiang Ping 982, 12598
Jiang Quan 5594, 7971
Jiang RenChun 3025
Jiang ShuLi 6964
Jiang ShuYe 261
Jiang WeiChen 9110
Jiang WeiMei 11547
Jiang WuSheng 5499
Jiang XiangZhi 2165
Jiang XiaoChen 2119
Jiang XiaoCheng 2118
Jiang XiaoHong 2678
Jiang XiaoPing 8040
Jiang XingCun 4236, 7885
Jiang XinHua 5940
Jiang YanFang 7628
Jiang You 580
Jiang ZhiNong 1121
Jiang ZhiXin 772-773, 4681
Jiang ZhiXun 2076
Jiang ZhongChun 8735
Jiang ZhongQi 2451
Jiang ZuoSheng 8699
Jianqiang, L. 6335
Jiao, D. M. 5190, 8701
Jiao, G. L. 4601, 6130, 6952
Jiao, J. 11380
Jiao, L. X. 1606
Jiao, S. J. 5293, 5307
Jiao, Y. Y. 12628
Jiao DeMao 5190, 8701
Jiao GaiLi 4601, 6952
Jiao GenLin 6130
Jiao LiXin 1606
Jiao ShaoJie 5293, 5307
Jiao YanYing 12628
Jiban Mitra 3066, 5146, 5276-5277, 5679-5680, 9774
Jie, L. 903
Jie Luo 903
Jie Yu 2229
Jilka, J. M. 10495
Jimenez, A. 11328
Jiménez, B. 4659
Jiménez, E. S. de 9616
Jiménez, I. 2538
Jimenez, M. 3224
Jiménez-Bermúdez, S. 12668
Jiménez-Díaz, R. M. 5427, 11004
Jin, D. M. 4236, 5108, 5918
Jin, D. S. 3893, 7791
Jin, G. 2324, 3215
Jin, G. Q. 11494
Jin, H. 8286
Jin, H. B. 6872
Jin, H. J. 9984
Jin, H. L. 1827
Jin, H. Y. 6825
Jin, J. B. 6041, 10545
Jin, J. M. 3318
Jin, J. S. 3215
Jin, P. F. 3328
Jin, Q. S. 7405, 10853
Jin, S. L. 3887
Jin, T. M. 6608, 11165
Jin, W. 4179
Jin, W. L. 11045
Jin, X. H. 8664
Jin, X. M. 3526
Jin, Y. 3827-3828
Jin, Y. D. 7545, 10787
Jin, Y. F. 3291, 4436
Jin, Y. H. 2619, 4770
Jin, Y. M. 3333
Jin, Y. Q. 5494
Jin, Y. R. 8678
Jin, Z. N. 2678
Jin, Z. Q. 11415
Jin DaSheng 3893, 7791
Jin DeMin 4236, 5108, 5918
Jin Gang 3215
Jin GuoQing 11494
Jin HaiJun 9984
Jin HaiLing 1827
Jin HaiYang 6825
Jin Hong 8286
Jin HuaBin 6872
Jin JiaMin 3318
Jin JingBo 6041, 10545
Jin JuSheng 3215
Jin PeiFang 3328
Jin QingSheng 10853
Jin QiuSheng 7405
Jin SheLin 3887
Jin TongMing 6608, 11165
Jin Wei 10531
Jin WeiLing 11045
Jin XiaoHua 8664
Jin XiaoMa 3526
Jin YiMin 3333
Jin YongFeng 3291, 4436
Jin YongHu 4770
Jin YongQing 5494
Jin YoungDae 7545, 10787
Jin YuRong 8678
Jin ZhaoNing 2678
Jin ZhuQun 11415
Jindal, P. C. 12674
Jindal, S. K. 11599
Jindal, Y. 4998, 8560
Jinfa, Z. 6972

Jing, D. L. 3958
Jing, J. G. 4537
Jing, J. S. 10114
Jing, J. X. 11916
Jing, R. C. 2974
Jing, S. R. 1647, 10260
Jing, S. X. 8905
Jing, S. Z. 10979
Jing, W. Z. 7612
Jing, X. Y. 7568
Jing, Y. L. 4167
Jing, Y. X. 9659
Jing DongLin 3958
Jing JianGuo 4537
Jing JinXue 11916
Jing JunSheng 10114
Jing Liu 9775
Jing RunChun 2974
Jing ShenRong 1647, 10260
Jing ShiXi 8905
Jing ShuZhong 10979
Jing WeiZheng 7612
Jing XiaoYang 7568
Jing YuLiang 4167
Jing YuXiang 9659
Jirali, D. I. 9648
Jirli, D. I. 2157
Jitesh Rathee 2720
Jithesh, M. N. 6260
Jividen, G. M. 8179
Jo, J. K. 3033, 5235
Jo JinKi 3033, 5235
Joarder, O. I. 8297
Job, D. 15, 9300, 11730
Jobling, S. A. 4277, 5473, 9892
Jobst, J. 6598
Jocković, Đ. 7477, 7501
Jockovic, D. 5128
Jodari, F. 5207-5209, 7601
Jodo, S. 11564
Joe, H. S. 11433
Joe HueSing 11433
Joel, A. J. 4539
Joersbo, M. 7792, 10202
Joët, T. 9104
Joginder Singh 4618
Johal, G. S. 2051
Jóhannsson, M. H. 509, 3259
Johansen, C. 1312, 8803
Johansen, I. E. 10993
Johanson, U. 10542
Johansson, E. 131, 9484
Johansson, I. 10542
Johansson, S. Å. 9058
John, A. 4676
John, M. 5758
John, M. E. 10262
John, P. 8898
Johnson, A. A. T. 8522
Johnson, A. G. 10426
Johnson, A. W. 12830
Johnson, B. J. 1231-1232
Johnson, B. L. 1563
Johnson, C. S. 6919-6920
Johnson, D. A. 1222, 1993, 3795, 4087, 4107, 6358
Johnson, D. E. 1164, 9717
Johnson, D. R. 11437, 12888
Johnson, E. O. C. 2172
Johnson, E. T. 11568
Johnson, G. N. 3579
Johnson, G. R. 1886, 2602
Johnson, H. B. 11483
Johnson, J. M. 11869
Johnson, J. W. 3907, 6188
Johnson, K. 3740
Johnson, L. D. 6354, 9752
Johnson, M. A. T. 4633
Johnson, R. 11913
Johnson, R. R. 7454
Johnson, S. D. 805, 1758, 3627
Johnson, S. M. 8832
Johnson, T. 10568
Johnson, W. C. 1288, 11177
Johnson-Flanagan, A. M. 609, 625
Johnston, J. S. 2469, 9389
Johnston, S. A. 11587
Johnston, W. J. 12278
Jokela, E. J. 760
Jokelainen, T. 11593
Jokeš, M. 6539
Jolley, D. von 4160
Joly, H. 2952
Jonak, C. 4127
Jonard, G. 2501, 6944
Jonas, C. S. 7102
Jondreville, C. 6441
Jones, A. 5373
Jones, A. L. 10993
Jones, A. M. 91
Jones, A. T. 12664-12665
Jones, B. 11103
Jones, B. L. 6158
Jones, C. 4565, 8119
Jones, C. E. 5269
Jones, C. S. 4449
Jones, D. 7195
Jones, D. A. 1390, 2305, 2560, 5404, 12541
Jones, D. L. 2608, 7124, 8354
Jones, G. H. 3213, 9936
Jones, H. 10273
Jones, J. D. G. 494, 1390, 1877, 2305, 3724, 4592, 4824, 5532, 5542, 6042, 7903, 12541
Jones, J. G. 1216
Jones, K. 3785
Jones, K. S. 6359
Jones, M. 5283
Jones, M. G. K. 136, 833, 4151
Jones, M. L. 10368, 10379
Jones, M. P. 1164
Jones, P. 1950
Jones, R. A. C. 12544
Jones, R. G. W. 7393
Jones, R. J. 9777, 9779
Jones, R. M. 6379
Jones, R. N. 3034, 7653
Jones, S. 298
Jones, S. S. 960, 2834, 2856, 6153
Jones, T. A. 4087
Jones, T. L. 50
Jones, W. E. 1757
Jong, G. de 11794
Jong, H. de 5471
Jong, J. de 10333
Jong, J. H. de 6579, 9283
Jong, T. J. de 7280
Jongsma, M. A. 2724
Jonsson, A. 1042, 8245
Joo, S. J. 11013
Joo SunJoo 11013
Joobeur, T. 2433, 6762
Jood, S. 167, 1257, 6163
Joosten, M. H. A. J. 491
Joppa, L. R. 9492
Jordá, L. 5521
Jordan, B. R. 2208, 8324
Jordan, D. R. 233
Jordan, N. 1773, 10877
Jordan, N. D. 817
Jordan-Beebe, E. T. 3944
Jordana, X. 8837, 10695
Jordano, J. 5692
Jordano, P. 3900
Jordi, W. J. R. M. 8869
Jorgensen, G. L. 4086
Jørgensen, J. E. 9807
Jørgensen, L. N. 11887
Jorgensen, R. A. 7108
Jørgensen, R. B. 597, 4504, 6783, 6839
Jørnsgård, B. 10913
Jose, J. 8371
José-Estanyol, M. 7486
Jose Leiva, M. 9132
Josefsson, L. G. 5999
Joseph, A. 8371
Joseph, J. L. 7450
Joseph, K. D. S. M. 5431
Joseph, R. 8371, 10782
Joseph, R. A. 2781
Joseph, R. G. 7688
Joseph, T. 12988
Joseph, T. A. 11019
Joshee, L. 6505
Joshi, A. K. 2970, 3241, 6554, 6563
Joshi, B. D. 7303
Joshi, D. P. 5436
Joshi, J. M. 7719
Joshi, K. D. 7187, 10785
Joshi, P. K. 4229, 4797
Joshi, S. 9953, 12504
Joshi, S. C. 679
Joshi, S. P. 11714
Joshi, S. S. 12560
Joshi, V. J. 10777
Joshi, V. N. 2937
Josserand, J. 1297
Jost, D. J. 11446
Jothi, R. 12770
Jouanin, L. 748, 1668, 3537, 4309, 4517, 4519, 4648, 5806, 8055, 8136
Jouannic, N. 9299
Jouannic, S. 3727, 10530, 11254
Joubès, J. 5522
Joudrier, P. 879, 9429
Jouhikainen, K. 11593
Joung, H. 6495
Joung, H. Y. 8303-8304
Joung, J. I. 7543-7544
Joung, M. I. 8343, 8346
Joung, Y. H. 6495
Joung HyangYoung 8303-8304
Joung Hyouk 6495
Joung JinIl 7543-7544
Joung MyeoungIll 8343, 8346
Joung YungHee 6495
Jourdan, P. 8217
Journal of Experimental Botany 8413
Journet, E. P. 10904
Jouve, N. 2878, 4940, 4969, 6175
Jovanovich, G. 184
Jović, S. 3315
Joyard, J. 7856
Joyce, P. A. 673, 8107
Joyce, T. A. 12316
Jozan, J. 11855
Józsa, S. 4528
Ju, J. I. 7339, 7455
Ju, Y. C. 1117
Ju, Z. G. 7940
Ju JeongIl 7455
Ju JungIl 7339
Ju YeongChul 1117
Ju ZhiGuo 7940
Juárez, J. 3359, 8005, 12688
Juarez, M. T. 11382
Jubete, F. F. 5274
Jubier, M. F. 4654
Jücker, E. I. 10973
Judal, G. S. 12422
Judd, W. S. 7664
Judziewicz, E. J. 5914
Jugović, Z. 2855, 3872
Jugovich, Z. 2855, 3872
Juhanoja, S. 4687
Juhász, A. 1963, 7377
Jukes, P. L. 456
Julfiquar, A. W. 1112
Juliatti, F. C. 6506
Julkunen-Tiitto, R. 5802, 11459
Jullian, J. P. 12651
Jullien, F. 11609, 11611
Jullien, M. 6547, 7873
Juma, M. 3454
Juma, M. A. 3455
Jun, B. T. 1123, 7546
Jun, J. H. 518, 2348, 6680, 10027, 10034
Jun, W. J. 1965-1966
Jun, Z. 7605, 8183
Jun ByungTae 1123, 7546
Jun JiHyae 6680, 10027, 10034
Jun JiHye 518
Jun Zhang 8183
Jun Zhu 7581, 7605, 9114
Jundulas, J. 2224, 2242, 3153
Jung, B. K. 279
Jung, C. 1597, 1600, 2504, 2888, 5739
Jung, C. S. 7753
Jung, D. H. 710
Jung, G. 368, 2201, 8357
Jung, H. G. 11476
Jung, H. J. G. 7253
Jung, H. S. 10531
Jung, J. Y. 7835, 9681, 12184
Jung, K. H. 1123, 7550
Jung, M. 7798
Jung, R. 3919, 6206
Jung ByungKyun 279
Jung ChanSik 7753
Jung DongHee 710
Jung HouSung 10531
Jung JiYoung 7835, 9681, 12184
Jung KukHyun 1123, 7550
Jung Min 7798
Jung-Muller, B. 4654
Junghanns, K. T. 10446
Junghanns, W. 7152
Junghans, T. G. 3558
Junier, T. 5980
Juniper, B. E. 4400, 6647
Junqueras, M. J. 11610
Juntheikki, M. R. 11459
Junttila, O. 9376
Jupe, S. C. 9819
Juravel, A. M. 12650
Jurečka, D. 8539
Jurenitsch, J. 5904
Jürgens, G. 3662, 3743, 4865, 8520, 10537
Jürgens, H. U. 7812
Jurík, M. 10994
Jurković, Z. 4987
Jurzysta, M. 12310
Juskiw, P. E. 3906
Justesen, A. F. 10501
Justin, A. M. 11722
Justo, E. 2428
Jutzi, S. C. 3799
Juvik, J. 11987
Jyothi, D. P. 12789
Jyoti Shah 4908
Jyotirmoy Ghosh 12766
Ka, W. S. 9894
Ka WahSun 9894
Kaan, F. 11271, 11291
Kabadzhova, R. 3510, 3512
Kabaki, N. 5188
Kabilan, V. 10545
Kač, M. 10455
Kachonpadungkitti, Y. 6305
Kachroo, P. 4908
Kaczmarek, J. 11974
Kaczmarek, Z. 1021, 10667, 11958
Kadayat, K. B. 7187
Kade, M. 4979
Kader, A. A. 3458
Kader, J. C. 9299, 11259, 11722
Kadereit, J. W. 792, 2799
Kadomatsu, M. 1694, 1696, 5822
Kadota, A. 10412
Kadota, S. 1404
Kadota, Y. 12934
Kadowaki, K. I. 12188
Kaeppler, H. F. 3945, 11940, 11970-11972
Kafawin, O. 9507-9508
Kaffka, S. R. 2489
Kafkas, S. 3406, 3410, 3412, 3415, 6773
Kafyat-ur-Rehman 10141
Kaga, A. 10976
Kagemori, T. 4834
Kageyama, K. 10359
Kageyama, P. Y. 5747
Kahl, G. 5410, 5428, 6508, 7767, 8801, 8851, 11652, 12411
Kahler, A. L. 172
Kahlon, R. 1301
Kahn, M. L. 403, 9791
Kahnau, R. 9158
Kai, K. G. 284
Kai, Y. 11534
Kai KuiGen 284
Kaide, N. 5461
Kaizuma, N. 5302
Kajba, D. 7000, 7007
Kaji, A. 7856
Kajiwara, S. 5917

Kajiwara, T. 6612, 7930, 10502
Kajiya-Kanegae, H. 2105
Kajiyama, T. 4556-4557
Kajjidoni, S. T. 6957
Kajornsrichon, S. 10309
Kakani, A. 12836
Kakar, A. A. 11861
Kakeda, K. 817, 11354
Kakefuda, T. 8326
Kakiuchi, K. 512
Kako, S. 11569
Kakralya, B. L. 6590
Kaku, H. 12241
Kakubari, Y. 9317
Kakuda, Y. 84
Kakutani, M. 5653
Kakutani, T. 4859
Kala, R. G. 10275
Kalagudi, G. M. 2114
Kalaimagal, T. 396, 1313, 9864
Kalaimani, T. 1593, 4553
Kalaiselvi, K. 9879
Kalamani, A. 7602
Kalappanavar, I. K. 9642-9643, 9646
Kalariya, G. B. 12422
Kalashnikova, E. A. 417, 3855
Kalazich, J. 8837
Kaldenhoff, R. 2762
Kale, D. M. 646
Kalendar, R. 7427
Kalengamaliro, N. E. 3049
Kalghatgi, S. B. 2157
Kalhovd, A. H. 6124
Kalinina, I. P. 8910
Kalita, H. 9078
Kalita, M. K. 10873
Källersjö, M. 2796
Kalloo, G. 10005
Kallsen, C. 3399
Kalmbacher, R. S. 7664
Kaloshian, I. 497, 1391
Kaloyanova, D. 1776
Kalpalatha, M. 3476
Kalpande, H. V. 11297-11298, 11409
Kalpande, V. V. 11297-11298
Kalra, A. 11608
Kalra, N. 5341
Kalra, S. 167
Kalsbeck, S. 3827-3828
Kaltenbach, M. 12949
Kalwar, M. S. 10253
Kalyaeva, M. A. 5791, 9261
Kalyani Datta 2630
Kalyna, M. 7225
Kamada, H. 2250, 3178-3179, 4905, 5206, 5794, 6496, 8460, 8846
Kamal, S. 2249
Kamal-Eldin, A. 10679
Kamala, P. M. 635
Kamalesh Ram 8093
Kamaluddin, M. 10279
Kamara, A. Y. 1248
Kamasaki, K. 11184
Kamata, A. 1694, 5822
Kambod Singh 11608
Kamentseva, I. E. 2161
Kameya, T. 1126, 2090, 7878
Kamieniecka, E. 7655-7658
Kamijima, O. 5461
Kaminaka, H. 4046, 7552
Kaminishi, Y. 11637-11638
Kamisugi, Y. 3426
Kamiya, Y. 920, 2299, 2772, 4341, 4354, 4381, 5532
Kammen, A. van 6579
Kammholz, S. J. 997
Kamo, K. 10387
Kamo, T. 8001
Kampfenkel, K. 6480, 6480
Kampfer, S. 4641, 12870
Kampmann, G. 9340
Kamstra, S. A. 4746
Kan, K. P. 6664
Kan, T. J. 7409
Kan KaiPing 6664
Kan TianJun 7409
Kanamadi, V. C. 10055-10056
Kanatani, R. 162, 10669
Kanaujia, K. R. 12772
Kanaujia, S. P. 11155
Kanaya, E. 8493
Kanayama, Y. 1922, 4440
Kanazashi, T. 8279
Kanazawa, A. 342, 1628, 3086, 5294, 12778
Kanbe, M. 10906
Kanbertay, M. 3813
Kandalkar, V. S. 6834, 11862, 11952
Kandasamy, G. 7523
Kandasamy, M. K. 10517, 10569
Kandasamy Kalaiselvi 9879
Kandhola, S. S. 8703, 8713, 12225
Kandykov, I. V. 1300
Kaneda, C. 7631
Kanegae, H. 8469
Kanegae, T. 807, 3630
Kanehisa, M. 5963
Kanekatsu, M. 458
Kaneko, S. 7666, 9223
Kaneko, T. 1040, 10669
Kaneko, Y. 415, 423-424, 6796, 12505
Kanerva, A. 8210, 9031
Kaneta, T. 4354
Kanevski, I. 4576, 8139
Kaneyoshi, J. 12689
Kang, B. G. 9875
Kang, B. J. 917
Kang, C. W. 8087, 8094-8095
Kang, D. J. 1023-1024, 1026
Kang, D. M. 9310
Kang, G. Q. 1387, 5520
Kang, G. S. 4269
Kang, H. C. 7986
Kang, H. G. 2977, 9681, 12184
Kang, H. J. 7544, 7596, 9697
Kang, H. S. 11454
Kang, J. H. 6583
Kang, J. R. 7542, 10787
Kang, K. H. 7548-7550, 9693
Kang, K. S. 3575
Kang, K. Y. 7921-7922, 7925
Kang, L. Y. 264
Kang, M. S. 1024-1025, 2052, 6226, 7489, 9613
Kang, N. J. 7921-7922, 7925
Kang, N. K. 11058
Kang, S. G. 6041, 10545
Kang, S. J. 2348, 6680, 10027, 10032-10034
Kang, S. K. 7984
Kang, S. S. 5869, 9191
Kang, S. T. 7704-7705
Kang, S. Y. 5186
Kang, T. T. 9529
Kang, W. H. 11560
Kang, Y. F. 7681
Kang, Y. L. 7934
Kang, Z. H. 5481
Kang, Z. S. 1981
Kang ChulWhan 8087, 8094-8095
Kang DingMing 9310
Kang DongJu 1023-1024, 1026
Kang GaoQiang 1387, 5520
Kang HanChul 7986
Kang HongGyu 2977, 9681, 12184
Kang HunSeung 11454
Kang HyeonJung 7596, 9697
Kang HyunJung 7544
Kang JongRae 7542, 10787
Kang JungHoon 6583
Kang KwangYoon 7921-7922, 7925
Kang KyungHo 7548-7550, 9693
Kang LiangYi 264
Kang MoonSeok 1024-1025
Kang NamJun 7921-7922, 7925
Kang NamKil 11058
Kang SangJo 6680, 10027, 10032-10034
Kang ShinGene 6041, 10545
Kang SiYong 5186
Kang SoonSuk 5869, 9191
Kang SungKu 7984
Kang SungTaek 7704-7705
Kang TongTong 9529
Kang WonHee 11560
Kang YanLing 7934
Kang YuFan 7681
Kang ZhenSheng 1981
Kang ZhiHe 5481
Kaniewski, W. 5546-5547
Kaniewski, W. K. 412, 4363
Kaniuga, Z. 3982, 10718
Kanjilal, P. B. 1785
Kanjo, N. 9670
Kankila, J. 2351
Kanko, C. 11618
Kannan, P. 2300, 8383, 8886
Kannan, R. 10438
Kannan, S. 12159
Kannangara, C. G. 1995, 5069
Kanno, A. 7878
Kanno, H. 11101
Kanno, T. 508, 6603
Kano-Murakami, Y. 3339, 8688, 12449
Kanrar, S. 6778
Kant, L. 3116
Kant, S. 8582
Kanthack, R. A. D. 11829
Kantharajah, A. S. 1538
Kanti Rekha 3647
Kantorowicz-Bąk, M. 8909
Kanyuka, K. 7818, 9908, 12468
Kanzaki, H. 4834
Kanzaki, S. 1533, 6754
Kao, T. H. 2192, 2639, 7292, 8323
Kao, Y. Y. 2917
Kao TehHui 2192, 2639, 8323
Kapała, A. 1021
Kapaun, J. A. 12878
Kapila, J. 10377
Kapildeo Prasad 652
Kappel, F. 1449, 2352, 4417
Kapranov, P. 5270
Kaps, A. 5967
Kaps, M. L. 549
Kapseu, C. 11341
Kapulnik, Y. 2146
Käpylä, M. 736
Kar, A. K. 3984
Kar, C. S. 6464
Kara, Ş. M. 10627
Karaaltin, S. 5012
Karabínová, M. 6909
Karabourniotis, G. 10053
Karachi, M. 329
Karadavut, U. 11002
Karakaya, A. 5406
Karakousis, A. 957, 9573, 11959
Karale, M. U. 2951
Karan Singh 9078
Karande, A. A. 5933
Karas, H. 5982
Karataglis, S. 5050
Kardailsky, I. V. 6442
Kardolus, J. P. 8820
Kärenlampi, S. 5601
Karešová, R. 8972, 8974, 12645
Karhu, S. T. 10064
Kari, A. 9542
Karim, M. A. 12201
Karim, M. S. 2244
Karim, S. 887
Karimi, M. 3701, 8441
Karita, S. 8848
Kariyawasam, J. T. D. 4802
Karkalas, J. 1960
Karkamkar, S. P. 5619
Karki, T. B. 10640
Kärkkäinen, K. 9144
Karle, R. 1448, 3288, 8348
Karlsson, B. 3581, 8256
Karlsson, M. 10542
Karlsson, P. S. 1660
Karnahl, K. 157
Karnatak, A. K. 12772
Karniol, B. 4868, 9347
Karnosky, D. F. 11473, 11475
Karolini-Skaradzińska, Z. 10678, 10681
Karp, A. 9137
Karp, K. 3298
Karpinska, B. 8479
Karpinski, S. 8479
Karpova, O. V. 5095
Karsai, I. 7377
Karska, K. 10879
Karsono, S. 5432
Karst, F. 7232
Kartel', N. A. 2809, 5960, 10660
Karthikeyan, R. 1896
Kartofel' i Ovoshchi 1376, 8901, 9890
Karunasri, K. 6245
Karutz, C. 8561
Karwasra, S. S. 2862, 11897
Karyagina, A. S. 12000-12001
Karyeija, R. F. 2256
Kasai, K. 1975
Kasai, Y. 10845
Kasamo, K. 10807
Kasarda, D. D. 3856, 11871
Kaserer, H. 5620
Kasha, K. J. 5733, 9453, 10620
Kashi, A. 12610
Kashyap, N. P. 4365
Kasiborski, B. 1247
Kask, K. 1447
Kaşka, N. 3412, 3415, 6773
Kaska, N. 3397, 3406, 3410
Kasperbauer, M. J. 8170
Käss, E. 10932
Kass, L. B. 11686, 12006
Kasschau, K. D. 8154
Kast, W. K. 1492
Kasten, D. 12442
Kastirr, U. 1219
Kastner, U. 5904
Kasuga, L. J. 3657
Kasuga, M. 4897, 9373
Kasuga, S. 8671
Kasumi, M. 2624, 4749, 7115, 7117
Kaszás, É. 5100
Katagiri, T. 9311
Kataoka, I. 8978
Kataoka, T. 10790
Katare, N. B. 4051
Katare, S. 12440
Kataria, V. P. 12417
Katavić, V. 5831
Katavic, V. 11067
Katayama, K. 1350, 8849, 11055
Katayama, T. C. 2112
Katayose, Y. 10870
Katepa-Mupondwa, F. 1237
Kathen, A. de 5366
Kathiria, K. B. 7775
Kathju, S. 6468
Katic, S. 7673
Katinas, L. 3609
Katinger, H. 11389
Katiyar, S. 2720
Katiyar, S. K. 7598, 12260
Katiyar, S. R. 3574
Kato, A. 1411, 5101, 6209, 11756, 12052
Kato, H. 1631, 9663
Kato, K. 1404, 6108, 8534, 8772, 8881, 12533
Kato, M. 10441, 12914, 12980
Kato, N. 8001
Kato, S. 5294, 10189
Kato, T. 1159, 7590, 9358, 12200
Katoch, P. C. 4271
Katoh, A. 8856
Katoh, N. 4589
Katsiotis, A. 1567, 1597
Katsuba, Z. 6233
Katsube, T. 7610, 9790, 9798, 12183
Katsuda, A. 10192
Katsukawa, K. 12930
Katsura, M. 3946
Katsuya, S. 8151
Katuyama, T. 8280
Katz, A. 6006
Katz, S. D. 1951

Katz, V. A. 828
Katz-Downie, D. S. 1234
Katzir, N. 11987
Kauder, F. 9902
Kauffmann, S. 5763
Kaufman, B. 3480
Kaufman, L. S. 10981, 12398
Kaul, B. L. 9956
Kaundun, S. S. 761
Kauppi, A. 11460
Kauppi, M. 11460
Kaur, A. 10832
Kaur, G. 4618
Kaur, L. 5042
Kaur, M. 5042
Kaur, P. 6456
Kaushal, P. 1203, 4141, 7622
Kaushik, U. K. 4520, 12553
Kavakli, H. 9275
Kavakli, I. H. 403
Kavanagh, K. L. 9149
Kavanagh, T. A. 3177, 12805
Kavuncu, O. 6119
Kavvadias, V. A. 10322
Kaw, R. N. 2979, 5216, 10862
Kawabata, O. 10098
Kawabe, A. 11748
Kawada, N. 10657
Kawahara, T. 4660
Kawai, F. 24
Kawai, M. 1192, 4063, 4608
Kawai, S. 7610
Kawai, Y. 11184
Kawaide, H. 920, 4341, 4354
Kawakami, A. 7559, 9546
Kawakami, N. 7397, 9515
Kawakami, S. 8347
Kawakami, S. M. 8347
Kawakatsu, M. 12774
Kawaminami, K. 10856
Kawamukai, M. 4892, 10505
Kawamura, A. 11046
Kawamura, K. 4061
Kawamura, O. 4119
Kawamura, S. 6759
Kawamura, T. 1074
Kawano, M. 11569
Kawano, N. 11372
Kawano, S. 3601, 5851, 9098, 11540
Kawanobu, S. 11146
Kawarkhe, V. J. 5557
Kawasaki, S. 10807, 10815-10816, 12176
Kawasaki, T. 5221, 10809
Kawashima, Y. 9800
Kawashty, S. A. 825
Kawasoe, S. O. 2948
Kawata, T. 11185
Kawazu, K. 4834
Kawchuk, L. M. 3169, 12457
Kay, S. A. 926
Kaya, H. 11363
Kaya, N. 866
Kaya, Z. 7020
Kayano, T. 463, 5206
Kayım, K. 5644
Kayim, M. 11237
Kaynak, L. 11225
Kays, S. J. 11109
Kazakov, L. A. 3350
Kazan, K. 2784, 6851, 8059
Kazda, J. 5774
Kažemėkas, O. 2206
Kažemėkienė, B. 2206
Kazinczi, G. 4299
Kazman, M. E. 1926, 6194
Kchouk, M. L. 6774
Ke, F. Y. 7498
Ke, W. 2068, 7628
Ke, W. D. 6511, 6544, 6620, 8855
Ke, Y. Z. 2585
Ke FengYing 7498
Ke Wei 2068, 7628
Ke WeiDong 6511, 6544, 6620, 8855
Ke YuZhu 2585
Keane, B. 1474
Keane, E. M. 1950
Keane, P. J. 4639
Kearney, G. A. 305
Kearns, C. A. 7290
Kearsey, M. J. 1885, 4334, 4798, 5997
Keating, K. 12843
Kébé, B. I. 5748
Kebebew, A. 3043
Keck, E. 11546
Kecke, S. 7877
Kedari, P. H. 1643
Kee, A. 12939
Keegstra, K. 9324
Keeling, P. L. 8645
Keen, D. 6091, 11837
Keen, N. T. 11678, 12996
Keener, C. S. 1741
Keerio, M. D. 10253
Keetels, C. J. A. M. 7811
Keever, G. 5846
Kefeli, V. I. 1300
Kegler, H. 1813, 2128, 4410, 5580, 12636, 12640
Kehoe, D. M. 11710
Kehr, A. E. 1721
Kehr, J. 2238, 9901
Keil, M. 11049
Keim, D. L. 11397
Keim, P. 1686, 4197, 7713
Keinänen, M. 5802, 11459
Keinonen-Mettälä, K. 8196
Keizer, L. C. P. 781
Keizer, P. 12499
Kekwick, R. G. O. 11369
Kel, A. E. 5979, 5982
Kel, O. V. 5982
Kel-Margoulis, O. V. 5979
Kelemen, Z. 9749
Keliger, Ya. 5738
Kelkar, R. G. 7357
Kelkar, S. M. 4775
Keller, A. von 11289
Keller, B. 959, 3851, 8552, 8561, 8590, 9496, 9520, 10594
Keller, H. 5770
Keller, J. 4245
Keller, M. 3851, 8552, 8561, 8590, 9496
Keller, R. 2237, 12445
Keller, W. 5670
Keller, Y. 7907
Kellerhals, M. 1451, 3264, 5573, 6625, 6654, 6656, 8919, 11175
Kellermann, A. 3940
Kelley, J. D. 6414
Kelley, S. 1227
Kellogg, E. 12156
Kellogg, E. A. 6337, 11808
Kelly, J. D. 4209, 4213, 5361, 6412-6413, 7738
Kelly, J. F. 1374-1375, 7867, 11082
Kelly, J. K. 9233-9234
Kelly, J. T. 3829
Kelly, K. B. 4101
Kelly, L. M. 1738
Kelman, W. M. 10893, 12338
Kelt, K. 3353
Kemal Koç, N. 5644
Kemp, G. 11917
Kemp, H. 1420, 8964
Kemp, J. R. 778
Kempe, D. 3235
Kempken, F. 5136, 8668
Kempton, R. A. 4812
Kemsley, E. K. 521
Kenaschuk, E. 1649, 3554
Kenaschuk, E. O. 1558, 6978, 11270, 12859-12860
Kencharaddi, R. N. 11276
Kende, H. 269, 2965, 3111, 9678
Kendrick, R. E. 2299, 3237, 4352, 8483, 11106
Keneni, G. 1573
Kenga, R. 3997
Kengue, J. 12703
Kennedy, H. 8353
Kennedy, L. D. 2151
Kennedy, R. 7846
Kenneth Ocallaghan 6826
Kenward, K. D. 6942, 12815
Kenworthy, W. 5321
Kerckhoffs, D. M. F. J. 12937
Keresztessy, Z. 7824
Kerk, N. 4891
Kerkeb, L. 637, 11120
Kerketta, V. 653
Kermicle, J. L. 5092
Kerndorff, H. 10388
Kerns, M. R. 6205, 6225
Kerr, R. J. 2566
Kerr, S. 11348
Kerr, S. P. 8114
Kerry, B. R. 6833
Kershanskaya, O. I. 7370
Kersten, M. 9973
Kertész, Z. 1939, 7422
Kertesz-Chaloupková, K. 1791
Kertikova, D. 4123
Kervella, J. 12663
Kerwer, A. H. 8045
Keryer, E. 7881
Kesarwan, M. 4081
Kesavacharyulu, K. 2152
Kesercioğlu, T. 706
Keshta, M. M. 11332
Keskin, S. 6119
Keskitalo, M. 10440
Kesseli, R. V. 788
Kester, D. 3655
Kester, D. E. 3373, 3380, 3388, 3392, 10090
Kestermann, M. 630
Ketata, H. 3928
Ketchum, K. A. 11758
Kettmann, R. 3268
Kettunen, R. 8136
Keukeleire, P. de 9284
Keulemans, J. 6638, 6644
Keun, O. K. 8304
Keun OhKun 8304
Kevers, C. 4769
Keys, M. 2875
Keys, W. 12344
Keyser, A. de 7237, 9295
Khadari, S. 6727
Khade, K. K. 10188
Khadeeva, N. V. 8127
Khadi, B. M. 6957, 10250
Khag, S. 9910-9911
Khailova, G. 5383
Khairallah, M. 9241
Khairwal, I. S. 1106
Khakim, A. 2933-2934
Khaldi, H. 5425
Khalekuzzaman, M. 6400
Khalifa, M. A. 9476, 9478, 9502
Khalifa, S. F. 10437
Khalighi, A. 5585
Khalil, G. M. 8167, 8174
Khaliq, I. 4995
Khan, A. 1570, 1570, 1575, 1575, 3468
Khan, A. A. 2049, 2308, 5341, 7786, 8995
Khan, A. K. F. 6235
Khan, A. Q. 3489
Khan, A. S. 5001-5002
Khan, B. 2308
Khan, D. 674
Khan, F. 1001
Khan, H. A. 2042, 7372
Khan, H. R. 382
Khan, I. A. 5659, 11345
Khan, K. 5011
Khan, M. A. 3546, 3833, 6976, 11914, 11918-11919, 12583-12584
Khan, M. G. 1111
Khan, M. M. 11029, 12965
Khan, M. N. 5450, 10130, 12431
Khan, M. N. A. 4047, 4050, 7585
Khan, M. R. 1986
Khan, M. S. 5966, 9091, 12804
Khan, M. S. I. 12844
Khan, M. W. 2308
Khan, N. A. 6063
Khan, P. S. S. V. 10434
Khan, R. 11345
Khan, S. 11169
Khan, T. N. 12401
Khan, W. 6955
Khan, W. S. 1640, 9115
Khanam, A. 7193
Khandakar, A. L. 11450
Khandelwal, A. 12753
Khanh, T. T. 9779
Khanna, H. K. 12187
Khanna, K. K. 1739
Khanna, K. R. 5903
Khanna, R. 4221
Khanna, S. C. 6164
Khanna, V. K. 1637, 5172
Khanna, Y. P. 10100
Khanna-Chopra, R. 3968, 6149, 7392
Khanuja, S. P. S. 10449, 11579-11580, 11582, 11607-11608, 11613
Khanzada, M. H. 11345
Khapre, P. R. 1314
Khar, A. 8373
Kharb, R. P. S. 8562
Kharboutli, M. S. 6975
Khare, D. 12412
Khare, N. 2221
Kharkwal, M. C. 3119, 5414
Kharrat, M. 5335
Khatamsaz, M. 7138
Khatri, A. 11345
Khatri, R. S. 2945
Khattab, A. A. 7386
Khatun, A. A. 9692
Khatypova, I. V. 7476, 7479, 12013, 12026
Khauer, D. 9065
Khavkin, Ė. E. 1054, 6189
Khavkin, E. E. 1817, 11975, 12000-12001
Khawaja, H. I. T. 3062
Khawas, B. 7364
Khayat, E. 2386
Khlaif, H. 2325
Khoa, L. V. 9779-9780
Khodaii, H. 677
Khodayari, K. 8726
Khodzhaĭova, L. T. 5952
Khoii, F. R. 11001
Khokhar, K. S. 8054
Khorgade, P. W. 631, 3477
Khosrovshahly, M. 11001
Khotyleva, L. V. 3240, 5792, 5960
Khotyljova, L. V. 8241
Khoudi, H. 9748
Khrais, T. 410
Khromova, L. M. 4252
Khulbe, R. K. 11263
Khuller, S. 787
Khurana, J. P. 13, 2792
Khurana, P. 6286, 9029, 11733
Khurana, S. M. P. 4298, 5933, 5933, 12465
Khurana, S. R. 9044
Khurram Bashir 9050
Khursheed, T. 5341
Khush, G. S. 1125, 2121, 4077, 7564, 8717-8718, 9700
Khushi Ram 9865
Khvorostov, I. B. 6907
Kianian, S. F. 8622
Kibite, S. 6186
Kida, T. 803
Kidd, R. 406
Kiddle, G. 9380, 12725
Kidner, C. 911
Kidou, S. 5166
Kidou, S. I. 10805
Kidwell, K. K. 112-113, 6355, 6463
Kieber, J. 6016, 6016
Kieber, J. J. 53, 1853, 9333
Kieckhefer, R. W. 6141
Kiegerl, S. 4127
Kiehn, F. 6418
Kiehn, F. A. 6419, 7736-7737, 9817
Kiekens, P. 721-722

Kielczewska, H. 5945
Kieliszewski, M. J. 7884
Kiesecker, H. 5366
Kieselbach, T. 4853
Kiew, R. 2294, 5872, 5874, 12939
Kifle, S. 5739
Kightley, S. P. J. 1559
Kihara, M. 155, 1040
Kihara, T. 12181
Kiihl, R. A. de S. 2182
Kijas, J. M. H. 2413
Kijne, J. W. 7140, 12947
Kik, C. 433, 12499
Kikkert, J. R. 11716
Kikuchi, A. 6496, 10946
Kikuchi, F. 7625
Kikuchi, H. 4031
Kikuchi, M. 11074
Kikuchi, S. 2105, 8469, 10525
Kilby, M. J. 12835
Kilen, T. C. 1263
Kilian, A. 1030, 10661
Kille, P. 5922
Kilpeläinen, I. 1735
Kim, B. H. 2660, 7783, 8343-8346
Kim, B. J. 5297, 7753, 7753
Kim, B. K. 7543-7544
Kim, B. S. 2312-2313, 9989
Kim, C. K. 432, 7839, 7842
Kim, C. R. 8088
Kim, C. S. 5618, 7984
Kim, C. W. 710
Kim, C. Y. 295, 7346
Kim, D. 6350
Kim, D. A. 225, 303
Kim, D. G. 12368
Kim, D. H. 1024, 1026, 2317, 7339
Kim, D. J. 1117
Kim, D. S. 1117
Kim, D. U. 11068
Kim, D. W. 8087
Kim, D. Y. 7548
Kim, E. J. 10632
Kim, E. S. 7828
Kim, G. I. 12507
Kim, G. T. 11757
Kim, H. D. 8303-8304
Kim, H. H. 8116, 8362
Kim, H. S. 6405, 6495, 7544, 7706, 7781-7782
Kim, H. T. 7921-7922, 7925
Kim, H. U. 9942
Kim, H. Y. 2978, 5187, 7542, 7545, 7548-7549, 8834, 10027, 10032-10034, 10787
Kim, I. J. 553
Kim, I. S. 7841
Kim, J. 9309
Kim, J. C. 826, 7546, 8300
Kim, J. D. 6287
Kim, J. G. 225, 644, 1024-1025, 3033, 6399, 8078
Kim, J. H. 689, 2281, 3590, 5574, 7071, 8087, 8300, 10032, 10340, 11013
Kim, J. I. 1123
Kim, J. K. 225, 253, 1023, 1026, 5096, 7546, 9679, 11058
Kim, J. L. 5723
Kim, J. S. 5244
Kim, J. T. 295, 644, 7634, 8077-8078, 8087, 8096, 11788
Kim, J. W. 11592
Kim, J. Y. 2660, 3979, 8303-8304, 8343-8346, 11537
Kim, K. D. 9809
Kim, K. H. 4078, 7070
Kim, K. J. 780, 8300
Kim, K. L. 9711
Kim, K. M. 432, 7839, 7986
Kim, K. N. 2910, 8632
Kim, K. S. 1160, 5844, 8076, 8389-8390, 11537, 11560
Kim, K. U. 502
Kim, K. W. 1118, 7547-7548
Kim, K. Y. 3033
Kim, M. 5071
Kim, M. C. 303
Kim, M. J. 6534, 6847
Kim, M. K. 1123, 4078, 7550, 12879
Kim, M. S. 2660, 7784, 8087
Kim, M. Y. 9557, 12806
Kim, S. 644, 8078
Kim, S. B. 518, 5618, 7984
Kim, S. C. 2978, 7542, 7545-7546, 7784, 8220, 10787, 10861
Kim, S. D. 7706-7707, 7781-7784, 8076-8077
Kim, S. G. 710, 2195
Kim, S. H. 6041, 9194-9196
Kim, S. J. 1025, 6756, 8300, 8480
Kim, S. K. 1023, 6223, 6287, 8087, 9989
Kim, S. S. 2260
Kim, S. Y. 2358
Kim, T. C. 6756
Kim, T. G. 7828
Kim, T. I. 8303-8304, 11537
Kim, T. Y. 12752
Kim, U. 7223
Kim, W. B. 496, 3200
Kim, W. C. 518, 10032-10034
Kim, W. G. 2186
Kim, W. H. 225
Kim, W. S. 279
Kim, W. T. 11013
Kim, Y. 10562
Kim, Y. B. 6534
Kim, Y. D. 7543-7544, 9697
Kim, Y. H. 4078, 6259, 7706-7707, 8389-8390, 8690
Kim, Y. J. 4359, 4858, 5244, 7071, 10340
Kim, Y. K. 1028, 1118, 8087, 11966
Kim, Y. S. 1117-1118, 1123, 1774, 1869, 7548-7550, 7706-7707, 7781-7782, 8076, 8094-8095, 8880
Kim, Z. S. 10316
Kim BoKyeong 7543-7544
Kim BumJun 5297
Kim ByeongHo 7783
Kim ByeongHyeon 2660, 8343-8346
Kim ByungJoo 7753, 7753
Kim ByungSoo 2312-2313, 9989
Kim ChangKil 432, 7839, 7842
Kim ChangYub 7346
Kim ChilRyong 8088
Kim ChilYong 295
Kim ChulWoo 710
Kim ChungSun 5618, 7984
Kim DaeHo 1024, 1026, 7339
Kim DeogSu 1117
Kim DongJin 1117
Kim DongUk 11068
Kim DongWon 8087
Kim DooHwan 2317
Kim DooYeul 7548
Kim EunSeok 7828
Kim GiIn 12507
Kim GyungTae 11757
Kim HaengHoon 8116, 8362
Kim HeiYoung 8834
Kim HoeTae 7921-7922, 7925
Kim HongSig 7706, 7781-7782
Kim HongYeol 5187, 7548-7549
Kim HoYeol 10027, 10032-10034
Kim HoYeong 2978, 7542, 10787
Kim HoYoung 7545
Kim HyoungDeug 8304
Kim HyungDeug 8303
Kim HyunSoon 6495, 7544
Kim HyunUk 9942
Kim InJung 553
Kim JaeChul 7546, 8300
Kim JaeWhune 11592
Kim JaeYean 3979
Kim JaeYeong 2660, 8343-8346, 11537
Kim JaeYoung 8303-8304
Kim JeongGap 3033
Kim JeongGyu 6399
Kim JeongHye 8300
Kim JeongIl 1123
Kim JinHyun 689
Kim JinKey 9679
Kim JongGon 1024-1025
Kim JongHwa 3590, 7071, 10340
Kim JongKee 11058
Kim JongTae 644, 8078, 8087
Kim JooHee 11013
Kim JooLak 5723
Kim JoonChul 826
Kim JuKon 253, 5096
Kim JungGon 644, 8078
Kim JungHo 5574, 10032
Kim JungKon 1023, 1026, 7546
Kim JungTae 295, 7634, 8077, 8096
Kim JunHo 8087
Kim JunSik 5244
Kim JuongHee 2281
Kim KiJae 8300
Kim KiJoong 780
Kim KilUng 502
Kim KiLung 9711
Kim KiSun 5844, 11537
Kim KiYong 3033
Kim KunHo 7070
Kim KwangHo 4078
Kim KwanSu 8076
Kim KyoungMi 7986
Kim KyungMin 432, 7839
Kim KyungNam 2910, 8632
Kim KyungSik 1160
Kim KyungSoo 8389-8390
Kim KyungSu 11560
Kim KyuWon 1118, 7547-7548
Kim MeeJung 6534
Kim MinJu 6847
Kim MinkYun 9557, 12806
Kim MiSeon 2660
Kim MyeongKi 1123, 4078, 7550
Kim MyeongSuk 7784
Kim MyungSuk 8087
Kim SaeJong 8300
Kim SangCheol 7784
Kim SangGon 710
Kim SangGu 2195
Kim SanYoung 2358
Kim SeokDong 7706-7707, 7781-7784
Kim SeongBong 518
Kim SeungHyun 9194-9196
Kim SeungKi 9989
Kim SiJu 1025
Kim SokDong 8076-8077
Kim SoonChul 2978, 7542, 7545-7546, 10787, 10861
Kim SoonKwon 6223
Kim SoungSoo 2260
Kim SuJin 6756
Kim SuKyung 1023
Kim Sun 644, 8078
Kim SungBok 5618, 7984
Kim SungHee 6041
Kim SunKon 8087
Kim TaeChoon 6756
Kim TaeGuin 7828
Kim TaeIl 8303-8304, 11537
Kim TehrYung 12752
Kim WanGyu 2186
Kim WheeCheon 10032-10034
Kim WheeChon 518
Kim WonBae 496
Kim WonSeok 279
Kim WooTaek 11013
Kim YangKil 1028, 11966
Kim YangSeok 8880
Kim YeonJung 4858
Kim YeonKyu 1118
Kim YongHo 7706-7707
Kim YongHwan 6259, 8690
Kim YoungBae 6534
Kim YoungDoo 7543-7544, 9697
Kim YoungHo 8389-8390
Kim YoungJin 4359, 5244, 7071, 10340
Kim YoungKwang 8087
Kim YoungSoon 1869
Kim YounSung 1774
Kim YulHo 4078
Kim YunSun 1117-1118, 1123, 7548-7550, 7706-7707, 7781-7782, 8076, 8094-8095
Kim ZinSuh 10316
Kimbeng, C. A. 4121, 4124, 12280
Kimber, G. 4098
Kimura, M. 3440
Kimura, N. 4854
Kimura, P. H. 1486
Kimura, S. 9560
Kimura, T. 12219
Kınacı, E. 5078
Kindiger, B. 7476, 7479, 10709
Kindiger, B. K. 224
Kindl, H. 4671, 6611
Kindlmann, P. 7125
Kinet, J. M. 7638
King, G. 6633
King, G. A. 2292
King, I. P. 4097-4098
King, J. J. 1864, 5489
King, J. N. 1886, 2602, 7039
King, K. 6598
King, K. E. 2764
King, M. 11694
King, M. C. 2338, 8917
King, N. J. C. 10570
King, R. W. 6323
King, S. B. 2064
King, S. P. 8142
Kingshlin, M. 385, 9866
Kingswell, G. 4416
Kini, A. V. 9673
Kini, R. M. 2085
Kinkema, M. 9377
Kinlaw, C. S. 1700, 5818
Kinloch, B. B., Jr. 3579
Kinney, M. S. 2144
Kinoshita, I. 1681
Kinoshita, T. 3084, 6400, 8771, 9801-9803, 9815, 10539
Kintzios, S. 4718, 4781, 7144
Kinugawa, K. 8395
Kiphart, D. 5964
Kipp, P. B. 11370
Kirakosyan, A. B. 1957
Kiraly, L. 4293
Király, Z. 5255
Kıran, A. K. 11939
Kirby, J. 969, 5422, 11833
Kirch, T. 3961
Kircher, S. 11769
Kirchner, M. 3492
Kirdmanee, C. 756
Kiribuchi-Otobe, C. 135
Kirichenko, V. V. 11282
Kırıcı, S. 11606
Kirik, V. 47
Kirilenko, E. D. 6648
Kirillova, G. A. 7457
Kirin Pty Ltd 6155
Kirk, G. J. D. 1187-1188, 6293
Kirk, H. G. 4275, 4281
Kirkby, R. A. 2199
Kirkegaard, J. A. 6820
Kirkham, M. B. 6968
Kirnos, M. D. 6089
Kirnos, S. 5383
Kirsch, F. 9436
Kirsch, M. 5740
Kirschner, J. 3788
Kirti, P. B. 605, 1546, 2448, 2456, 6778
Kirzhner, V. M. 3768
Kisaka, H. 1126, 2090
Kisaka, M. 2090
Kish, C. M. 12972
Kisha, T. J. 4164
Kishima, Y. 793, 4741
Kishimoto, N. 10809
Kishimoto, O. 4404
Kishitani, S. 1548, 8133
Kishor, C. 8807, 8809

Kisiel, A. 6369
Kiss, E. 12304
Kiss, J. Z. 8495, 11759, 11763
Kist, H. 2429
Kisters-Woike, B. 3961
Kisu, Y. 2322
Kita, M. 1398, 9010, 11228, 12690
Kitagawa, K. 4403
Kitahara, K. 6636, 10016, 12620
Kitajima, A. 9178
Kitajima, S. 8121
Kitamura, K. 3079
Kitano, H. 272, 5168, 8424, 10828, 12200
Kitasaka, Y. 6438
Kitashiba, H. 8133
Kitat, F. M. 4489, 4489-4490, 4490
Kitazawa, E. 8133
Kitch, L. W. 2215, 12429
Kitiki, A. 706
Kitley, M. 6660
Kito, H. 11637-11638
Kito, M. 7610
Kittlitz, E. V. 2189
Kittlitz, E. von 6409
Kiuchi, F. 11596
Kiviharju, E. 2003, 5082
Kiviharju, E. M. 6185
Kiyomoto, R. K. 6697
Kiyosue, T. 2250, 3757, 4907, 6006, 6556, 10520
Kiyozumi, D. 5579
Kjær, E. D. 10309
Kjellberg, F. 6727
Kjellbom, P. 10542
Kkolosy, A. S. 8780
Klaas, M. 2278
Klahre, U. 61
Klamczynska, B. 2220
Klamczynski, A. 170-171
Klamczynski, A. P. 11950
Klas, F. E. 6599
Klaus, D. 5063
Klaushofer, H. 4752
Klechkovskaya, E. A. 3881
Kleczkowski, K. 12461
Kleczkowski, L. A. 2741, 6002, 7426, 8501, 10507, 11471
Klee, H. 2298, 8886
Klee, H. J. 8883
Kleffe, J. 3735
Kleiber, D. 6858
Klein, A. S. 12895
Klein, D. 212, 1093, 2053, 2941, 10723, 12136
Klein, J. 6387, 7289
Klein, J. H. 7723
Klein, J. I. 8224
Klein, M. 5460
Klein-Lankhorst, R. 12468
Kleine, L. G. 3556
Kleine, M. 1600
Kleiner, O. 11769
Kleines, M. 11028, 12942
Kleinhentz, M. 8246
Kleinhofs, A. 960, 1030, 1991, 10661
Kleinjan, C. A. 7132
Kleinow, T. 5758
Kleinschmit, J. 734
Kleizaitė, V. 3744, 3794
Klemsdal, S. S. 11888
Klenz, J. E. 9330
Klessig, D. F. 701, 4359, 4908, 5542, 10876
Kliebenstein, D. J. 928
Klíma, M. 3220
Klimaszewska, K. 5827, 11502
Klimyuk, V. I. 3724
Klindworth, D. L. 9492
Kliner, P. 5515
Kling, C. I. 2852, 11880
Kling, J. G. 8658, 11983
Klingler, K. A. 12321
Klink, J. W. van 845
Klinkhamer, P. G. L. 5895, 7280
Klips, R. A. 5843
Kloareg, B. 3651
Kłodnicka, M. 7390
Kloeckener-Gruissem, B. 12064
Kloet, S. P. van der 12667
Kloet, S. P. vander 1477
Kloos, D. U. 1379
Klopper, K. C. 10895
Kloppers, F. J. 11917
Kloppstech, K. 630, 3662, 8608, 10663
Kloska, S. 11731
Kloth, R. H. 5786, 11404
Klöti, A. 8424, 9667
Kloutvor, J. 6621
Kloutvorová, J. 11181
Klucinec, J. D. 2045
Kluge, C. 10500
Kluge, M. 3640
Kluza, M. 6850
Klyukina, E. M. 1325
Kmiecik, K. 7743
Knaak, C. 12864
Knaap, E. van der 2965, 9678
Knap, H. T. 12365
Knapp, E. E. 308, 5259
Knapp, S. 4659
Knapp, S. J. 638, 3481, 4522, 4546
Knauf, V. 10502
Kneer, R. 9264
Kneppers, T. J. A. 11130
Kneusel, R. E. 10446
Knežević, M. 4137
Knight, D. P. 1589
Knight, H. 2778, 4898, 9374, 10552
Knight, J. S. 6938
Knight, M. E. 9278
Knight, M. R. 2778, 4898, 9374, 10552-10553
Knighten, J. L. 4689
Knio, K. M. 7740
Knjasev, M. S. 8319
Knoblauch, M. 11720
Knoester, M. 68
Knoetzel, J. 5064, 8605
Knoop, V. 4883, 5965, 7130
Knoop, W. E. 7651
Knopf, E. 2008
Knott, D. R. 2867
Knott, S. A. 3769
Knowe, S. 9149
Knowles, V. L. 11380
Knox, M. R. 1296, 6432
Knox, R. E. 967, 2822-2823, 11831, 11912
Knudson, D. L. 1328, 8597
Knuiman, B. 5862
Knüpffer, H. 3815
Knutson, R. J. 12135
Knutzon, D. S. 11265
Knyazev, M. S. 7690
Ko, H. J. 8087
Ko, J. C. 644, 7545, 8078
Ko, J. K. 7543-7544
Ko, J. M. 1027
Ko, J. Y. 8303-8304, 11537
Ko, K. D. 7923
Ko, M. K. 2619
Ko, M. S. 1023
Ko HanJong 8087
Ko JaeChel 7545
Ko JaeKweon 7544
Ko JaeKwon 7543
Ko JaeYeong 8304
Ko JaeYoung 8303, 11537
Ko JongChul 644, 8078
Ko JongMin 1027
Ko KwanDal 7923
Ko MooSoo 1023
Kobari, S. 8380
Kobayashi, A. 1184, 1184, 6251
Kobayashi, H. 9293, 10807, 11584, 11750, 11776
Kobayashi, K. 803, 11776
Kobayashi, M. 4545, 5913, 9317
Kobayashi, N. 8284
Kobayashi, R. 5829, 7225
Kobayashi. R. S. 405, 4307
Kobayashi, S. 5166, 6720, 12689, 12914
Kobayashi, T. 3179, 6496, 8808
Kobel, F. 8915
Kobets, N. S. 8124
Kobiler, I. 6751-6752
Koblížková, A. 8778
Koblizkova, A. 7733
Koç, N. K. 11237
Kocábek, T. 10512
Koch, G. 9551, 11349
Koch, J. R. 6999
Koch, K. E. 218
Kochergin, A. A. 8242
Kochert, G. 1574, 7825, 8748, 10097
Kochetov, A. V. 2727, 6927
Kochev, Y. 4583
Kochevenko, A. S. 12530
Kochhar, A. 13
Kochhar, S. 7328
Kochko, A. de 1128, 5225
Kochummen, K. M. 5627
Kocourková, B. 8097
Kočová, M. 12054
Kocsis, L. 3331
Kocsisné Molnár, G. 5588
Kodama, H. 1625
Kodama, O. 5221, 12248
Kodela, P. G. 1674
Kodira, C. 5964
Koebner, R. M. D. 94, 6332, 9436
Koekemoer, F. P. 9483
Koelewijn, H. P. 12885
Koes, R. 5864, 12898, 12929
Koetter, U. 12604
Koeyer, D. L. de 1048, 6183
Kof, E. M. 1300
Kofer, W. 1619, 9103, 9286, 10225, 10235
Kofoid, K. D. 12161
Koga, R. 6261, 12943
Koga, Y. 6251
Kogata, N. 10525
Kogel, K. H. 6179, 11960
Kogure, S. 8856
Kohán, Š. 1666
Kohchi, T. 6024
Kohel, R. J. 5787, 6961, 10248, 11403
Koheny, B. 7699
Köhle, A. 8266
Köhler, A. 592
Köhler, C. 59, 7247
Köhler, H. 2467
Köhler, R. H. 9189
Köhler, U. 12456
Köhler, W. 592, 10677
Kohli, A. 5173, 8692, 9660, 10865
Kohli, U. K. 1385
Kohmura, H. 3185
Köhne, S. 4253, 4598
Kohnen, M. 8063
Kohorn, B. D. 9323
Kohrt, R. 3793
Koike, Y. 10362
Koinuma, K. 217, 10690-10691, 10708, 12052
Koivu, K. 4658, 8210, 9031
Koizuka, N. 4506
Koizumi, N. 10549
Koizumi, S. 12247
Kojima, A. 8675
Kojima, H. 3529
Kojima, M. 878, 10856
Kojima, S. 7553
Kojima, T. 9437
Kok, R. A. 12257
Kokaeva, Z. G. 6433
Kokko, H. 5601, 11178
Kokošková, B. 8798
Koksharov, V. P. 1325
Koksharova, T. A. 6112
Kokubugata, G. 8308, 9919
Kokubun, H. 2641, 5863, 8323, 8326
Kolade, J. A. 1509
Kolalite, M. R. 5899
Kolárik, E. 9045
Kolb, F. L. 6180-6182
Kolberg, H. 9635
Kolberg, H. H. 3678
Kolchanov, N. A. 5979
Kole, P. C. 12361
Kolehmainen, M. 10497
Kolenda, H. 7809
Kolesnichenko, A. V. 1971
Kolev, K. 3871
Koller, W. D. 7159
Kölliker, R. 3037, 7662, 8733
Kollipara, K. P. 2170, 4178, 8767
Kollmann, R. 83
Kolmer, J. A. 10645-10646
Kolodyazhnaya, Ya. S. 9390
Kolodziejczyk, P. 11651
Kolomiets, N. Ya. 226
Kolomiets, T. M. 8617
Kolpakov, F. A. 5979
Kolte, N. N. 631
Koltunow, A. 2923, 4889
Komai, F. 12517
Komaki, K. 1350, 7831, 8849, 11053, 11055
Komaletdinova, F. 3696
Komamine, A. 4574
Komari, T. 8424, 12182
Komarnitskiĭ, I. K. 8150
Komarnitskiĭ, S. I. 8150
Komarova, G. I. 3889
Komarova, N. I. 6927
Komatsu, A. 4478, 10073
Komatsu, H. 2337, 6637, 8013
Komatsuda, T. 1992, 7439, 8596, 8599, 9548
Kombargi, W. S. 2475
Kombrink, E. 9893, 10508
Komeda, Y. 11761
Komina, O. 10989
Komlenović, N. 7000
Komolong, M. K. 9779
Komori, S. 2336-2337, 6637, 8914, 10016, 12620
Komori, T. 5753
Komoróczy, R. 7408
Konak, C. 10677, 10711
Konan, E. K. 8070
Koncz, C. 57, 66, 1831, 2146, 3756, 7255
Koncz-Kálmán, Z. 57, 66
Kondo, K. 8308, 8347
Kondo, M. 821, 4903, 9287, 10539
Kondo, N. 8365
Kondo, T. 5820, 9352, 11562
Kondo, Y. 9361
Kondorosi, A. 9750, 12304
Kondorosi, E. 9750, 12304, 12309
Kondrashov, A. S. 9383
Kondratskaya, I. P. 6485
Kondykov, I. 5376
Kong, D. 1039
Kong, F. 7497
Kong, F. L. 709, 12097
Kong, F. M. 6296, 8715
Kong, K. F. 12944-12945
Kong, L. R. 4961, 7423, 11909
Kong, Q. D. 6511, 6620, 8855
Kong, Q. N. 6266, 12191
Kong, Q. Q. 6420
Kong, Q. S. 8999, 9002
Kong, W. S. 8389-8390
Kong, Y. F. 9601
Kong FanLing 709, 12097
Kong FanMing 6296, 8715
Kong KaFai 12944-12945
Kong LingRang 4961, 7423, 11909
Kong QingDong 6511, 6620, 8855
Kong QingNi 6266, 12191
Kong QingQuan 6420
Kong QingShan 8999, 9002
Kong WonSik 8389-8390
Kong YanFang 9601
Koninklijke Van Zanten BV 10380
Konishi, T. 2876, 9919
Konno, N. 1548

Konopka, I. 6822
Konopka, J. 3896, 6312
Konrád, J. 2226
Konschuh, M. N. 609, 625
Konstantinov, K. 12008
Konstantinova, T. N. 7797
Kontić, J. K. 11215
Kontsevaya, I. I. 5609
Konwar, B. K. 10850
Koo, J. C. 4201
Koo, Y. B. 4422
Koo JaChoon 4201
Koo YeongBon 4422
Koop, H. U. 1619, 4588, 9103, 9286, 10225, 12806
Koop, W. U. 10235
Koopman, W. J. M. 2286
Koopmann, E. 4778
Koornneef, M. 1849, 2750, 11106, 11764
Kooter, J. M. 1747, 11718
Kootstra, A. 523
Kop, D. A. M. van der 7241
Kopp, T. G. 542
Koppel, M. 2704, 4276, 4305, 9527
Koppel, R. 9527
Kopriva, S. 7259, 7592
Koprivova, A. 7259, 7592
Koprowski, H. 3514
Korać, N. 3335
Korat, D. M. 7630
Korban, S. S. 1715, 4434, 5570, 9406
Korenaga, T. 5977
Kores, P. 10405
Kores, P. J. 5883
Koretskiy, A. 5327
Koricheva, J. 2568
Korikanthimath, V. S. 4774
Kormanik, P. P. 11467
Kormanik, T. L. 11467
Kormuťák, A. 3583
Kormutak, A. 11497
Kornegay, J. 2701
Kornegay, J. L. 2205
Körnerová, M. 12054
Kornienko, A. V. 1599, 5743
Kornkven, A. B. 3031
Kornyeyeva, M. O. 11351
Korol, A. B. 1889, 3768, 8513, 8550, 8593
Koron, D. 3672, 4447
Korošec-Koruza, Z. 3327, 3672, 4456
Korshunova, Y. O. 9370
Kortstee, A. 8476
Kortstee, A. J. 7811, 9904
Koruza, B. 3672, 4456
Korzeniewska, A. 2301, 2310
Korzun, V. 114, 2897, 4959, 4962, 4965, 5084, 7428, 8625, 9443
Kosaka, N. 8380
Kosar-Hashemi, B. 9444, 11856
Kosemund, K. 5678
Kosheleva, T. A. 8966
Koshelyaev, V. V. 1057
Koshevskiy, I. 5327
Koshi-ishi, M. 8326
Koshiba, T. 4587
Koshy, M. P. 934, 10307
Koski, V. 12885
Košner, J. 5047
Kosner, J. 4984
Košová, A. 3583
Kossack, D. S. 5818
Kossmann, J. 5474, 7797, 11027, 11696, 12445
Kost, B. 1917
Kostak, S. 12919
Kostecki, M. 11958
Kostenyuk, I. 818
Koster, J. 4040
Koster, L. 11984
Kosterin, O. E. 8795
Kostina, E. V. 4109, 4113
Kostiukovsky, V. 3398
Kostova, D. 4387
Kostova, N. 7965
Kosuge, K. 11541
Kőszegi, B. 5019, 10655
Koterniak, V. V. 12009
Kothari, S. L. 989, 9482
Kothe Milach, S. C. 10599, 10682
Kotilainen, M. 1727, 1735, 3603, 11535
Kotkas, K. 4274
Kotobuki, K. 530, 2346, 3394, 4403, 12630, 12633
Kotoda, N. 2336-2337, 6637, 8914
Kotov, V. S. 7021
Kotrange, H. R. 9138
Kott, L. S. 4512, 5733
Kotzamanidis, S. 10173
Kouakou, A. M. 7834
Kouame, B. 8070
Koubaa, A. 1669
Koubová, J. 10194
Kouchi, H. 2212, 9701, 10583, 10808
Kouchi, M. 2617
Koukoua, G. 11618
Koul, A. K. 939, 2665
Koul, K. K. 6408
Koul, V. 2726
Koumoto, Y. 4903
Koun, T. L. 7163
Koun TsaiLi 7163
Koundal, K. R. 4226
Kouressy, M. 6236-6238
Koutsika-Sotiriou, M. 9945, 10688, 11321
Koutsos, T. V. 9945
Kouzuma, Y. 3440
Kovác, M. 9924
Kovačević, D. 10719
Kovačević, J. 5053
Kovács, G. 1077, 3976, 7499, 9625, 12093
Kovács, S. 6660
Kovács-Schneider, M. 7499
Koval', S. F. 7365, 11852
Kovalchuk, I. 899
Kovalchuk, O. 899
Kovalenko, E. D. 8617
Kovalenko, V. I. 7633
Kovaleva, L. V. 2642
Kovalski, I. 6600, 7917, 11160
Kovalyova, O. 6174
Kovtun, Y. 1071
Kowalchuk, B. 1770
Kowalczyk, K. 1017, 4983, 6142, 10618
Kowallik, K. V. 39, 10585
Kowalska, A. 11449
Kowalski, B. 5933
Kowalski, S. P. 405, 441, 4307
Kowata, H. 10790
Kowata, M. 10946
Kowyama, Y. 11354
Koyama, A. 2384
Koyama, H. 4042, 4061, 7821, 11046, 12181
Koyama, T. 8121
Koyuncu, F. 6735
Koyuncu, M. A. 6734-6735
Kozdój, J. 11977
Kozhemyakin, V. V. 228, 10740
Kozhukhova, N. E. 10584
Koziel, M. 11799
Kozma, P., Jr. 3334
Kozub, G. C. 3169, 9456
Kozumplik, V. 2914, 4137, 8146
Kozyrenko, M. M. 8336
Kozyreva, S. E. 8112
Krachounov, I. 4125
Krachunov, I. 4125
Kracíková, M. 7968
Kraeva, E. 2378
Kraft, D. 8751, 10417, 12297
Kraft, J. M. 5388, 7764
Kraft, T. 2491, 8516, 9071
Kragh, K. M. 11635
Krahl, K. H. 8325
Krahulcová, A. 3296
Kraic, J. 6159, 10624
Kraigher, H. 4629
Krainer, A. R. 7225
Kraj, W. 1699
Krajewski, P. 327, 1996, 3094, 9773, 12108-12109
Krajnakova, J. 2592, 8260
Kralj, D. 10455
Kraljević-Balalić, M. 11111
Kramell, R. 2874
Kramer, E. M. 7262
Kramer, J. 2027
Krämer, R. 12512
Kramina, T. E. 10938
Krans, J. V. 6333
Kranz, E. 7324, 12030
Kranz, H. D. 1827
Krapchev, B. 12027, 12072
Kraptchev, B. 12027
Krarup H., A. 9500
Krasheninnikova, L. V. 4252
Kraska, P. 6114, 9585
Krašna, A. 3170
Krasnyanski, S. F. 5570
Krastanova, S. 12678
Krath, B. N. 9954, 10510
Krause, C. A. 2429
Krause, K. 2879
Krause, K. P. 1338, 5506
Krauss, K. W. 7041
Krauss, S. L. 7061, 7063
Krautgartner, R. 1891
Krauze-Baranowska, M. 10347
Kravchenko, A. N. 12041
Kravchenko, O. A. 12041
Kravtsova, L. A. 7460-7461
Krebbers, E. 10588
Krebitz, M. 4488
Krebs, C. 516, 3264
Krebs, O. 12048
Kreiberg, J. D. 2419
Kreis, M. 1835, 2748, 3727, 3732, 3742, 7233, 7236, 8455, 9306, 10516, 10530, 11254
Kreitman, M. 11779
Krekling, T. 1698
Kremer, A. 1883, 2571, 4669, 8197
Krenn, L. 8363
Křenová, Z. V. 846
Krens, F. 12499
Krens, F. A. 433, 8109
Kreps, R. 1093
Kreps, R. C. 2053, 12136
Kresovich, S. 7825, 8306, 8748, 9040
Kretschmar, J. A. 2512
Kretschmer, J. M. 9573, 11959
Kreuzaler, F. 12444
Kridl, J. C. 10143
Krieger, K. M. 193
Krimer, D. B. 9831
Kring, T. J. 11437
Krips, O. E. 11545
Krishan Swaroop 12503
Krishna, P. 9980
Krishna, R. 3122, 5415
Krishnaiah, K. 7532
Krishnamoorthy, B. 12960
Krishnamurthy, A. H. 1138
Krishnamurthy, K. V. 1643, 4775, 6056
Krishnan, H. B. 12222
Krishnan, S. 11171
Krishnappa, K. 12414
Krishnappa, K. S. 11029
Krishnappa, M. R. 11603
Krishnaprasad, B. T. 6078, 12740
KrishnaRaj, S. 7075, 10357
Krishnaveni, S. 5135
Krishnawat, B. R. S. 2846
Kristek, A. 5742, 10199, 12773
Kristensen, B. K. 9555
Kristensen, M. 10659
Kristiansen, K. 11551
Krištín, J. 9045
Křístková, E. 6609, 7927
Krístková, E. 12590, 12612
Kristóf, Z. 4978
Krivobochek, I. I. 1022
Kriwoscheina, O. S. 7434
Krizek, B. A. 7220
Krizkova, L. 3517
Kroes, G. M. L. W. 2559
Krogstrup, P. 3193
Krohn, B. M. 8836
Król, M. 8608
Kroll, D. 6234
Kronzucker, H. J. 11772
Kroonenberg, P. M. 4818
Kropff, M. J. 8607, 11942
Krótka, K. 6815, 6830-6831, 6842
Krstić, B. 1244, 3560
Krstinić, A. 7000, 7007
Kruczkowska, H. 6787
Krueger, R. R. 4479
Krüger, G. H. J. 6941
Krüger, H. 8861, 10447
Krüger, N. 896
Kruger, S. 9439
Kruglenya, V. P. 6190
Krugman, T. 6087
Kruk, G. C. van der 11072, 12509
Kruk, M. 3826
Kruleva, M. 12027, 12072
Kruleva, M. M. 482, 7896
Krumbein, A. 9949, 9974
Krupinska, K. 2879
Kruse, E. 11379
Kruse, M. 10888
Krutovskii, K. V. 763, 5814
Kryuchkova, T. V. 1213
Krzymański, J. 624, 6799, 6811, 6815, 6823, 6830, 6842, 7146
Krzymowska, M. 12461
Krzyzanowski, F. C. 1279
Kshirsagar, A. R. 11272
K"sovski, T. 4570
K"tova, A. 4091, 4099
Ku, M. S. B. 2912, 4084, 7594, 8604
Kuang, H. 8231, 12884
Kuang, X. Y. 2976
Kuang, Y. H. 12767
Kuang XianYan 2976
Kuang YanHua 12767
Kuate, J. 10077
Kubaláková, M. 7732, 8777-8778, 12590
Kubánek, J. 8566
Kubelka, W. 5904
Kubicka, H. 9582
Kubigsteltig, I. 10527
Kubik, T. J. 625
Kubis, S. 1597, 2497
Kubisiak, T. L. 8226
Kubo, A. 6271, 7837
Kubo, H. 11764
Kubo, N. 12188
Kubo, R. K. 12793
Kubo, T. 2089, 5753, 8424, 11184, 12182
Kubo, Y. 512, 4348, 10003
Kuboi, T. 8006
Kubošníková, D. 9045
Kubota, M. 7588, 9994
Kubota, T. 3237, 5892
Kuboyama, T. 3525
Kucaba, T. 11732
Kučera, V. 3220, 9035
Kucharek, T. A. 4377, 7664
Küçükakça, M. 6123
Küçükislamoğlu, M. 8943
Kůdela, V. 8798
Küden, A. B. 3371, 6693, 6722
Kudla, J. 1769
Kudo, A. 10022
Kudo, K. 2337, 6637, 8983
Kudo, N. 10342, 12902
Kudo, S. 1121
Kudoh, H. 1694, 1696, 5822
Kudoyarova, G. R. 6934
Kudrna, D. 10661
Kudryashova, I. B. 6089
Kuehnle, A. R. 1757, 4730
Kües, L. 1791
Kuflu, K. 12348
Kuginuki, Y. 450, 1914, 10148, 11074, 12513, 12515, 12722
Kuhlemeier, C. 474, 696, 10574
Kuhlman, P. 2798

Kuhlmann, H. 12604
Kühn, C. 1624, 2239, 9902
Kühnel, B. 621
Kuhner, M. K. 930
Kuhry, J. G. 11525
Kuipers, A. G. J. 1748, 4746, 9904
Kuk, Y. I. 9107
Kukalev, A. S. 10990
Kukimura, H. 11053
Kukina, I. M. 6606
Kulaeva, O. N. 6606
Kulakarni, N. 12224
Kular, B. 12814
Kular, J. S. 10150
Kulcsar, F. 3169
Kuldeep Singh 3840, 7357
Kuldip Singh 7352
Kulej, M. 768
Kulikov, P. V. 7690, 12284
Kulińska, M. 7809
Kulisek, E. 12094
Kulkarni, H. D. 834
Kulkarni, J. H. 7768
Kulkarni, K. A. 9991
Kulkarni, R. N. 2681, 7141, 7157
Kulkarni, R. S. 832, 9654, 11007, 12213, 12710
Kulkarni, S. 9526
Kulkarni, V. M. 10068
Kulkarni, V. N. 2157
Kullaya, A. 10161
Kullaya, A. K. 3449, 3657
Kulma, A. 1327
Kulmi, G. S. 3068
Kum, J. S. 303
Kumagai, T. 7453, 11053
Kumar, A. 627, 652, 873, 1591, 1739, 1994, 2930, 3122, 4521, 5059, 5415, 5454, 5674, 5677, 6554, 8702, 9714, 9849, 11660, 11868, 12204, 12383, 12731
Kumar, A. A. 5694
Kumar, B. 11608
Kumar, B. N. A. 2845
Kumar, D. 7761, 7796, 7796, 9840, 9852, 10983, 11018, 11031, 11452
Kumar, G. 12740
Kumar, G. P. 6149
Kumar, G. S. 9689
Kumar, H. 10113, 10149
Kumar, I. 4049
Kumar, J. 7335, 7772
Kumar, K. 3370, 10102
Kumar, L. 3442
Kumar, M. 10283, 12114
Kumar, M. A. 10555
Kumar, M. B. 12671
Kumar, M. D. 10190
Kumar, M. V. N. 7494
Kumar, N. 1524, 2883, 7847
Kumar, N. K. K. 10978
Kumar, P. 10133-10134, 10138, 12738
Kumar, P. A. 1809, 3536, 4368
Kumar, P. P. 5808, 7294, 12900
Kumar, R. 932, 1036, 1176, 3126, 3439, 4269, 5203, 5433, 5553, 5633, 9840, 9852, 10004, 10831
Kumar, S. 652, 2061, 2681, 3548, 4239, 6372, 6575, 7141, 7157, 8650, 9037, 9624, 9624, 9840, 9850, 9852, 10120, 10127, 10131, 10136, 10142, 10185, 10449, 11149, 11487, 11579-11582, 11589, 11607, 11607-11608, 11613, 12950
Kumar, S. S. 7494, 10170
Kumar, T. R. S. 11579
Kumar, V. 621, 3241, 9138, 11956
Kumar, V. D. 2456
Kumar, Y. 5878, 9877
Kumar Arindam 12495
Kumaran, M. K. 10533
Kumaresan, D. 7569
Kumari, B. D. R. 4186
Kumari, M. 12113, 12403
Kumari, N. 8221
Kumari, P. 10839
Kumari, S. L. 1150
Kumari, V. 7692
Kumarn, P. M. 3447
Kumbhalkar, H. B. 3430
Kumekawa, N. 5163
Kumlehn, J. 7324
Kumpatla, S. P. 2964
Kumria, R. 1809
Kundagrami, S. 5275
Kundu, B. C. 11073
Kundu, S. 1531
Kundu, S. K. 8368, 9210
Kunert, K. J. 748
Kunhikannan, C. 11487
Kuniga, T. 5642
Kunik, T. 9981
Kunimoto, M. 11637-11638
Kunitake, H. 8013
Kunkel, B. N. 3762, 4912
Kunkel, T. 12520
Kunst, L. 1867, 9346
Kuntz, M. 3747
Kunz, B. A. 1896
Kunz, C. 6935
Kunze, R. 12002, 12025
Künzel, G. 10586
Kuo, C. G. 468
Kuo, C. Y. 7752
Kuo, J. 7122
Kuo ChunYi 7752
Küpfer, P. 7279
Kupfer, P. 3613
Kupietz, A. 6383
Kuranouchi, T. 12774, 12779
Kurashige, Y. 1710, 8284
Kurasov, V. S. 8643
Kurata, K. 415
Kurata, M. 2641
Kurata, N. 293, 5167, 8691, 10806, 10817
Kurata, T. 2774
Kurauchi, N. 3917, 3926
Kuraya, Y. 10233
Kurek, I. 2828, 9504
Kurepa, J. 3765, 9320
Kurien, S. 11252
Kurihara, A. 5653
Kurinobu, S. 1658
Kurisaka, N. 12183
Kurlovich, B. S. 3060
Kurniadie, D. 10957
Kurniati, L. 11481
Kuroda, E. 8700
Kuroda, T. 1271
Kuroiwa, H. 3586, 3601, 11803
Kuroiwa, T. 1608, 3586, 3601, 4573, 5851, 6939, 9098, 11803
Kuroiwa, Y. 10805
Kuroli, G. 8844
Kuronen, P. 12452
Kurosawa, K. 12776
Kurotani, K. 9608
Kuroyanagi, M. 11584
Kurreck, J. 5506
Kursell, W. S. 11885
Kurt, O. 942, 1906, 3436, 9043
Kurteva, G. 3512
Kurth, J. 6080
Kurup, S. 1773, 9315
Kuruvilla, K. M. 12964
Kuruvilla, S. 4071
Kuruvilla Jacob, C. 12988
Kurz, H. 9408
Kurzweil, H. 10405
Kusaba, M. 3217, 9943
Kusaba, S. 2084, 3339, 8688
Kusakabe, I. 10807
Kusano, T. 4563, 9920
Küsek, M. 11237
Kushad, M. 5571
Kushnir, S. 188, 2747
Kushwaha, G. D. 10126
Kushwaha, M. L. 7933
Kushwaha, U. S. 12159
Kusnandar, D. 2603
Kusolwa, P. M. 3402
Kussovska, V. N. 9584
Kusum Mathur 10759
Kusumakumar, P. 10969
Kusumegi, T. 9100
Kusumi, J. 8487
Kusumi, K. 8482
Kusumi, T. 1610, 2632, 3587, 3729, 6884
Kusunoki, M. 2617
Kusutani, A. 10825
Kutas, E. 3308
Kutas, E. N. 3309, 10040
Kutchan, T. M. 5897, 10428
Kutlu, E. 6736
Kutova, A. 4099
Kutuzov, M. A. 5984
Kutuzova, S. N. 2561
Kuusienė, S. 3932, 4105, 4793
Kuusk, S. 10521
Küüts, H. 9527
Kuvshinov, V. 9031
Kuwabara, T. 1009, 7403, 7453
Kuwahara, M. 2686, 11625
Kuwata, S. 12182
Kuykendall, L. D. 5321
Kuyper, M. 3754
Kuzma, M. M. 8142
Kuz'mitskaya, G. A. 1414
Kuznetsov, O. A. 9970
Kuznetsov, V. V. 6606
Kuznetsova, L. V. 8214
Kuznetsova, N. F. 4670
Kuznetzova, L. 10218
Kuzuetzova, L. 5755
Kvarnheden, A. 3265, 3267, 7941
Kwack, B. H. 3618
Kwack, Y. H. 295, 1027, 7338, 7634, 7704-7705, 7753, 8077, 8096
Kwack BeyoungHwa 3618
Kwack YongHo 295, 1027, 7338, 7634, 7704-7705, 7753, 8077, 8096
Kwak, C. M. 48
Kwak, D. Y. 7584, 10787
Kwak, M. M. 941
Kwak DoYeon 7584, 10787
Kwan, H. S. 8392
Kweon, J. B. 8088
Kweon, S. J. 1027, 7338
Kweon, Y. S. 432
Kweon JungBae 8088
Kweon SoonJong 1027, 7338
Kweon YoungSam 432
Kwok, S. 4868
Kwok, S. F. 1865
Kwon, C. H. 303
Kwon, K. W. 741
Kwon, O. C. 8315
Kwon, Y. C. 7753
Kwon, Y. M. 2195, 7689
Kwon, Y. S. 5235
Kwon KiWon 741
Kwon-Ndung, E. H. 6334
Kwon OhChang 8315
Kwon YilChan 7753
Kwon YongSham 5235
Kwon YoungMyung 2195, 7689
Ky, C. L. 6917, 8117
Ky ChinLong 8117
Kyetere, D. T. 6227
Kynast, R. G. 10655
Kyo, M. 2110
Kyotani, H. 2337, 5581, 6637, 12641
Kyozuka, J. 8424
Kyung, H. Y. 7071, 10340
Kyung HeiYoung 7071, 10340
la Bella, S. 5665
la Malfa, S. 5639
La Rosa, M. 2414
la Scala, S. 765, 5541
Laakso, I. 12452
Laan, R. 68
Laat, A. M. M. de 8869, 12521
Labarère, J. 1789, 7169, 9224, 11634
Laberge, S. 5254, 9748
Labhilili, M. 7331
Labonne, G. 12647
LaBonte, D. R. 12483
Labrador, E. 1309, 3120, 6449-6450
Labrouhe, D. T. de 2468, 2471, 11293, 12741
Labuckas, D. O. 354
Labuschagne, M. 6150
Labuschagne, M. T. 1953, 6139, 9483
Lacape, M. J. 1644
Lacasa, A. 10094
Lacey, R. E. 3845
Lachance, D. 8264
Łacicowa, B. 11957
Lack, A. 2154
Lackney, V. K. 2316, 12565
Lacombe, S. 4189, 11273
Lacomme, C. 11391
Lacroix, C. R. 778
Ladbrooke, Z. 610
Ladbrooke, Z. L. 2457
Laddomada, B. 970, 1988
Ladha, J. K. 286, 1188, 2113, 5156, 9701, 10808, 10859
Ladiges, P. Y. 8290, 11464
Ladizinsky, G. 172, 6445, 6767
Lados, M. 12313
Ladu Lal 10444
Laemmlen, F. 3224
Lafarga, A. 7440
LaFarge, T. 10319
Lafargue, B. 8944, 8952
Lafargue, M. 12672
LaFayette, P. R. 10304
Laferrière, J. E. 1751
Laferriere, L. T. 9907
Laffer, S. 8751
Lafiandra, D. 3856, 5009, 9493
Lafontaine, J. G. 4356
Lagarias, J. C. 3630, 9343
Lagercrantz, U. 2443
Laghari, M. H. 1566
Laghetti, G. 3135, 3813, 5401, 5941, 6059, 6411, 9465
Laghezali, M. 3409, 9023
Lago, E. 4473
Lagoda, P. J. L. 11719
Lagravere, T. 6858
Lagrimini, L. M. 11141, 12829
Lagu, M. D. 9530
Lagudah, E. S. 727, 957, 5026, 9521, 9534, 11934
Laguna, I. G. 7726
Laguna, R. 5365, 5384
Laguna Cerda, A. 9192
Lagunes-Espinoza, L. C. 8761
Lagunes-Espinoza Luz, C. del 5264
Lahane, P. S. 11298
Lahav, E. 2386, 5651
Lahaye, T. 175, 1047
Lahiri, A. N. 6468
Lahiri, B. P. 1182, 9855
Lahmar, M. 8627
Lahmatova, I. T. 12650
Lahogue, F. 1488
Lahuta, L. B. 5373
Lai, J. R. 3839
Lai, L. Z. 6254
Lai, T. 468
Lai, X. H. 12251
Lai, Y. H. 5445
Lai, Z. C. 12698
Lai, Z. J. 4623
Lai JingRu 3839
Lai LaiZhan 6254
Lai YungHong 5445
Lai ZhanJun 4623
Lai ZiChang 12698
Laikova, L. I. 4982
Lailhacar, S. 7638
Laiq ur Rahman 6929
Laisk, A. 9096
Laissardière, S. de 37, 2754
Lakatos, L. 5460, 11020
Lake, J. A. 9105
Lake, M. R. 2207
Lakpale, N. 2221
Lakra, B. S. 4298
Lakshmanan, P. 7294
Lakshmi, M. 755, 6260

Lakshmi, N. 12571
Lakshmikumaran, M. 12958
Lakshminarayana, K. 8557
Lal, A. 5923
Lal, H. C. 12114
Lal, J. P. 10113, 10149
Lal, K. 671
Lal, L. 10444
Lal, M. N. 9041
Lal, R. K. 2670, 2672, 2682, 10433, 10448-10449, 11590
Lal, S. 8635
Lal, S. D. 2649
Lal, S. K. 2939
Lal, T. 12595
Lalanne, E. 2522
Laliberté, S. 1692
Lalić, A. 5053
Lalitha, V. S. P. 7607
Lally, M. 8200
Laloraya, M. 6149
Laloue, M. 5104
Lam, E. 702, 8156, 10231
Lam, H. M. 895, 1871
Lam HonMing 895, 1830, 1871
Lam-Sánchez, A. 2202
Lamacchia, C. 7376, 9440
Laman, N. A. 9562
Lamari, L. 11892-11893
Lamarque, A. L. 354
Lamas, F. M. 1634
Lamattina, L. 11039-11040
Lamaze, T. 10153
Lamb, C. J. 4719
Lamb, J. F. S. 3051, 6354, 9752
Lamb, M. J. 943
Lamba, R. A. S. 2883, 10185
Lambardi, M. 743, 8264, 11314
Lambé, P. 10779
Lambers, H. 3900, 9378
Lambert, C. 4395
Lambert, D. H. 411
Lambert, J. D. 8666
Lambert, J. D. H. 8674
Lambert, K. N. 1391
Lambert, L. 11376
Lambert, P. 11273, 11291
Lambert, R. J. 1083, 6201
Lamberti, A. 4177
Lamblin, F. 10425
Lamboy, W. F. 1423, 2372
Lamers, G. E. M. 4040, 5058
Lamkey, K. R. 3951, 6202
Laml, P. 1925
Lammeren, A. van 3732
LaMondia, J. A. 11084
Lampi, A. M. 10679
Lamport, D. T. A. 7884
Lamppa, G. K. 18
Lamseejan, S. 3133
Lamy, F. 2952
Lan, L. F. 10181
Lan, S. Y. 1183
Lan, T. H. 441
Lan, X. J. 1989, 4942, 11845
Lan, Y. 407
Lan, Z. Q. 444, 2130, 6885, 10180
Lan ShengYin 1183
Lan TienHung 441
Lan XiuJin 1989, 4942, 11845
Lan Yu 407
Lan ZeQu 444, 6885
Lanaud, C. 5748, 9081
Lanave, C. 5965
Lancaster, J. E. 1331, 1364, 11032, 11059
Lancaster, R. 10413
Lancelin, D. 8449
Lancien, M. 2515
Landbo, L. 597
Lande, R. 6043
Lande, S. S. 11272, 11286-11287
Landell, M. G. 2565
Landell, M. G. de A. 1594
Lander, E. S. 5171
Landi, P. 197, 1070, 2925, 9631, 10716
Landivar, J. A. 715, 11414
Landjeva, S. 2865, 4968, 5017, 5041, 9448
Landoni, M. 2927
Landry, B. S. 602, 608, 619, 1555
Landry, D. S. 603
Landry, J. 8651
Landschütze, V. 5474
Lane, B. 12063
Lane, J. A. 1317
Lane, P. W. 6781
Lane, W. D. 1449, 2345, 4417, 10012-10014
Lang, C. X. 10106
Lang, E. C. 4930
Lang, G. 1443, 1455
Lang, J. P. 11901
Lang, K. J. 2600
Láng, L. 1963, 7377
Lang ChunXiu 10106
Lang'at, J. K. 1603
Langbehn, J. 7152
Langdale, J. A. 200, 1072, 6211, 9594
Langdon, P. W. 2407
Lange, C. 11023
Lange, C. E. 8620
Lange, J. 7747
Lange, J. P. 1806
Lange, P. J. de 1723, 10883
Lange, R. S. 10366
Lange, W. 650, 2559, 9073
Langebartels, C. 2535, 5806
Langenheim, J. H. 827
Langenhove, L. van 721-722
Langer, E. 9065
Langer, E. 9065
Langham, M. A. C. 3827-3828, 6141
Langille, A. R. 407
Langin, T. 8792, 12387
Langley, C. H. 5525
Langridge, P. 1055, 1997, 9435, 9573, 11959
Langridge, W. H. R. 2229
Languasco, L. 12784
Lanham, P. G. 7974
Lännenpää, M. 8196
Lansari, A. 3388
Lánský, M. 11182
Lanteri, S. 11152, 12569
Lanza, B. 11319
Lanza, C. M. 3329
Lapeyrie, F. 4637
Lapidot, M. 5545
Lapierre, C. 4648
Lapins, K. 4417
Lapins, K. O. 10013
Lapis. A. 4802
Lapitan, N. L. V. 1328, 3159, 8597, 9966, 11932
Laplaza, J. M. 4873
Laplaze, L. 8213, 11489
Lapochkina, I. F. 6097
Lapous, D. 8483, 8498
Lappartient, A. G. 8036
Lappé, M. 3661
Lapteva, O. K. 2899
Lara, F. M. 10726, 11166, 12133
Lara, I. 6169
Lara, P. 7431
Lara-Herrera, I. 4787
Laramore, C. 7864
Laranjeira, F. F. 2426-2427, 4482
Larbi, A. 1099, 9051
Lardet, L. 1656
Lardon, A. 11652
Lardon, F. 5759
Larher, F. 12721
Larik, A. S. 11861
Larimer, F. W. 1369
Larizza, A. 5971
Larkin, J. C. 3762, 7251
Larkin, K. A. 8825
Larkin, P. J. 7688
Larkins, B. A. 6206
Larkka, J. 6475
Laroche, A. 1224, 8747, 12712
Laroche, J. 11792
Larraya, L. 8397
Larrick, J. W. 3522
Larroque, O. 2854
Larsen, Å. 1766
Larsen, H. J. 12660
Larsen, J. B. 11506
Larsen, K. 2636, 9807
Larsen, N. 5968
Larsen, R. U. 9175
Larson, B. M. H. 8313
Larson, R. A. 10408
Larson, S. R. 11815
Larson, T. R. 4867
Larsson, C. 10542
Larsson, S. 9137
Lartey, R. 3764
Larue, J. P. 12514
LaRue, T. A. 9761
LaRussa, L. 8229
Lasa, I. 7172
Lasa, J. M. 153
Lascève, G. 1846, 2776, 9331
Lascoux, M. 5826, 6809, 11507
Lashermes, P. 8117, 11797, 12792
Laskey, J. G. 9602
Lass, T. 5746
Lasso, J. H. 8786
Lasswell, J. 6025
Last, D. 8152
Last, R. 1869
Last, R. L. 928, 6009
Lásztity, N. 880
Lásztity, R. 880
Lata, S. 2830
Latado, R. R. 11235
Latché 11103
Latché, A. 2381, 3256
Latchman, D. 4799
Lateana, V. 5613, 8990
Laterrot, H. 11132
Lateur, M. 6652
Latha, J. 6458
Latha, R. 235, 1155, 8705
Latham, L. J. 12544
Lathouwers, J. 2505
Latimer, J. G. 8283
Latta, R. G. 759, 12887
Laubenfels, D. J. de 1707
Lauber, E. 2501, 6944
Laublin, G. 5933
Laucou, V. 1297-1298
Laudert, D. 10527
Laudoyer, O. 1937
Lauer, F. I. 8831
Lauer, U. 12634
Laufs, P. 9290
Laugé, R. 491, 1812
Laughlin, M. J. 9275
Laughner, B. J. 2913
Launay, J. 11510-11511
Laurain, D. 10425
Laurence, J. A. 11474
Laurens, F. 6627, 6633, 6656, 12624
Laurent, P. 11130
Laurenzi, M. 5412
Laureti, D. 8057, 8066
Laureto, P. P. de 9571
Lauretti, R. L. B. 8790
Lauri, P. E. 6727
Lauridsen, E. B. 10309
Laurie, D. A. 4963, 5173, 6080, 9660, 10819
Laurila, E. 10044
Laurila, J. 6475, 12452
Laurinen, E. 2349, 2351
Lauter, N. 9292
Lauterbach, B. F. 8086
Lauver, S. M. 3826
Laux, T. 3743
Lavania, S. 6048
Lavania, U. C. 815, 4827, 6048, 11785
Lavarack, P. S. 8341
Lavee, S. 643, 11302, 11306
Lavelle, D. O. 2288
Lavergne, D. 7287
Laverty, T. 8988
Lavi, U. 1525, 5651, 11239
Lavigne, C. 8376
Lavin, M. 8577
Lavola, A. 11459
Law, C. N. 4990
Law, J. R. 4985, 6836
Lawande, K. E. 5377
Lawlor, D. W. 6938
Lawrence, C. B. 2243
Lawrence, G. J. 2560, 4621, 6979
Lawrence, M. 635, 3438, 11284
Lawrence, M. J. 6247, 11369
Lawrence, N. 10290
Lawrence, P. 176, 6173
Lawrence, P. E. 5079
Lawrence, P. K. 5707
Lawson, E. C. 412
Lawton, K. 11777
Lawton-Rauh, A. L. 11771
Lax, A. R. 5720-5721
Laxalt, A. M. 11039-11040
Laxman Singh 5432
Laxmi Chand 11008
Lay-Yee, M. 525
Layne, D. R. 4493
Layt, T. 4721
Layton, J. 5546, 9441
Layton, M. B. 11434
Lazányi, J. 4244
Lázár, L. 2038
Lazarevich, S. V. 9464
Lázaro, A. 4331, 4333, 5399, 9236
Lazarou, E. 10958
Lazarova, G. I. 3237
Lazarus, C. M. 2002
Lazauskas, J. 3059
Lazić-Jančić, V. 10719
Lazović, B. 1568-1569
Lazowska, J. 5965
Lazzari, L. B. 5662, 7207
Lazzaro, M. D. 11561
Lazzeri, L. 4544
Lazzeri, P. 7347
Lazzeri, P. A. 952, 2810, 7376, 9440, 11660, 11818, 11878
Lê, C. L. 819
Le, H. T. 7301
Le, V. Q. 9598
Le Brocq, D. G. 654
le Corre, V. 1883
le Deschault de Monredon, F. 10713
Le Deunff, E. 207
le Deunff, Y. 10986
Le Dinh Danh 2385
le Gouis, J. 7450, 10670
le Gourierrec, J. 4858
le Gourrierec, J. 10515
le Guen, J. 5348
le Lézec, M. 3273, 8925
le Métayer, M. 4519, 8055
le Mière, P. 2368
le Page-Degivry, M. T. 4395
le Pierrès, D. 8117
le Quillec, S. 11094
le Roux, L. G. 6337
le Saint, J. P. 6529
le Thierry D'Ennequin, M. 2062
Lea, H. W. 6943
Lea, P. 5006
Lea, P. J. 2129, 3920, 4084, 5062, 7636, 7881, 9558
Leach, J. E. 3879, 7620
Leader, D. J. 2662, 9596
Leah, R. 10659
Leal, E. C. 12747
Leal, F. 6918
Leal, M. de L. da S. 12747
Leal, N. R. 2202
Leão, R. Z. R. 12353
Leary, C. 5828
Leath, S. 7399, 7411, 11910-11911
Leaver, C. J. 11279
Lebecka, R. 12459
Lebeda, A. 6609, 7927, 10994, 11076, 11076, 12587, 12590, 12612
Lebedeva, L. V. 7979
Lebedeva, V. A. 8815
Lebel, E. 1828

LeBlanc, D. A. 12473
Leborgne-Castel, N. 6933
Lebot, V. 2257
Lebreton, C. M. 936
Lebreton, P. 761, 1706
Lebrun, M. 12105
Lebrun, P. 1565
Lebsky, V. K. 376
Lecardonnel, A. 2228, 4309
Lech, M. 8888
Lech, W. 5606, 8958
Lecharny, A. 1835, 2748, 7233, 7236
Leckie, D. 452-453
Leckie, F. 1287
Leclerc, J. C. 8499
Leclerc, Y. 410
Leclercq, A. X. 10450
Leclercq, P. A. 10450
Lecomte, J. 7206
Lecomte, P. 1881
Lecouls, A. C. 3285, 8976, 12652
Ledbetter, C. A. 544, 6671
Ledesma, A. 10163
Ledesma, F. 3088, 4534
Ledford, H. K. 10531
Ledig, F. T. 5932, 12888
Ledley, R. S. 3717
Ledoigt, G. 2471, 11293
Lee, B. H. 5235
Lee, B. K. 8094-8095
Lee, B. M. 11406
Lee, C. F. 2939
Lee, C. H. 790, 2619, 5618, 7984
Lee, C. M. 595
Lee, D. J. 2260
Lee, D. K. 253, 518, 10007, 10027, 10033-10034, 11962
Lee, E. 11104
Lee, E. A. 222
Lee, E. S. 1869
Lee, F. N. 2078, 7528, 8719
Lee, G. P. 2255
Lee, G. Y. 6587
Lee, H. 979, 2731
Lee, H. B. 7828
Lee, H. D. 8087
Lee, H. J. 3761, 6756, 9107
Lee, H. P. 8129
Lee, H. S. 1774, 3636, 5235, 7783, 8220
Lee, H. W. 6287
Lee, H. Y. 2090, 10305
Lee, I. 3750, 9318
Lee, I. J. 229, 10748
Lee, J. 11068
Lee, J. H. 741, 1025, 1123, 5187, 7265, 7420, 7550, 9455, 11013, 11660, 11966, 12352
Lee, J. I. 8076, 8087, 8094-8095
Lee, J. K. 6809, 7543-7544
Lee, J. M. 7915
Lee, J. P. 2358, 8088
Lee, J. R. 7718
Lee, J. S. 2195, 7689, 9194-9196, 10861, 11565
Lee, J. W. 8087
Lee, J. Y. 7784
Lee, K. 918
Lee, K. K. 11560
Lee, K. O. 440
Lee, K. S. 7543-7544
Lee, K. W. 826
Lee, K. Y. 7545, 10861
Lee, L. E. J. 12
Lee, L. S. 6746, 8381, 9214
Lee, M. 205, 3959, 5120
Lee, M. C. 6259, 8690
Lee, M. H. 595, 700, 1774
Lee, M. S. 895
Lee, M. T. 4567
Lee, P. Y. 4864
Lee, R. 10334
Lee, S. 2300, 6017
Lee, S. B. 9107
Lee, S. C. 2977, 4029, 8507
Lee, S. H. 700, 4201, 7706-7707, 7841
Lee, S. I. 4201
Lee, S. K. 4422, 5297, 7546
Lee, S. M. 6802, 7164
Lee, S. P. 8375
Lee, S. S. 12507
Lee, S. T. 8076, 8087, 8094-8095
Lee, S. W. 4422, 8076, 8087, 8220, 10316
Lee, S. Y. 440, 5235, 7543-7544, 7544, 7718, 7781-7782, 8880, 9707, 11537
Lee, T. C. 12017, 12033
Lee, T. L. 4376
Lee, W. H. 11962
Lee, W. M. 6069
Lee, W. S. 826, 9989
Lee, W. Y. 2769
Lee, Y. 6020
Lee, Y. C. 5723
Lee, Y. H. 295, 5881, 7122, 7706-7707, 7781-7782, 7784, 9199, 11962
Lee, Y. J. 595, 6755
Lee, Y. K. 3857-3858, 3866, 3897
Lee, Y. M. 6755
Lee, Y. R. 2660, 8345
Lee, Y. R. J. 9303
Lee, Y. S. 1023-1024, 1026, 7339, 7753, 7783-7784, 11560
Lee, Y. T. 7544, 7596, 9697
Lee ByoungKyu 8094-8095
Lee ByungHyun 5235
Lee ChangHoo 5618, 7984
Lee CheolHee 790
Lee ChwenFang 2939
Lee DongJu 2260
Lee DongKeun 253
Lee DonKyun 518, 10007, 10027, 10033-10034
Lee DuKu 11962
Lee EuiSeung 1869
Lee GungPyo 2255
Lee GyeYeun 6587
Lee HaengSoon 1774
Lee HakYoung 10305
Lee HanBum 7828
Lee HanSang 7783
Lee HeeDuk 8087
Lee HeeJae 6756
Lee HoJoung 3761
Lee HyoShin 5235
Lee HyoYeon 2090
Lee HyunsookPai 8129
Lee InJung 229, 10748
Lee JaeHyeok 11013
Lee JaeKil 7543-7544
Lee JaeKyun 6809
Lee JangWoo 8087
Lee JeomHo 1123, 7550
Lee JeomSig 10861
Lee JeongHee 7265
Lee JeongHo 741
Lee JeongYang 7784
Lee Jieun 11068
Lee JongHo 1025
Lee JongHoon 5187
Lee JongPal 8088
Lee JongPil 2358
Lee JongSeob 2195, 7689
Lee JongSuk 9194-9196, 11565
Lee JoongHo 11966
Lee JungIl 8076, 8087, 8094-8095
Lee JungMyung 7915
Lee JungRo 7718
Lee JunHee 12352
Lee KeeYeong 10861
Lee KeeYoung 7545
Lee KwangWoong 826
Lee KyungKook 11560
Lee KyunOh 440
Lee KyuSeong 7543-7544
Lee MeiSel 895
Lee MiHee 1774
Lee MyungChul 6259, 8690
Lee PeiYun 4864
Lee SanghYun 5235
Lee SangMan 6802
Lee SangYang 7781-7782
Lee SangYeb 8880
Lee SangYeol 440
Lee SeokWoo 4422, 10316
Lee SeongWoo 8076
Lee SeonYong 7543-7544
Lee SeungTack 8094-8095
Lee SeungTaek 8087
Lee SeungTak 8076
Lee SeungYeob 7544, 9707
Lee SiChul 2977, 4029
Lee SokYoung 7718
Lee SooIn 4201
Lee SooKwan 7546
Lee SooSeong 12507
Lee SoungKyu 4422
Lee SukChan 8507
Lee SukHa 7706-7707
Lee SungHo 4201
Lee SungKyu 5297
Lee SungWoo 8087
Lee SuYoung 11537
Lee TanLon 4376
Lee WangHyu 11962
Lee WooMoon 6069
Lee WooSung 826, 9989
Lee YaSeong 1023-1024, 1026, 7339, 7753, 7783-7784
Lee YeongHo 7706-7707, 7781-7782
Lee YewHwa 5881, 7122
Lee YongHo 295
Lee YongHoon 11962
Lee YongJae 6755
Lee YongMoon 6755
Lee YoungChoon 5723
Lee YoungHo 7784
Lee YoungRan 2660, 8345
Lee YoungTae 7544, 7596, 9697
Lee YounSu 11560
Lee Zhang 12501
Leech, M. J. 3528, 4768
Leech, R. M. 896, 10524
Leegood, R. C. 2129, 4084, 5062, 7636, 9558
Leela, A. 5409
Leela Shahijram 10055-10056
Lees, A. K. 3168
Lefèbvre, C. 2054, 12152
Lefèbvre, M. 2505
Leffel, R. C. 4196
Lefol, E. 3423
Lefort, F. 8200, 11457
Lefort, M. 2906
Legaria, J. 7635
Legavre, T. 2082
Lege, K. E. 11398, 11401
Legendre, B. L. 4561, 6898, 10187
Legesse, G. 11151
Legge, W. G. 6168
Leggewie, G. 5459
Legnate, H. 11797
Lehfeldt, B. R. 8577
Lehman, C. C. 69
Lehmann, J. 6314, 9730
Lehmushovi, A. 3300
Lehnen, M. 12777
Lehoczky, É. 3331
Lehr, A. 5740
Lehrach, H. 1829, 11731
Lehti, M. D. 8521
Lei, C. H. 10379
Lei, J. J. 2442, 7978
Lei, L. G. 3643
Lei, Y. 6872, 8085
Lei, Z. S. 4955
Lei, Z. Y. 2335
Lei ChihHsien 10379
Lei JiaJun 7978
Lei JianJun 2442
Lei LiGong 3643
Lei Yong 6872, 8085
Lei ZhenSheng 4955
Lei ZhenYa 2335
Leibbrandt, N. B. 3491
Leibenguth, F. 2587
Leidi, E. O. 6969
Leidy, R. B. 1426
Leijon, S. 4321, 4329, 4385
Lein, W. 9097
Leis, M. 8993
Leister, D. 5026, 6080
Leistrumaitė, A. 7425
Leitão, F. 11323
Leitao, F. 11322
Leitão, J. 2428
Leitão, J. M. 5392, 6729
Leitão, R. 1604
Leitch, A. R. 1653, 2361
Leitch, I. J. 1653, 1910, 2361, 4633
Leite, A. 2021, 4083
Leite, D. L. 9933
Leite, R. M. V. B. C. 10118
Leitner-Dagan, Y. 11549
Leitz, R. A. 5329-5330
Leiva Sánchez, A. 8426
Lejay, L. 9367, 9369
Lejeune, B. 4133, 5253, 8455
Lejeune, P. 1847
Lejeune-Henaut, I. 5447
Lekes, J. 1990
Lekh Raj 7761
Lelandais, C. 1615, 12809
Lelièvre, J. M. 5615
Lelion, A. 4220
Lelley, T. 116
Lemagnen, A. 5965
Lemaillet, G. 7245
Lemaire, J. M. 12651
Lemarié, S. 3665
Lemaux, P. G. 95, 1998, 9547
Lemay, J. F. 1692
Lemcoff, J. H. 1091
Lemeiux, C. 202
Lemieux, B. 902
Lemieux, R. 9748
Lemme, C. 3088
Lemmens, M. 2860, 3882, 5027, 7407, 9525
Lemmetty, A. 12665
Lemmetyinen, J. 8196
Lemmon, B. E. 1756, 3919, 7252
Lemoine, J. 9335
Lemoine, R. 12675
Lemos, E. E. P. 2439
Lempereur, I. 1959, 11874
Leng, S. F. 10265
Leng SuFeng 10265
Lenhard, M. 3743
Lenk, I. 2732, 8821, 11361
Lenka, D. 397, 5243, 7741, 12298
Lenka, P. C. 5661
Lenné, J. M. 8427, 9232
Lennox, S. J. 1230
Lenton, J. R. 3801
Lenz, L. W. 4762
Lenz, R. 10428
Leo, F. de 3537
León, A. 10094
Leon, A. E. 184
León, J. 10085, 12447, 12471
León, J. L. 3478
León, L. 2266
León, O. 5942, 9006, 12542
León, P. 2022
León-Camacho, M. 2511
Léon-Kloosterziel, K. M. 1849
Leonard, B. R. 2553, 4619
Leonard, K. J. 3888
Leonardi, A. 3979, 5127, 10705
Leonardi, L. 3883
Leonardi, S. 6998
Leonchenko, V. G. 565
Leonhard, P. S. 11421
Leonhardt, N. 4875
Leperlier, M. 5615
Lepetit, M. 9299, 9367
Leplé, J. C. 4648
Leppard, P. 7271
Leprince, A. S. 3727, 11254
Lera Zavala, M. 1677
Lerbs-Mache, S. 9595
Lercari, B. 4350, 8885
Lerceteau, E. 7018
Lerch, K. 5911

Lerin, J. 4519, 8055
Lerouge, P. 9335
Leroy, P. 114, 1964, 6152
Leroy, T. 3506
Les, D. H. 1765
Lescure, A. M. 5109
Lescure, B. 7226, 10526
Lescure, N. 1235
Lesigne, P. 12741
Leskinen, E. 12982
Lesnick, D. J. 11079
Lesniewska, A. 1217
Leśniewska-Frątczak, M. 10667
Lespinasse, Y. 6624, 6656-6657, 12624
Lessard, P. 9306, 10530
Lessnick, A. 5758
Lester, C. 11180
Lester, D. R. 9837, 10988
Lester, R. N. 6583
Letchford, T. 1661, 9125
Letellier, V. 9446
Leto, C. 5665
Leto, J. 4137
Letouzey, J. 8203
Letz, R. 9387
Leu, L. S. 12702
Leu LiiSin 12702
Leube, M. P. 1842
Leubner-Metzger, G. 2527
Leung, G. S. W. 8392
Leung, H. 8424
Leung, J. 913
Leung, N. 9434, 9490
Leur, J. A. G. van 1045
Leustek, T. 4510, 6017, 6802, 7307, 8036, 9309
Leuven, F. van 6738, 8330
Lévesque-Lemay, M. 5670
Levi, A. 2436
Levidow, L. 3721
Levine, A. 4900, 6403, 12532
Levings, C. S. 9231
Levings, C. S., III 1068
Levit, M. 9108
Levites, E. V. 8110, 8112
Levitt, M. 5974
Levri, M. A. 2613
Levy, A. A. 9388, 12797
Levy, F. 9169
Levy, L. 12648
Levy, M. 10218
Levy, Y. Y. 2768
Lew, R. R. 9033
Lewald, J. 891
Lewandowska, B. 11552
Lewellen, R. T. 2487, 2489, 2502, 9075
Lewers, K. S. 4197
Lewin, L. 7537, 12189
Lewinsohn, E. 12972
Lewis, B. 12727
Lewis, C. E. 1331, 11032
Lewis, D. H. 4743
Lewis, G. 9772
Lewis, G. P. 1798
Lewis, M. J. 4887
Lewis, R. 10917
Lewis, R. V. 8760
Lewis, T. 5930
Lewosz, J. 4311
Lexer, C. 2375, 2571, 4641, 12870
Leydecker, M. T. 4587
Leyland, N. 12814
Leyman, B. 4581
Leymarie, J. 1846, 2776, 9331
Leyva, A. 1827
Lezcano, A. P. 5488, 5491
Lézec, M. le 3273, 8925
Lhaloui, S. 6151
L'Homme, Y. 5671
Li, A. F. 123, 1929
Li, A. P. 6813
Li, A. S. 2350
Li, A. Z. 12238
Li, B. 1006, 5968
Li, B. J. 2081, 5920
Li, B. L. 5778
Li, B. P. 10268
Li, B. Y. 12354
Li, C. 607, 4638, 11022
Li, C. F. 1482
Li, C. H. 123, 11150
Li, C. J. 7497
Li, C. M. 662, 11534
Li, C. P. 12094
Li, C. Q. 2283, 6537
Li, C. X. 8132, 8265
Li, C. Y. 1948, 4072, 4466, 5918, 9127, 9698, 12869
Li, D. 6872, 8085
Li, D. B. 291, 495, 2120, 5223, 6297, 7629, 9713, 12246
Li, D. C. 12119
Li, D. M. 10042
Li, D. P. 2069
Li, D. S. 5248
Li, D. Z. 3656, 8932
Li, F. F. 8903
Li, F. G. 10257
Li, F. L. 10257
Li, F. Q. 9540
Li, F. S. 4036
Li, F. T. 8163
Li, F. Y. 4770
Li, G. 612, 5920, 8049, 12598
Li, G. F. 9818, 11364, 11585
Li, G. G. 3358
Li, G. L. 5500, 6308, 7510
Li, G. M. 6576
Li, G. X. 6527, 6813
Li, G. Y. 2282, 5496, 5499, 6667, 7788
Li, G. Z. 6578
Li, H. 900, 3191, 3293, 3656, 5184, 6696, 10038
Li, H. B. 5057
Li, H. J. 786, 1942, 7099, 9454
Li, H. L. 1977
Li, H. M. 43
Li, H. N. 7504
Li, H. Q. 4611
Li, H. S. 2975, 6689, 7574
Li, H. T. 475, 6558
Li, H. X. 11095
Li, H. Y. 374, 2185, 7724, 10224, 12654
Li, H. Z. 6605
Li, J. 2174, 10436, 10567, 12444
Li, J. C. 7504
Li, J. G. 4236, 7504, 7885
Li, J. H. 10310, 10795
Li, J. K. 6525, 11063
Li, J. L. 10567
Li, J. M. 1131, 4934, 5519, 10532
Li, J. N. 6793, 8046, 12192
Li, J. P. 2184, 3887
Li, J. R. 536, 10854, 11210
Li, J. S. 7498, 8731, 9620
Li, J. W. 11167
Li, J. X. 12128
Li, J. Y. 140, 733, 1006, 1968, 6716-6717, 8579
Li, J. Z. 6289
Li, L. 5018, 7929, 8032, 9348, 9795, 12654
Li, L. C. 5097, 7715, 10866
Li, L. F. 12202, 12918
Li, L. H. 3835
Li, L. J. 3985, 8663, 12124, 12915
Li, L. R. 273
Li, L. Y. 5918
Li, L. Z. 1932, 8168
Li, M. 2455, 6916, 9926
Li, M. F. 4181
Li, M. R. 6266, 12191
Li, M. W. 10798
Li, M. Y. 5445
Li, N. 9007, 12531
Li, N. J. 6922
Li, P. 3107, 5593, 6266, 9193, 12191
Li, P. B. 2556
Li, P. F. 292, 5222, 6954
Li, P. J. 4664
Li, P. L. 2055
Li, Q. B. 4338
Li, Q. D. 6594
Li, Q. H. 1410
Li, Q. M. 1969, 7572
Li, Q. N. 3503
Li, Q. Q. 123, 1929
Li, Q. S. 607
Li, R. 6290
Li, R. B. 1151, 1158, 1174, 2097, 3002, 8706, 10848
Li, R. G. 2458
Li, R. H. 259, 2092
Li, R. J. 324
Li, R. T. 3362
Li, R. W. 7574
Li, R. Z. 8132, 12627
Li, S. 9658, 12058-12059
Li, S. B. 4952
Li, S. C. 3328
Li, S. F. 5319, 9288, 11745
Li, S. G. 6289
Li, S. H. 9658, 10244
Li, S. J. 2805, 4601, 6530, 6532, 6549, 6952, 8184, 11929
Li, S. K. 196, 9615
Li, S. M. 6557
Li, S. Q. 5303
Li, S. R. 7332
Li, S. S. 1929
Li, T. H. 5915, 8400
Li, T. L. 6578
Li, T. Y. 7509
Li, T. Z. 2880
Li, W. 5617, 8614, 10819, 11234, 11236
Li, W. B. 7815, 7885, 8596
Li, W. D. 6394, 9786
Li, W. G. 5577
Li, W. J. 3551, 7432
Li, W. L. 3879, 3885, 5593
Li, W. M. 252, 261, 290, 5194
Li, W. X. 1633
Li, W. Y. 6954
Li, X. 81, 589, 1410, 5500, 5995, 6402, 6639, 6791, 9377, 10554, 11165, 12230
Li, X. B. 1929
Li, X. C. 773, 4681
Li, X. F. 6588, 10181
Li, X. G. 2040, 3963
Li, X. H. 2707, 5293, 5307, 6576, 6742, 7565, 8160, 9797, 11727
Li, X. J. 6639, 9658, 11470
Li, X. L. 3271, 6950, 7456, 10257
Li, X. M. 183, 8686
Li, X. P. 124, 7367
Li, X. Q. 603, 608, 3835
Li, X. W. 3930, 8696
Li, X. Y. 4672, 4937, 11145
Li, X. Z. 3543, 5325
Li, Y. 3225, 3952, 5192, 7520, 7854, 8081, 10015, 10554, 11128, 12220, 12725
Li, Y. C. 8550, 8593
Li, Y. D. 2481, 7541
Li, Y. E.. 6952
Li, Y. E. 8184
Li, Y. F. 3930, 4858, 10515
Li, Y. G. 7688
Li, Y. H. 7962, 9003, 10000, 10269
Li, Y. J. 1006, 6352
Li, Y. L. 613, 623, 3957, 4559, 4681, 10125, 12119
Li, Y. M. 1923, 8680
Li, Y. N. 2332, 4601
Li, Y. P. 7300, 7432, 8105
Li, Y. Q. 10769
Li, Y. S. 2076, 10844
Li, Y. W. 10179
Li, Y. X. 7833, 9916
Li, Y. Z. 270, 8181
Li, Z. 3898, 8717, 9444, 9487, 9795
Li, Z. B. 7004
Li, Z. C. 2092, 3463, 8079, 10167, 12206
Li, Z. G. 7518
Li, Z. H. 4611
Li, Z. J. 10213
Li, Z. K. 275, 5202, 7624, 10868
Li, Z. L. 3289, 4406, 10042
Li, Z. Q. 1981, 11916
Li, Z. S. 140, 1006, 1968, 2562, 4335, 8181, 10261
Li, Z. W. 1945
Li, Z. Y. 121, 612, 4505, 7343, 11856
Li, Z. Z. 6272
Li AiPing 6813
Li AiSheng 2350
Li AiZhen 12238
Li AnFei 123, 1929
Li BaoJian 2081, 5920
Li BaoPing 10268
Li BaoYing 12354
Li Bin 1006, 3498
Li Bing 5968
Li BingLin 5778
Li CaiHua 11150
Li CaiMing 662
Li CaiXia 8132
Li ChangFa 1482
Li ChangYu 4466
Li ChaoHeng 123
Li Cheng 607
Li ChengQiong 2283, 6537
Li ChengYun 9698
Li ChuanYou 1948, 5918
Li ChunMin 11534
Li ChunPing 12094
Li ChunXiang 8265
Li ChunYang 9127, 12869
Li Cong 11022
Li DaoPin 2069
Li DaZhi 8932
Li DeBao 291, 495, 2120, 5223, 6297, 7629, 9713, 12246
Li DeMing 7383
Li DeSen 5248
Li DeZhu 3656
Li Dong 6872, 8085
Li DongMei 10042
Li DuoChuan 12119
Li FaFang 8903
Li FangYuan 4770
Li FaShen 4036
Li FengLian 10257
Li FuGuang 10257
Li FuQuan 9540
Li FuTian 8163
Li Gan 612
Li Gang 5920
Li GengGuang 3358
Li GenYi 2282, 5496, 5499
Li Guan 12598
Li GuangLin 7510
Li GuangMin 6576
Li GuangXing 6813
Li GuangYu 6667
Li GuiLan 6308
Li GuiXi 6527
Li GuiYing 7788
Li GuiZhen 6578
Li GuoFeng 11585
Li GuoFo 11364
Li GuoFu 9818
Li GuoLiang 5500
Li Hai 900
Li HaiTao 475, 6558
Li HaiYing 2185, 7724
Li HaiZhen 6605
Li HanXia 11095
Li HaoBing 5057
Li Heng 3191, 3656
Li HeNian 7504
Li HeSheng 7574
Li HeSong 2975
Li HongJian 786, 7099
Li HongJie 1942, 9454
Li HongLian 1977
Li HongQin 4611
Li HongYan 10224
Li HongYu 12654
Li HsouMin 35, 43
Li Hua 3293, 6696, 10038
Li HuiSheng 6689
Li Jian 10567
Li JiaNa 6793, 8046
Li JianHua 10310, 10795

Li JianMing 4934, 10532
Li JianRong 10854
Li JianShen 9620
Li JianSheng 7498, 8731
Li JianXun 12128
Li JiaRui 536
Li JiaWang 11167
Li JiChen 7504
Li JiKui 6525, 11063
Li JiMing 1131
Li JiNeng 12192
Li JinGuo 4236, 7885
Li JinLong 10567
Li JinRong 11210
Li JiPing 2184, 3887
Li JiYue 733
Li JiYun 140, 1006, 1968, 8579
Li Jun 2174, 12444
Li JunGe 7504
Li JunMing 5519
Li JunYing 6716-6717
Li LanZhen 1932
Li Lei 9795
Li Li 8032, 9348, 12654
Li LianCheng 5097
Li LianFang 12918
Li LiangCai 7715, 10866
Li LiHui 3835
Li LiJia 8663
Li Ling 5018, 7929
Li LingFang 12202
Li LinJiang 12915
Li LiYun 5918
Li LiZhu 8168
Li Mei 2455, 9926
Li MeiRu 6266, 12191
Li MeiYuna 5445
Li Min 6916
Li MingFeng 4181
Li MingWang 10798
Li NaiJian 6922
Li Ning 9007, 12531
Li Pan 5593
Li PeiFu 292, 5222, 6954
Li PeiJian 4664
Li PeiLiang 2055
Li Peng 3107
Li PengBo 2556
Li Ping 6266, 12191
Li QiangSheng 607
Li QinBao 4338
Li QingDian 6594
Li QingHuai 1410
Li QingMao 7572
Li QingQi 123, 1929
Li QiNian 3503
Li QiuMei 1969
Li RenHua 259, 2092
Li RiRen 273
Li RongBai 1151, 1158, 1174, 2097, 3002, 8706, 10848
Li RongWei 7574
Li RuGang 2458
Li Rui 6290
Li RuiJun 324
Li RuiZhi 12627
Li RunTang 3362
Li RunZhi 8132
Li ShaoHui 10244
Li ShaoKun 196, 9615
Li ShengRong 7332
Li ShiCheng 3328
Li ShiJun 2805, 6530, 6532, 6549
Li ShiQiang 5303
Li ShouBi 4952
Li ShuHua 9658
Li ShuJun 4601, 6952, 8184
Li SiShen 1929
Li SongFeng 9288, 11745
Li SuFeng 5319
Li SuJuan 11929
Li SuMei 6557
Li Sun 9658
Li TaiHui 5915, 8400
Li TianLai 6578
Li TongZhu 2880
Li TuanYin 7509
Li WanJi 7432
Li WanXiang 1633
Li WanYun 6954
Li Wei 5617, 11234, 11236
Li WeiDong 6394, 9786
Li WeiJiang 3551
Li WeiMing 252, 261, 290, 5194
Li WenBin 7815, 7885, 8596
Li WinGu 5577
Li WinLin 5593
Li Xi 1410
Li Xia 5995, 6402, 11165
Li Xian 81, 5500
Li XianBin 1929
Li Xiang 6639
Li XiangGan 3963
Li XiangHui 6742, 8160
Li XiaoChu 773, 4681
Li XiaoMei 183
Li XiMing 8686
Li Xin 3018, 9377, 10554
Li Xing 12230
Li XingHong 6576
Li XingJi 9658
Li XingPu 124, 7367
Li XinHai 5293, 5307, 9797
Li XinHua 2707
Li XinJun 11470
Li XiuJu 6639
Li XiuLan 6950, 7456, 10257
Li XiuQing 603, 608
Li XiuQuan 3835
Li XiuYing 11145
Li XiWen 3930
Li XueFeng 6588
Li XueLin 3271
Li XueYuan 4937
Li XueZan 5325
Li XuHang 11727
Li Xun 589, 6791
Li XunZhen 3543
Li YaLing 12119
Li Yan 7854, 10554
Li YaNe 4601
Li YanE 6952, 8184
Li YanFang 3930
Li YangSheng 10844
Li YanHua 7962
Li YanLi 613, 623, 4559, 10125
Li YanZeng 8181
Li YaoMin 1923
Li YaoPing 7300, 8105
Li Yi 11128
Li Yin 8081
Li YingDe 2481
Li YiPing 7432
Li YiSong 2076
Li YiZhen 270
Li YongJun 6352
Li YouFang 4858, 10515
Li YouHua 10000
Li Yu 5192, 7520, 12220
Li YuanQing 10769
Li YueDong 7541
Li YuHong 9003
Li YuJing 1006
Li YuLiang 4681
Li YuLing 3957
Li Yun 10015
Li YunHai 10269
Li YunMing 8680
Li YuNong 2332
Li YuXia 7833, 9916
Li ZaiLong 3289
Li ZaiYun 4505
Li ZaiYung 612
Li ZengShu 10261
Li ZhaoHui 4611
Li ZhaoLiang 10042
Li ZhengCao 8079
Li ZhengChao 3463, 10167
Li ZhengSheng 1968
Li ZhengWei 1945
Li ZhenQi 1981, 11916
Li ZhenShan 4335
Li ZhenSheng 140, 1006
Li Zhi 9795
Li ZhiGuo 7518
Li ZhiJian 10213
Li ZhiKang 275, 5202
Li ZhiShu 8181
Li ZhiZhen 6272
Li ZhongBao 7004
Li ZhongYi 121, 7343, 11856
Li ZiChao 2092, 12206
Li ZongLan 4406
Li ZuShi 2562
Liakoura, V. 10053
Lian, Y. 6055
Lian, Z. 7535, 7698
Lian Yong 6055
Lian Zheng 7535, 7698
Lianchamroon, W. 2718
Liang, B. 2093, 5217, 7613, 12254
Liang, C. Y. 2450, 2972, 7570
Liang, F. 9312
Liang, G. H. 2870, 5131, 5135, 5182, 6244
Liang, G. L. 3499, 7127
Liang, G. Z. 3790
Liang, H. G. 164, 3929
Liang, H. M. 7679, 11547
Liang, H. X. 3643
Liang, J. 9441
Liang, M. S. 2483
Liang, M. Z. 3543-3544
Liang, S. Q. 1511
Liang, T. B. 11022
Liang, W. 2066
Liang, X. M. 4505, 10800
Liang, X. N. 10254
Liang, X. Q. 8084
Liang, X. Y. 6878
Liang, Y. 8900, 12032
Liang, Y. C. 6176
Liang, Y. L. 8556
Liang, Y. Q. 3811
Liang, Y. Y. 294, 9711
Liang, Z. H. 9985
Liang, Z. Y. 7577-7578
Liang Bin 2093, 5217, 12254
Liang Bing 7613
Liang ChengYe 2450, 2972, 7570
Liang Feng 9312
Liang GuoHua 5182
Liang GuoLu 3499, 7127
Liang GuoZhan 3790
Liang HaiMan 11547
Liang HanXing 3643
Liang HouGuo 164, 3929
Liang HuiMin 7679
Liang ManZhong 3543-3544
Liang MingShan 2483
Liang SuiQuan 1511
Liang TieBing 11022
Liang Wu 2066
Liang XiaoMin 4505
Liang XinMian 10800
Liang XiuYin 6878
Liang XuanQiang 8084
Liang XueNi 10254
Liang Yi 8900
Liang YiYuan 294, 9711
Liang YongChao 6176
Liang YuQing 3811
Liang ZhiHuan 9985
Liang ZuYang 7577-7578
Liao, B. S. 6872, 8085
Liao, C. Y. 4060, 7612
Liao, F. M. 2991
Liao, H. 3580
Liao, J. F. 662, 6897
Liao, L. J. 1180, 4028, 7582
Liao, W. B. 8307
Liao, W. X. 7336, 8545
Liao, X. R. 1934
Liao, Y. C. 11387
Liao, Y. P. 8685
Liao, Z. Y. 3211
Liao BoShou 6872, 8085
Liao ChunYan 7612
Liao FuMing 2991
Liao JianFeng 662, 6897
Liao LanJie 1180, 4028, 7582
Liao WenBo 8307
Liao WenXiao 7336, 8545
Liao XiangRu 1934
Liao YaoPing 8685
Liao YuCai 11387
Liao ZhouYu 3211
Liatukas, Ž. 3932
Liau, Y. E. 4753
Liau YunEr 4753
Liaubet, L. 4911
Liaw, J. H. 10171
Liaw JiaHer 10171
Libantová, J. 5771-5772
Libik, A. 1358
Liburd, O. E. 4451
Licciulli, F. 3716
Lichev, Ĭ. 3513, 4569
Lichon, A. 11959
Lichtenstein, C. 12797
Lichtenthaler, H. K. 9519
Licy, J. 12865, 12988
Lidansky, T. 1807
Lidansky, T. S. 9584
Lie, J. J. 6537
Lie JianJun 6537
Liebenberg, H. 797
Liebich, I. 5982
Liebmann, J. 8861
Liehe, A. 4776
Lienhard, S. 4315
Liere, K. 3518
Liersch, J. 7146
Lievens, S. 12342
Liew, C. F. 2658, 9199
Liew ChyeFong 2658
Ligarreto M., G. 3099
Ligero, F. 3095, 8773, 10956
Lightfoot, D. A. 7723
Liharska, T. 6580
Lijavetzky, D. 986
Lilburn, T. G. 5968
Liljegren, S. J. 10536
Lill, R. E. 7851, 7879
Lilley, C. J. 1814, 11682-11683
Lilley, J. 6840
Lilley, R. McC. 8145
Lillford, P. 413
Lillig, C. H. 11583
Liltved, W. R. 3627
Lim, C. N. 9199
Lim, C. O. 4201
Lim, E. K. 5773
Lim, H. T. 442, 3155, 3200, 3636, 6548, 6587
Lim, J. H. 6041, 10545
Lim, K. B. 5244
Lim, K. Y. 1653, 2361, 5602
Lim, P. O. 8880
Lim, S. 804
Lim, S. G. 1027
Lim, S. H. 303, 1869, 2658, 5881, 7122, 9199, 9912
Lim, S. J. 2978, 7542, 7545-7546, 7584, 10787
Lim, T. K. 1534
Lim, Y. C. 7455
Lim, Y. P. 2281, 7798, 7836
Lim ChaeOh 4201
Lim HakTae 6548, 6587
Lim JeongHwa 6041, 10545
Lim KeunBal 5244
Lim PyungOk 8880
Lim SangJong 2978, 7542, 7545-7546, 7584, 10787
Lim SawHoon 2658, 5881, 7122, 9912
Lim SeaGyu 1027
Lim SeonHee 1869
Lim Soon 804
Lim YongCheol 7455
Lim YongPyo 2281, 7798, 7836
Lima, E. F. 10175, 10264
Lima, M. 2047, 2938
Lima, M. do S. N. 10259
Lima, M. F. 1343
Lima, M. M. A. 12795
Lima, P. C. de 7914
Lima, P. C. F. 10300
Lima-Brito, J. 953, 4943
Lima e Silva, P. S. 5115
Limami, M. A. 1372
Limbore, A. R. 11287
Limin, A. E. 9418, 11824
Limouri, M. 6076
Lin, B. N. 6716-6717
Lin, B. Y. 12003
Lin, C. C. 4376
Lin, C. H. 4753
Lin, C. T. 11768

Lin, D. B. 5645
Lin, D. X. 6266, 12191
Lin, F. C. 11632
Lin, F. S. 257, 2985
Lin, G. L. 261
Lin, G. P. 1606
Lin, G. Q. 2166, 6813
Lin, G. Y. 2302, 3245, 6570-6571, 7900
Lin, H. 5621
Lin, H. H. 164, 3929
Lin, H. S. 8338
Lin, H. X. 250
Lin, J. 4508
Lin, J. B. 3212, 9794
Lin, J. C. 938
Lin, J. F. 5711
Lin, J. J. 5321, 7122
Lin, J. M. 6092
Lin, J. R. 250, 3019, 9716, 10789, 12266
Lin, J. X. 5061
Lin, L. 9597
Lin, L. H. 261
Lin, L. M. 6298
Lin, P. J. 8948
Lin, P. Y. 134
Lin, Q. 9398, 12526
Lin, Q. S. 2998
Lin, Q. Y. 6298
Lin, S. C. 6666
Lin, S. H. 7956
Lin, S. L. 3230
Lin, S. M. 12936
Lin, S. Q. 577, 12635
Lin, W. B. 2080
Lin, W. G. 4181
Lin, W. X. 294, 9711
Lin, X. G. 4466
Lin, X. H. 11482
Lin, X. Y. 11047, 11727
Lin, Y. 6014
Lin, Y. Q. 10000
Lin, Y. R. 5728
Lin, Y. Z. 8687, 9672
Lin, Z. F. 7616
Lin, Z. P. 8131
Lin, Z. S. 6103
Lin BoNian 6716-6717
Lin C. L. 11415
Lin ChengChung 4376
Lin ChengLang 11415
Lin ChenTao 11768
Lin ChinHo 4753
Lin DaoXuan 6266, 12191
Lin DingBo 5645
Lin FangShi 257, 2985
Lin GuangLin 261
Lin GuoPing 1606
Lin GuoQiang 2166, 6813
Lin Hao 9307
Lin HongHui 164, 3929
Lin HongXuan 250
Lin HsuehShih 8338
Lin JengBin 9794
Lin JhyJhu 7122
Lin JiaBao 3212
Lin JianCheng 938
Lin JianMing 6092
Lin JianRong 250, 3019, 9716, 10789, 12266
Lin JinFeng 5711
Lin JinXing 5061
Lin Jun 4508
Lin Lei 9597
Lin LiHui 261
Lin LiMing 6298
Lin Qing 9398
Lin QingShan 2998
Lin QiYing 6298
Lin Quan 12526
Lin ShengHua 7956
Lin ShenLin 3230
Lin ShunChang 6666
Lin ShunQuan 577, 12635
Lin SuJu 20
Lin WeiGang 4181
Lin WenBin 2080
Lin WenXiong 294, 9711
Lin XiaoHong 11482
Lin XiaoYing 11047, 11727
Lin XingGui 4466
Lin YiZi 8687, 9672
Lin Yun 6014
Lin YuQun 10000
Lin ZhiFang 7616
Lin ZhiShan 6103
Lin ZhongPing 8131
Linares, C. 1050
Linares, E. 3297
Linc, G. 4941, 7462, 10655
Lindahl, M. 8462
Lindahl-Larsson, G. 11253
Linde-Laursen, I. 8601
Linde-Laursen, I. B. 7668
Lindell, T. 5852
Linder, C. R. 2459, 4531, 5690
Linder, D. 9804
Linder, H. P. 1758, 3627, 10405, 10880
Linder, M. 9804
Lindgren, D. 2586, 3575, 8218, 8247
Lindgren, D. T. 8302
Lindgren, L. 11593
Lindhout, P. 491, 12525
Lindquist, J. L. 12149
Lindroth, A. M. 9404
Lindroth, R. L. 9136
Lindsey, K. 894, 2514, 11660
Lindstrom, J. T. 10379
Lindup, S. 111
Linforth, R. S. T. 1386, 11104
Ling, H. Q. 1379, 9551
Ling, K. S. 12678
Ling, X. F. 10460
Ling, Y. 10123
Ling, Y. K. 6664
Ling, Yuan 10123
Ling HongQing 1379, 9551
Ling XiaFen 10460
Ling YingKui 6664
Lingaiah 3346
Lingaiah, H. B. 12710
Lingappa, B. S. 10969
Lingappa, S. 9991
Lingaraju, S. 1122, 1137-1138
Lingeri, M. S. 9991
Lingumbwanga, E. S. 11600
Linhares, A. G. 10602
Linhart, Y. B. 759
Liniger, M. 2168
Link, G. 630
Link, G 3662
Link, G. 8056
Link, W. 2189-2190, 5290, 6409
Linley, P. J. 5966
Linnestad, C. 1991, 3919, 9415
Lins, M. V. 726
Linscombe, S. 5209
Linscombe, S. D. 5207-5208, 7601, 7627
Linstead, P. 911
Linthorst, H. J. M. 4593, 11392
Lioi, L. 3100, 6421
Liotta, C. 2861
Liou, P. C. 11157
Liou PanChi 11157
Liović, I. 5734, 5742, 10199
Lipka, V. 12444
Lips, S. H. 11107
Lira, R. 3045
Lira, R. V. 2432
Lisa, V. 5349
Lisacek, F. 8453
Lisch, D. 5098
Liscum, E. 1860, 3741, 9331
List, G. R. 9038, 10953-10954
Lister, C. 10524
Lister, C. E. 3210
Liston, A. 7023, 11200
Listy Cukrovarnické a Řepařské 10193
Little, C. H. A. 5765
Littlejohn, G. M. 5839-5840
Litz, R. E. 6713, 8016, 8020
Liu, A. H. 7412
Liu, A. M. 256
Liu, B. 977, 4971, 5162, 6292, 8696
Liu, B. H. 7429, 9459, 10318
Liu, B. J. 2283
Liu, B. L. 9659
Liu, C. B. 8032
Liu, C. G. 7350
Liu, C. H. 9002
Liu, C. J. 8181, 11412
Liu, C. L. 2975, 6253, 7940, 8186
Liu, C. Q. 6074
Liu, C. S. 10114
Liu, C. T. 7429
Liu, C. X. 12174
Liu, D. 2759
Liu, D. C. 152, 1989, 4942, 11839, 11845
Liu, D. H. 6916, 11234, 11236
Liu, D. J. 121, 1941, 2870, 3879, 3885, 5080, 6267, 7565, 10612, 11239, 11842
Liu, D. L. 8032
Liu, D. M. 7249
Liu, D. W. 7510
Liu, E. M. 12254
Liu, F. 340, 3225, 7432, 7722, 7854, 8340, 9553, 10257-10258, 10269
Liu, F. H. 10254
Liu, F. L. 12763
Liu, F. Z. 6434, 8183
Liu, G. D. 140, 1968
Liu, G. F. 2984, 7568
Liu, G. H. 3811
Liu, G. J. 533
Liu, G. L. 2554
Liu, G. Q. 7697, 12190
Liu, G. S. 1508, 7940
Liu, G. T. 130, 1933, 3839, 3864, 4991, 7384, 9460, 11876
Liu, H. J. 10125
Liu, H. L. 124, 6804
Liu, H. M. 2556, 9937, 12904
Liu, H. Q. 11062
Liu, H. R. 5549, 12638
Liu, H. T. 5504
Liu, H. X. 2450, 2972, 6266, 7570, 12191
Liu, H. Y. 4376
Liu, J. 2441, 8163, 9775
Liu, J. B. 5555
Liu, J. D. 2548
Liu, J. H. 621, 2315, 9559, 10249
Liu, J. L. 5782, 9620, 10256, 11986
Liu, J. M. 1130, 2441, 9997, 10959
Liu, J. P. 6594, 12192
Liu, J. Q. 5459
Liu, J. R. 448, 700, 1774, 7798, 8129, 10221
Liu, J. S. 1121
Liu, J. X. 6602
Liu, J. Y. 121, 5111, 7560, 10306
Liu, J. Z. 1006, 10241
Liu, K. 714, 10248
Liu, K. C. 192
Liu, K. D. 2123, 4054, 10810
Liu, K. H. 9368
Liu, K. J. 5498
Liu, K. M. 7120
Liu, L. 5995, 11165
Liu, L. D. 2667, 7136-7137
Liu, L. H. 3985, 7120, 7556, 7563, 12124
Liu, L. M. 7603
Liu, L. S. 7558, 11693
Liu, L. W. 6582, 12555
Liu, L. Y. 2169
Liu, M. 7885, 8041, 12059, 12657
Liu, M. F. 8682, 8711
Liu, M. H. 3994
Liu, M. J. 520, 3994, 6623
Liu, N. 9664, 12971
Liu, P. Y. 2197, 2442, 3189, 4606, 6614-6616
Liu, Q. 2584, 3266, 4897, 7975, 8171, 8652, 9112
Liu, Q. C. 420, 7830
Liu, Q. F. 7216
Liu, Q. L. 257, 1708, 1719, 2585, 2985, 7954-7955
Liu, Q. Q. 254, 296
Liu, Q. S. 7509
Liu, Q. Y. 2976
Liu, R. L. 264
Liu, S. 1498
Liu, S. B. 4961
Liu, S. C. 5728
Liu, S. F. 183, 5569
Liu, S. H. 5711
Liu, S. J. 4988, 8999
Liu, S. L. 1647, 4953, 10260
Liu, S. X. 9938
Liu, S. Y. 7163, 8624, 9203
Liu, T. G. 7977
Liu, T. M. 3293, 6696
Liu, W. 8899
Liu, W. B. 2835
Liu, W. D. 2462
Liu, W. H. 9253, 11064
Liu, W. J. 8192
Liu, W. P. 2169
Liu, W. S. 8948
Liu, W. X. 9946
Liu, X. D. 2966
Liu, X. H. 1514, 4480, 5567, 7849, 8018
Liu, X. J. 1970, 9620, 11095, 11986
Liu, X. L. 6674, 8339, 9658
Liu, X. M. 3216, 3893, 4367, 6526-6528, 7791, 12955
Liu, X. T. 10038
Liu, X. X. 7951, 7960, 10114
Liu, X. Y. 3318, 4190, 7720
Liu, X. Z. 5097, 7480, 10439
Liu, Y. 495, 8999, 10979, 12058-12059, 12098, 12657
Liu, Y. B. 2983, 12192
Liu, Y. C. 1947
Liu, Y. G. 168, 9297, 11724
Liu, Y. H. 5092, 6664, 7823, 11264
Liu, Y. J. 12238, 12638
Liu, Y. L. 9661
Liu, Y. M. 3234, 6511, 6544, 6620, 7850
Liu, Y. Q.. 6761
Liu, Y. S. 7575
Liu, Y. T. 5192, 12220
Liu, Y. X. 2546, 10249
Liu, Y. Z. 4770, 6266, 7577-7578, 12191
Liu, Z. 8640, 10643
Liu, Z. D. 10269
Liu, Z. H. 2523, 6100, 7518, 9606, 10106
Liu, Z. L. 8696, 9110
Liu, Z. M. 4786, 7724
Liu, Z. Q. 7349, 10480, 10592
Liu, Z. R. 3212
Liu, Z. T. 7696
Liu, Z. W. 1229
Liu, Z. X. 211, 5445, 7722
Liu, Z. Y. 6094, 7315
Liu, Z. Z. 2020, 3222, 4202
Liu AiHua 7412
Liu AiMin 256
Liu BaoJing 2283
Liu Bin 5162
Liu Bing 6292
Liu BingHua 9459
Liu BoLin 9659
Liu ChangJun 11412
Liu ChangQing 6074
Liu ChaoBin 8032
Liu ChengLian 7940
Liu ChongHuai 9002
Liu ChuangShe 10114
Liu ChuanXue 12174
Liu ChunGuang 7350
Liu ChunLin 2975, 6253
Liu ChunMing 36
Liu CongLi 8186
Liu CunJing 8181
Liu DaJun 121, 5080, 10612, 11239
Liu DaoHong 11234, 11236
Liu DeHua 6916

Liu DeJin 6267
Liu DenCai 11839
Liu DengCai 152, 1989, 4942, 11845
Liu DengWang 7510
Liu DongMei 7249
Liu DuLing 8032
Liu ErMing 12254
Liu Fan 7854
Liu Fang 7432, 10257-10258, 10269
Liu Fei 7722
Liu FeiHu 10254
Liu Feng 340, 8340
Liu FengZhen 8183
Liu FuZhong 6434
Liu GanSheng 1508
Liu GongShi 7940
Liu GuangTian 130, 3839, 3864, 4991, 7384, 11876
Liu GuanTian 1933
Liu GuiFu 2984, 7568
Liu GuiLing 2554
Liu GuoDong 140, 1968
Liu GuoHua 3811
Liu GuoJian 533
Liu GuoQiang 7697
Liu GuoQing 12190
Liu HaiRong 12638
Liu HaiTao 5504
Liu HongJun 10125
Liu HongLing 124
Liu HongMei 9937
Liu HongMin 12904
Liu HongXian 2450, 2972, 6266, 7570, 12191
Liu HouLi 6804
Liu HoYih 4376
Liu HuaQin 11062
Liu HuaRong 5549
Liu HuiMin 2556
Liu JangRyol 1774, 7798, 8129
Liu JiangXiong 6602
Liu JianHua 2315
Liu JianMing 2441
Liu JianPing 6594, 12192
Liu JianZhong 1006
Liu JiaYou 5111, 10306
Liu JiaZhong 10241
Liu Jie 2441, 8163
Liu JiHua 10249
Liu JiLin 11986
Liu JiLing 9620
Liu JiMei 1130, 9997, 10959
Liu JinBing 5555
Liu JinDing 2548
Liu JinHao 9559
Liu JinLan 5782, 10256
Liu JinYuan 121, 7560
Liu JiShin 1121
Liu JunQi 5459
Liu Kang 714, 10248
Liu KangChien 192
Liu KeDe 2123, 10810
Liu KeJun 5498
Liu KeMing 7120
Liu KunHsiang 9368
Liu LiangShi 7558
Liu LianSen 2208, 11693
Liu LiHua 7556, 7563
Liu LiMei 7603
Liu LinDe 2667, 7136-7137
Liu Ling 5995, 11165
Liu LinHan 7120
Liu LiWang 6582, 12555
Liu LiYan 2169
Liu Meng 8041
Liu MengJun 520, 3994, 6623
Liu Min 7885
Liu Ming 12657
Liu MingFang 8682, 8711
Liu MingHui 3994
Liu Nan 9664
Liu Nian 12971
Liu PeiYing 2197, 2442, 3189, 6614-6616
Liu PengYuan 4606
Liu Qiang 4897
Liu QiaoQuan 254
Liu Qin 2584
Liu Qing 8171, 9112
Liu QingChang 420, 7830
Liu QingFa 7216
Liu QingLin 1708, 7954-7955
Liu QingLong 257, 2985
Liu QingShan 7509
Liu QinLang 2585
Liu QinQin 296
Liu QiuYing 2976
Liu QunLong 1719
Liu RuLe 264
Liu SanJun 8999
Liu ShaoLin 1647, 10260
Liu ShiJia 4988
Liu ShiLai 4953
Liu ShiXia 9938
Liu Shu 1498
Liu ShuBing 4961
Liu ShuFang 5569
Liu ShuFen 183
Liu ShuYen 8624
Liu SiHeng 5711
Liu SinYie 7163, 9203
Liu TianMing 3293, 6696
Liu TongGuang 7977
Liu WeiBin 2835
Liu WeiHong 9253, 11064
Liu WeiJie 8192
Liu WeiXin 9946
Liu Wenge 8899
Liu WenPing 2169
Liu WuDing 2462
Liu XiangDong 2966
Liu XiaoHong 5567
Liu XiaoHui 7849
Liu XiaoXian 7960
Liu XiaoXiang 7951
Liu XiaoYi 3318
Liu XiaoZhu 10439
Liu XingHui 1514, 4480, 8018
Liu XingLiang 8339
Liu XingLong 9658
Liu XingYuan 4190
Liu XinMin 12955
Liu XinTian 10038
Liu XinYuan 7720
Liu XinZhi 5097, 7480
Liu XuanXia 10114
Liu XueJun 1970
Liu XueLan 6674
Liu XueMin 3216, 4367, 6526-6528
Liu XuMing 3893, 7791
Liu XunJia 9620, 11095, 11986
Liu YaHang 6664
Liu Yan 8999
Liu YanHong 5092
Liu YanJie 12638
Liu YanZhou 12191
Liu YanZhuo 6266, 7577-7578
Liu YaoGuang 9297, 11724
Liu Ye 12657
Liu YiBai 2983, 12192
Liu YiHua 11264
Liu YiJun 12238
Liu YiMan 6511, 6544, 6620
Liu Ying 10979
Liu YingXin 2546, 10249
Liu YiTian 5192, 12220
Liu Yong 495
Liu YongGang 168
Liu YongHua 7823
Liu YongSheng 7575
Liu YuCan 1947
Liu YuLe 9661
Liu YuMei 3234, 7850
Liu YunZhang 4770
Liu YuQin 6761
Liu ZhaoHui 6100
Liu Zhen 8640
Liu ZhengDe 10269
Liu ZhengLuan 9110
Liu ZhengXue 7722
Liu ZhenXi 5445
Liu ZhiHong 7518, 10106
Liu ZhiHua 2523
Liu ZhiMin 4786
Liu ZhiMing 7724
Liu ZhiRui 3212
Liu ZhiXian 211
Liu ZhiYong 6094, 7315
Liu ZhiZheng 4202
Liu ZhongQi 10480, 10592
Liu ZhongTang 7696
Liu ZhongZhu 2020
Liu ZiZhu 3222
Liu ZongHua 9606
Liuni, S. 3716, 5971
Liutkevičius, G. 2819, 7425
Livera Muñoz, M. 9192
Liverani, A. 5597, 5599
Livinder Kaur 5042
Livingston, D. P., III 8624
Livingston, S. M. 8622
Livingstone, D. M. 4540
Livingstone, K. D. 2316, 12565
Livneh, O. 5755
Liyanage, A. S. U. 1506
Lizneva, L. N. 10765
Llaca, V. 1288
Llácer, G. 3292, 6688, 8942
Llacer, G. 8437
Lledó, M. D. 4736
Llewellyn, D. 8152
Llompart, B. 2573
Llop-Tous, I. 6705
Llorente, A. 5403
Llorente, B. E. 1581
Lloyd, A. 8305, 9847, 11811
Lloyd, A. M. 6020
Lloyd, D. G. 7284
Lloyd, J. C. 8529
Lloyd, J. R. 5474, 11027, 11696
Lluch, C. 3095
Llugany, M. 4208
Lluisma, A. O. 10461, 11639
Llwewllyn, D. 2558
Lo, K. D. 2942
Lo, S. C. 12157
Lo KuoDuhng 2942
lo Scalzo, R. 5563
Lo SzeChung 12157
Loarce, Y. 1031, 3911
Lobstein, A. 11525
Loch, D. S. 12274
Locher, R. 350
Lockhart, P. J. 4922
Lockley, K. D. 7400
Locsmándi, C. 7168
Lodh, S. B. 10855
Lodha, S. 12436
Lodhi, G. P. 2945, 3147, 4240, 8669, 8806-8807, 8809
Löfstedt, C. 10401
Logan, B. 11444
Loganathan, P. 10208
Logemann, E. 4778
Logendra, S. 9264
Loggini, B. 10628
Logoluso, V. 9018
Logt, C. P. E. van der 9273
Loguercio, L. L. 5777
Logvinov, V. A. 10204
Loh, C. S. 2658
Loh, J. P. 12939
Loh ChiangShiong 2658
Loh JinPhang 12939
Lohar, D. P. 485, 10482
Lohman, K. N. 3944
Lohmann, M. 4349
Loi, A. 4102, 6375
Loiudice, R. 9975
Lok, F. 10659
Lokendra Kumar 3442
Löker, M. 11250
Lokesha, R. 11518
Lokstein, H. 8486, 10529
Lolle, S. J. 11754
Lomax, T. L. 4382, 8887, 11105
Lombardi, D. A. 11393
Lombardi, T. 7699
Lombardo, G. M. 110
Lombardo, N. 5704, 8074
Lombello, R. A. 4931
Lommel, M. 2505
Londoño, X. 3648
Long, C. L. 3656
Long, D. L. 3888
Long, J. C. 2771
Long, J. L. 11434
Long, L. 1455
Long, P. 10797
Long, S. R. 312
Long, S. S. 12119
Long, T. A. 1876
Long, T. K. 7575
Long, Y. 7558
Long, Y. Y. 8339
Long, Y. Z. 5196
Long ChunLin 3656
Long Pin 10797
Long ShuSheng 12119
Long TaiKang 7575
Long Yan 7558
Long YaYi 8339
Long YouZhong 5196
Longhi-Wagner, H. M. 10897
Longva, Å. 6124
Lönhárd, M. 2248
Lonsdale, D. 2578, 4826
Lonsdale, D. A. 8693
Lonsdale, D. M. 111, 1062
Loo, F. J. van de 1871
Loon, C. D. van 1330
Loon, L. C. van 68, 9251, 9378
Loop, C. B., Jr. 12993
Loose, M. de 2492, 3708, 4103, 8732
Loosveld, A. 1967
Lopandić, D. 7487, 8644
Lopandich, D. 8644
Lopato, S. 7225, 7228
Lopes, C. A. 1343, 12539
Lopes, C. R. 1574, 7597
Lopes, U. 9226
Lopes-Cardoso, M. I. 1768
López, A. 3184
López, A. S. 8810
López, E. 8788
López, F. 10374
Lopez, F. 12882
López, G. 5683
López, J. 4355, 7670, 11117
López, M. 6969
López, M. A. 11343
Lopez, P. A. 9081
Lopez, R. 5961
López, V. M. G. 3365
Lopez Anido, F. 7866
Lopez-Baez, O. 8118
López-Barajas, M. 11218
López Bernal, J. 2159
Lopez-Brana, I. 9534
López-Bucio, J. 2520
López-Coronado, J. M. 4869
López-Doncel, L. M. 11330
López-Estraño, C. 9831
López Frasca, A. 1397
López González, G. 7011
López-Juez, E. 2775, 8478
López-Ochoa, L. 2520
López Paredes, J. A. 8310
López Peralta, M. C. 9192
López Pereira, M. 10152
López-Tamames, E. 11218
Lopez-Upton, J. 9226
Löptien, H. 12512
Lorbiecke, R. 4062
Lorente, M. 6688
Lorenz, J. 8956
Lorenz, K. H. 12634
Lorenzetti, F. 3048
Lorenzini, G. 9134
Lorenzo, D. 10452
Lorenzo, E. 8781, 12385
Lorenzo, G. de 1287
Lorenzo, J. C. 5643
Lorenzo, O. 6452, 6996-6997, 10293, 11468
Lorenzoni, C. 3360, 5087, 5091, 10714
Loridon, K. 28
Lorieux, M. 2124-2125
Lorito, M. 2243
Lorković, Z. J. 4575
Lörz, H. 2751, 4939, 7482, 12028, 12030
Losavio, F. P. 9759
Loss, S. P. 355
Lössl, A. 1329, 2231, 4256, 12441
Lot, G. 12658
Lot, H. 4328

Lota, M. L. 11618
Lotan, T. 1903
Lotfi, M. 12610
Lotti, C. 995, 3100, 5008, 9443
Lottspeich, F. 3235
Lou, A. C. 1191
Lou, C. F. 4469
Lou, H. Z. 2567
Lou, X. Y. 2041, 12082
Lou ChengFu 4469
Lou HuanZe 2567
Lou XiangYang 2041, 12082
Louarn, J. 6917, 8117
Loučka, Z. 10194
Loughman, R. 11894
Loulergue, C. 12105
Loureiro, M. D. 560
Lourenção, A. L. 12373
Loutelier-Bourhis, C. 9335
Loutfi, K. 8022
Louwagie, P. 459
Louzada, E. S. 4476-4477
Lovati, F. 8997
Lovato, A. 12573
Lovato, F. A. 8868
Lovatti, L. 1333
Lovely, C. 1210
Lovett-Doust, J. 3260, 9998
Low, F. C. 1653
Low FeeChon 1653
Lowanshi, R. K. 5907
Lowe, A. 473
Lowe, A. J. 3366
Lowe, K. C. 1854, 3781, 4400, 4495, 4565, 4567, 4767, 4805, 5905, 7135, 8119
Lowe, K. F. 4101
Lowe, K. S. 6206
Lowe, R. 3337
Löwer, C. 10677
Loyola-Vargas, V. M. 5902
Lozano, Y. F. 571
Ložienė, K. 7153
Lozovaya, V. V. 221
Lozoya-Gloria, E. 1911, 11153
Lozoya-Saldaña, H. 5475
Lu, A. H. 10026
Lu, B. 11388
Lu, B. D. 6689
Lu, B. R. 4056, 5157, 6264
Lu, B. W. 9007
Lu, C. B. 6903
Lu, C. F. 2971
Lu, C. M. 600
Lu, C. T. 3606
Lu, C. Z. 2438, 3417
Lü, D. 3864
Lu, D. B. 2835-2836
Lu, D. C. 4167
Lu, D. F. 8277
Lu, D. M. 2678
Lu, F. 7621
Lu, F. B. 10256
Lu, F. J. 10477
Lu, G. D. 7143
Lu, G. L. 9787
Lu, H. 9202
Lu, H. G. 11125
Lu, H. J. 3824, 8180
Lu, H. R. 252, 5194
Lu, H. S. 6220, 8631
Lu, H. Y. 2814, 7163
Lu, J. 11652
Lu, J. C. 2839
Lu, J. F. 5178, 5182
Lu, J. L. 662, 2165
Lu, J. Q. 7315
Lu, L. X. 2028
Lu, M. G. 9119, 12849
Lu, P. 3680, 5248
Lu, P. X. 9226
Lu, Q. 5248
Lu, S. E. 12600
Lu, S. H. 1970
Lu, S. J. 4929
Lu, S. W. 6558
Lu, S. X. 6526
Lu, T. Y. S. 1369
Lu, W. 9540, 11938
Lu, W. G. 9786
Lu, W. H. 9889, 9896
Lu, W. P. 4466, 5617
Lu, W. Y. 8687
Lu, W. Z. 1016, 1811, 3854, 6090
Lu, X. B. 2169
Lu, X. D. 11045
Lu, X. G. 10865
Lu, X. J. 6288, 6963, 7572
Lu, X. W. 12121, 12144
Lu, X. Y. 257, 2985
Lu, Y. F. 7348
Lu, Y. G. 353, 2966, 2984, 7611
Lu, Y. H. 11296
Lu, Y. J. 5915, 7561
Lu, Y. M. 10846-10847
Lu, Y. P. 9372
Lu, Z. C. 4415
Lu, Z. F. 2609
Lu, Z. M. 183, 3846, 5174
Lu, Z. Q. 5222
Lu, Z. T. 4020
Lu, Z. X. 4180, 4445, 6695, 10875, 12258, 12662
Lu, Z. Z. 4606
Lu AiHua 10026
Lu BaoDian 6689
Lu Bin 11388
Lu BingWen 9007
Lu ChangMing 600
Lu ChangTze 3606
Lu ChaoFu 2971
Lu ChaoZhong 2438, 3417
Lu ChuanBei 6903
Lu DeBin 2835-2836
Lu DeChang 4167
Lu DiFei 8277
Lü Dong 3864
Lu DongMei 2678
Lu Fan 6033, 7621
Lu FeiJie 10477
Lu FuBing 10256
Lu GuangDou 7143
Lu GuangLun 9787
Lu HaoRan 252, 5194
Lu HsiuYing 2814, 7163
Lu Hua 9202
Lu HuaJin 3824
Lu HuangJun 8180
Lu HungShung 8631
Lu HuoGen 11125
Lu JianChun 2839
Lü JianLin 662
Lu JingLiang 2165
Lu JuFei 5178, 5182
Lu JunQun 7315
Lu LiXing 2028
Lu MeiGuang 9119, 12849
Lu PengXin 9226
Lu Ping 3680, 5248
Lu Qing 5248
Lu ShiEn 12600
Lu ShiHua 1970
Lu ShiJun 4929
Lu ShiXiong 6526
Lu ShuWen 6558
Lu WangYin 8687
Lu Wei 9540, 11938
Lu WeiGuo 9786
Lu WeiZhong 1016, 1811, 3854, 6090
Lu WenHe 9889, 9896
Lu WenPeng 4466
Lu WinPeng 5617
Lu XiangYang 257, 2985
Lu XianJun 6288, 7572
Lu XiaoBo 2169
Lu XiJie 6963
Lu XinDe 11045
Lu XingGui 10865
Lu YiFan 7348
Lu YiMei 10846-10847
Lu YongGen 353, 2966, 2984, 7611
Lu YongJun 5915, 7561
Lu YunHai 11296
Lu YuPing 9372
Lu ZhaoFu 2609
Lu ZhengZhong 4606
Lu ZhenXiang 6695
Lu ZhiCheng 4415
Lu ZhiMin 183
Lu ZhiQiang 5222
Lu ZhongXian 10875, 12258
Lu ZiTong 4020
Lu ZiXian 4180
Lu ZuoMei 5174
Luan, S. 6016
Luan, X. Y. 346, 5304, 5332
Luan, Y. S. 475, 7890
Luan, Z. S. 11063
Luan XiaoYan 346, 5304, 5332
Luan YuShi 475, 7890
Luan ZhaoShui 11063
Luarca, L. R. L. M. de 11665
Lubani, R. 10089
Lubani, R. T. 3372
Lübberstedt, T. 212, 1060, 2285, 2941, 10723
Luby, J. J. 6706
Luca, L. 3229
Luca, V. de 813, 3528, 10422
Lucas, E. O. 8658
Lucas, H. 42
Lucas, J. A. 4719
Lucas, M. C. 11424, 11426
Lucas, R. J. 6022
Lucas, W. J. 3258
Lucca, P. 9667
Lucca e Braccini, A. de 8670
Lucchese, C. 3848, 12573
Lucchesini, M. 750
Lucchi, P. 3310, 5613, 8990-8991
Lucero, V. 9226
Lúcio, A. D. C. 3682
Luck, J. E. 2560, 6979
Lucretti, S. 1916, 5638
Łuczkiewicz, T. 6808, 6883
Lüdders, P. 572-573, 1788, 8029, 12699
Luders, L. 1534
Ludevid, D. 1078, 5458
Ludevid, M. D. 190
Ludewig, F. 9902
Ludewig, U. 11674
Ludwig, M. 12296
Ludwig-Müller, J. 1858, 9380
Lue, W. L. 62
Lue WeiLing 62
Luer, C. A. 5886, 11572
Luerssen, H. 47
Lugli, A. 1442
Lugli, S. 1442
Lugtenberg, B. J. J. 1304
Lühs, W. 10105, 10111
Luijten, S. H. 846
Luikart, G. 10561
Luis, J. G. 2406
Lukačin, R. 12948
Lukaszewski, A. J. 1217, 3880
Lukens, L. 5125
Lukipudis, S. 3510-3513, 4569-4570
Lukow, O. M. 985, 2849
Lulai, E. C. 8838
Lumaret, R. 740, 3032, 12750
Lumb, J. E. 11737
Lumpkin, T. A. 6463
Luna, E. de 4757
Luna, V. 5810
Luna-Amador, M. C. 6764
Luna Flores, M. 8662
Lund, S. T. 2528
Lundeberg, J. 11471
Lundeen, P. 12355
Lundkvist, K. 3581
Lundquist, K. 801
Lunn, J. E. 1589
Lunn, T. 428
Luo, A. C. 4059
Luo, C. 7426, 10507
Luo, C. J. 5624
Luo, D. L. 10415
Luo, F. H. 9606
Luo, J. 3328, 5578, 7595
Luo, J. C. 7757
Luo, J. L. 10241
Luo, J. M. 258, 4039
Luo, J. P. 9775
Luo, K. A. 12238
Luo, L. 5162
Luo, L. J. 5202, 7536, 7624, 10868
Luo, M. 4871, 4889, 9559
Luo, M. C. 151
Luo, P. 2130, 2438, 3417, 6793, 6829, 10179-10181
Luo, Q. 5205
Luo, R. B. 11990
Luo, S. S. 11415
Luo, X. C. 10458-10459
Luo, X. H. 4606
Luo, X. L. 5494
Luo, X. M. 2249
Luo, X. S. 8932
Luo, X. Z. 7518
Luo, Y. 6104
Luo, Y. B. 4344
Luo, Y. J. 10269
Luo, Y. W. 12190
Luo, Z. A. 1413
Luo, Z. M. 257, 2985, 8716
Luo, Z. R. 8903, 9015
Luo, Z. W. 8511
Luo Cheng 7426, 10507
Luo ChengJun 5624
Luo DongLin 10415
Luo FuHe 9606
Luo JiaMi 258, 4039
Luo JianPing 9775
Luo JingChu 7757
Luo JingLong 10241
Luo Ju 7595
Luo Jun 3328
Luo KuAn 12238
Luo LiJun 5202, 7536, 7624
Luo Lin 5162
Luo Ming 4889
Luo P. 444
Luo Peng 444, 6793, 6829
Luo Ping 2438, 3417
Luo Qiong 5205
Luo RuiBai 11990
Luo ShouShan 11415
Luo XiaHong 4606
Luo XianShi 8932
Luo XiMing 2249
Luo XinChang 10458-10459
Luo XiuLong 5494
Luo XiuZhi 7518
Luo YaoWu 12190
Luo Yi 6104
Luo YunBo 4344
Luo YunJia 10269
Luo ZeMin 257, 2985, 8716
Luo ZhengAn 1413
Luo ZhengRong 8903, 9015
Lupi, C. G. 5164
Lupold, D. S. 9463
Lupotto, E. 1287, 6257
Luro, F. 2418, 12691
Lurquin, P. F. 8800
Lüscher, M. 430, 5478
Luse, B. P. 7041
Lush, W. M. 10229
Luterbacher, M. 3494
Luterbacher, M. C. 9074
Luthar, Z. 3029, 8728, 9935
Luthe, D. S. 9597, 10728
Luthra, O. P. 8558, 8564, 8582, 9477
Luthra, R. 11580
Lüthy, J. 3075
Lutman, P. J. W. 6781
Lutova, L. A. 5952, 7211
Luttrell, R. G. 4620
Lutz, S. M. 12145
Lutz, V. 12949
Luu, D. T. 1549, 5501
Luu DoanTrung 5501
Lux, A. 10757
Lux-Endrich, A. 6661
Luxova, M. 10757
Luz, J. M. Q. 2311
Luzi, F. 622
Luzzi, B. M. 3070-3074, 4192-4193
Lyakh, V. A. 4526, 11269
Lyalina, E. V. 7449
Lydiate, D. J. 4334, 8052
Lynch, D. R. 3169, 12457
Lynch, J. 9824

Lynch, J. J. 9776
Lynch, M. 9204, 10564
Lynch, P. T. 3780, 4405, 9240, 10435
Lynch, R. E. 12132, 12138
Lynn, D. 2530
Lynn, J. 6633
Lynn, K. 10546
Lyon, B. R. 10266
Lyon, G. D. 12462-12463
Lyon, J. M. 9093
Lyon, K. J. 10266
Lyra, J. R. M. 6506
Lyrene, P. M. 2363, 4439, 4450, 5608, 11195
Lysák, M. 371, 12590
Lysák, M. A. 1916, 2141, 10067
Lysak, M. A. 1503
Lysikov, V. N. 12014-12016
Lytle, C. M. 4510
Lyu FuChzhun 6434
Lyutova, M. I. 2161
Lyznik, A. 8783
Ma, B. 420
Ma, B. C. 8690
Ma, B. L. 195
Ma, B. Y. 12119
Ma, C. H. 4075, 8715
Ma, C. L. 4480
Ma, C. Y. 5304
Ma, D. 7315
Ma, D. P. 10243
Ma, D. Q. 7452
Ma, F. W. 536
Ma, G. 3823
Ma, G. H. 2252, 11052
Ma, H. 904, 4664, 6525, 7313, 10541
Ma, H. P. 9612
Ma, H. X. 7518
Ma, H. Z. 8079
Ma, J. F. 2183, 5060, 9414
Ma, J. Y. 4022
Ma, K. H. 8362
Ma, L. G. 6066, 12935
Ma, L. L. 5111
Ma, L. S. 7409
Ma, L. Y. 8686
Ma, M. 8131
Ma, N. 11768
Ma, Q. D. 6357
Ma, Q. S. 7920
Ma, Q. X. 7920
Ma, Q. Y. 7341, 8544
Ma, R. 7354
Ma, R. J. 6692
Ma, R. L. 11145
Ma, S. F. 7830
Ma, S. L. 10792
Ma, S. M. 12354
Ma, S. Q. 1947, 2044
Ma, S. Y. 2184
Ma, W. M. 773
Ma, X. D. 10457
Ma, X. H. 7341, 8544
Ma, X. J. 10421
Ma, Y. 1684, 3566, 5526, 8881
Ma, Y. H. 12533
Ma, Y. Q. 6289, 6588
Ma, Y. Z. 1940, 7353
Ma, Z. G. 1777
Ma, Z. J. 6074
Ma, Z. Y. 3263, 7934
Ma Biao 420
Ma BingYuan 12119
Ma ByungChul 8690
Ma ChangYou 5304
Ma ChunHong 4075, 8715
Ma CuiLan 4480
Ma DeQuan 7452
Ma DinPow 10243
Ma Dun 7315
Ma FengWang 536
Ma Gang 3823
Ma GuoHua 2252, 11052
Ma Hao 4664
Ma Hong 904, 6525, 10541
Ma HongXi 7518
Ma HongZhi 8079
Ma HuiPing 9612
Ma JianFeng 5060, 9414
Ma JiFeng 2183
Ma JingYong 4022
Ma KyungHo 8362
Ma LiangYong 8686
Ma LiGeng 6066, 12935
Ma LiSen 7409
Ma Luo 9559
Ma Mi 8131
Ma Nha 11768
Ma QiaoYun 7341, 8544
Ma QiDong 6357
Ma QuanShun 7920
Ma QuanXiang 7920
Ma Rui 7354
Ma RuiJuan 6692
Ma RuiLin 11145
Ma ShanLin 10792
Ma ShuFang 7830
Ma ShuMei 12354
Ma ShuQin 2044
Ma ShuYing 2184
Ma SuQin 1947
Ma WenMing 773
Ma XiangDong 10457
Ma XiangHua 7341, 8544
Ma XiaoJun 10421
Ma YanQing 6588
Ma YouHui 12533
Ma YouZhi 1940, 7353
Ma ZhenJun 6074
Ma ZhiGang 1777
Ma ZhiYong 3263, 7934
Maag, W. 4248
Maalouf, F. S. 5337
Maartens, H. 1953, 6150
Maas, D. L. 3160
Maas, J. L. 4452
Maas, K. J. 4217
Maass, B. L. 326
Maassoumi, A. A. 6376-6378, 8764
Maathuis, F. J. M. 25, 11813
Maatougui, M. E. 5335
Määttä, K. 10679
Mabberley, D. J. 5845
Mabeau, S. 428
Mabrouk, Y. 6221
Mabsoute, H. 5335
McAdam, N. J. 1216
McAdam-O'Connell, D. J. 4393
Macadré, C. 8792
McAinsh, M. R. 4898
McAlister, B. G. 1750
Mac An tSaoir, S. 4393
McArthur, E. D. 2131, 4086
Macas, J. 371, 7732-7733, 8778, 9294
Macaulay, M. 5055
McAuslane, H. 3894
McAuslane, H. J. 12605
Macaya, G. 9006
McBeath, C. 10941
McCabe, M. S. 11077, 12519
McCabe, R. J. 6325
McCabe, T. C. 1274
Maccaferri, M. 10716, 12528
McCaig, T. N. 967, 2822-2823, 11831
McCall, D. 11061
McCall, I. F. 10408
McCallum, J. 3486
McCann, M. C. 1918
Maccarone, E. 569, 1521
McCarty, D. R. 5528
McCarty, J. C., Jr. 1635, 4604-4605, 5785
McCaskill, D. 9280
McCaughey, M. J. 5968
McCauley, D. E. 4915
Macchia, M. 2564
Macchiavelli, L. 6521, 8874
McClatchey, W. 4784
McClean, P. E. 6431
MacCleery, S. A. 8495
McClendon, R. W. 5950
McClintock, B. 2024, 11686, 12006
McClung, A. 4052
McClung, A. M. 2077, 2079, 2100
McClung, C. R. 1834, 1862, 2761
McComb, J. A. 833, 2569
McCombie, R. 4851
McCombie, W. R. 11732
McConaughy, B. L. 11793
McCormac, A. C. 9545, 11711
McCouch, S. 5184
McCouch, S. R. 1131, 7557, 7614
McCourt, P. 48, 11805
McCracken, A. R. 1671-1672
McCrady, R. L. 760
McCreight, J. D. 2318
McCubbin, A. G. 2192, 7292
McCully, M. E. 4142
McCutcheon, C. 11405
McDaniel, C. N. 11381
McDaniel, M. E. 11904
Macdonald, E. 5815
McDonald, G. K. 382
McDonald, K. 11732
MacDonald, M. H. 2188
MacDonald, R. 4417
MacDonald, R. A. 2338, 10012-10014
Macdonald, S. E. 8227
McDonough, C. M. 231
McDougall, G. 10294
McDowell, J. M. 1876, 8052
McDowell, R. 8429
MacDuff, J. H. 10910
Macêdo Beltrão, N. E. de 5789
Macêdo Vieira, R. de 10175, 10259
McElroy, A. R. 8755
McElver, J. 9605
Maćešić, D. 4137
McFadden, H. 8152
McFadden-Smith, W. 2360
McFarland, K. C. 3258
MacFarlane, S. A. 12827
McFerson, J. R. 1423, 3675, 6599, 7928
McGarvey, P. B. 3717
McGavin, W. J. 12664-12665
McGeachy, K. D. 2247
McGhie, T. K. 8107
McGinley, M. A. 6994
McGranahan, G. 2435
McGrath, J. M. 1326, 6908, 9066
McGrath, N. 12805
McGregor, D. I. 617
McGriff, D. E. 11427
McGuffin, J. 10710
McGuire, C. M. 12704
McGurl, B. 4345
Macha, M. 3207
Macha, M. M. 3206
Machado, A. da C. 11389
Machado, C. R. 8454
Machado, L. A. Z. 10680
Machado, M. A. 2416, 2421, 10070
Machado, M. L. da C. 11389
Machado, O. L. T. 1384
Machado, R. 3047
Machan, F. 1925
Mache, R. 3747
Machida, Y. 7255
Machowicz-Stefaniak, Z. 8865
McHugen, A. 7947
McHugh, A. T. 4655
Machuka, J. 9887
Maci, A. A. 9976
Maciejewska, U. 6478
McInnis, S. 11495
Macino, G. 9225
McIntire, K. N. 4864
McIntosh, F. 10943
MacIntosh, G. C. 3759
McIntosh, L. 698, 6936, 7210, 11375
McIntosh, R. A. 2903, 5083, 10473
McIntyre, C. L. 233, 1186, 1590, 6894, 9060
McIntyre, R. K. 3485
McKay, A. C. 11827
Mackay, G. R. 6789, 8035, 8827
Mackay, I. J. 1560, 1650, 3685, 9072, 11662
McKay, J. K. 2633
Mackay, W. A. 10935, 12328
McKeand, S. 1658
McKeand, S. E. 3569
Mckee, J. 4748
McKee, M. J. 12993
McKeehen, J. D. 7402
McKenzie, R. I. H. 2849
Mackenzie, S. 7210
Mackenzie, S. A. 8783
MacKenzie, S. L. 8037
MacKenzie-Hose, A. K. 2209, 9837
Mackerness, S. A. H. 2208
McKersie, B. D. 6359, 9734
McKibbin, R. 9315
McKibbin, R. S. 3801
Mackill, D. J. 8424, 8720
McKinney, E. C. 10517, 10569, 11789
McKinnon, G. E. 11465
Mackinnon, M. 73
Macknight, R. 3755
McKnight, T. D. 1636, 9202
Maćkowiak, M. 12715
McLaren, J. S. 3711
McLauchlan, A. 9214
Maclean, D. J. 2784
McLean, N. L. 323, 5254, 5258
McLean, S. D. 8650
MacLeod, J. 90
McLeod, J. G. 182, 967, 2822-2823, 11831
Macleod, M. R. 8816
MacLeod, M. R. 12448
McManus, M. T. 8756, 10909
McMeans, O. 524
McMichael, R., Jr. 5506
McMinn, T. A. 2078, 7528
McMullen, M. D. 222, 6227, 11984
McNabnay, M. 5466, 11043
McNaughton, V. 7049
McNeil, D. L. 582, 7851, 9940
McNeil, S. D. 1589
McNeilage, M. 3337
McNeill, D. M. 9776
McNeilly, T. 2049, 12110
McNellis, T. W. 3739
McNew, R. W. 6718, 6968, 7992
McNicol, J. W. 4310, 6881, 11492
McNicol, R. J. 2362, 4449, 11208
McNiel, R. E. 1725
McPeek, M. A. 1834
McPhee, K. E. 7764, 9834
McPherson, J. 11732, 12815
McPherson, M. J. 1814
McQuade, C. 9093
McQualter, R. B. 673, 8107
McQueen-Mason, S. J. 4919
MacRae, A. F. 1245, 11801
McRae, D. 12448
McRae, D. C. 6487
MacRae, E. A. 1497
McRae, K. B. 1477
MacRae, S. 8194
McRae, T. A. 656, 667, 669, 6902
MacRae, T. H. 11693
MacRitchie, F. 2854, 5284, 7382
Macritchie, F. 10923
McSorley, R. 10725
McSteen, P. 11702
Mactavish, H. S. 7156
Macua, J. I. 11092
McVean, G. 10563
McVetty, P. B. E. 3422, 10103
McVey, D. V. 3827-3828
Madaghiele, A. 758, 3572
Madalageri, B. B. 9725, 9991
Madasamy Parani 6260
Maddaloni, M. 12060
Maddox, V. L. 6333

Madej, A. 8749
Madej, L. 10684
Mademba-Sy, F. 2418
Madera-Torres, P. 10749
Madgwick, P. J. 9094
Madhuri, J. 1171
Madhuri Sharon 1528
Madhusoodanan, K. J. 12964
Madison, J. T. 6396
Madlung, A. 11105
Madon, M. 3446
Madrid, E. A. 11040
Madrigal L., R. 6216
Madsen, K. H. 5741
Madsen, M. H. 4281
Madsen, S. 9722
Madueño, F. 5502, 8835
Mae, T. 7591
Maeda, E. 8315
Maeda, H. 664, 10192
Maeda, M. 6233
Maejima, A. 2112
Maekawa, M. 7580
Maekawa, N. 12979
Mäenpää, P. 9091
Maertens, L. 622
Maes, C. 1967
Maes, N. 2505
Maes, T. 3611, 9284
Maesen, L. J. G. van der 11577
Maeshima, M. 425, 713
Maestra, B. 7355
Maestrelli, A. 449
Maestri, D. M. 354, 5266
Maestri, E. 5055, 8503
Maestri, M. 3505
Maffia, L. A. 9014
Mafla, G. 3181
Maga, J. A. 8828
Magalhaes, J. R. 9589
Magalhães, P. C. 1100
Magallanes-Cedeno, M. 11407
Magaña-Magaña, J. E. 11429, 11435
Magari, R. 7489
Magarian, D. M. 3051
Magdalita, P. M. 574
Magee, J. B. 6702
Magel, E. 751
Maggini, F. 3585
Maggio, A. 1380
Maggioni, L. 586
Maggs, C. A. 12982
Maggs, G. L. 3678, 9166
Magill, C. 4007
Magill, C. W. 12160
Magingo, F. 10941
Magini, M. 186, 9591
Magnard, J. L. 9619
Magnifico, V. 12556
Magnus, E. M. 6124
Magnus, V. 9336
Magnusson-Rading, I. 2491
Mago, R. 12236
Magomedova, M. A. 7295
Magrath, R. 12727
Magro, F. 5249
Magro, P. 3883, 11161
Magud, Z. 5742, 10199
Maguire, M. P. 1067
Maguire, T. L. 7065, 9214
Magyar, L. 1440
Magyar-Tábori, K. 8822
Mahadevan, N. P. 8025
Mahadevappa, M. 1150, 9689-9690
Mahadevu, P. 12560
Mahajan, C. R. 3082
Mahajan, P. B. 2015
Mahajan, V. 118, 7357, 11170
Mahalingam, R. 12365
Mahanta, I. C. 5538
Mahanta, P. 1734, 8314, 11539
Mahapatra, K. C. 3010
Mahapatra, S. 6464
Mahaworasilpa, T. L. 11289
Mahé, A. 3979
Mahendra Pal 12415
Mahendra Singh 3442
Mahendru, A. 1146, 1153
Maheshwari, D. K. 9853
Maheshwari, J. J. 3080, 10952
Maheshwari, N. 2792
Maheshwari, S. C. 271, 2792, 9029, 10813, 11733
Maheswari, M. 3968
Mahfoozi, S. 4954, 5043
Mahgoub, E. M. I. 9574
Mahill, J. F. 11399
Mahmood, I. 2946
Mahmood, N. 4995
Mahmood, T. 1271, 8894
Mahmoud, S. 621, 5346
Mahon, J. 8793
Mahto, C. 5688
Mahto, J. 652
Mahto, J. L. 632, 5687
Mahto, R. N. 632
Mahy, G. 8282, 9159, 10345, 11522
Mai, Z. S. 3107, 3228
Mai-Kodomi, Y. 11011
Mai ZengShen 3107, 3228
Maia de Castro, E. da 6302
Maich, R. 6192, 7333
Maidak, B. L. 5968
Maier, R. M. 10225
Maigre, D. 2379, 3317, 3320, 7980, 12676
Maillet, D. S. 12023-12024
Maillot, M. P. 5122
Main, G. D. 4634
Maine, M. J. de 3158
Maiti, A. 4025, 8704
Maiti, C. S. 12706
Maitre, B. 11103
Maitre, J. P. 2454
Majaharju, M. 409
Majer, D. 12727
Majerus, M. E. N. 4310
Majnik, J. de 7688
Major, A. 1680
Major, D. J. 6237
Major Singh 10005
Majourhat, K. 575
Májovský, J. 9387
Majumder, P. 878
Makagiansar, L. T. 4026
Makalowski, W. 5971
Makaroff, C. A. 2258, 6005
Makarova, I. G. 10674-10675
Makarska, E. 2011
Makhdum, M. I. 12838
Maki, M. 10364
Makino, A. 7591
Makino, T. 3917, 3926
Makkar, H. P. S. 1215
Maklyak, E. N. 11282
Maknickienė, Z. 3059
Makri, O. 4718
Makris, A. M. 8382
Maksimović, V. R. 9720
Makumbi, V. 11080
Mal, B. 8750
Mala, J. 4634
Małachowska, K. 5857
Malagoni, R. 9656
Malaguti, L. 4544
Malakhova, L. A. 12494
Malarvizhi, P. 10859
Malathi, V. G. 1546, 6778
Malaviya, D. R. 4141, 5147
Maldonado, J. M. 4525, 11280, 11615
Maldonado-Mendoza, I. 5902
Malec, P. 9347
Maleck, K. 4874, 11777
Maled, B. G. 9566
Malekian, A. 3728
Malenčić, D. 1568
Malengier, M. 4144-4145
Malepszy, S. 1415
Maletić, E. 11215
Maletskaya, E. I. 8110
Maletskiĭ, S. I. 6907, 9390
Maletskii, S. I. 8110
Malfa, S. la 5639
Malhó, R. 799, 2791
Malhotra, R. 5292
Malhotra, R. S. 5411, 5423
Mali, A. L. 9640
Maliepaard, C. 6633
Maliga, P. 14, 693, 1618, 2753, 3518, 4576, 8139, 9086, 9089, 10235-10236, 12804
Malik, B. A. 10999, 11012
Malik, B. P. S. 7761
Malik, C. P. 6810, 10117
Malik, I. A. 1307, 12438
Malik, K. A. 11373
Malik, K. B. 657, 5732
Malik, M. 6795
Malik, M. N. 12838
Malik, N. J. 1570, 1575, 9053
Malik, S. 12233
Malik, S. N. 9050
Malik, T. A. 145, 5022, 6134
Malik, V. S. 872, 5986
Malik, Y. P. 12735
Malimbwi, R. E. 2590
Malinowski, D. P. 2150
Malinowski, T. 12643
Malkawi, H. I. 3832
Malkov, K. 3038
Malladi, B. S. 5965
Mallard, C. 9467
Mallavarapu, G. R. 2681, 7157, 11589
Mallek-Maalej, E. 1928
Mallesha, B. B. 840
Mallica, G. 3152
Mallick, G. K. 6464
Mallikarjunappa, R. S. 3346
Mallory-Smith, C. A. 6095
Małodobry, M. 5606, 8958
Maloney, K. E. 11207
Maloo, S. R. 10783
Maluchenko, O. P. 763
Malueva, S. V. 1408
Maluf, A. M. 9959
Maluf, W. R. 1392, 8889, 9982
Maluszynski, M. 3043
Malvar, R. A. 2908, 6228, 7505, 12053, 12137, 12141
Malvar, T. 11433
Malvick, D. K. 12400
Malvolti, M. E. 1680, 10096
Malyshev, S. 5084, 7428
Malysheva, L. 2525, 2873
Malyush, M. K. 6485
Mamdy, C. 11510-11511
Mamedov, A. Ch. 8802
Mameli, L. 2861
Mamet, L. D. 10191
Mametsuka, K. 12832
Mamgain, S. K. 8215
Mamluk, O. F. 10647
Mammadov, J. A. 5021
Mammootty, K. P. 12961
Mamonov, E. V. 776, 10370
Mamoun, M. 3650
Mamouni, A. 9023
Mamta Singh 10834
Man, S. D. 12618
Man, W. Q. 346, 5304, 5332
Man ShuDuo 12618
Man Singh 11015, 11608
Man WeiQun 346, 5304, 5332
Manabe, T. 2344, 9928
Manager Singh 1595
Manalo, D. D. 8772
Manapure, P. 3139
Manawaprema, M. M. C. 1506
Manchikanti Padmavati 6075
Mancinelli, R. 5421, 5429, 6455
Mancini, C. 12798
Mancuso, S. 2474, 11214
Mandal, A. 887
Mandal, A. B. 4025, 6129, 8704, 9704, 12761
Mandal, A. K. 8025
Mandal, B. K. 12233
Mandal, N. 3014, 7632
Mandal, P. K. 10270
Mandal, S. 4933
Mandal, S. M. A. 4199
Mandal, S. S. 12199
Mandaokar, A. D. 4368
Mandecka, M. 11658
Mandeep Kaur 5042
Mandegaran, Z. 4420
Mandel, T. 474
Mándi, M. 4244
Mandolino, G. 4624
Maneesha Aluru 9986
Manen, J. F. 1676
Manero de Zumelzú, D. 6192
Maness, N. O. 4374
Manevski, A. 10526
Manfredi, E. 5935
Mang, K. Q. 5577
Mang KeQiang 5577
Manga, T. T. 12703
Manganaris, A. G. 4398, 6656
Manganaris, S. 6633
Mangin, B. 6574
Manglitz, G. R. 2701
Mangold, B. 2500
Mangotra, R. 2665
Manhart, J. 8299
Mani, S. C. 2097, 2993, 2996, 10824
Mani, V. P. 6219
Manica, I. 2429
Manicacci, D. 2677, 4779
Manickam, A. 9879
Manickam, S. 5103, 9607
Manickam, T. S. 1199
Manickam, V. S. 4760
Maniglio, T. 995
Maniu, M. 9550
Manivannan, N. 386, 392, 7787
Manivel, P. 206, 3464
Manjaya, J. G. 8774
Manju Rani 9215
Manjula, M. 12194
Mann, D. G. 12982
Manners, G. D. 11230
Manners, G. R. 4947
Manners, J. M. 2784, 10066
Manning, J. 4801
Manning, J. C. 11553, 11557
Manning, K. 2367
Manning, S. 9573, 11959
Manninger, K. 10644
Mannini, F. 2371, 11219
Mannis, S. R. 12096
Mano, S. 4383
Mano, Y. 8599, 9548, 10856
Manohara, T. N. 11299
Manoir, J. du 11206
Manoj Kumar 1395, 10283
Manolopoulou, H. 4468
Manos, C. 4718
Manos, P. S. 12487, 12872
Manquián T., N. 6131
Mansfield, J. W. 3418
Mansion, M. 5107
Mansour, A. 2325
Mansour, A. E. M. 5646
Mansouri, S. 6879
Mant, A. 4853, 9594
Mantell, S. 4500
Mantell, S. H. 422, 3404, 4499
Manteuffel, R. 2191, 2525, 3114
Manthana Phunchindawan 9221
Manthe, C. S. 2058
Manthey, F. A. 8621
Manthey, J. A. 3364
Mantinger, H. 519
Mantoan, C. 9155
Manu Agarwal 2720
Manuel, W. W. 240, 12207
Manzanares, M. 5384, 6443
Manzanera, J. A. 2576
Manzano, M. J. 8853
Manzano-Mendez, J. E. 11207
Manzar, A. 9041
Manzo, A. 7207
Mao, F. 1508
Mao, L. Q. 8159
Mao, X. 8132
Mao, X. Q. 12252
Mao, X. Y. 2069
Mao Feng 1508
Mao LiQun 8159
Mao XinYu 2069
Mao Xue 8132
Mao XueQin 12252
Mappledoram, B. D. 1211
Maqbool, S. B. 3024, 5169
Maque, M. F. 10839
Maquet, A. 7745

Marais, E. M. 7104
Marais, G. F. 6145
Maramara, G. V. 7531
Maranhão, E. A. A. 7901
Maranto, J. 3399
Maranville, J. W. 1097, 10756
Marasi, V. 470
Marassi, M. A. 9108
Marattukalam, J. G. 1657
Marbach, I. 10540
Marbach, J. 5764
Marbot, R. 6753
Marc, J. 2192, 10504
Marcelis, L. F. M. 9990
Marcellán, O. N. 6546
Marcelo, A. 11329
Marchand, M. 37, 2754
Marchant, A. 56, 1863, 8480
Marchant, R. 4719
Marchelli, P. 752
Marchenko, B. E. 882
Marchesi, E. 2641, 5863, 8323, 8326
Marchetti, M. A. 2077, 2079, 12251
Marchetti, S. 11274
Marchioro, V. S. 10970
Marchitelli, C. 6088, 9495
Marchoux, G. 11132
Marchylo, B. A. 11872
Marcker, A. 10911
Marcker, K. A. 9807, 10911
Marco, Y. 4911, 8505
Marcone, M. F. 84, 297
Marconi, E. 8567, 8576
Marconi, P. L. 11034
Marcussen, J. 7792, 11626, 11635
Mardarowicz, M. 10347
Marè, C. 7447
Marealle, R. 3452
Maréchal, E. 10982
Maréchal-Drouard, L. 4855, 7800, 8449, 9403
Marek, L. F. 8775
Margalé, E. 8866
Margelí, M. 10390
Margiotta, M. 9493
Margolis, H. A. 1697
Margońska, H. B. 1759-1760, 3624, 11573
Margossian, L. 6006-6007
Marhic, A. 209
Marhold, K. 2680, 3645
Mari, S. 9372
Maria, P. R. 2425
Mariani, C. 2639, 7244, 10229, 11374
Mariano, R. L. R. 6384, 7901
Máriássyová, M. 9924
Mariath, J. E. A. 11949
Mariaux, J. B. 3632
Marić, S. 5015, 9424, 9475
Marillia, E. F. 9028
Marillonnet, S. 2018
Marin, E. 4875, 10232
Marín, J. 1435
Marin, P. D. 1244
Marinelli, D. 10965
Marinescu, G. 3261
Maringoni, A. C. 1292, 8790
Marino, D. 8436
Marino, N. 8990
Marinova, E. 5031
Marion-Poll, A. 3531, 10232
Mariot, M. P. 1053, 9578
Mariotti, D. 8073, 10900, 11479
Mariotti, P. 9048
Marita, J. M. 3944
Maritz, J. 8010
Markham, K. R. 8324
Markova, M. 8884
Marković, Z. 11111
Marks, B. P. 283
Marks, M. D. 2770, 11765
Markussen, T. 6653
Markwell, J. 11741
Markwick, N. P. 705
Märländer, B. 2499
Marmey, P. 1128
Marmiroli, N. 2887, 8503
Marocco, A. 3360
Maroco, J. P. 4084
Marovatsanga, L. T. 10753
Marquardt, R. R. 358
Marque, C. 699, 4631, 9446
Márquez-Ortiz, J. J. 6354, 9752
Márquez-Sánchez, F. 3950
Marr, K. 3656
Marra, F. P. 3409
Marra, M. 11731-11732
Marraccini, P. 10209-10210
Marrakchi, M. 6731
Marrazzo, M. T. 12658
Marrero, Á. 3639
Marrero-Domínguez, A. 2393
Marrison, J. L. 10524
Marrocco, R. 3585
Mars, M. 6731
Marsan, P. A. 3360
Marschner, H. 1004
Marsh, H. 3337
Marsh, J. F., III 12398
Marshall, A. H. 1241-1242, 10910, 12319
Marshall, C. 12994
Marshall, D. F. 3213, 4334, 7231
Marshall, D. L. 1359, 1579
Marshall, D. R. 1927, 7644, 8171
Marshall, H. 1663
Marshall, J. A. 5905
Marshall, L. 12094
Marshall, L. C. 12145
Marsilio, V. 11319
Martelli, G. 3409
Martelli, G. P. 11389
Marten, I. 11758
Martens, S. 3588, 9176
Martiat, J. C. 10963
Martienssen, R. 4851, 11731-11732, 11784
Martín, A. 2868, 3798, 3802, 3912, 6819, 7320, 7322, 8537, 10654, 11820-11821
Martin, A. 7319, 11818
Martin, B. 2048, 4374
Martin, B. M. 4488
Martín, C. 10292, 10376
Martin, C. 62, 1827, 2530, 4277, 4741, 5370, 8467
Martin, E. L. 7442
Martin, F. 4637
Martin, G. B. 490, 3520, 4359, 11123, 11703
Martin, H. C. 4077
Martín, I. 9236
Martin, I. 5399
Martín, J. 5493, 7844
Martin, J. A. 5365, 5384
Martín, J. P. 6712
Martín, L. M. 2868, 3802, 3860, 3912, 7322, 11820-11821
Martín, M. 12447
Martin, M. 5475, 10514
Martín, M. J. G. 2399
Martín, M. L. 10094
Martin, M. W. 8831
Martín, N. 5493, 7844
Martín, P. 11866
Martin, R. A. 9544, 9756
Martin, R. C. 1609, 2181, 5353, 9756, 10968
Martin, R. J. 7700
Martin, W. 883, 10585
Martín-Alvarez, P. J. 7988
Martín-Carratalá, M. L. 6764-6765
Martin-Duvall, T. M. 11445
Martinant, J. P. 1964, 11877
Martinčić, J. 5015, 9424, 9475
Martinelli, A. 8993
Martinelli, J. A. 1052
Martínez, A. 633, 11429
Martinez, A. 4840, 11362
Martínez, A. B. 2267
Martínez, A. T. 7173
Martínez, B. 4228
Martínez, C. 5416
Martínez, D. 4481
Martinez, D. P. 1676
Martínez, H. L. 1324
Martinez, I. 5109
Martínez, J. 633
Martínez, L. R. 4465
Martínez, M. 3367
Martínez, M. C. 560
Martinez, M. E. 5643
Martínez, M. J. 7173
Martínez, M. T. 6995
Martínez, R. 8628
Martínez, V. 6601
Martínez-Calvo, J. 3292, 6688, 8942
Martínez-Castro, I. 5861
Martínez-Force, E. 5695, 6853-6854
Martinez Garcia, A. 11435
Martínez-García, J. F. 9409
Martínez Garza, A. 4811
Martínez Garza, Á. 8508, 8517
Martinez Garza, A. 9242
Martínez-Gil, A. F. 3488
Martínez-Gómez, P. 10094, 11191
Martínez-Laborda, A. 4885
Martínez Laborde, J. 3434
Martínez-Pallé, E. 584
Martínez-Pérez, E. 9449
Martínez-Reina, G. 2381
Martínez W., O. 1505, 3099, 5632
Martínez-Zapater, J. M. 5502
Martiniello, P. 3057
Martinis, D. de 11374
Martinovich, L. 6519
Martins, A. L. M. 1654-1655
Martins, A. M. 1286
Martins, J. C. 6738
Martins, J. H. 12131
Martins, J. N. 5268
Martins, M. 3376
Martins, M. E. Q. P. 2039
Martins, P. S. 7691, 12173
Martins, V. da S. 8889
Martins-Corder, M. P. 2398
Martins Junior, W. 12711
Martins-Loução, M. A. 9393
Martirani, L. 4177
Marton, L. C. 12112
Mártonfi, P. 2680, 3645
Martsinkovskaya, A. I. 5705, 10164
Marty, C. 11103
Marty, F. 12510
Marty, I. 5615
Marty-Mazars, D. 5501, 12510
Martyniak, L. 328
Martynov, S. 1930
Martynov, S. P. 7360, 7419
Maruyama, C. 2320
Maruyama, E. 1681
Maruyama, N. 9790, 9798, 12183
Marvier, A. C. 6876, 12757
Marwaha, R. S. 7796, 11018
Marx, G. 10445, 11576
Marx, G. D. 1080
Marzábal, P. 190
Marzachi, C. 11152
Marzec, C. R. 3717
Marzi, V. 5735
Marziani, G. 2034, 2290, 2659, 11652
Mas, M. T. 3973
Mas, O. 11233
Masa, A. 2373, 10052
Masada, M. 8323
Masamoto, K. 8482
Mašauskienė, A. 2819
Masawe, P. A. L. 3400, 3402, 3413, 3657
Mascagni, H. J. 11969
Mascarenhas, J. P. 901, 7242
Mascarenhas, V. J. 4619
Masci, S. 3856, 9493, 9495
Mase, N. 6691, 8983
Masenga, V. 8157
Mashkina, E. V. 8061
Masi, C. E. A. 1097
Masi, L. de 6771
Masiero, S. 2034, 4026
Maslen, N. R. 12491
Masojć, P. 11853
Mason, J. 12898
Masood, S. 3833
Masoudi-Nejad, A. 11875
Massantini, R. 1436
Masseron, A. 11174
Massola Júnior, N. S. 1204
Masson, J. 3756
Masson, J. E. 2780
Masson, L. 3024
Masson, P. 9757, 10546
Masson, P. H. 1848, 2758, 6035
Massot, N. 4208
Mastache Lagunas, Á. A. 8508, 8517
Mastache Lagunas, A. A. 4811, 9242
Mastro, G. de 5664
Masuda, K. 12517
Masuda, M. 1404, 5526, 8881, 12533
Masuda, T. 1074, 4403, 12633
Masumbuko, L. 3449
Masumura, T. 4046, 7552
Masuta, C. 1626
Mata, G. 4787
Matassa, V. J. 658, 8104
Matassi, G. 27
Máté, H. 9260
Mate, S. N. 3082
Matencio, F. 5119
Materazzo, G. 3231
Matern, U. 3598, 10446, 12948
Math, K. K. 10155
Máthé, C. 1831
Mathé, C. 11708
Mather, D. E. 2926, 3684, 6168, 8613, 11963
Matheron, M. E. 4483
Mathesius, U. 4142
Matheson, A. C. 2595-2596, 3567, 3570
Mathew, M. K. 6078
Mathew, N. M. 12988
Mathew, P. J. 3589
Mathew, P. M. 3589
Mathews, D. E. 10214
Mathews, S. 4924
Mathias, R. J. 3426
Mathieu, C. 2522
Mathieu, V. 11174
Mathooko, F. M. 10003
Mathur, A. 12743
Mathur, A. K. 11579
Mathur, J. 57
Mathur, K. 10759, 12159
Mathur, M. L. 9888
Mathur, R. 9888
Mathur, R. K. 206, 3464
Mathur, S. 11580, 11582
Mathur, V. L. 10444
Matilla, A. J. 4225
Matin, F. 7119
Matioli, S. R. 8406
Matisová, J. 10994
Matityahu, A. 7939
Matłosz, I. 12375
Mato, M. 3136
Matos, A. A. 3196
Matos, J. A. 7014
Matos, M. C. 3196
Matoušek, J. 8385, 9217
Matringe, M. 6004
Matsubara, H. 8358
Matsubara, S. 9923
Matsubara, Y. I. 10359
Matsubayashi, Y. 3529
Matsuda, H. 4892, 10505
Matsuda, N. 3427
Matsuda, O. 886, 8487
Matsuda, S. P. T. 8470
Matsuda, T. 7555
Matsuda, Y. 7674, 7843, 11098
Matsue, Y. 5161, 5210, 9471
Matsui, H. 12322, 12800
Matsui, K. 803, 6612, 7930, 10502
Matsui, M. 874, 1865, 3237, 4868, 7235, 11724
Matsui, T. 4980

Matsuki, J. 2853, 6125
Matsuki, R. 260, 1129, 5165, 8689, 8694
Matsukura, U. 9698
Matsumoto, E. 1368
Matsumoto, H. 5060, 8439, 9414
Matsumoto, K. 2400-2401, 8003, 10069
Matsumoto, R. 5641-5642, 5653
Matsumoto, S. 1601, 2617, 6636, 9077, 10016, 10359, 10790, 12620
Matsumoto, T. 247-248, 11631, 12979
Matsumoto, T. K. 4730
Matsumura, H. 3016
Matsumura, Y. 7930
Matsunaga, E. 12807
Matsunaga, H. 12576
Matsunaga, K. 9705
Matsunaga, R. 3085
Matsunaga, S. 3586, 5851
Matsuo, Y. 5642
Matsuoka, H. 8676
Matsuoka, M. 2517, 2912, 3339, 3515, 5168, 7591, 7594, 8424, 8688, 8695, 10234, 12449
Matsuoka, T. 9800
Matsuoka, Y. 11816, 11838
Matsusake, Y. 8326
Matsushita, J. 6256, 8808
Matsuta, N. 2344, 3339, 8688
Matsuura, H. 12930
Matsuura, M. 6233
Matsuura, T. 7580
Matsuyama, T. 2686, 9314, 10703-10704, 11625
Matsuzawa, Y. 423-424, 6796, 12505
Matsuzoe, N. 11146
Mattauch, M. 4127
Mattei, B. 8157
Matten, S. R. 12993
Matteucci, S. D. 5229, 5511
Matthäus, B. 4514
Mattheou, A. 6062
Matthes, M. 9137
Matthews, B. F. 2188, 5321, 8766, 8775, 9793
Matthews, D. 7049, 8823
Matthews, M. L. 7067
Matthys-Rochon, E. 207
Matton, D. P. 5933
Mattoo, A. K. 11026
Mattos Junior, D. de 10071
Matus, I. 9934
Matušík, M. 9567
Matuszczak, M. 6799
Matuz, J. 7422, 9531
Matveeva, N. P. 2533
Mátyás, C. 8203
Matyášek, R. 3532
Matzevitch-Josef, T. 12563
Matzk, F. 1946
Matzke, A. J. M. 4572
Matzke, M. 4572
Matzke, M. A. 11718
Mauch-Mani, B. 7, 2783
Maugenest, S. 5109
Maule, A. J. 10993
Maunder, M. 774
Maurel, C. 11378
Maurice, B. F. 811
Maurice, W. A. 811
Mauricio, R. 11779
Mauriès, O. 2505
Maurin, G. 5348
Mauro, A. O. 12362, 12371
Mauro, S. M. Z. 12362
Mauromicale, G. 3152
Mauromoustakos, A. 282, 12368
Maurya, D. M. 2990, 4069, 5203, 5433, 10834, 10840, 12212
Maurya, K. N. 10102
Mavraganis, K. 9172
Maxim, A. 12644
Maximova, S. 10213
Maxted, N. 2213, 2510, 3115, 6320, 7642
Maxwell, D. 6936
Maxwell, D. P. 3104, 11375
May, C. 6611
May, C. E. 9432
May, G. D. 11370
May, K. 3528
May, M. J. 64, 885, 1825, 8411
May, O. L. 8161, 8165, 8170, 8179, 11405
May, R. D. 7380
May, S. T. 25, 56
May, T. 9396
Maya, J. 8647
Maya, M. M. 7825
Maya Lozano, J. B. 9590
Mayer, K. 5967, 9295
Mayer, K. F. X. 3743
Mayer, U. 8520
Mayes, S. G. 6994
Mayfield, S. P. 9268
Maynard Smith, J. 863
Mayo, M. A. 12664
Mayol, M. 9174
Mayr, E. 8525
Mayr, U. 6661
Maystrenko, O. I. 4945-4946, 4970, 4982
Maywald, D. 4086
Mazard, A. M. 9925
Mazarei, M. 694
Maze, K. E. 11519
Mazeyrat, F. 2471, 12737
Maznevska, S. 10841
Mazón, N. 2261
Mazur, B. 10588
Mazurkiewicz, J. 10685
Mazza, L. 105, 3819
Mazzei, M. 5463
Mazzella, M. A. 908
Mazzieri, G. 107
Mazzinelli, G. 5089
Mazzon, V. 9591, 9633
Mazzoncini, M. 106, 8057
Mazzucato, A. 6553
Mbéguié-A-Mbéguié, D. 6673, 11190
Mbilinyi, L. B. 3206-3207
Mè, G. 3396
Me, G. 529
Meagher, M. D. 1688
Meagher, R. B. 1808, 2583, 9371, 10517, 10569, 11789
Meagher, T. R. 1687
Meares, C. 8796
Mechanda, S. 2882, 2894
Mechelen, J. R. van 9552
Mechelke, W. 12774
Méchin, V. 2935
Medd, J. 7233
Mededelingen - Faculteit Landbouwkundige en Toegepaste Biologische Wetenschappen, Universiteit Gent 4789
Medford, J. I. 12910
Medgyesy, P. 8137, 9104, 12805
Medhi, R. P. 1357
Mediavilla, V. 9123
Medina, B. 153
Medina, J. 9332
Medina, M. I. 6569
Medina, M. R. 11217
Medrano, M. 1784
Meeley, R. 11992
Meena, S. L. 9209
Meena Kumari 12113
Meena Sharma 9206
Meenakshi, T. 12209, 12211
Meenattoor, J. R. 12988
Meenu Kesarwan 4081
Meerts, P. 8398
Meglič, V. 3173, 3672
Meglic, V. 2318
Meguro, T. 4278
Mehandjiev, A. 5368
Mehasen, S. A. S. 1284
Mehdi, S. S. 4995
Mehetre, S. S. 987, 1276, 1278, 2545, 3082, 5201
Mehla, B. S. 1176
Mehlenbacher, S. A. 2437
Mehra, R. B. 3066, 5276-5277, 9774
Mehta, A. K. 1576, 3081, 5306, 5315
Mehta, B. 8564
Mehta, D. R. 3475, 7779-7780
Mehta, H. 2863
Mehta, N. 6397
Mehta, S. L. 1952, 6374
Mehta, U. C. 9921-9922
Mehta, V. K. 11579
Mehta, Y. R. 3808
Mehto, M. 1727, 3603, 11535
Mei, D. S. 5303
Mei, H. W. 5202, 7624, 10868
Mei, H. X. 6878
Mei, X. X. 3824
Mei, Z. 2562
Mei DeSheng 5303
Mei HanWei 5202, 7624
Mei HongXian 6878
Mei Huang 12501
Mei Wang 5058
Mei XiXue 3824
Mei Zhen 2562
Meichtry, J. 7886
Meier, I. 11367
Meier-Ewert, S. 1829, 11731
Meiherhoff, K. 3724
Meijer, A. H. 4040
Meijer, E. A. 6037
Meijer, J. 7202
Meijer-Dekens, F. 12525
Meilan, R. 4632
Meilland Star Rose 4711-4713
Meinel, A. 1979
Meinhardt, T. 5982
Meinke, D. W. 36, 2750
Meins, F., Jr. 687, 1611, 2527, 6935
Meir, A. 7214, 11987
Meisner, C. A. 7395
Meissner, R. C. 1827
Meister, A. 1916
Meixner, M. 4857
Mekhandzhiev, A. 4223
Mekiyanon, S. 6796
Mekni, M. S. 3870
Mekuria, G. T. 8072
Melakeberhan, H. 12366-12367
Melander, M. 3791
Melanson, D. 11991
Melanta, K. R. 11603
Melchinger, A. E. 212, 1060, 1093, 2016, 2053, 2189, 2941, 6085, 6409, 8068, 10723, 11295, 12136
Melchiorre, P. 12085
Mele, G. 10900
Mele, P. van 3397
Melero-Vara, J. M. 12500, 12742
Meletti, P. 2841
Melia, V. 3329
Melia-Hancock, S. 11984
Melin, J. B. 12762
Melis, L. E. de 11461
Mellerowicz, E. J. 2598
Mello, A. 850, 7170
Mello-Silva, R. de 10087
Mellor, R. B. 364
Melnik, V. M. 4982
Mel'nikova, E. V. 10391
Melo, P. E. de 2245, 8829
Mélotte, L. 8388
Melton, B. A. 4136
Meltzer, S. J. 858
Melzer, S. 9340
Membré, N. 3571
Memelink, J. 4765, 7140, 10424, 12947
Memeo, F. 5965
Memon, A. M. 6959
Memon, M. I. 10253
Men, A. E. 8797
Men, U. B. 11272
Mena, J. 3184
Mena, M. 156
Menachem, E. 6403
Menand, B. 4855, 8449
Menanteau, V. 2935
Ménard, R. 12514
Menary, R. C. 7156
Menassa, R. 5671
Mencarelli, F. 1436
Mencarelli, M. 12071
Mencinicopschi, G. 9407
Menck, C. F. M. 5523, 8454
Mencuccini, M. 6867, 8073, 10967, 11310, 11316
Menczel, L. 5768
Mendel, R. R. 7422
Mendes, B. M. J. 2398, 2402
Mendes-Costa, M. C. 4212
Méndez, I. 7129
Mendgen, K. 2766
Mendham, N. 727
Mendis, M. H. 1506
Mendlinger, S. 10671
Mendonça, H. A. de 4211
Mendoza Castillo, M. del C. 5533
Mendoza Onofre, L. E. 2948
Menendez, A. 9895
Menêses Junior, J. 12711
Menezes, M. 2432
Menezes Sobrinho, J. A. de 12498
Meng, A. H. 6913
Meng, C. G. 2055
Meng, E. 2815
Meng, E. C. H. 3665
Meng, F. H. 4937
Meng, F. J. 7483
Meng, F. X. 7468
Meng, J. L. 598, 612, 8039, 11338
Meng, L. 1008, 10268
Meng, Q. F. 6913
Meng, Q. J. 4406
Meng, S. Q. 12619
Meng, X. D. 6525, 7313, 9939
Meng, X. M. 5577
Meng, Y. L. 11412, 11585
Meng AiHua 6913
Meng ChunGang 2055
Meng FanHua 4937
Meng FanJing 7483
Meng FanXiang 7468
Meng JinLing 598, 612, 8039, 11338
Meng Ling 1008, 10268
Meng QingFu 6913
Meng QingJie 4406
Meng SuQin 12619
Meng XiangDong 6525, 9939
Meng XiouMei 5577
Meng YuLing 11412, 11585
Mengi, N. 11608
Mengiste, T. 11735
Menguzzato, E. 2659
Menke, F. L. H. 7140, 10424, 12947
Menke, M. 2804
Menkir, A. 11983
Menkov, N. 4583
Menkov, N. D. 11377
Mennella, G. 2309, 12556
Menon, G. K. 3945
Menon, M. K. 1018, 5044, 11922-11923
Menon, S. 10403
Mensuali-Sodi, A. 750
Mentewab, A. 9446
Menzi, M. 8533
Menzies, J. G. 5393
Meo, C. di 8611
Meotto, F. 850
Merah, O. 6109
Merakchijska, M. 5017
Merat, D. M. 3444
Merbach, W. 6383
Mercado, J. A. 2366, 12668
Mercado-Silva, E. 427
Mercuri, A. 9181
Mered'a, P., Jr. 3623
Meredith, W. R. 1635

Meredith, W. R., Jr. 2551, 4609, 10251
Mergeai, G. 5357, 9116
Merghany, M. M. 5560
Mergoum, M. 971
Meriç, Ç. 5261
Meriç, Ç. 6367
Meriç, Ç. 7685
Mérida, A. 10375
Merida, A. 2530
Meriles, J. M. 354
Merillon, J. M. 9205
Merino, E. F. 5266
Merker, A. 2832, 9058, 11844
Merkle, S. A. 1808, 2583, 12879
Merkle, T. 7247, 11738
Merkouropoulos, G. 7248
Merkulov, L. 3560
Merkulov, L. J. 1244
Merkulov, S. M. 7947
Merkulova, T. I. 5979
Merkys, A. 3669
Merlo, A. O. 202
Merlot, S. 913
Meronuck, R. A. 11901
Merrick, L. C. 12330
Merritt, P. M. 9379
Mert, A. 6863
Mert, M. 6863
Mertz, R. 5742
Merwe, P. J. A. van der 6875
Mes, T. H. M. 3295, 8862
Mesbah, L. A. 11130
Mesch, H. 7095
Mescht, A. van der 6489
Mesén, J. F. 12882
Mesfin, A. 7375
Meshi, T. 16, 5455, 11363
Meshram, L. D. 11409
Meshram, P. B. 9128
Mesquita, C. M. 1279
Messéan, A. 6072, 6779
Messeguer, R. 2433, 2911
Messer, W. B. 10939
Messeri, C. 8420, 11305
Messerli, M. A. 1753
Messia, M. C. 564
Messina, R. 11652
Messing, J. 2023, 10692-10693
Messinger, W. 11200
Messmer, M. 959, 9496
Messmer, M. M. 3851, 8552, 8561, 8590
Mesterházy, Á. 7408, 9531, 10644
Mestre, P. F. 2417
Mestres, C. 227, 5119
Mestres, J. 3096
Mestries, E. 12737
Mészáros, A. 7422
Metaxas, D. 11321
Métayer, M. le 4519, 8055
Metheney, P. D. 3407
Métraux, J. P. 7, 2785
Mett, V. L. 4842
Mettin, D. 4976
Metz, M. 70
Metz, T. D. 12516
Metzger, J. 6027
Metzger, J. D. 2526
Metzidakis, I. T. 11643
Metzlaff, M. 8322
Metzler, M. 6475
Meulen-Muisers, J. J. M. van der 2657, 10398
Meulenbroek, B. 6641
Meullenet, J. F. C. 283
Meurer, C. A. 7709
Meurer, J. 39
Meurer-Grimes, B. 578
Meutter, J. de 3701
Mew, T. 8718
Mew, T. W. 7620, 12237
Mewes, H. W. 3717, 4851, 5967
Meya, G. 4349
Meyer, A. D. 1611
Meyer, B. 503, 5366
Meyer, C. 3531, 4582, 11660
Meyer, C. S. 5164
Meyer, D. 129, 7378, 9580
Meyer, D. J. 3919
Meyer, G. M. 3486
Meyer, I. 10210
Meyer, J. H. 6901
Meyer, K. 3751, 7253, 11049
Meyer, P. 11366, 11660, 11715, 11718
Meyer, T. 12094
Meyer, W. A. 6321-6322, 6327-6328, 12281-12282
Meyer, Y. 3571
Meyerowitz, E. M. 40, 912, 914, 3733, 4882, 4888, 7220, 10547
Meyers, B. C. 2287-2288, 2722
Meyers, D. M. 12370
Meynard, J. M. 6779
Meza, T. J. 7229
Meza-Zepeda, L. A. 2240
Mezquita, F. 128
Mezzetti, B. 3314, 5613
Mgalla, H. A. 2590
Mglinets, A. V. 8111
Mhaidat, R. 3901
M'Hamdi, M. 4273
Mhameed, S. 5651
Mhase, L. B. 9858
Mhatre, M. 6714
Mhiri, C. 12543
Mi, K. X. 420
Mi KaiXia 420
Mia, M. A. B. 1182
Mian, M. A. R. 3078
Mian, W. 12406
Miao, B. H. 7716
Miao, B. L. 8710
Miao, H. Q. 1092
Miao, H. R. 3463, 8079, 10167
Miao, L. 6640
Miao, P. R. 4599
Miao, P. S. 1482
Miao, R. W. 7628
Miao, Y. 5996, 6061
Miao BaoHe 7716
Miao BingLiang 8710
Miao HongQin 1092
Miao HuaRong 3463, 8079, 10167
Miao Liang 6640
Miao PeiRong 4599
Miao PingSheng 1482
Miao RuoWei 7628
Miao Ying 5996, 6061
Miarelli, C. 9968
Miazga, D. 4938, 4983
Mibus, H. 12608
Micalizio, L. 2425
Miccolis, V. 8860
Michael, A. 12799
Michaelakis, A. 7144
Michaeli, D. 6007
Michaels, S. D. 9349
Michaels, T. E. 359, 2205, 3101, 3103, 6415
Michaelson-Yeates, T. P. T. 1241-1242, 10910, 12316, 12319
Michail, S. H. 12839
Michalakis, Y. 72
Michalczuk, L. 8996
Michalek, S. 6661
Michalek, W. 6178
Michalet-Doreau, B. 5118, 8651, 10713
Michalewicz, A. 12335
Michalik, H. 6564
Michalová, A. 2807, 3028
Michalski, K. 6815, 6842
Michaud, R. 3046
Michaux-Ferrière, N. 9429
Michel, A. 11376
Michel, C. A. 1052
Michel, V. 10884
Michelakis, S. E. 2475
Michelet, B. 11376
Micheletto, Ê. L. 2429
Micheli, F. 8472
Micheli, M. 8073, 11316
Michelmore, R. W. 2287-2288, 2722, 6543, 11122
Michereff, S. J. 6384
Michimoto, T. 5851
Michiyama, H. 5226, 8729
Michler, C. H. 8229
Mićić, N. 5583
Micke, W. C. 3373, 3392
Mickelson, B. J. 7361
Mickelson-Young, L. 11932
Micó Infanzón, M. 7359
Micol, J. L. 4885, 10538, 11736
Miczyński, K. 8888
Middleton, C. 9780
Middleton, C. H. 9779-9780
Midmore, D. J. 9926
Miedaner, T. 2007-2008
Miège, C. 7856
Mielke, H. 11890
Mière, P. le 2368
Miernyk, J. A. 2916, 9363, 9610
Miersch, O. 2874, 4849
Mieslerová, B. 10994
Miętkiewska, E. 7817
Miezan, K. M. 2101-2102
Miflin, B. 9235
Migas, P. 10347
Migge, A. 1856, 4349
Miggiano, A. 12573
Migina, O. N. 1414
Miginiac, E. 7246
Miglioranza, E. 7743
Mignouna, H. D. 3132, 6507, 12490
Miguel, C. 3376
Miguel, C. M. 5657
Mihăilescu, A. 9550
Mihailov, M. E. 11999, 12070
Mihailović, V. 7673
Mihaljević, S. 5831
Mihov, M. 5368
Mijić, A. 5322
Mijnsbrugge, K. vander 12874
Míka, V. 6309
Mikage, M. 8365, 11596
Mikami, I. 5211
Mikami, K. 9311
Mikami, T. 793, 4741, 5294
Mikami, Y. 11584
Mikhaĭlova, E. I. 7457
Mikheenko, I. P. 7021
Mikhkel'man, V. A. 9541
Mikhov, M. I. 4223
Miki, B. L. 5682
Miki, B. L. A. 12348
Miki, J. I. 8151
Mikkelsen, J. D. 1046, 2419
Mikkelsen, T. R. 597
Miklas, P. N. 2200, 2204, 4209, 4213-4214, 7746, 7748-7749, 7751
Miklashevichs, E. 5758
Miklovičová, M. 1983, 6191, 10624
Mikołajczyk, K. 6799, 6832
Mikulovich, T. P. 6606
Milach, S. C. K. 2793, 4807, 8623
Milani, M. 9622
Milborrow, B. V. 1890
Mildenberger, G. 528, 6662
Miles, D. 12055
Miles, J. 12301
Miles, J. W. 2145, 12302
Miles, N. W. 2360
Miletić, R. 8923
Milewska, J. 5286
Milford, G. F. J. 10917
Milivojević, M. 7506
Milkova, V. 2837, 5031
Millam, S. 4257, 8823, 11657
Millán-Mendoza, B. 547
Millanzi, K. J. 3402
Millanzi, K. J. K. 3419-3420
Millar, A. A. 1867, 9346
Millar, A. H. 1274
Millar, A. J. 2777
Millar, C. I. 12889
Millenaar, F. F. 9378
Miller, A. J. 2460
Miller, A. R. 404
Miller, F. R. 6239, 10733
Miller, H. G. 10322
Miller, J. 8010
Miller, J. C. Jr 5363
Miller, J. C., Jr. 8811
Miller, J. D. 1931, 3825, 4561, 6898, 10187, 11774, 11832
Miller, J. F. 6856, 6861, 8067
Miller, J. P. 8811
Miller, J. T. 3164, 5132
Miller, R. E. 11800, 12487
Miller, S. 8886
Miller, S. S. 6353, 12348
Miller, T. 9449
Miller, T. E. 310, 4975, 5257, 9451
Miller, W. B. 4739
Miller, W. W. 5242
Miller-Garvin, J. E. 169, 12311
Millet, E. 9438
Millhollon, E. P. 11424
Milligan, B. G. 9204
Milligan, S. B. 497, 8100
Mills, J. T. 11270
Mills, J. Z. 6650
Mills, R. R. 4759
Milne, R. G. 8157
Milovanović, M. 1962
Miltner, R. 204
Milus, G. A. 3829
Milutinović, M. 8920, 8923
Milutinovic, M. 5587
Milutinović, M. M. 8923
Mimida, N. 8048
Min, K. S. 7783-7784, 7828
Min, S. K. 251, 289, 2111, 6263, 7567, 12190
Min, S. R. 448
Min, T. L. 8281
Min KyeongSoo 7783-7784
Min KyungSoo 7828
Min Ni 7260
Min SaoKai 251
Min ShaoKai 289, 2111, 6263, 7567, 12190
Min TianLu 8281
Minafra, A. 11389
Minaka, N. 6271
Minal Mhatre 6714
Minami, E. 2962, 7559
Minami, M. 1163, 1802, 5455, 6304
Minami, Y. 8358
Minamikawa, T. 2222, 4235, 9663
Minamisawa, K. 7588
Minato, A. 4429
Minato, K. 1696
Minchin, F. R. 3113, 10989
Mincione, A. 8433
Mine, M. 8284
Minelli, M. 2821, 3820, 3848
Ming, L. F. 714
Ming, L. W. 890
Ming, R. 5728, 6227
Ming, T. L. 1718, 10348, 10353
Ming, Z. X. 2335
Ming Gao 2910
Ming LiuFang 714
Ming LiWang 890
Ming TienLu 1718, 10348, 10353
Ming ZongXian 2335
Mingeot, D. 8551
Minguzzi, A. 5596-5597
Minhas, D. 2720, 9708
Mink, G. I. 2306
Mink, M. 8126
Minocha, J. L. 4268, 11030
Minocha, R. 11496
Minocha, S. C. 11496, 11660
Minoia, C. 99, 102, 1924, 2861, 2896, 10600-10601, 10658
Minoiu, N. 12644
Minor, H. C. 12359
Minoru, A. 2833
Minot, J. C. 3285, 12652
Minova, T. J. 11426
Minsavage, G. V. 8890
Miotto, D. 5340
Mir, G. N. 5200, 12229
Mir, P. S. 4153

Mir, Z. 4153
Mira, H. 20
Mirabella, R. 4177
Miralles, D. J. 1949, 1951
Miranda, F. 11343
Miranda, G. V. 6427, 9822, 12434
Miranda, J. E. C. 954
Miranda, L. A. 9785
Miranda, M. 1586, 8396
Miranda, M. A. C. de 2187, 12373
Miranda, Z. F. S. 3077
Miranda Colín, S. 9180
Miranda Filho, J. B. 12007
Mirande, M. 12809
Miranović, K. 1568-1569
Mireau, H. 8449
Mirek, Z. 11658
Mirkov, T. E. 6904
Mirocha, C. G. 7408
Mironov, V. 5756, 7277
Miroshnichenko, D. N. 776, 10370
Mirza, J. I. 909
Mirza, S. H. 8069
Misal, M. B. 3011
Misangu, R. N. 3206-3207
Misari, S. M. 5731, 6334
Mischorr, T. 8029
Miséra, S. 47
Mishchenko, L. Yu. 11269
Mishchenko, T. M. 7759
Mishev, K. 4125
Mishich, P. 4423
Mishra, A. 6845, 12538, 12732
Mishra, B. 6295
Mishra, D. 5446, 7741
Mishra, D. K. 1172, 7721
Mishra, G. P. 7721
Mishra, K. K. 10045
Mishra, M. K. 2509, 11358, 12789
Mishra, N. K. 5661, 6769
Mishra, P. K. 6845, 9921-9922, 12732
Mishra, P. N. 6889
Mishra, R. 9687
Mishra, R. K. 4999, 5003, 9699
Mishra, R. S. 5566, 5649
Mishra, S. B. 4024, 10836
Mishra, S. K. 1301, 5203, 7765, 9421
Mishra, S. N. 11172
Mishra, V. K. 375, 2211, 9877
Mišić, P. 4423
Mısırlı, A. 6730, 10061-10062
Miśkiewicz, E. 3982, 10718
Mislevy, P. 7664
Misoo, S. 5461
Misra, H. O. 2670, 2682, 10433, 10448, 11590
Misra, P. C. 11019
Misra, R. L. 1749, 2648, 2653, 2655, 5866, 8335
Misra, S. 2605
Missere, D. 7935
Mistrets, S. I. 7466
Mita, G. 11881
Mita, S. 6759
Mitchell, H. L. 1896
Mitchell, K. A. 8324
Mitchell, R. J. 1579
Mitchell, S. H. 1339
Mitchell, T. D. 9915
Mitchell-Olds, T. 2725
Mithal, S. K. 7328
Mithen, R. 12727
Mithen, R. F. 615
Mitiku, G. 524
Mitra, A. 12817
Mitra, D. 523
Mitra, D. S. 705, 10226
Mitra, J. 3066, 5146, 5276-5277, 5679-5680, 9774
Mitra, P. K. 5906, 12962
Mitra, R. 4832, 5816
Mitra, S. 1531
Mitra, S. K. 1531, 3555, 8019
Mitsky, T. 5546
Mitsuhara, I. 11373
Mitsuhashi, W. 4341
Mitsui, K. 4116
Mitsui, Y. 179, 181
Mitsukami, Y. 12629
Mitsukawa, M. 247-248
Mitsukawa, N. 11724
Mittak, V. 10361
Mittal, R. K. 3137, 9820, 9853, 12084
Mitteau, M. 2906
Mittelstädt, H. 5576
Mittempergher, L. 750, 11479
Mittendorf, V. 896
Mittler, R. 8156
Mitton, J. B. 12887
Miu, R. W. 2068
Miu RuoWei 2068
Miura, H. 6108, 6111, 8534, 8571, 8772, 9800, 11867
Miura, K. 1184, 6251
Miura, M. 11373
Miura, S. 4897, 9373
Miura, Y. 5168, 6233
Mix, A. D. 3579
Mix-Wagner, G. 3233, 4245, 5933
Miyabe, Y. 10389
Miyagawa, S. 10595
Miyagi, M. 12629
Miyahara, K. 4116, 7072
Miyajima, I. 1717, 6520, 7072, 7112
Miyake, H. 7600, 8315
Miyake, M. 5581, 12641
Miyake, T. 5628, 10557
Miyamoto, J. 12951
Miyamoto, K. 9221, 9338
Miyamoto, M. 2960
Miyamoto, R. 1480
Miyamoto, Y. 9843-9844
Miyao, M. 2912, 8689
Miyao-Tokutomi, M. 7594, 8695
Miyashita, N. T. 4948, 11748
Miyata, S. 2083, 4879
Miyaura, T. 5800, 5829, 5833, 5835
Miyazaki, C. 8675
Miyazaki, M. 12518
Miyazaki, N. 8309
Miyazaki, S. 5962, 12492, 12943
Miyazaki, T. 9929
Miyazaki, Y. 9223
Miyazawa, Y. 4573, 6939, 9098
Miyoshi, K. 9676
Mizobuchi-Fukuoka, R. 4042
Mizrachy, L. 9981
Mizukami, H. 11596
Mizukami, Y. 11637-11638
Mizuno, H. 1696
Mizuno, K. 301-302, 8736-8739
Mizuno, T. 3730
Mizuno, Y. 10595
Mizutani, M. 3729
Mizzi, L. 12148
Mkumbo, K. 3449, 3452
Mkumbo, K. E. 3453
Mladenov, N. 11876
Mladenović-Drinić, S. 7204, 7305, 12008
Mlinar, R. 4950
Mlodozeniec, H. T. 3622
Mlynárová, L. 5771
Mlynarova, L. 691
Mneney, E. E. 3404
Mo, S. Y. 2317
Mo SukYoun 2317
Mobasheri, A. 10008
Mochizuki, N. 10691
Mock, H. P. 12820
Modarres, A. M. 2926
Modesto, J. 2257
Modir-Rahmati, A. R. 8207
Modrzyński, J. 1695
Moe, R. L. 10463
Moeder, W. 2535
Moens, T. 8661, 10715
Moffett, R. O. 9164
Mofidabadi, A. J. 8207
Mogg, R. J. 12502
Moggia, C. L. 9227
Moghaddam, M. 988
Moghaddam-Vahed, M. 11855
Moghddam, M. 5449
Mohamed, A. H. M. 8167, 8174
Mohamed, A. I. 8769
Mohamed, A. I. S. 8542
Mohamed, F. I. 9814
Mohamed, M. F. 476, 501
Mohamed, M. I. 8542
Mohamed, M. S. A. 1284
Mohamed, S. E. N. 1199
Mohamed Ali 10078
Mohamed Boussaid 12306
Mohamed Marrakchi 12306
Mohamedi, M. 4954, 5043
Mohammad, F. 1153
Mohammad, P. 1001
Mohammad, S. 2042, 7372, 7491, 7493, 11284
Mohammad Anis 6745
Mohammad Azam 4081
Mohammad Basheeruddin 7491, 7493
Mohammadkhani, A. 1927
Mohammed Yasin 9699
Mohammed Yusuf 1786
Mohan, C. 7523
Mohan, D. 7329, 7335
Mohan, E. 11603
Mohan, M. 293, 6893, 12236
Mohan, N. 10978
Mohanraj, D. 12770
Mohanty, A. 6785, 10813
Mohanty, A. K. 4199, 4238, 5538
Mohanty, B. K. 5514, 5566
Mohanty, J. K. 6859
Mohanty, S. 3629, 9200-9201, 10409-10411, 12940
Mohanty, S. K. 6466, 7785
Mohapatra, B. K. 7526-7527
Mohapatra, K. B. 12538
Mohapatra, K. C. 5661
Mohapatra, P. M. 1200, 4066
Mohapatra, S. S. 9559
Mohapatra, T. 2448
Mohapatra, U. 11077
Mohapatra, U. B. 12519
Mohar Singh 9853
Moharir, A. 722
Moharir, A. V. 721
Moharramipour, S. 7435
Mohedo, A. 11324
Mohguen, K. 9737
Mohit Gera 9209
Mohiuddin, M. 6132
Mohl, J. 2227
Mohler, V. 6178, 8588
Möhlmann, T. 6480, 6480, 7263
Mohod, K. 11409
Mohri, T. 10295
Möhring, S. 2453
Moin, M. J. 12228
Moing, A. 4442, 12659
Moisan, L. J. 111
Moita-Brites, C. 999
Moja, S. 11614
Mok, D. W. S. 1609, 5353, 10968
Mok, I. G. 12482
Mok, I. M. 2701
Mok, M. C. 1609, 5353, 10968
Mokate, A. S. 5201
Mokkila, M. 10044
Mol, J. 5864, 12898, 12929
Mol, J. N. M. 1747
Mòl, R. 207
Moldau, H. 9135
Moldenhauer, K. A. 8726
Moldenhauer, K. A. K. 2078, 7528, 7619
Moldovanova, E. 1741
Molendijk, A. 4833
Molier, J. M. 10937
Molina, A. 1878, 4874, 8587, 8835, 12820
Molina, J. D. 11848
Molina, M. C. 12011, 12122
Molina, M. C. C. 12012
Molina-Cano, J. L. 153, 1029, 6169, 8614
Molina G., J. D. 6216
Molina-Galán, J. 9616
Molinari, S. 12550
Molinas, M. 2573
Molitor, E. K. 8206
Mollema, C. 11142
Møller, B. L. 7760, 8603
Möllers, C. 4514-4515
Molloy, B. P. J. 10883
Molnár, G. K. 5590
Molnár-Láng, M. 4941, 7462, 8554, 10655
Moloney, M. M. 621, 6817, 9274
Molvig, L. 5283
Momeen, R. F. 6291
Momma, K. 7610
Momol, E. A. 12678
Momol, M. T. 4401, 6650
Monakhos, G. F. 4316, 9951
Monardo, D. 8074
Monari, A. M. 9494
Monasterio, I. 3670
Monastra, F. 3383, 3409
Monciardini, P. 2887
Moncur, M. W. 10287
Mondal, A. K. 4933
Mondal, M. M. A. 9855
Mondal, S. K. 12272
Mondal, T. K. 2508
Monde, R. A. 928
Mondelaers, W. 2616
Mondello, L. 1786
Moneim, A. A. 5272
Monestiez, P. 12273
Monet, R. 1470, 4442, 12659
Moneta, E. 564
Monfort, A. 897
Monforte, A. J. 6567
Monma, S. 8891, 12576
Monmarson, S. 1507
Monna, L. 10870
Monnerot, M. 5965
Monneveux, P. 142, 3902, 6109, 7331, 7391, 10653
Monod, H. 3954
Monod, J. P. 2904-2905
Monostori, T. 7422
Monotti, M. 108, 5271, 7507, 8057
Monredon, F. L. D. de 993
Montagnon, C. 3506
Montagu, M. van 64, 188, 1253, 1667, 1825, 2747, 3635, 3697, 3701, 3708, 3765, 3774, 4064, 4847, 4862, 5252, 5756, 5759, 5976, 6021, 7237, 7265, 7277, 7997, 8441, 8505, 8661, 9270, 9295, 9337, 9381, 10296, 10377, 10526, 10715, 12342, 12377, 12874
Montalván, R. 5154, 6262, 9785
Montalvo, A. de 5965
Montaño, J. C. 5154
Monte, J. V. 11935
Monte-Corvo, L. 7946
Monteiro, A. 452
Monteiro, A. A. 453, 855
Monteiro, A. R. 12793
Monteiro, J. H. 4165
Montenegro, M. 4525, 11280
Montero, E. 12130
Monteros, A. 3088
Montes, L. 12488
Montesinos Gil, G. 8426
Monteverde-Penso, E. 12760
Monteverde-Penso, E. J. 8090, 12759
Monti, L. 1822, 4262, 5463, 6479
Monti, L. M. 4174
Monti, M. 5401
Monti, M. M. 12548
Montigiani, M. 2001
Montillet, J. L. 11121
Montminy, W. 3070-3074
Montoya, J. L. 153
Montoya, R. 11636

Montoya, S. 10302
Montoya, S. N. 9183
Monyo, E. S. 10767
Monzavi-Karbassi, B. 8124
Monzer, J. 3258
Mood, J. 2636, 11542
Mooibroek, H. 8402
Mooijman, P. 12468
Moon, D. H. 10971-10972
Moon, D. K. 9194-9196
Moon, H. P. 1117-1118, 1123, 7547-7550, 7615, 8725, 9693, 10862
Moon, J. K. 7781-7782
Moon, J. Y. 10032
Moon, Y. H. 826, 7835, 9681, 10522, 12184
Moon DooKhil 9194-9196
Moon HuhnPal 1117-1118, 1123, 7547-7550, 7615, 8725, 9693
Moon JongYeol 10032
Moon JungKyung 7781-7782
Moon YongHwan 826, 7835, 9681, 10522, 12184
Mooney, B. P. 9363
Moore, D. 11632
Moore, G. 4975, 8519, 9449, 9451
Moore, G. A. 2415
Moore, J. G. 5453
Moore, J. N. 6718, 7992
Moore, P. H. 5728, 10189
Moore, P. P. 546
Moore, S. H. 11969
Moore, T. A. 10432
Moore, W. 3825
Moorthy, P. N. K. 10978
Moquet, F. 3650
Mor, B. R. 10112
Mora, A. 9952, 10168
Mora, B. 12385
Moraes, A. de 7660
Moraes, S. A. 11294
Morais, A. R. de 6360
Morais, L. S. 10074
Morais, O. P. 12382
Morais, O. P. de 2107, 5938, 6249-6250, 6302
Moraitis, J. S. 720
Morak, C. 12777
Moralejo, M. 8614
Moralejo, M. A. 6169
Morales, A. 9616
Morales, C. 7897
Morales, J. A. 8660
Morán, R. 3184
Morandini, P. 7268
Morant, M. A. 12118
Moravčíková, J. 5771-5772
Morcillo, F. 8070, 10159
Mordhorst, A. P. 6037
Morea, V. 12798
Moreau, L. 77, 3954
Moreira, C. dos S. 10074
Moreira, J. A. N. de 6965
Moreira, J. C. S. 10602
Moreira, J. de A. N. 3550, 5713, 10176
Moreira, L. 11142
Moreira, M. A. 5301, 7750, 8770, 8791, 9826
Morejón, R. 8681
Morel, J. B. 2730, 4909
Morell, M. 9487
Morell, M. K. 3857-3858, 3866, 3898, 9444, 11856
Morelock, T. E. 12425
Moreno, A. 9081
Moreno, A. L. E. 716
Moreno, J. I. 688
Moreno, L. A. 9143
Moreno, L. P. 8787
Moreno, M. 2538, 8158, 8835, 8837
Moreno, M. T. 1258, 3121, 5336-5337, 5345, 5419
Moreno, O. 9613
Moreno, O. J. 6226
Moreno, P. R. H. 10418
Moreno, S. 2373, 10052
Moreno, V. 4820, 7883
Moreno-Arribas, M. V. 7988
Moreno-Gálvez, R. 8546, 11830
Moreno-Sevilla, B. 9523, 11846, 11873, 11905
Morera, J. 10085
Moresco, E. R. 5790
Moret, J. 6051
Moretti, G. 7982
Morey, R. V. 11901
Morgan, A. 2784
Morgan, C. L. 610-611, 2457
Morgan, E. D. 7092
Morgan, E. R. 11555
Morgan, J. M. 11858, 11865
Morgan, P. W. 229, 2469, 6239, 10748
Morgan, R. C. 7092
Morgan, R. N. 1105
Morgan, W. G. 4097-4098, 12279
Morgante, M. 758, 2914, 3338, 5055, 8252, 12344
Morgenstern, E. K. 10324
Morgoun, V. V. 980
Morgounov, A. I. 9420
Mori, G. 12930
Mori, H. 373, 2210, 4397, 4440, 7969, 9875, 10002, 11179
Mori, K. 2086
Mori, M. 8469, 9906, 11596
Mori, N. 1975, 7631, 8553, 9513
Mori, S. 9556
Mori, T. 2369, 7930
Moriau, L. 11376
Moriguchi, T. 4478, 9010, 11228, 12690
Morikawa, H. 7234, 8143, 11383
Morikawa, K. 8549, 8559, 10613
Morimoto, S. 8395
Morimoto, Y. 3394
Morimura, Y. 7837
Morin, G. 5389
Morin, S. R. 6264
Morinaga, T. 11627
Morini, S. 531
Morino, K. 4032
Morioka, S. 12182
Moriondo, G. 554
Morisawa, G. 5455
Morishige, D. T. 5071
Morishima, H. 255, 12172-12173
Morishima, S. 425
Morishita, M. 508, 3312, 4929, 6603
Morishita, T. 1405, 9721
Morita, E. H. 8493
Morita, M. 10842
Morita, S. 4046, 7552
Morita S. 5186
Moritz, T. 4585, 6031, 10521
Moriya, A. 10312
Moriya, K. 10557
Moriyama, H. 6261, 9665
Moriyama, M. 1009
Morman, J. D. 4673
Mornhinweg, D. W. 2701, 3941, 11968
Moro, C. 11303
Môro, F. V. 3971, 10346
Môro, J. R. 3971, 10343-10344, 10346
Moroni, A. 7268
Morooka, H. 10816
Morozov, O. V. 3304, 6700
Morra, M. J. 12717
Morre, J. L. 11420
Morreale, G. 12912
Morrell, P. L. 1740
Morris, B. 523, 7941, 8913
Morris, B. A. 1495, 3265, 3267, 8912
Morris, B. A. M. 705, 10226
Morris, C. A. 5922
Morris, C. F. 5010, 9498
Morris, H. F. 2052
Morris, J. W. 7223
Morris, K. 1874
Morris, M. L. 3665
Morris, P. 3036, 8740
Morris, R. O. 9602
Morris, S. J. 7030
Morrison, L. A. 11879
Morrison, W. H., III 3530
Morroll, S. M. 4852
Morrone, O. 5246
Mörsel, J. T. 9032
Mort, A. J. 4374
Mort, M. E. 3784, 12923
Mortel, M. van de 6353
Mortensen, D. A. 12149
Mortensen, J. A. 6708
Mortiaux, F. 5468
Mortimer, A. M. 6264
Morton, B. R. 11822
Morton, C. M. 3784
Morton, J. K. 1764, 8351
Morzhina, E. V. 376
Mosandl, A. 9216
Moscatelli, S. 4350
Moschella, A. 402
Mosco, A. 5891
Moscone, E. A. 4572
Moser, D. M. 2637
Moser, H. S. 11395
Moses, G. J. 3262
Moses, M. S. 12537
Mosimann, E. 6314, 9730
Mosjidis, C. 12324
Mosjidis, J. A. 12317, 12321
Mösli Waldhauser, S. S. 2512
Mosquera, T. 10365, 10371-10372, 10374
Mosquim, P. R. 5359
Mosseler, A. 10277
Mosser, D. D. 12
Mostafa, S. H. A. 8187
Mosti, S. 11574
Mota, M. 7946
Motamayor, J. C. 9081, 10519
Motawia, S. 7760
Motchoulski, A. V. 3741
Motohashi, K. 458
Motomura, K. 4050
Motoyoshi, F. 3723, 8048
Motsny, I. I. 4967
Motte, P. 11546
Mottinger-Kroupa, S. 8252
Motto, M. 2914, 2924, 5091, 10714, 11993, 12060
Motton, M. S. 7924
Mottram, D. S. 8898
Mouchiroud, D. 11753
Moudden, Y. 8449
Moudrý, J. 6184
Moughan, P. J. 5077
Mouille, G. 9444, 11856
Moukadiri, O. 6282, 7597
Moullet, O. 5026, 9534, 11934
Mounolou, J. C. 3679, 4914
Moura, D. S. de 5539
Moura, R. M. de 2432
Moura, V. P. G. 4667, 8239
Moura, W. de M. 7914
Mouradov, A. 1663
Mourao-Fo, F. A. A. 4476
Mouras, A. 2449, 6932
Moureaux, T. 4587
Mourrain, P. 32, 2730
Mousavi, A. 10397
Mousley, C. 1874
Moussa, A. M. 5005, 11864
Mousset-Déclas, C. 5379
Moussy, F. 5375, 5380
Moustafa, Kh. A. 9509
Moustier, P. 1363
Moutinho, A. 799
Moutray, J. 6355
Mouzeyar, S. 2471, 12737
Movafeghi, A. 9313
Mowery, P. 67
Moxon, C. 22
Moya, C. 8876
Moya, C. E. 10336, 10356
Moya, M. S. P. 1539
Moyer, J. W. 2620
Moyes, C. L. 455, 6840
Moyle, R. 5817, 7016
Moyna, P. 10452
Mozingo, R. W. 4542
Mozo, T. 1829, 11731
Mozos Pascual, M. de los 5400
Mozsár, J. 2374
Mozsar, J. 12678
Mozzetti, C. 842
Mphangwe, N. I. K. 6915
Mpunami, A. 3449
Mpunami, A. A. 3657
Mroginski, L. 12295
Mroginski, L. A. 9108
Mu, L. Q. 4649, 11469
Mu, Q. H. 349
Mu, S. 1944
Mu, X. 6558
Mu LuQin 4649, 11469
Mu QiuHua 349
Mu Song 1944
Mu Xin 6558
Mucciarelli, M. 843
Muccifora, S. 2243
Mücher, T. 12777
Muchhal, U. S. 7888
Mudd, N. 11732
Mudge, J. 8775
Mudge, K. W. 4155-4156
Mudge, S. R. 1616, 10226
Mudiope, J. 12491
Muehlbauer, F. 5398, 5410
Muehlbauer, F. J. 383, 5426, 7764, 9834
Muehlbauer, G. J. 9611
Muel, F. 5374
Mueller, M. J. 7140
Muench, D. G. 2014
Mufti, M. U. 9115
Mugasha, A. G. 2590
Muggleston, S. 3337
Muhammad, F. 12845
Muhammad, I. R. 9051
Muhammad Afzal 3349
Muhammad Ayub 9053
Muhammad Farooq Ch. 511
Muhammad Rahim 1570, 1575
Mühlbach, H. P. 9394
Mujeeb-Kazi, A. 98, 127, 971, 3796, 3836, 3884, 9480, 11920
Mujica-Sánchez, A. 9722
Mukai, T. 11383
Mukai, Y. 3471, 3504, 6871, 9410
Mukasa, Y. 12781
Mukerji, K. G. 6896
Mukesh Kumar 12114
Mukewar, A. M. 11297-11298
Mukherjee, A. 6503
Mukherjee, A. K. 10869, 10871
Mukherjee, B. B. 10849
Mukherjee, K. K. 3555
Mukherjee, P. 5625
Mukherjee, S. C. 11170
Mukherjee, S. K. 10983, 12394
Mukhopadhyay, K. 8083, 12740
Mukhopadhyay, R. 7128
Mukhtar Ahmed 1566
Mukkamala Lakshmi 6260
Mukouda, M. 5835-5836
Mulas, M. 87, 583, 707, 835, 11301, 11303, 11326
Mulay, G. P. 11817
Mulcahy, D. L. 788, 1425, 4727, 6631
Mulchi, C. L. 2534
Mulder, L. 9378
Muldin, I. 2460
Mulge, R. 4774, 12970
Mulinacci, N. 10166
Mullaney, E. J. 9298
Mullen, B. F. 9779-9781, 10468
Mullen, J. 695
Mullen, J. L. 3740
Mullen, R. J. 11081
Müller, A. 1863, 2766
Müller, J. 2503, 5320, 9789
Müller, K. J. 154
Müller, M. W. 4568
Müller, P. 9804
Muller, R. 7445, 10668

Müller-Röber, B. 2237, 5465, 6481, 10489
Müller-Starck, G. 765
Müllerová, E. 6172
Mullet, J. 12806
Mullet, J. E. 5071, 9557, 10748
Mulligan, B. J. 4567, 8464
Mulligan, R. M. 2019, 7857, 8450
Mullin, T. J. 8247, 10323
Mullineaux, P. 8479, 12814
Mullineaux, P. M. 6148, 9105
Mullins, W. 11433
Mulsant, P. 10491
Mulungu, L. S. 3206-3207
Muluvi, G. M. 6881
Mumba, L. E. 12378
Mumma, R. O. 12910
Mummigatti, U. V. 9639
Mun, J. H. 4201, 9989
Mun JeomHee 4201
Mun JongHak 9989
Munakata, K. 4859
Munaut, F. 12339
Muncy, C. M. 7680
Mündel, H. H. 6419, 6862, 6864, 7736-7737, 9817
Mundodi, S. R. 4374
Mundstock, C. M. 3800
Mundt, C. C. 1976
Mundy, J. 157, 1836, 2875, 8618, 9307
Munguia, A. L. 11651
Muni Ram 11613
Munier-Jolain, N. 5447
Munir-ud-Din Khan 3546
Munishamanna, K. B. 10969
Muniswamy, B. 12791
Muniyamma, M. 834
Muniyappa, V. 4362
Muniz, M. de F. S. 2439
Munjal, S. V. 3642
Munk, L. 11825
Munkvold, G. P. 10721
Muñoz, C. G. 6430, 7735
Muñoz, D. 1583
Muñoz, F. J. 1309, 3120
Muñoz, L. 2261, 3193
Muñoz, M. 7421, 9207
Muñoz, P. 2885, 3921
Muñoz-Clares, R. A. 7635
Muñoz Garmendia, F. 8316
Munshi, A. D. 11159
Munshi Singh 2842
Münster, T. 11788
Munteanu, T. 3247
Munthali, C. R. Y. 1685
Müntz, K. 2160
Mura, M. 11326
Murachi, S. 4348
Murai, K. 8553, 9473
Murai, M. 9680
Murai, R. 9473
Murakami, H. 9101
Murakami, K. 9100, 9923
Murakami, S. 10946
Murakami, Y. 594, 11520
Murakami, Y. K. 2084
Muralidharan, K. 4791
Muralidharudu, Y. 6857, 9046
Muralitharan, M. 5816, 8233
Muramatsu, T. 808
Muramoto, T. 6024
Muramoto, Y. 8616
Muranaka, T. 7255
Muranty, H. 2353, 7970, 10031
Murase, K. 4682
Murase, N. 11638
Murata, K. 4403, 7610, 7631
Murata, M. 3723, 8048
Murata, N. 796, 1872, 3015, 4404, 8500, 9361
Murata, T. 7593, 7674, 8700
Muratova, E. N. 8195, 8223
Muravenko, O. V. 1638, 8359
Murayama, H. 1109, 7969
Murayama, S. 4047, 4050, 7585, 11057
Murchie, E. 11108
Murchie, E. H. 9971
Murdock, L. L. 2215, 12429
Murén, E. 5999
Murfet, I. C. 1297
Murfett, J. 948
Murgia, I. 7268
Muricchio, G. B. 9976
Murigneux, A. 209
Murillo, O. 7009
Murisier, F. 3317, 3320, 12676
Murkovic, M. 12602-12603
Murmann, A. 4558
Muro, T. 4323
Murofushi, N. 6610, 11365
Murooka, Y. 1250, 1254
Murphy, A. 910
Murphy, A. M. 9257
Murphy, D. J. 3709, 5705, 10164, 11697
Murphy, G. P. 10587
Murphy, J. A. 12277
Murphy, J. B. 4672, 6976
Murphy, J. F. 2316, 4363
Murphy, J. P. 11910-11911
Murphy, L. A. 4511
Murphy, T. M. 10453
Murray, B. 12913
Murray, B. G. 2588, 8331
Murray, F. 8152
Murray, F. R. 9442
Murray, J. A. H. 4578, 4861, 5227-5228
Murray, J. W. 1713, 8274, 10339, 12899
Murray, N. T. 2389
Murray, S. L. 2246
Murray, T. D. 2834
Murri, G. 3314, 5613
Murshed, A. N. M. M. 12407
Murtas, G. 918
Murthy, B. N. S. 7075
Murthy, J. S. V. S. 717, 1642, 5783
Murthy, K. S. R. 1255
Murthy, M. M. K. 12756
Murthy, N. 12213
Murthy, N. S. 8147
Murthy, S. V. K. 6565
Murthy, T. G. K. 11333
Murty, A. K. 10871
Murty, D. S. 1099, 3995-3997, 7512
Murugan, E. 386, 7787
Murugesan, S. 240, 392
Murugesh, M. 10286
Musacchi, D. 8992
Musau, J. M. 1603
Muschak, M. 7808, 12446
Muscio, A. M. 973
Muse, S. V. 9398
Mushtaq Ahmad 3546
Musial, K. 4467
Musiał, K. 11221
Musket, T. 6227, 11984
Muskett, P. R. 894
Muśnicki, C. 6850
Müssig, C. 10534
Mussio, I. 1348
Mustilli, A. C. 5529
Mustyatsa, S. I. 7466
Muszynski, M. G. 2916, 12004
Mutafchieva, M. 3508
Mutambel, H. S. N. 10779
Muthukrishnan, S. 2870, 5135, 6255, 8718
Mutlu, A. 4893
Mutschler, M. A. 12552
Mutti, I. 8503
Muzquiz, M. 12329
Muzzi, E. 5600
Mwala, M. S. 510
Mwanamwenge, J. 355
Mwaniki, M. W. 10003
Mydin, K. K. 4625
Myers, A. M. 3959, 8645
Myers, G. O. 6457
Myers, O., Jr. 6387, 7723
Myers, S. P. 2892
Mykhailov, V. 5313, 5317
Mylne, J. 10513
Mylswami, V. 4539
Mysore, K. S. 893
Mythili, J. B. 6617, 9988
Naasse, G. 3928
Naazar Ali 9050
Nabha, S. 10425
Nabhan, G. P. 2702, 4370
Nabli, M. A. 5896
Nachit, M. 6109, 7331, 9507-9508
Nachit, M. M. 142, 3862, 6105, 6151, 9512
Nachitl, M. M. 3860
Nachnani, G. H. 6959
Nadaf, S. K. 9691
Nadagoudar, B. S. 10283
Nadai, V. de 4648
Nadal, A. 2573
Nadal, S. 5336
Nadarajan, N. 386, 392, 4230, 9688, 12195
Nadeem Austin 3546
Nadimpalli, R. 11801
Nadolska-Orczyk, A. 6807
Nael Fawzi 10437
Naested, H. 9307
Nagai, M. 4323
Nagaike, H. 10389
Nagaki, K. 4550
Nagalakshmi, T. V. 10124
Nagamine, T. 8712, 11344
Nagamitsu, T. 4660
Nagano, K. 9705
Nagano, Y. 9838
Naganowska, B. 1217
Nagao, M. A. 10098
Nagao, R. T. 4844
Nagara, M. 4403
Nagaraja, A. 12529
Nagaraja, N. 11276
Nagarajan, B. 8025
Nagarajan, P. 394, 4539
Nagarajan, S. 118, 7314, 7327, 8412, 10629
Nagasawa, K. 8013
Nagasawa, T. 10946
Nagashima, H. 8712
Nagasugi, Y. 5391
Nagata, K. 5653
Nagata, N. 3586, 4573, 6939, 11803
Nagata, R. 4340, 5870, 9876
Nagata, R. T. 2289, 7858
Nagata, T. 1623, 8469, 10233
Nagatani, A. 8446, 9327
Nagato, Y. 272, 3515, 4045, 8424, 9676, 10828
Nagatomi, S. 681, 4116, 4472
Nagel, M. A. C. 149
Naghavi, M. R. 5046, 6147
Nagl, M. 4752
Nagl, S. 7289
Nagl, W. 12423
Nago, C. M. 5119
Nagy, B. 4128
Nagy, E. D. 7462
Nagy, F. 2780, 9097
Nagy, M. 9032
Nagylaki, T. 74
Nahm, B. H. 253, 5096, 8690
Nahm BaekHie 253, 5096, 8690
Naĭdenova, Ĭ. 4091
Naidenova, N. 1807
Naidu, M. M. 11357, 12788
Naidu, P. H. 3472-3473
Naidu, R. 11358, 12788-12789
Naidu, R. A. 6875
Naidu, V. G. 12697
Naik, P. S. 1335, 1337, 2712, 6482
Naik, R. M. 1952
Naik, S. 148, 9530
Naik, V. G. 5625
Naik, V. R. 9566
Naimuddin 12420
Nainawatee, H. S. 12728
Nair, M. G. 1289
Nair, M. K. 12745, 12963
Nair, N. V. 665, 6893, 12153
Nair, P. K. K. 1157
Nair, S. 293, 6893, 6901, 12236
Nair, S. R. 4734
Nairn, A. 10982
Naito, S. 920, 1880, 4042, 9309, 11728
Najan, B. R. 10188
Nakabayashi, K. 10520
Nakabeppu, Y. 886
Nakada, R. 5829
Nakagami, H. 9101
Nakagawa, H. 6233, 12589
Nakagawa, K. 4116, 5461
Nakagawa, M. 6111
Nakagawa, S. 9790
Nakagawa, T. 4892, 10505
Nakahira, Y. 2826, 8559, 9462, 10613
Nakai, M. 10506, 10525
Nakajima, I. 6720
Nakajima, M. 4046, 11365
Nakajima, T. 11889
Nakajima, Y. 2025, 11814
Nakakita, M. 3529, 6271
Nakalamić, A. 3315
Nakamoto, J. 512
Nakamura, C. 1975, 2999, 7631, 8553
Nakamura, H. 6126, 6276
Nakamura, I. 1992, 4047, 4050, 7585
Nakamura, K. 3529, 6759
Nakamura, K. T. 4932
Nakamura, M. 9085
Nakamura, R. 512, 10003, 11158
Nakamura, S. 2057, 10815-10816, 10946, 12176
Nakamura, T. 8604, 8616, 10549, 12873
Nakamura, Y. 5581, 5975, 6271, 6720, 7554, 7837, 12641
Nakamuri, C. 9513
Nakane, C. 2212
Nakanishi, H. 9556
Nakanishi, T. 5579
Nakanishi, Y. 1250, 1254
Nakano, A. 7235
Nakano, H. 7591
Nakano, M. 10362, 11563, 12774
Nakano, R. 4348
Nakano, T. 3538, 8458
Nakao, M. 2632
Nakao, S. 5851
Nakashima, K. 3757, 9087, 9373
Nakashima, M. 11184
Nakashita, H. 12803
Nakata, E. 9676
Nakata, N. 4980
Nakatani, M. 6504
Nakatsubo, F. 6754
Nakatsuka, A. 512, 4348, 10003
Nakayama, K. 3218
Nakayama, S. 3426
Nakayama, T. 11363
Nakazaki, T. 1752, 2967
Nakazawa, Y. 12975
Nakazono, M. 2083, 10814
Nakiboğlu, M. 706
Nako, Y. 802
Nalbant, M. 6721
Naldrett, M. J. 11049
Nali, C. 9134
Nalini, A. S. 6957
Nallathambi, P. 12770
Nam, B. H. 279
Nam, C. J. 7783
Nam, H. C. 6756
Nam, H. G. 595, 1852, 8880
Nam, J. 7267
Nam, J. H. 1025, 7339, 7455
Nam, J. S. 893
Nam, M. H. 7542, 7584
Nam, S. Y. 7339, 7986
Nam, Y. W. 5615, 6350
Nam BaekHie 279
Nam ChangJo 7783
Nam HeeChun 6756
Nam HongGil 1852, 8880
Nam JaeSung 893
Nam JungHyun 1025, 7339

Nam JungHyun Park HyongHo 7455
Nam MinHee 7542, 7584
Nam SangYong 7339
Nam SangYoung 7986
Nam YoungWoo 5615
Namai, H. 2969, 6797, 7625
Nambara, E. 920
Nambiar, K. K. N. 12748
Nambisan, P. 2788
Nambudri, N. 417
Namkoong, G. 934, 6987, 10307
Nampaisansuk, M. 11410
Nampoori, V. P. N. 2788
Nampoothiri, K. U. K. 4536, 12963
Namrata Asthana 5140-5141
Namuth, D. 11932
Nan, X. R. 2169
Nan XiangRi 2169
Nance, W. L. 9133
Nanda, B. B. 10855
Nanda, G. S. 7329
Nandadeva, Y. L. 5164
Nandagopal, N. 9526
Nandan Mehta 6397
Nandi, A. 397, 7741
Nandi, S. 9700
Nandita Pathania 1980
Nandita Sharma 11238
Nandula Raghuram 6214
Nanjo, T. 9317
Nanjundappa, G. 9747
Nannes, J. S. P. 11071
Nanninga, N. 3611
Nanu, Ş. 3257
Nap, J. P. 691, 2728, 11684
Napier, J. 11856
Napier, J. A. 5900, 10223, 10474
Napoli, C. A. 10378
Napompeth, B. 9781
Naqvi, A. A. 2679, 10448, 11579, 11607-11608, 11613
Narai, A. 12978
Narain, P. 3674
Narang, S. 9575
Naranjo, C. A. 2029-2030, 4146, 12022, 12095
Naranjo, T. 1985, 7355
Narasimhalu, P. 1039
Narasimhan, M. L. 3520
Narasu, M. L. 3633
Narayan, R. K. J. 1899
Narayanan, K. K. 9662
Nardi, L. 1916, 5638
Narendra Kumar 7847
Narendra Singh 9927
Narendra Tuteja 370
Naresh Chandra 3138
Naresh Dronavalli 9691
Naresh Kumar 1524, 2883
Narikiyo, K. 2291
Narizuka, A. 8548
Narkhede, M. N. 3477, 11286
Narladkar, V. W. 1314
Narula, N. 8557
Narvaez, F. 8673
Narzary, B. D. 5482
Naseta Zarin 5850
Nash, J. V. 4097
Nasirci, Z. 11394
Naskar, S. K. 5484, 6503
Nasr, S. M. 5338
Nass, A. 2518
Nass, L. L. 2938
Nassar, M. A. 8167, 8174
Nassar, N. M. A. 6499
Nasser Ahmed 10801
Nast, G. 6481
Nastasić, A. 7477
Nastasic, A. 5128
Nasu, J. 5833
Nasuda, S. 1032, 11932
Natali, L. 973, 3437, 8064
Natália, L. 9260
Natarajan, C. 396
Natarajan, M. 5715, 5719, 6877
Natarajan, N. 2995
Natarajan, U. S. 1146, 1153
Nath, A. 12706
Nath, S. C. 1785
Nato, A. 7287
Nátr, L. 6154, 7424
Natsuka, S. 12629
Natsume, S. 1696, 5822
Natura, G. 9097
Natwick, E. T. 2549, 11430, 11432, 12848, 12850
Naudin, C. V. 11160
Naujoks, G. 735
Naumochkin, A. N. 5979
Naumova, T. N. 7669
Naus, K. 9847
Nautiyal, P. C. 9049
Nautiyal, S. 11486
Nautiyals, M. C. 6769
Nava, C. 566
Navabi, A. R. 7330
Navabpour, S. 5139
Navale, P. A. 7522
Navari-Izzo, F. 10628
Navarrete-Maya, R. 12384
Navarro, A. 3359
Navarro, C. 4408
Navarro, E. 8638, 8653-8655
Navarro, E. E. 12683
Navarro, F. 1399
Navarro, L. 1518, 2417, 3359, 8005, 11233, 12688
Navarro, R. A. 11910-11911
Navarro-Avino, J. P. 9965
Navas-Cortés, J. A. 5427, 11004
Naveen Chandra 10134, 10138
Naveen Singh 9871
Naver, H. 4894, 8484
Navinder Saini 8373
Navrátil, M. 8974
Navrátilová, B. 12590
Nawar, A. A. 2928
Nawrath, C. 11660
Nayak, M. 10871
Nayak, P. 10869, 10871
Nayakar, N. Y. 9886
Nayeem, K. A. 5000
Nayeema, J. 3254
Naykar, N. Y. 3461
Naylor, G. J. P. 1887
Naz, M. A. 11861
Nazari, K. 5046
Nazeer, M. A. 1657, 4625, 12865
Nchimbimsolla, S. 3206-3207
N'Cho, Y. 8071
N'cho, Y. P. 3448
Ndoumou, D. O. 3187
Neal, C. L. 9169
Neal, P. R. 7291
Neale, A. D. 8753
Neale, D. B. 1700-1701, 3579, 5813, 5932, 7020
Nebauer, S. G. 9204, 10431
Nedelkina, S. 9819
Nedev, T. 12027, 12072
Neelam, A. 6876, 12757
Neelam Singh 2668
Neelan Singh 7145
Neelima Sinha 1073
Neelu Gera 9209
Neelu Kalra 5341
Neema, C. 12387
Neema, V. P. 12961
Neergaard, E. de 1046
Neeta Singh 5923, 10603
Neeti Sanan 1096, 9250
Neff, M. M. 907
Neff, W. E. 10954
Negi, M. S. 12958
Negrel, J. 1823, 3530, 12799
Negri, V. 4810
Negrón-Ortiz, V. 1536
Negruk, V. 902
Nehlin, L. 4513
Nehls, U. 4637
Nehme, G. A. 3372
Nehra, N. S. 12442
Nehru, S. D. 10786
Nei, M. 8614
Neĭkova-Bocheva, E. 2857-2858
Neiland, M. R. M. 3619
Neill, S. J. 1826, 2740
Neilson, S. 6789
Nejidat, A. 2516
Nekolová, A. 8275
Nel, M. M. 1955
Nelissen, I. 11778
Nelke, M. 5254, 5258
Nelsen, T. 10953
Nelsen, T. C. 11141
Nelson, B. D. 4171-4172
Nelson, D. E. 7194
Nelson, G. A. 3169
Nelson, J. 12062-12063
Nelson, J. C. 9573
Nelson, L. R. 11904
Nelson, M. A. 845
Nelson, M. L. 7442-7443
Nelson, R. J. 7620, 8720
Nelson, R. L. 335, 337-338, 6385
Nelson, R. S. 1626
Nelson, T. 6210
Nelson, W. 11636
Nelson, W. A. 10462
Nelyubina, M. I. 8195
Nematollahy, M. R. 10652
Németh, É. 11616
Németh, K. 57
Németh, L. 8844
Nemhauser, J. L. 8473
Nemomissa, S. 5722, 10184
Nemoto, H. 1197, 2960
Nemoto, K. 1802, 6610
Nemoto, T. 4157
Nemoto, Y. 7397, 9515
Nemouchi, G. 12578
Nencetti, V. 5595, 8945, 8954, 8961, 11194
Nencini, A. 12593
Nepomuceno, A. 712
Nepomuceno, A. L. 723, 1645, 6967
Nepper, J. P. 4275
Nerker, Y. S. 3011
Nerlich, A. 7422
Nesbitt, N. M. 1332
Nessa, D. 8069
Nesvadba, V. 5912
Nesvadba, Z. 1925
Neto, A. T. 10076
Neto, M. C. 6729
Neto, V. 3403
Netrapal 9927
Neubohn, B. 12820
Neue, H. U. 1193
Neuffer, B. 7095
Neuhaus, E. 6480, 7263
Neuhaus, G. 7247, 11738
Neuhaus, H. E. 6480
Neuhaus, K. 1858
Neuhierl, B. 6380
Neukirchen, S. 630
Neumann, D. 3114, 10632
Neumann, K. 4253, 4598
Neumann, P. 371, 8778
Neustaedter, D. A. 8375
Neuteboom, L. W. 3754, 6039
Neutelings, G. 3571, 4669
Nevalainen, L. 1727
Neve, M. de 4847
Nevers, G. de 8028
Neves, L. O. das 5256
Neves, P. de C. F. 2107
Neves-Martins, J. 10914, 10916, 10920, 10927, 10934
Neves-Martins, J. M. 1246
Nevo, E. 2601, 3768, 6087, 8513, 8550, 8593
Nevshemal, T. 1066
New Zealand, New Zealand Institute for Crop and Food Research 6469
New Zealand, Pastoral Agriculture Research Institute Limited 6348-6349
New Zealand Pastoral Agriculture Research Institute Limited 4090
Newbigin, E. 6931, 11102, 12810
Newbold, C. J. 10943
Newbury, H. J. 2213, 2963, 3115, 4326
Newbury, J. H. 2510
Newcombe, G. 2577
Newman, J. D. 690
Newton, A. 4630
Newton, A. C. 12882
Newton, C. H. 1693
Newton, K. J. 5095, 8636
Newton, L. E. 728, 809
Newton, R. J. 11655
Neyt, P. 7237, 9295
Ng, H. F. 11901
Ng, J. M. Y. 3754
Ng, N. Q. 3132
Ng, P. K. W. 9494
Ng, T. B. 10419
Ng TziBun 10419
Nga Thi Lao 12805
Ngalani, J. A. 2405
Ngampongsai, S. 3133
Ngan, F. 5898
Ngan, F. N. 10419
Ngan FaiNgor 10419
Ngbwa, M. M. 10077
Ng'etich, W. K. 11353, 11356
Ngo, Q. A. 7822
N'Goran, J. A. 5748
Ngu, M. A. 5340
N'Guessan, Y. T. 11618
Nguyen, H. 7252
Nguyen, H. T. 1010-1011, 4048, 4821, 6294, 7667, 12290
Nguyen, L. V. 6014
Nguyen, T. B. 7346
Nguyen, T. V. 10736
Nguyen, V. N. 2091
Nguyen, V. X. 1356
Nguyen Duc Thanh 12805
Nguyen Duy Can 2056, 12155
Nguyen-Lowe, H. T. 9830
Nguyen-Quoc, B. 9598, 11108
Nguyen Xuan Dung 7182, 10450
Ni, H. X. 11929
Ni, J. J. 1191, 3012, 4059
Ni, M. 7260, 11749
Ni, P. C. 150, 685
Ni, R. X. 1702
Ni, W. C. 2555, 12857
Ni, W. T. 7253
Ni, Z. 10643
Ni, Z. F. 6094
Ni HanXiang 11929
Ni Min 11749
Ni PiChong 150, 685
Ni RongXin 1702
Ni WanChao 2555, 12857
Ni WeiTing 7253
Ni ZhongFu 6094
Nian, H. 353
Nian Hai 353
Niangado, O. 6238
Niazi, I. U. K. 7786
Nic Lughadha, E. 9399
Niceforo, R. 4350
Nichols, M. A. 7860, 7872
Nichols, S. E. 9415
Nicholson, J. K. 521
Nicholson, P. 310
Nicholson, R. L. 12157
Nichterlein, K. 510
Nick, P. 4041
Nickell, A. D. 5328
Nickell, C. D. 1262, 1266, 2172, 5299, 5310, 5328-5330
Nickels, R. 6936
Nicklin, S. 8134
Nickson, T. E. 12993
Nicodemus, A. 8025
Nicol, F. 51
Nicol, H. 10872
Nicolás, C. 6452, 6996-6997
Nicolas, C. 10293, 11468
Nicolás, G. 6452, 6996-6997, 7031-7034
Nicolas, G. 10293
Nicolas, P. 1935, 2468, 2471, 12737
Nicolaus, B. 5922
Nicole, M. 12840

Nicolle, D. 8199
Nicolosi, E. 5639
Nicolson, D. H. 945
Nicot, P. 12596
Nicotra, A. 564
Nie, H. M. 4537
Nie, L. Q. 9960
Nie, X. 3224
Nie, X. W. 3617
Nie ChunSheng 7383
Nie HongMin 4537
Nie LiQin 9960
Nieboer, I. G. 6887-6888
Nieddu, G. 6728, 11247
Niederberger, V. 8751
Nielsen, A. 325
Nielsen, B. J. 11826
Nielsen, B. L. 11050
Nielsen, C. N. 11506
Nielsen, H. L. 2465
Nielsen, J. E. 2419, 7792
Nielsen, K. 3939, 11961
Nielsen, M. T. 4595
Nielsen, P. E. 2264, 2273, 3197
Nielsen, T. H. 1338, 7801
Niemirowicz-Szczytt, K. 1383, 2301, 2310
Nienhuis, J. 368, 468, 1288, 7743, 8357, 12566
Niesenbaum, R. A. 5853
Nietsche, S. 7750, 8791
Nieves, N. 5643
Nigam, S. N. 2479, 3469-3470, 4539, 6869-6870
Niimi, Y. 10342, 11563, 12902
Niitsuma, S. 12775
Niizeki, H. 247-248
Niizeki, M. 6635, 7711
Nijalingappa, B. H. M. 11299
Nijkamp, H. J. J. 9302, 11130
Nijs, A. P. M. den 6656
Nijs, H. C. M. den 846
Nijs, J. J. M. de 12509
Nijs, T. den 6633
Nikaido, O. 7855
Nikiforova, T. 5383
Nikitin, V. V. 8318
Nikkanen, T. O. 1682
Niknam, V. 8764
Nikolaeva, V. 1630
Nikolaou, A. 4781
Nikolić, D. 8923
Nikolic, D. 5587
Nikolić, M. 1457, 5583, 8920
Nikolov, E. 3510
Nikolova, L. 2837
Nikova, V. 9095
Nikovics, K. 10699
Niks, R. E. 11449, 11965
Niksarlı, F. 2838
Nilsson, A. 3705
Nilsson, N. O. 306, 2491, 9071
Nilsson, O. 44, 3750
Nilsson, P. 4927, 9058
Nimmo, H. G. 11985
Nin, S. 8961
Ning, K. 4952
Ning, Z. L. 2455
Ning Kun 4952
Ning ZuLiang 2455
Ninnemann, H. 3156, 4295
Ninnemann, O. 9369
Ninomiya, S. 1272-1273
Ninot, A. 10096
Ninu, L. 9968
Niogret, M. F. 12721
Niral, V. 1169
Nirala, R. B. P. 5112, 11900
Niranjan, S. K. D. F. F. 4229
Niranjan Chakraborty 4081
Niranjana Murthy 12213
Nirmal, S. V. 1779, 5377, 12393
Nirmala, V. S. 5148-5149, 7521
Nirmalamma, N. 12224
Nisha Batra 5436
Nishi Kumari 8221
Nishiguchi, M. 1631, 12825
Nishimura, A. 2517, 10234
Nishimura, K. 5581, 5836, 12641
Nishimura, M. 1411, 4383, 4903, 9287, 10539, 11756
Nishimura, S. 1377, 8891
Nishimura, Y. 4573
Nishino, E. 5863
Nishio, K. 10506, 10525
Nishio, T. 463, 3217, 9943
Nishioka, M. 7930
Nishitani, K. 10985
Nishiwaki, T. 9806
Nishizawa, N. K. 9556
Nishizawa, Y. 2962, 7559
Niskanen, R. 1427
Nissilä, E. A. J. 9913
Nissim-Levi, A. 4732
Nita, Z. 9577
Nitovskaya, I. A. 11069
Nitsri Sangduen 11222
Nitta, T. 9665
Niu, J. G. 12915
Niu, J. Z. 12618
Niu, L. Y. 6143
Niu, Q. W. 12520
Niu, T. T. 7517, 9637
Niu, Y. S. 3393
Niu, Y. Z. 2543
Niu, Z. Y. 10795
Niu JianGong 12915
Niu JianZhe 12618
Niu LiYuan 6143
Niu QiWen 12520
Niu TianTang 7517, 9637
Niu YaSheng 3393
Niu YongZhang 2543
Niu ZhongYi 10795
Nivedita Ram 755
Niwa, M. 9088
Niwa, Y. 4892, 9293, 9595, 11584, 11776
Niwińska, B. 12333
Nixon, K. C. 12872
Nixon, P. J. 1618, 10235-10236
Niyogi, K. K. 8488, 8490, 10544, 11806
Nizamani, G. S. 11345
Nizou, A. L. P. 8055
Nizza, A. 8611
Nkanga, E. U. 8872
Nkongolo, K. K. 3809, 4675, 11502, 12894
Nleya, T. M. 10966
No, S. K. 7784
No, T. H. 7544
No SeungKil 7784
No TaeHwan 7544
Noack, R. 4714-4715
Nocco, G. 11881
Nock, J. F. 11207
Nocker, S. van 7239
Noctor, G. 748, 1668
Noda, K. 7580
Noda, M. 1696, 5822
Noda, R. 9929
Noda, T. 798, 12241
Nodari, R. O. 1288, 10971
Noel, G. R. 1262, 1266
Noffsinger, S. L. 12325
Noguchi, H. 11584
Noguchi, J. 5869
Noguchi, T. 61, 4884, 5532, 6018, 10532
Noguchi, Y. 3312, 4929
Nogueira, R. J. M. C. 9052
Noh, J. Y. 11068
Noh, T. H. 7543
Noh JooYoon 11068
Noh TaeHwan 7543
Noirot, M. 6242, 6917, 8117, 10159, 11797
Noiton, D. 1433
Noji, M. 1832, 4854, 4870, 8485
Nokoe, S. 6315
Nolan, K. E. 314
Nolasco, G. 3376
Noli, E. 12528
Noling, J. W. 7664
Nolte, K. D. 2536
Noma, K. 10818
Nomoto, K. 5060
Nomura, K. 7625
Nomura, M. 2912, 7594, 8604, 8695
Nomura, T. 61, 5532, 6438, 8425
Nonaka, H. 9361
Nonaka, M. 12907
Nong, T. 220
Nong, V. H. 7710
Nong VanHai 7710
Nonohay, J. S. 11949
Nonomura, K. I. 10817
Noon, B. R. 5603
Noori-Daloii, M. R. 7149
Noormets, A. 11475
Norambuena, L. 9324
Nørbaek, R. 11562
Nordal, I. 8349
Nordborg, M. 79
Nordquist, P. T. 10745-10746
Norel, A. van 4304, 7819
Norell, L. 8244, 10284, 10328
Norelli, J. 4401
Norelli, J. L. 6650, 11176
Norido, F. 139
Norioka, S. 4932, 5579, 8931, 12629
Norman, D. 4370
Norman, D. J. 12925
Norman, R. J. 2078, 7528
Normanly, J. 9360
Noronha, M. A. 6384
Norris, C. E. 6780, 6836
Norris, J. H. 9761
Norris, S. R. 21, 6009
Norrmann, G. A. 4118
North, H. 9846
Norton, M. A. 5571
Nösberger, J. 3037, 7662, 8733
Nosov, A. M. 5743
Nosser, M. A. 12391
Notario, T. 2891, 8619, 10658
Nougarède, A. 1487
Noupadja, P. 7996
Nourizadeh, S. 9357
Nouzová, M. 7732, 8778
Novak, B. 7848
Novak, J. 7152
Nováková, J. 6437
Novales, B. 993
Novikov, B. N. 6224, 7317
Novikov, N. N 3863
Novitzky, W. P. 4191
Novoselova, M. S. 8320
Novoselović, D. 4987, 5053
Novotná, D. 10621
Novozhilova, O. A. 7298
Nowaczyk, L. 12568
Nowaczyk, P. 12568
Nowak, J. 323, 1341, 5254, 5258
Nowakowski, M. 6843
Noyer, J. L. 2257
Noyes, R. D. 4531, 7100
Nozaki, K. 10691
Nozue, K. 3630
Nsahlai, I. V. 1098
Nsarellah, M. N. 6151
Nshubemuki, L. 2590
Ntare, B. R. 1317, 2477, 10169
Nuccio, M. L. 2536, 9322
Nuessly, G. S. 2289
Nuez, F. 1535, 2196, 3096, 3955, 3973, 5564, 6425, 7904, 8437, 10082, 11796
Nugent, G. D. 12305
Nuland, D. S. 4160
Numerova, O. M. 7321, 11840
Nunes, R. de P. 5115
Núñez, L. M. G. 5488
Núñez-Farfán, J. 1678
Nuñez-Moreno, Y. 10376
Nunome, T. 8848
Nurminiemi, M. 306
Nürnberger, T. 4822
Nurzyńska-Wierdak, R. 8865
Nuss, K. J. 3485
Nussaume, L. 3724
Ñustez, C. 10365
Ñústez L., C. E. 3098, 3161
Nutt, K. A. 8107
Nuzhat Farooqui 822
Nuzzi, M. 8997
Nwanze, K. F. 2701, 7516
Nwasike, C. C. 3995-3996, 7512
Nwilene, F. E. 7516
Nyassé, S. 5748
Nybom, H. 545, 801, 3276, 3352, 6737, 6739, 7083, 9005, 11199
Nyczepir, A. P. 4409, 4445
Nyéki, J. 5588, 5590, 8922, 8924, 8926-8927, 8929-8930, 8933
Nyirenda, H. E. 6915
Nykiforuk, C. L. 12712
Nyman, M. 8405
Nyochembeng, L. M. 426
Nyoka, I. 9145
Nyquist, W. E. 2892
Nzié, E. B. 11341
Oaks, A. 2284
Oanh, H. K. 7896
Oard, J. H. 2127, 7627
Oates, C. G. 8850
Oates, J. D. 5083
Ôba, K. 8848
Oba, S. 315
Obanda, M. 1602, 6914
Obando-Rodríguez, A. 11429, 11435
Oberholster, A. M. 1953
Obermayer, R. 1916, 12345
Obermeyer, G. 4752
Obert, B. 1077, 9567, 9625, 12093
Oberwalder, B. 3156, 4295
Obeso, J. R. 7006
Obilana, A. B. 2058, 5138, 10731
Oboh, B. 6591
Obokata, J. 9085
O'Brian, M. R. 9805
O'Brien, D. L. 10892
O'Brien, K. 6082-6083
O'Brien, L. 11819
Obrist, F. 816
Obuchi, Y. 8548
Ocampo, B. 1311
Ocaña, A. 3095
Ochatt, S. 5287, 5379
Ochatt, S. J. 11034
Ocheretina, O. 3749
Ochoa, G. R. 12926
Ochs, G. 5678, 9030, 9146
Ockendon, D. J. 9943
O'Connell, A. 9278, 11660
O'Connell, M. A. 9986
O'Connell, M. J. 10551
O'Connor, J. E. 6282
O'Connor, P. J. 479
Ocumpaugh, W. R. 6241, 10766
Oda, A. 4386
Oda, M. 6584
Oddie, R. L. A. 2569
Odee, D. 6881
Odeigah, P. G. C. 391, 6457, 6591
O'Dell, M. 8322
Odenyo, A. 10943
Odenyo, A. A. 10943
Odinot, P. 12525
Odintsova, M. S. 7215
Odneal, M. B. 549
O'Donoghue, E. M. 2292
O'Donoughue, L. S. 8622
Odumeru, J. 7075
Oduol, P. A. 10313
Oecking, C. 5537
Oeda, K. 9262
Oelke, E. A. 296
Oelmüller, R. 2285
Oelofse, D. 2246
Oertel, C. 5034
Oetiker, J. H. 486, 1921
Oettler, G. 2012
Oeveren, J. C. van 2657, 10398
O'Farrell, M. K. 188
Offiong, E. E. 8872
Offler, C. E. 9833
Ofitserov, M. V. 7449
Ogarkova, O. A. 8127

Ogata, H. 5963
Ogata, N. 7554, 12774, 12780, 12783
Ogata, S. 1398
Ogata, T. 1162, 5161, 5210, 9471
Ogawa, K. 8006, 10058
Ogawa, M. 8395, 12183
Ogawa, R. 11101
Ogawa, T. 3022, 6281
Ogbonnaya, F. 9534
Ogenga-Latigo, M. W. 12480
Oger, L. 2297
Ogg, A. G., Jr. 11931
Ogg, J. B. 5355
Ogihara, Y. 9437, 9473
Ogilvie, I. S. 8295
Ogiwara, I. 534, 1480-1481, 9178
Ognjanov, V. 6659
Ognyanik, L. G. 10701
Ogrodowczyk, M. 6811
Ogura, Y. 3723
Oğuz, B. 706
Oh, B. G. 2978, 4029, 7542, 7584, 10787
Oh, B. J. 2619, 11568
Oh, G. W. 295
Oh, H. C. 590
Oh, J. Y. 6518, 7839, 7842
Oh, K. W. 7634, 8077, 8096
Oh, M. H. 795, 9790
Oh, M. K. 644, 8078, 8087
Oh, S. A. 8880
Oh, S. K. 1027, 7338, 11454
Oh, Y. B. 590, 710, 7828
Oh, Y. H. 1028, 7543
Oh, Y. J. 295, 1027, 7338, 7542, 7545-7546, 7705, 7753, 10787
Oh, Y. S. 644, 8078
Oh, Y. Y. 7704
Oh BoungJun 11568
Oh ByeongGeun 2978, 4029, 7584, 10787
Oh ByongGeun 7542
Oh GiWon 295
Oh HanChun 590
Oh JungYoul 6518, 7839, 7842
Oh KiWon 7634, 8077, 8096
Oh MoonHun 9790
Oh MyungKyu 644, 8078, 8087
Oh-Oka, H. 8358
Oh SeaKwan 1027, 7338
Oh SooKyung 11454
Oh SungAng 8880
Oh YangHo 1028, 7543
Oh YongBee 710, 7828
Oh YoonJin 1027
Oh YoungBee 590
Oh YounSup 644, 8078
Oh YunJin 295, 7338, 7542, 7545-7546, 7705, 7753, 10787
Oh YunYin 7704
Ohad, N. 6006-6007
Ohara, A. 9906
O'Hara, P. 10676
Ohashi, H. 4148, 4157, 5278, 7694, 11564, 12341
Ohashi, Y. 3694, 5769, 11373, 12800
Ohba, H. 4421, 9184
Ohba, Y. 11776
Ohga, S. 2687-2688
Ohgata, A. 2876
Ohi, M. 1368
Ohigashi, H. 8001
Ohira, I. 11633
Ohkawa, H. 686
Ohkawa, Y. 2236, 6281, 7593, 12449
Ohki, S. 12200
Ohki, S. T. 1406
Ohlrogge, J. 11660
Ohlrogge, J. B. 5908
Ohm, H. 9532
Ohm, H. W. 11926
Ohm, R. 10944
Ohme-Takagi, M. 687, 3521
Ohmido, N. 293, 2086, 3027, 10189, 12951
Ohmine, Y. 11229
Ohmiya, Y. 10297
Ohnishi, M. 161, 9569, 10856
Ohnishi, O. 1208, 3030, 12271, 12493
Ohnmeiss, T. E. 1839
Ohno, M. 11640
Ohnouika, Z. 8547
Ohri, D. 1898, 2668, 6451
Ohsaki, A. 5892
Ohshima, I. 7625
Ohsugi, R. 2236, 7593, 8642, 12449
Ohta, D. 884, 3729
Ohta, H. 6251
Ohta, S. 10656, 11936, 12182
Ohtake, M. 12776
Ohtake, N. 9806
Ohtani, E. 8326
Ohtsu, Y. 10022
Ohtsubo, E. 5163, 10818
Ohtsubo, H. 5163, 10818
Ohtsubo, K. 280, 1184, 10815-10816, 12176, 12219
Ohtsubo, T. 886
Ohtsuka, R. 12183
O'hUigín, C. 7289
Ohya, T. 7837
Ohyama, A. 1377
Ohyama, T. 9806
Oide, M. 1272
Ojha, C. B. 5435, 5438, 5440
Oji, Y. 1975
Ojo, A. A. 6278
Ojo, D. K. 7729
Ok, H. C. 10451
Ok HyunChung 10451
Oka, A. 686, 2744
Oka, M. 9338
Oka, S. 1992, 2401, 7439, 8596, 8599, 9548
Okabe, A. 10946
Okada, K. 3748, 8493, 9338, 9801
Okada, M. 3218
Okada, Y. 425
Okadome, H. 280, 12176, 12219
Okamoto, A. 1404, 12907
Okamoto, D. 11499, 11499
Okamoto, G. 1486
Okamoto, H. 3630
Okamoto, K. 2960
Okamoto, M. 4896
Okamoto, T. 4235
Okamura, M. 5820
Okanami, M. 16
O'Kane, S. L., Jr. 5724
Okazaki, K. 9943
Okazaki, M. 1614
Okechukwu, R. U. 12427
O'Keefe, S. 5815
Oki, Y. 4114
Okie, W. R. 2348, 2354, 4409, 7304
Okinaka, Y. 2086
Okita, T. W. 403, 6002, 9275
Okkels, F. T. 2738, 10202
Okocha, P. I. 9470
Okoli, B. E. 421
Ökrész, L. 57, 1831, 7255
Oksman-Caldentey, K. M. 11593
Öktem, H. A. 1974
Oku, M. 12518
Okubara, P. A. 7094, 7161-7162, 10453
Okubo, H. 2291, 6520, 7863
Okubo, T. 9811
Okuda, E. 9790
Okuda, N. 3219
Okumoto, Y. 2980
Okumura, S. 10809
Okumuş, A. 1894, 2132, 7208
Okumus, A. 935
Okunishi, H. 4348
Okuno, K. 2969, 4034, 5213, 6174, 6251, 6265
Okutsu, Y. 1197
Oláh, B. 12304
Olaniyan, A. A. 1509
Olano, C. T. 5486
Olanya, O. M. 12458
Olczak, K. 8459
Oldfield, J. F. 5958
Oldroyd, G. E. D. 489, 3246
Olejniczak, J. 10921
Oleksiak, A. 6807
Olesen, A. 2138, 7374
Olesen, J. M. 2627
Oleshchenko, L. T. 12824
Olesnicky, N. S. 8173, 8399
Oliger, P. 8837
Olij Rosen BV 4716
Olimpienko, G. S. 7661
Olimpieri, G. 108
Olita, G. 5401, 6059
Oliva, N. 6299, 8718
Olivas-García, J. M. 11429
Olivas Garica, J. M. 11435
Olive, F. D. 9367
Olive, M. R. 49
Oliveira, A. C. 1306
Oliveira, A. C. B. de 8889, 12347
Oliveira, A. L. de 12362
Oliveira, C. M. 7946
Oliveira, D. E. de 4910
Oliveira, E. C. 8406
Oliveira, G. C. X. 10804
Oliveira, I. C. 895
Oliveira, J. A. 128
Oliveira, J. C. F. de 12387
Oliveira, L. C. 5790
Oliveira, M. B. 1604
Oliveira, M. C. N. 3079
Oliveira, M. F. de 3077, 11288
Oliveira, M. G. de A. 5301, 8770
Oliveira, M. H. 5268
Oliveira, M. M. 3376, 5657, 11178
Oliveira, P. T. A. de 4122
Oliveira, V. R. 6589, 7910, 8897, 9987
Oliveira, W. F. 12539
Oliveira e Silva, S. de 12685
Oliveira Freire, F. D. C. 6760
Oliveira Guimarães, P. E. de 5123
Oliveira Jùnior, A. 9822
Oliver, D. J. 65, 11743
Oliver, E. G. H. 1724, 3595, 10349, 11524, 11527-11528, 12906
Oliver, I. M. 1724, 3595, 11524, 11527-11528
Oliver, M. J. 7672
Oliver, R. 3939, 11961
Olivier, A. 1317
Olivier, F. C. 1299
Olivier, J. 6574
Olivier, J. M. 851, 3650
Olivieri, A. M. 11274
Olivieri, I. 4133, 5253
Ollé, D. 571
Ollerenshaw, P. 7056
Ollerton, J. 2154
Ollitrault, P. 2418, 2423, 12691, 12693
Olmedilla, A. 12751
Olmstead, J. 1443
Olmstead, R. G. 1744, 5845, 11529
Olney, M. A. 9331
Olofsson, S. 1042
Olorunju, P. E. 5731, 9051
Olsen, C. E. 6439
Olsen, G. J. 5968
Olsen, J. L. 7165
Olsen, K. M. 7826
Olsen, M. S. 12074, 12099
Olsen, O. 6161, 11961
Olsen, O. A. 1991, 3919, 4032, 7252, 9415
Olson, B. J. S. C. 11741
Olsson, Å. 6739
Olsson, K. 4312, 4321, 4329, 4337, 4339, 4385
Olsson, O. 2574
Olsvig-Whittaker, L. 10671
Olszewski, N. E. 914, 2528, 3236
Olszewski, T. S. 3626
Oluwatosin, O. B. 389, 6460
Olvera Fonseca, S. 10301
Om, Y. H. 496, 7923
Om Vir 3117, 7766
Om YoungHyun 496, 7923
O'Mahony, P. J. 7672
O'Malley, D. M. 10318
Omanda, E. N. 4628
Omar, M. A. 5346
Omer, A. D. 12679
Omirulleh, S. 9603
Omura, M. 4478, 9010, 10073, 11228, 12322, 12690
Oña, I. 7620
Ona, I. 8718
Onal, K. 3282
Önal, M. K. 535, 538, 5582
Oñate, L. 7431
Onay, A. 7293
Onckelen, H. van 1487, 6934, 9337
Ondřej, M. 6065
Ondřej, M. 10512
O'Neil, C. M. 3426
O'Neill, M. 1653
O'Neill, N. R. 3055
Onfroy, C. 5389
Ong, C. A. 5225
Ong ChingAng 5225
Onnis, A. 2841, 5020, 10638
Ono, K. 2656, 2912, 7593
Ono, T. 512, 2322
Onofrii, M. 5249
Onoue, T. 1109
Onozaki, T. 9185
Onsinejad, R. 12610
Ontivero Urquiza, M. G. 11196
Onyeocha, I. 2167
Ooi, S. J. 2085
Ookawa, H. 12975
Oomah, B. D. 617, 11270
Oono, Y. 59
Oordt, E. van 11078
Oosato, K. F. 7599
Oosterhuis, D. M. 723, 1645, 6967
Oostermeijer, J. G. B. 846
op den Camp, R. G. L. 696
Opas Boonseng 2254
Openshaw, S. J. 7492
Ophardt, D. 1443
Opio, F. 4233
Oppedijk, B. J. 5058
Oppenheim, A. 8462
Oppenheimer, D. G. 8468
Oprea, M. 2359
Opsomer, C. 5252
Or, E. 7769
Oracka, T. 11977
Oram, R. N. 4101, 9740-9741, 10893
Orcutt, B. C. 3717
Orczyk, W. 6807
Ordás, A. 2908, 6228, 7505, 12053, 12137, 12141
Ordon, F. 3940, 7450, 10741, 11967
Orekhova, E. S. 8910
Orellana, A. 9324
Orellana, J. 6846
Oren-Shamir, M. 4732
Orf, J. H. 5956, 7702-7703
Orfila, C. 9969
Orford, S. J. 2542, 8173
Ori, N. 11382
Orimo, S. 8548
Oriniaková, P. 8385, 9217
Oritani, T. 4587
Orjeda, G. 2388, 8002
Orlicz-Luthardt, A. 2654
Orlov, A. N. 1340
Orlović, S. 3560
Orlovsky, N. 10671
Ornicane, D. 3913, 3931
Ørnstrup, H. 6547, 7873
Oro, R. 9453
Oropeza, C. 642, 8071

Orosz, Á. 1077, 12093
Orozco-Cardenas, M. 5539
Orozco-Segovia, A. 9237
Orr, H. A. 3770
Orrillo, M. 11037-11038
Orshinsky, B. R. 9456
Orson, J. H. 5958
Ortega, A. G. 6753
Ortega, C. 3359
Ortega, M. M. 3478
Ortega, N. 4251
Ortega, R. G. 12579
Ortega-Delgado, M. L. 9616
Ortega-Olivencia, A. 8310
Ortego, F. 12471
Orthoefer, F. 10953
Ortín-Párraga, F. 6671
Ørting, B. 2262
Ortiz, A. C. S. 1354
Ortiz, C. 9081
Ortiz, C. E. 1365
Ortiz, E. 7794, 8814
Ortiz, J. L. 1507
Ortiz, J. M. 2373, 5821, 10052
Ortiz, J. P. A. 7288
Ortiz, R. 567, 1500, 2223, 2235, 3305, 3357, 3886, 3891, 4470-4471, 4474, 4994, 6368, 7827, 7997, 8000, 8812, 8988, 9722, 11898
Ortiz, S. 10395
Ortiz, U. 7795, 8814
Ortíz C., J. 6216
Ortiz Cereceres, J. 5533
Ortíz-Diaz, J. J. 3042
Ortiz Marcide, J. M. 3058
Ortolan, A. 1586
Ortolani, A. A. 1654, 2565, 6982, 11455
Orzáez, D. 6436
Osadjan, M. D. 5570
Osaki, H. 10022
Osaki, M. 12322
Osaki, T. 1405-1406
Osaloo, S. K. 11540
Osanyinpeju, A. O. 391, 6457
Osawa, M. 8548
Osborn, T. C. 4135, 6355, 10109
Osborne, B. A. 1950, 7803
Oscarsson, M. 1042
Oshida, M. 6754
Osman, H. A. 12549
Osmark, P. 3634
Osorio, L. 9226
Ospina, J. A. 3181
Ospina A., J. 3161
Osswald, W. 4294
Oster, U. 11379
Østergård, H. 597, 4503-4504, 8047, 11825, 11954
Osterlund, M. T. 1851
Osterman, J. C. 11741
Osteryoung, K. W. 2769, 8463
Ostrander, B. 5122
Ostroukh, N. I. 1417
Ostrowska, E. 5816, 8233
Ostry, M. E. 11476
Osuji, P. O. 1098, 10943
O'Sullivan, J. 12151
Osuna, D. 10962
Otan, H. 682, 706
Otani, M. 277, 3006, 6256
Otieno, W. 1603
Otim-Nape, G. W. 12479-12481
Ot'kalo, O. V. 7485
Otsamo, A. 11481
Otsuka, K 12492
Otsuki, H. 6251, 10219
Otsuki, Y. 2087
Ott, H. 9628
Ottekin, A. 3936
Otterbacher, A. 524
Otto, K. G. 2633
Otto, S. P. 72
Ottoboni, L. M. M. 4083, 10720
Ottonello, S. 5110
Oualidi, J. E. 4771
Ouazzani, N. 12750
Ouchi, S. 11098
Oudhia, P. 8722, 12261
Ouenzar, B. 11246
Oufattole, M. 11376
Oufroukh 5335
Ougham, H. J. 12279
Ouichou, A. 7287
Oum, J. K. 5574
Oum JaeKyu 5574
Õunmaa, A. 4413
Oura, Y. 4397
Ouwerkerk, P. B. F. 4765, 10424
Ouyang, B. L. 3540
Ouyang, F. 1690
Ouyang, X. X. 6597
Ouyang BenLian 3540
Ouyang XinXing 6597
Ovechkina, O. N. 8110
Ovečka, M. 9045
Ovenell-Roy, K. H. 7442-7443
Overath, R. D. 7948
Overbeek, R. 5968
Overkamp, S. 9859, 10996
Overman, J. L. 12134
Overmars, H. 7819
Overney, S. 11036
Overvoorde, P. J. 59
Ovesna, J. 8449
Ovtsyna, A. O. 1304
Ow, D. W. 9276
Owens, J. N. 1673, 2589, 7030, 10327, 11484
Owens, L. D. 10200
Owens, W. G. 654
Owings, A. D. 11517
Owuor, P. O. 1602, 6914
Oya, S. 1207, 6301
Oyama, T. 9929
Oyamada, Z. 10790
Oyen, L. P. A. 7182
Ozaki, Y. 2291, 7863
Ozawa, K. 7593
Ozawa, M. 8280
Ozawa, S. 7610
Ozawa, T. 5653
Özbek, H. 5691
Özcan, M. 1532
Özcan, S. 5406
Özdemir, A. 9539
Ozdemir, A. 11880
Özdemir, M. 585, 11250
Özdemir, S. 11002
Özek, T. 11620
Özeker, E. 6733
Ozeki, S. 7453
Ozeki, Y. 3136
Özgen, M. 8565, 10648, 11937
Özgür, M. 506
Özgüven, M. 7159, 11606
Ozias-Akins, P. 1105, 8748, 9915, 10770, 12166
Özkan, H. 120, 2848, 3861, 9539
Ozkan, H. 6138, 11880
Özkaraman, F. 1532
Özkaynak, E. 1076
Ozturk, L. 11880
Pääbo, S. 5124
Paal, J. 5859
Paal, T. 3294, 3659
Pabico, J. P. 5950
Pablos, F. 2511
Pacault, D. 8761, 9768
Pace, C. de 9431
Pace, D. K. 10937
Pacheco, C. A. 10934
Pacheco-Covarrubias, J. J. 11439-11440, 12854
Pacini, E. 8421
Pacioni, G. 8396
Packa, D. 9728
Paclt, J. 5656
Pacucci, G. 5014
Pačuta, V. 6909
Paddock, K. M. 5457
Paderina, E. V. 6142, 6187
Padgett, D. J. 1765, 5893
Padha, L. 2665
Padhye, P. M. 5854
Padidam, M. 8128
Padilla, S. 8788
Padma Nambisan 2788
Padmaja, V. 7110
Padmajyothi, D. 11358
Padmanaban, P. 12770
Padmanaban Annamalai 12511
Padmanaban Senthilkumar 6260
Padmanabhan, C. 5143, 9709
Padmavathamma, A. S. 8782
Padmavathi, N. 5717
Padmavati, M. 6075
Padmesh, P. 8356
Padovan, S. 103, 1924, 2861
Padu, E. 9135
Padulosi, S. 3135, 3397, 3409, 3813
Padutov, A. E. 8241
Pae, A. 8947
Pae, D. H. 7915
Pae, S. B. 295, 7634, 8077, 8096
Pae DoHam 7915
Pae SugBok 295
Pae SukBok 7634, 8077, 8096
Paek, K. Y. 804, 12921
Paek KeeYoeup 804, 12921
Paepe, R. de 1615, 2522, 12809
Paes, J. M. V. 9808
Paffetti, D. 8954
Pagani, D. 8594
Pagant, S. 8483
Page, A. M. 2775, 8478
Page, D. 5380
Page, T. 3755
Page-Degivry, M. T. le 4395
Pages, C. 4378
Pagès, M. 1820, 2911, 3391, 9362, 9618
Pagliarini, E. 11119
Pagliarini, M. S. 2919, 3041, 3966, 7481, 12294
Pagnotta, M. A. 864, 970, 3862, 5029, 9431
Pahuja, S. K. 8560
Pai, H. S. 2639
Pai, R. A. 10997
Pai HyunSook 2639
Paillard, S. 965, 4966
Paim, N. R. 3065
Paine, J. A. 1612
Painter, J. E. 2761
Paiva, J. R. de 6760, 10086
Paiva, W. O. de 10084, 10086
Pajevic, S. 1244
Pajić, Z. 7488
Pajuelo, E. 325
Pak, C. H. 3618
Pak, H. Y. 496
Pak, J. H. 7841
Pak ChunHo 3618
Pak HanYoung 496
Pakish, L. M. 12786
Pakrasi, H. B. 9370
Pal, J. P. 11015
Pal, M. 12415
Pala, H. 12601
Palacios, C. 8306
Palacios, N. 5173
Palacios, R. 633
Palai, S. K. 3502
Palasciano, M. 3375, 5584, 9018, 9021
Palauqui, J. C. 32, 2730, 5751
Palazzo, A. J. 1222, 3039, 4107
Palazzolo, E. 1520
Páldi, E. 12112
Palena, C. M. 10494, 11275
Palermo, A. M. 4146
Palese, R. 10311
Palikhe, M. M. 1058
Paliwal, S. K. 2992
Palladino, P. 4935
Palleschi, G. 564
Pallett, K. E. 6093
Pallisgaard, N. 9807
Palloix, A. 12578
Palmberg-Lerche, C. 11456
Palme, K. 905, 1863, 2766, 4833, 6013
Palmer, B. 9777
Palmer, G. M. 11396
Palmer, H. E. 4630
Palmer, J. C. 11399
Palmer, J. D. 2798, 11791
Palmer, K. E. 1230
Palmer, R. G. 2171, 2173, 4179, 5311-5312, 6393, 8768
Palmquist, D. E. 544
Palni, L. M. S. 679
Palomer, X. 6705
Palomino, G. 7129
Palomo, G. A. 5779-5780
Palonen, P. 1476, 2349, 2351
Palopoli, A. 11327
Pálsson, S. 3772
Palta, J. P. 4288, 7743, 8833-8834, 12453
Palukaitis, P. 11390
Palumbo, D. 3231
Palumbo, M. 110
Palupi, E. R. 11484
Palva, E. T. 2240, 4876
Palzkill, D. 1580, 1583-1584
Pamboukdjian, N. 5770
Pamilo, P. 3772
Pamukov, I. 3508
Pan, C. Y. 6711, 9000
Pan, E. F. 5195
Pan, G. J. 2075, 12174
Pan, G. Z. 10265
Pan, H. C. 8286
Pan, J. 634
Pan, J. J. 714, 3542, 6971, 10247-10248, 10260
Pan, K. Y. 4701, 9157
Pan, M. J. 4653, 6054
Pan, Q. H. 12250
Pan, R. C. 3358, 7929
Pan, R. S. 261
Pan, S. M. 8101, 8185
Pan, T. 5729
Pan, X. B. 7627, 8185
Pan, Y. J. 10460
Pan, Z. G. 8916
Pan ChunYun 6711, 9000
Pan EnFei 5195
Pan GuangZhao 10265
Pan GuoJun 2075, 12174
Pan HengChang 8286
Pan JiaJu 714, 6971, 10247-10248, 10260
Pan KaiYu 4701, 9157
Pan MingJian 4653
Pan RuiChi 3358, 7929
Pan RunSen 261
Pan ShiMei 8185
Pan ShiMing 8101
Pan Tao 5729
Pan XueBiao 8185
Pan YingJie 10460
Pan ZengGuang 8916
Panaud, O. 2062, 7557
Panaullah, G. M. 4057
Panavas, T. 2634, 10369
Panbangred, W. 6255
Pancaldi, M. 1442, 6630-6631, 7972
Panchaksharaiah, S. 1116
Pancholy, A. 11599
Panchuk, I. 4250
Panchuk, I. I. 12802
Panda, A. R. 1200, 4066
Panda, B. B. 3203
Panda, H. K. 8893
Panda, K. K. 3203
Pande, K. 4067
Pande, M. K. 10615
Pande, P. C. 6136, 11031
Pandey, A. 1530, 12738
Pandey, D. K. 6279
Pandey, D. P. 5037
Pandey, G. 6622, 8026
Pandey, I. D. 7933
Pandey, K. K. 1530
Pandey, M. P. 1151, 1158, 1174, 2097, 3002, 7566, 8706, 10848, 12208, 12240
Pandey, N. 5435, 5438, 5440, 8722, 9868, 12261
Pandey, P. S. 6279
Pandey, R. K. 6889
Pandey, R. L. 11862, 11952
Pandey, R. M. 9723
Pandey, R. P. 5854

Pandey, S. 8650
Pandey, S. K. 1174, 3002, 4298, 7796, 8706, 11018-11019, 11033, 12208, 12240, 12465
Pandit, R. 288
Pandita, P. N. 9956
Pandiya, N. K. 2937
Pando, F. 8316
Pandya, H. M. 7775
Pandya, K. S. 8702, 12204
Panel, A. 6217
Panella, L. 6910
Panero, J. L. 3561
Panetsos, K. P. 2599-2600
Pang, C. M. 7367
Pang, E. C. K. 4224, 12340
Pang, G. C. 7920
Pang, J. Q. 3551
Pang, Q. H. 7332
Pang, S. 9441
Pang, S. Z. 10361, 11751, 12442
Pang ChunMing 7367
Pang GuangChang 7920
Pang JuQin 3551
Pang QiHua 7332
Pang ShengZhi 11751, 12442
Panigrahi, S. 867
Panikkar, A. O. N. 12865
Panis, B. 2404
Pank, F. 7152, 8355, 10445
Pankaj 11138-11140
Pankaj Kaushal 4141
Pánková, I. 8798
Pánková, K. 4984, 5047
Pannelli, G. 5704
Pannu, P. P. S. 5038
Panouillé, A. 223
Panozzo, J. F. 991, 2851
Pansuriya, A. G. 7775
Pant, C. C. 2649
Pant, D. P. 3493, 11263
Pant, K. C. 7302, 10045
Pant, R. 2144
Pantelides, A. T. 10008
Panthee, D. R. 6573
Panwar, D. V. S. 1176, 8703, 8713, 10831, 12225
Panwar, K. S. 5434
Panwar, V. P. S. 1094
Paoletta, G. 1924, 10658
Paolis, A. de 6926
Paolocci, F. 3962, 7688, 8401
Papa, R. 2876
Papadopoulos, Y. A. 9756
Papadopoulou, P. 4468
Papageorgiou, A. C. 2607, 10330
Papanikolaou, X. 2420, 8012, 12692
Papathanasiou, F. 1339
Papeš, D. 8858
Papineau, D. J. 12323
Papineau, J. 5264, 5267, 8761, 9768, 10925
Papini, A. 11574
Paplauskienė, V. 4105, 5232, 7654
Paplauskiene, V. 3034
Papoutsi-Costopoulou, H. 5356
Papp, I. 4572
Paprštein, F. 6621, 6677-6679, 8974, 11182, 12645
Papworth, D. G. 10414
Pâques, L. E. 11508
Paques, L. E. 2353
Pâques, M. 10326
Paraluppi, S. 8961
Paramjit Khurana 6286, 9029, 11733
Parampreet Kaur 6456
Parani, M. 755, 6260
Parashar, R. D. 12437
Parcerisa, J. 6772
Parchmann, S. 7140
Pardey, P. G. 3665
Pardo, C. 4700
Pardo, J. E. 1399
Pardo, J. M. 2779
Pardo-González, J. E. 1400
Pardos, J. A. 11498
Pardossi, A. 10638
Parducci, L. 8258
Pareek, A. 2116, 2720
Pareek, O. P. 9992
Parentoni, S. N. 9589
Parfenov, A. M. 1599
Parfitt, D. E. 3399, 3416, 10099
Parida, A. 755, 6260, 6408
Parihar, D. S. 9029
Parihar, S. B. S. 12472
Parihar, S. S. 8702, 12204
Parija, P. M. 4238
Parikka, P. 2351
Parish, R. W. 9288, 11745
Parish, S. M. 7442-7443
Parisi, B. 5385
Parisi, L. 6656-6657, 12623-12624
Park, C. B. 7339, 8087, 8094-8095
Park, C. K. 7704-7705, 7753
Park, C. S. 1080, 9486
Park, C. W. 8076
Park, D. H. 9875
Park, D. K. 8828
Park, D. S. 1027, 7338
Park, D. Y. 500
Park, E. H. 6928, 7706-7707
Park, E. J. 442, 6548, 6587
Park, E. Y. 8507
Park, H. G. 5844, 7073, 7912
Park, H. H. 7339, 7455
Park, H. K. 442, 12352
Park, H. S. 7634, 8077, 8096, 8303, 11523
Park, H. T. 6755
Park, H. W. 1118, 7547-7549, 8076
Park, H. Y. 7836
Park, J. B. 8507
Park, J. C. 12352
Park, K. B. 2625, 5869, 8334, 9191
Park, K. C. 8087-8088
Park, K. G. 7455
Park, K. H. 644, 7339, 8078
Park, K. H. *et al.* 8087
Park, K. S. 9791, 10007
Park, K. W. 2255
Park, K. Y. 7706-7707
Park, M. H. 1028
Park, M. S. 644, 8078, 12352
Park, M. W. 1023-1026, 7339, 7455
Park, N. B. 7542, 7584, 10787
Park, N. G. 7548
Park, N. K. 1118, 7547, 7549
Park, R. K. 1117-1118, 1123
Park, S. C. 6928
Park, S. D. 8300
Park, S. G. 7339
Park, S. H. 4603, 8122, 11406
Park, S. J. 6381, 6416-6418
Park, S. K. 7243
Park, S. L. 1028, 11966
Park, S. M. 689
Park, S. O. 2201, 5362
Park, S. T. 7545
Park, S. U. 10426
Park, S. W. 8879
Park, S. Y. 7554
Park, S. Z. 5187
Park, T. D. 1023-1024, 1026, 7783-7784
Park, T. E. 1028
Park, T. S. 1117
Park, Y. D. 2296
Park, Y. E. 3155
Park, Y. S. 5823, 10323, 12893
Park ChangKi 7704-7705
Park ChangKie 7753
Park ChangWhan 8076
Park ChulSoo 9486
Park ChunBong 7339
Park ChungBerm 8087, 8094-8095
Park DaeYoung 500
Park DongSoo 7338
Park DongSu 1027
Park DonKeun 8828
Park EuiHo 7706-7707
Park EulYong 8507
Park EungJun 6548, 6587
Park EunHa 6928
Park HanYong 7836
Park HaSeaung 8303
Park HeeSaeng 8077
Park HeeSeang 7634, 8096
Park HeeWoon 1118, 7547-7549, 8076
Park HoKi 12352
Park HoTae 6755
Park HyoGuen 5844, 7073, 7912
Park HyoungHo 7339
Park HyungSoon 11523
Park JongBum 8507
Park JongCheol 12352
Park KeeChoon 8088
Park KeumYong 7706-7707
Park KiBae 2625, 5869, 8334, 9191
Park KiHun 644, 7339, 8078
Park KiHun *et al.* 8087
Park KuenWoo 2255
Park KwangGeun 7455
Park KyoSun 10007
Park KyuChul 8087
Park KyungSoon 9791
Park MoonHee 1028
Park MoonSoo 644, 8078
Park MoonSu 12352
Park MoonWoong 1023-1026, 7455
Park MoonWoung 7339
Park NamGyu 7548
Park NamKyu 1118, 7547, 7549
Park NoBong 7542, 7584, 10787
Park RaeKyeong 1117-1118, 1123
Park SangGu 7339
Park SangLae 1028, 11966
Park SangUn 10426
Park SeongTae 7545
Park SeongWhan 8879
Park ShinYoung 7554
Park SoDeuk 8300
Park SooMin 689
Park SoonKi 7243
Park SunChung 6928
Park SunZik 5187
Park TaeDong 1023-1024, 1026, 7783-7784
Park TaeEl 1028
Park TaeShik 1117
Park YoungDoo 2296
Parkash Kumar 10133-10134, 10138
Parker, C. D., Jr. 4620
Parker, C. T., Jr. 5968
Parker, J. E. 70, 1877, 6042
Parker, J. S. 4755, 10696, 11652
Parkes, H. C. 10492
Parkinson, M. 4674
Parks, B. M. 925
Parks, C. R. 5838
Parks, N. J. 12852
Parlati, M. V. 11327
Parmaksizian, L. 10089
Parmaksizian, L. S. 3372
Parmentier, Y. 3523
Parnell, L. 11732
Parniske, M. 494, 1390, 7903, 12541
Paroda, R. S. 3141, 12433
Paroda V., R. S. 3140
Parokonny, A. S. 8150
Parr, A. 2530
Parra, A. 10372
Parra, F. 2749
Parra, R. 7074, 7098, 9163
Parra-López, V. 1400
Parra-Tabla, V. 1763
Parrella, G. 11132
Parrott, W. 8442
Parrott, W. A. 3083, 7730
Parry, G. 1863
Parry, M. A. J. 6938, 9094
Parsons, C. E. 8719
Parsons, C. M. 9799
Partap, T. 8419
Parthasarathy, V. A. 1357, 2635, 3447
Parthiban, K. T. 10286
Parthiban, R. 5745
Parthier, B. 2874
Parui, S. 4933
Paruvangada, V. G. 5420
Parvatha Reddy, P. 11139
Parvatikar, S. R. 9639
Parveen, S. S. 2508
Parveez, G. K. A. 6865
Parvery, C. 1470
Pašakinskienė, I. 3034, 4793, 5232, 7653
Pasakinskiene, I. 2134
Pascal, T. 12663
Pasche, E. 10388
Paschold, P. J. 7861
Pascual, H. 11795
Pascuzzi, P. 3534
Paseban-Islam, B. 11855
Pashkoulov, D. 7965, 8157
Pasini, F. 7935
Pasini, R. J. 9823
Pasonen, H. L. 736
Pasotti, P. 7699
Pasquale, F. de 11232, 12694
Pasqualetto, P. L. 9181
Pasquali, G. 1768, 10424
Pasqualone, A. 995, 5008, 9443
Pasquet, R. S. 2218, 4237, 8804, 12435
Pasquini, M. 1924, 1984, 2861, 10600-10601
Pasquis, B. 5287, 5379
Passamonti, F. 820
Passelègue, E. 1549
Passos, L. P. 1107
Passos, O. S. 10074
Pasternak, T. P. 7947
Pastor, M. C. R. 2391
Pastor-Corrales, M. A. 367
Pastori, G. 12814
Pastucha, A. 10975, 12358
Pastuglia, M. 8043
Paswan, L. 1734, 8314, 11539
Paszczynska, B. 170
Paszkowski, J. 2780, 3756, 11735
Pásztor, K. 7500
Pataki, I. 7673
Pataky, J. K. 10722, 12125
Patange, N. R. 6581
Patankar, A. G. 9858, 11003
Pate, G. 11444
Patel, D. R. 5439
Patel, G. M. 12422
Patel, J. C. 10263
Patel, K. B. 10263
Patel, K. N. 5439
Patel, M. C. 7630, 11286
Patel, M. P. 1530
Patel, O. P. 3068, 3129, 9782
Patel, R. 10132, 10137
Patel, R. L. 4298
Patel, S. 55
Patel, S. A. 10170
Patel, S. R. 38, 6019
Patel, U. G. 5781, 10263
Paterson, A. H. 275, 441, 724, 1636, 3541, 4060, 4800, 5202, 5728, 6958, 7624, 9111, 10868
Paterson, H. E. H. 8525
Pathak, A. K. 1120, 3017
Pathak, A. R. 7630
Pathak, C. S. 418, 435
Pathak, P. C. 6136
Pathak, P. K. 10, 3017, 5193
Pathak, V. D. 10263
Pathan, M. S. 6294
Pathania, N. 1980
Patil, A. B. 7768, 9862
Patil, B. D. 2951
Patil, B. N. 9566
Patil, B. R. 1116
Patil, B. S. 9880
Patil, B. T. 5377, 12393
Patil, C. V. 10155
Patil, D. V. 12964

Patil, H. S. 3445, 4535
Patil, J. V. 380-381
Patil, M. R. 725
Patil, R. K. 3474
Patil, S. 3139, 6391, 10820, 10826, 11417
Patil, S. A. 7768, 9862, 9880, 9884-9885
Patil, S. C. 8491
Patil, S. G. 5619, 9046
Patil, S. J. 6957, 9691
Patil, S. R. 3642
Patil, S. S. 7768, 9862
Patil, V. D. 3011
Patil, V. N. 11272
Patil, V. R. 987, 2545
Patil, V. S. 784, 8082
Patkowska, E. 10975
Patnaik, H. P. 12404
Patnaik, S. N. 3563
Patpoor, M. 11964
Patra, A. 3502
Patra, G. J. 5446
Patra, M. 11903
Patra, N. K. 11608
Patrascu, M. 11281
Patrick, J. W. 9833
Pattanavibool, R. 5827
Pattanayak, A. 3001
Pattanayak, D. 875, 9266
Patterson, E. 12038-12040
Patterson, F. 9532
Patterson, V. J. 4674
Pattnaik, S. 3563
Patto Pacheco, C. A. 5123
Patto Ramalho, M. A. 5354, 12379, 12388
Patumi, M. 2473, 11307, 11320
Patzak, J. 8385
Pauk, J. 7422, 10619
Paul, A. 398
Paul, A. K. 6741
Paul, A. L. 6012
Paul, M. J. 6938, 9094
Paul, N. K. 10626
Paul, P. R. 12910
Paul, R. 9417, 10642
Paul, S. 11579, 12713
Paul, S. R. 504
Paul, W. 5675, 6010, 11658
Paula, E. J. de 11640
Paula, J. C. de 10973
Paula, T. J., Jr. de 9826
Paula Júnior, T. J. de 7750, 8791
Paule, L. 4644, 8204
Paulet, F. 5727, 12764
Pauli, U. 2168
Paulin, D. 5748
Paulin, J. P. 3270
Paull, H. 5943
Paulmann, W. 2445
Pauls, K. P. 359, 3103
Paulsen, H. 12395
Paulus, H. F. 10401
Pauly, N. 2752
Pautot, V. 12534
Pauw, P. de 2747
Pauw, R. M. de 11912
Pauwels, E. 6638
Pavan, O. 5706
Pavanello, A. 10043
Pavasia, M. J. 5781, 8175
Pavek, J. 5475
Pavingerová, D. 9217
Pavlenko, Yu. 9065
Pavlica, M. 8858
Pavlish, L. A. 10773-10774, 10776
Pavlov, M. 7478
Pavlova, Z. B. 7211
Pavlović, K. 1962
Pavlovskiĭ, N. 3307
Pavlovskiĭ, N. B. 6699, 10039
Pavlovsky, N. 3307
Pavone, P. 8864
Pavy, N. 369, 11708
Pawan Arora 2940, 9614, 12113
Pawar, S. E. 8774
Pawlicki, N. 2333
Pawłowska, H. 6787
Pawlowski, K. 5758, 10453
Pawlowski, W. P. 1049
Payasi, S. K. 1173, 12733
Paydaş, S. 5586
Payne, J. A. 5660
Payne, T. 8305, 11811
Payne, T. S. 9420
Paynter, C. L. 3274
Paz, M. M. 6484
Paz-Ares, J. 1827
Pazyuk, O. A. 10905
Pè, M. E. 2034, 3396, 4026, 12148
Peacock, J. 6941
Peacock, W. J. 49, 917, 4871, 4889, 6027, 8152, 11721
Peairs, F. B. 9537
Peakall, R. 7063, 9198, 12344
Pear Mohammad 1001, 8585, 11229
Pearce, S. R. 6432
Pearson, G. 5077
Pearson, M. 2129
Pearson, S. 8528
Pearson, W. R. 1378
Peat, W. E. 485
Pecchioni, N. 3909, 6177, 8594, 8600
Pecetti, L. 1233, 6106, 7677
Pech, J. C. 2381, 3256, 4347, 11103
Pechan, T. 9597
Pecina-Quintero, V. 9647
Peck, J. R. 3766
Peck, M. W. 5457
Peck, S. C. 3111
Pedersen, C. 2138
Pedersen, H. Æ. 806
Pedersen, J. B. 11825
Pedersen, J. F. 12154
Pedersen, S. G. 7792
Pedersen, W. L. 12127
Pederson, G. A. 12314
Pedley, L. 7694, 8212
Pedrola-Monfort, J. 10390
Pedros, A. R. 12448
Pedrosa, M. M. 12329
Peek, A. S. 11822
Peel, D. N. Y. 10926
Peer, W. A. 827
Peer, Y. van de 5969-5970
Peeters, A. J. M. 11764
Peeters, N. 8449
Peffley, E. B. 3202
Pegg, K. G. 2407
Pegoraro, D. G. 10607
Pehu, E. 409, 1308, 1328, 2003, 3157, 3159, 4254, 5082, 6475, 9031, 10440, 12408, 12452
Pei, A. 4952
Pei, D. 8637
Pei, H. B. 10457
Pei, M. H. 10299
Pei, X. D. 6269
Pei, Y. 2099, 7349
Pei, Y. L. 7535, 7698
Pei, Z. M. 48
Pei, Z. Y. 7379
Pei Awei 4952
Pei HongBo 10457
Pei XinDe 6269
Pei Yan 2099
Pei YanLong 7535, 7698
Pei ZhenMing 48
Pei ZiYou 7379
Peil, A. 5034, 12863
Peirson, B. N. 6005
Peixoto, J. R. 6506
Pejić, I. 2914, 11215
Pekić, S. 10719
Pekin, S. 10623
Pekrun, C. 6781
Peleman, J. 6580, 12525
Pelica, F. 10587
Pelikán, J. 1214
Pélissier, T. 3235
Pell, E. J. 927, 11774
Pellegrini, M. 11310
Pellegrini, M. G. 493, 5541
Pellegrino, M. 11327
Pelleschi, S. 3979, 10705
Pellet, D. 11267
Pelletier, G. 37, 369, 2754, 3726, 11255
Pelletier, M. K. 9353
Pellio, B. 3940, 11967
Pellow, J. W. 11399
Peloquin, S. J. 5462, 9899, 12450
Pelt, J. A. van 68
Peltier, D. 4742, 7659
Peltier, G. 2241, 9104
Peluzio, J. M. 2176, 2179
Peluzzo, A. 11795
Pemac, D. 3614
Pemonge, M. H. 12871
Pen, L. S. 2985
Pen, S. T. 5778
Pen LiSha 2985
Pen SuoTang 5778
Peña, L. 3359, 8005, 12688
Peña, L. M. 8017
Peña, R. J. 9480
Pena, R. J. 7381
Peña-Cabriales, J. J. 364
Peña-Chocarro, L. 3816
Peña-Cortés, H. 3244, 3553
Peña-Valdivia, C. B. 6216, 12380
Peñaloza, E. 12336
Peñarrubia, L. 20
Peñas, M. M. 7172, 8397
Pendleton, B. B. 2701, 10760, 10763
Penel, C. 11164
Peng, C. I. 1909, 2626
Peng, D. L. 5333
Peng, D. X. 8191
Peng, H. P. 9334
Peng, J. 6511, 6620
Peng, J. H. 8593
Peng, J. R. 2764, 6031, 10587
Peng, K. M. 9664
Peng, L. S. 257
Peng, M. 11087, 12523
Peng, P. 3496
Peng, R. H. 794
Peng, S. 1188, 5155
Peng, S. B. 1165
Peng, S. Q. 12254
Peng, W. S. 3107, 3228
Peng, X. S. 2983
Peng, X. Y. 11021
Peng, Y. 10737
Peng, Y. H. 4161, 5303, 6394
Peng, Y. L. 4074, 12248
Peng, Z. B. 5097, 7480
Peng, Z. D. 733, 2701
Peng, Z. S. 3844, 4942
Peng ChingI 1909, 2626
Peng DeLiang 5333
Peng DingXiang 8191
Peng HsiaoPing 9334
Peng Jing 6511, 6620
Peng JinRong 2764, 6031, 10587
Peng KaiMan 9664
Peng LiSha 257
Peng Ping 3496
Peng RiHe 794
Peng ShaoBing 1165
Peng ShaoQiu 12254
Peng WenShan 3107, 3228
Peng XiangYin 11021
Peng XiaoSong 2983
Peng YouLiang 12248
Peng YuHua 4161, 5303, 6394
Peng YunLiang 4074
Peng ZeBin 5097, 7480
Peng ZhengSong 3844, 4942
Peng ZuoDeng 733
Pengelly, B. C. 9742
Penger, A. 959
Pengue, W. A. 1281
Penheiter, A. R. 6391
Penmetsa, R. V. 6350
Penna, D. D. 1839
Penna, J. C. V. 6968
Penner, G. 3554
Penner, G. A. 1305, 2882, 5393, 6168, 6186, 9439
Penninckx, I. A. M. A. 2783-2785, 3763
Pennington, R. E. 11483
Pennisi, A. M. 581
Pennisi, E. 2808
Penrose, D. L. 7179-7180
Pental, D. 1545, 3548
Pentangelo, A. 3152, 11118
Penzes-Yost, C. 1770, 10426, 11260
Pépin, M. F. 5610
Pepin, R. 6004, 9300
Pepper, S. 10290
Pepperman, A. B. 5720-5721
Pepponi, F. 6553
Peracchia, G. 9618
Perales, H. 3665
Peralta, H. 5643
Perazza, D. 9342
Percich, J. A. 12400
Percival, A. E. 12846
Percival, A. L. 2769
Percival, G. C. 2244
Percy, R. G. 4614, 8172, 11395
Perdomo, E. 2266
Pereira, A. 10211, 11660, 11764
Pereira, A. A. 12794
Pereira, A. F. 1490
Pereira, A. S. da 6486
Pereira, A. V. 4122, 10903
Pereira, J. C. V. N. A. 12373
Pereira, J. F. M. 12637
Pereira, J. R. 5789, 6966
Pereira, J. S. 10934
Pereira, M. G. 5392, 5413, 7744
Pereira, M. J. 2364
Pereira, P. A. 1288
Pereira, P. R. G. 7910
Pereira, R. T. L. 11640
Pereira Filho, I. A. 6428
Perelló, A. E. 1978, 10639
Perennes, C. 4579
Perenzin, M. 99, 1924, 10600-10601, 10658
Perera, I. Y. 11727
Perera, L. 6866
Peres, A. 9603, 10699
Peretz, S. 9171
Perez, C. 5784
Perez, F. 9895
Pérez, G. 8397
Pérez, I. 1783
Pérez, J. 10085
Pérez, N. 8681, 8683
Perez, P. 5109
Perez, P. P. 6027
Pérez, R. M. 11233
Pérez, Y. M. 5491
Pérez-Alfocea, F. 1388
Pérez-Alonso, M. 9332
Pérez-Alonso, M. J. 10078
Pérez-Amador, M. C. 3986
Pérez-Callejón, E. 8471
Pérez de la Vega, M. 5403
Pérez Lezcano, A. 7359, 7362
Pérez Tabares, F. 7829
Pérez Talavera, S. 7356, 7359, 7362, 7829
Pérez-Tornero, O. 6671
Pérez-Vendrell, A. M. 6169
Pérez-Vicente, R. 4525, 11280, 11615
Pérez-Vich, B. 6849, 6855
Periam, N. 6633
Périer, R. C. 5980
Perkátai, K. 8153
Perkins, H. H. 12848
Perkowski, J. 11958
Perl-Treves, R. 6600, 7917, 11160, 11652
Permingeat, H. R. 11420
Pernas, M. 3395
Péron, J. Y. 3186, 3653
Perotto, S. 12397
Perović, D. 1962
Perovic, D. 5066
Perpète, P. 8388
Perret, M. 2379
Perri, E. 11312, 11327
Perri, L. 11317, 11331
Perrin, R. M. 9324

Perrino, P. 3135, 3813, 5941, 6059, 9465
Perrot-Rechenmann, C. 2529
Perrotta, C. 11881
Perry, D. J. 1683
Perry, K. 9532
Perry, K. L. 11926
Perry, M. D. 4565, 8119
Perry, S. E. 8521
Persello-Cartieaux, F. 3724
Pershin, A. F. 8062
Pershina, L. A. 7321, 11840
Persley, G. J. 8409
Persson, B. 8255
Persson, H. A. 801, 3352
Persson, K. 2651, 3947, 10394
Persson, L. 9175
Persuric, D. 3324
Persuric, M. 3324
Perugini, I. 6257
Perveen, A. 330-331
Perveen, Z. 5022
Peshattiwar, P. D. 11416
Peskircioglu, M. 11937
Pesole, G. 5971
Pessel, F. D. 7206
Pessino, S. C. 7288
Pester, T. A. 5956
Pestsova, E. G. 2827
Peteira, B. 5942, 12542
Peter, A. J. 7778
Peter, K. V. 8369, 12960
Peter, S. 8137
Peter, S. O. 12805
Peterbauer, C. K. 4488
Peterka, H. 8861
Peterlunger, E. 557, 12658
Peters, A. D. 7266
Peters, A. H. L. J. 11106
Peters, J. L. 2299, 3237
Peters, J. S. 477
Peters, R. D. 11042
Peters, W. S. 7438
Peters-Kottig, M. 10529
Peters-Robinson, I. 3558-3559
Petersen, G. 2009, 2796, 8518
Petersen, H. D. 1540, 12251
Petersen, J. 9258
Petersen, M. A. 4377, 9905
Petersen, S. G. 2738, 10202
Peterson, C. J. 4974, 7420, 8572, 11846, 11873
Peterson, C. M. 12324
Peterson, D. 12094
Peterson, D. G. 1378, 9966
Peterson, D. J. 10698
Peterson, G. 3935
Peterson, G. C. 2701, 10749, 10760, 10763
Peterson, P. M. 3042, 12300
Peterson, S. J. 544
Peterson, T. 2040, 3963, 11992
Pethani, K. V. 10172
Pethe, C. 5104
Pethe, V. V. 3053
Pétiard, V. 4355, 5911, 9080, 10209-10210, 10576, 11117
Petit, C. 309, 10571, 10579
Petit, J. 5522
Petit, R. J. 12680, 12871
Petit-Conil, M. 4648
Petkov, P. 4132
Petkov, Z. 3345
Petkova, A. 9095
Petković, B. 1244
Peto, C. A. 43
Petr, J. 10621
Petrakis, C. A. 2475
Petrauskas, P. 2819
Petreikov, M. 12532
Petrenko, I. A. 7981
Petria 12991
Petrini, A. 107
Petroni, K. 1827
Petropoulou, S. P. 1424
Petrova, M. 7889
Petrova, N. 5031
Petrova, T. V. 6433
Petrović, R. 8923
Petrovic, S. 4992
Petrucco, S. 5110
Petruzzelli, L. 2527
Petruzzi, G. 5584
Pett, W. L. 7815
Petterson, J. 10679
Pettersson, M. W. 4920
Peumans, W. J. 1818, 3698, 6738, 8330, 9925
Peuša, H. 9457
Peusha, H. 976, 6142, 8586
Peyronnet, C. 6440-6441
Pfaff, T. 5410
Pfannhauser, W. 12602-12603
Pfannschmidt, T. 3705, 8056
Pfeffer, E. 12877
Pfeiffer, F. 3717, 5967
Pfeiffer, P. 3093
Pfeiffer, W. H. 971
Pfeilsticker Zimmermann, F. J. 2198
Pfitzner, U. M. 8878
Pflüger, L. 4979
Pflüger, L. A. 5009
Phaly, T. 12578
Pham, J. L. 4016, 5157, 6264, 8429
Pham-Delègue, M. H. 4519
Pham Hoang Ho 7301
Pham Van Du 12241
Phan, T. N. 370
Phan-huy, S. A. 12265
Phan Van Khien 10450
Pharis, R. P. 6817
Pharr, D. M. 11386
Phelps, K. 456
Phengrasamy, N. B. 8890
Philbeck, R. 9375
Philip, R. 348
Philip, S. 12967
Philip Stone 6826
Philippeau, C. 5118, 8651, 10713
Philipps, A. 9146
Philipps, G. 63, 2521
Philley, H. W. 6333
Phillips, A. 4767, 7135
Phillips, A. L. 1854, 4887
Phillips, M. S. 4306
Phillips, R. L. 189, 5094, 6183, 8622, 12074, 12099
Phillips, S. 2269
Phillips, W. 9972
Phippen, W. B. 1781
Phipps, J. B. 11187
Phipps, P. M. 4541
Phreaner, C. G. 2019
Phunchindawan, M. 9221
Phytoparasitica 12990
Pi, M. M. 2462
Pi MeiMei 2462
Pianezzola, A. 8997
Piano, E. 7677
Piao, H. L. 6041, 10545
Piao, R. Z. 12147
Piao HaiLan 6041, 10545
Piazza, C. 5249
Picard, E. 7287, 7331
Picard, G. 28
Picard-Nizou, A. L. 4519
Picaud, S. 12675
Picazo, M. L. 2572
Piccioni, E. 820
Piccioni, I. 109
Piccoli, G. 9225
Pich, U. 4324
Pichersky, E. 12920, 12972
Pichitporn, S. 3133
Pichot, C. 10331
Pickard, B. G. 6030
Pickardt, T. 2160
Pickett, F. B. 10564
Picó, B. 11796
Pidkowich, M. S. 9330
Piedade, S. M. S. 4165
Piedras, P. 1390, 4592, 5542
Pielage, G. 9302
Pien, F. M. 192
Pien FangMei 192
Pienaar, B. L. 3135
Pieper, K. 9380
Piepho, H. P. 9248
Pierce, M. L. 4374
Pieretti, I. 5748
Piergiovanni, A. R. 5401, 6411, 9497
Pieri, S. 8057, 8066
Pierotti, L. 5350
Pierre, J. 596, 8038
Pierre, J. S. 1020, 11928
Pierrès, D. le 8117
Pierronnet, A. 8969
Pięta, D. 10975, 11957
Pieterse, C. M. J. 68, 9251
Pietersma, M. 11023
Pietilä, L. 3157, 6475
Piętka, T. 6799, 6815, 6830-6831, 6842
Pietrak, J. 12459
Pietro, A. di 5493, 7844
Pietro, J. P. di 1020, 11928
Pietsch, K. 10107
Piffanelli, P. 3939
Pigaglio, E. 4582
Pighini, M. 11308
Pigliucci, M. 1843, 3752, 7254
Pignone, D. 2217, 5340, 9759, 10406
Pih, K. T. 6041, 10545
Pih KyeongTae 6041
Pih KyoungTae 10545
Pihlaja, K. 9208
Piir, R. 3353
Piironen, V. 10679
Pikaard, C. S. 2739, 10104
Pike, L. M. 9930
Pikula, A. 10369
Pilarczyk, W. 4813
Pilate, G. 4648
Pilbeam, J. 11575
Pilbout, S. 5965
Pilet, M. L. 626
Pillai, B. 3139, 3430, 3466, 3477, 11411
Pillai, M. A. 3547
Pillai, P. R. U. 2788
Pillai, R. S. N. 12963
Pillai, V. S. 12961
Pilon, M. 924
Pilon-Smits, E. A. H. 4510, 4517, 10205
Pilowsky, M. 5545, 11134
Pilu, R. 12071
Pimakhov, A. P. 6060
Pimenov, A. V. 8195
Pimentel, E. 1078, 3184
Pimentel, F. A. 10454
Pimpl, P. 9313
Pina, J. A. 3359, 8005
Piña del Valle, A. 8628
Pinaki Acharyya 6577
Pınar, N. M. 6318-6319
Pinas, J. E. 6039, 7241
Pinault, M. 5568
Pindel, A. 8888
Pineada, O. 4307
Pineda, M. 10962
Pineda-Krch, M. 10578
Piñeiro, M. 918, 5750
Pinel, A. 2124
Pinel, M. 11780
Pinelli, P. 10166
Piñero, D. 5793, 7023
Pinet, C. 12624
Ping, W. 2104
Ping Shen 5225
Ping Wu 2104, 7581
Ping Yang 8634
Pingali, P. L. 3665
Pinheiro, B. S. 9706
Pink, D. 9255
Pink, D. A. C. 456, 11076, 11076
Pinkerton, S. D. 8086
Pinnegar, A. E. 456
Pinney, K. 11318
Pinnisch, R. 3953
Pinnschmidt, H. O. 11954
Pino, A. M. del 8057
Pino, J. A. 6753
Pino, S. 7699
Pinochet, J. 11227
Pinson, S. R. M. 275
Pinthus, M. J. 1956
Pinto, B. de 5965
Pinto, C. A. B. P. 6476, 8813
Pinto, J. E. B. P. 2311
Pinto, M. 9081
Pinto, Y. M. 12257
Pinto-Carnide, O. 6079
Pintor-Toro, J. A. 2243
Pintro, J. 1089
Pinyopich, A. 10536
Pio, R. M. 2412, 9013
Piola, F. 207, 5830
Pionneau, C. 4669
Piotrowska, A. 6844
Pious Thomas 9988
Piovani, P. 757
Piovesan, G. 9131
Piqueras, R. 4910
Piralov, G. R. 12087-12089
Pirani, J. R. 10087
Pirazzi, P. 8157
Pirela, G. 6338
Pires, J. C. 2466
Pirinen, H. 5601
Pırlak, L. 7949
Pirlak, L. 8977
Pirola, B. 6630
Pirola, L. H. 5354
Pirozi, M. R. 998
Pirtle, I. L. 11410
Pirtle, R. M. 11410
Piruzian, E. S. 8124
Pisabarro, A. G. 7172, 8397
Pisanu, A. B. 8875
Piskun, S. G. 5543
Pistorale, S. 5241
Pistorius, E. K. 889
Pisupati, B. 6274
Pita, J. M. 3568, 5821
Pitchaimuthu, M. 9993
Pither-Joyce, M. 5394
Pither-Joyce, M. D. 3109
Pitrat, M. 4378, 12586, 12596
Pitts, R. J. 6015
Pívalová, J. 4444
Piya Duangpatra 2254
Pla, L. 5511
Pla, M. 2573
Plader, W. 1415
Plaisted, D. 12132, 12138
Plaisted, R. L. 5457
Plana, J. 5702
Planchais, S. 4579
Planchot, V. 10659
Planchuelo, A. M. 5266, 10915
Plant, Á. L. 12537
Plant, A. L. 9979
Plas, L. H. W. van der 781
Plaschke, J. 114
Plaskitt, K. 2530
Plastino, E. M. 8406
Platani, C. 10633
Platon, I. 12644
Platt, H. W. 11042
Platt, W. D. 11436
Plaxton, W. C. 11380
Płażek, A. 6330
Pleban, T. 7454
Plekhanova, M. N. 3347, 3354
Plessis, H. F. du 3166, 6488
Plestenjak, A. 8656
Plewa, M. J. 10228
Plich, H. 8963
Plicher, C. D. 3989
Pliego, F. 6569
Pliego-Alfaro, F. 12668
Plieske, J. 1556
Plieth, C. 10552-10553
Plocek, A. 2671
Plocharski, W. 8965
Ploetz, R. C. 12684
Plomion, C. 2571, 4442, 4669, 8197
Ploper, L. D. 3090, 3097, 7726
Plotnikov, V. K. 6224, 7317
Plotnikova, J. M. 1879
Plotnikova, Y. M. 8506
Plourde, A. 3578
Plowman, A. B. 6841
Pluchard, P. 10670
Plücken, H. 39
Pluhár, Z. 11616

Plummer, J. A. 1433, 11617
Plyasova, N. K. 8111
Pobezhimova, T. P. 1971
Poch, H. L. C. 1882
Pocsai, K. 8844
Poddar, R. 1578
Poddar, S. 8360
Pødenphant, L. 10936
Podgornaya, O. I. 882
Podila, G. K. 11475
Podini, D. 2887
Podkolodnaya, O. A. 5979
Podkolodny, N. L. 5979
Podkowinski, J. 6369
Podlich, D. W. 6133
Podstolski, W. 8459
Poduval, M. 3450
Poggio, L. 2029-2030, 4146, 12022
Poghosyan, Z. P. 5705, 10164
Pogna, N. E. 2850, 9494
Pohl-Orf, M. 6911, 12777
Poĭda, V. B. 8672
Pointe, C. 3979
Poirier, Y. 896, 11660, 11698
Poisson, C. 9084
Poitel, M. 8197
Pokorny, J. 11908
Polacco, J. C. 4872, 10550, 10947
Polacco, M. 11984, 12005
Polák, J. 4444, 6539, 12661
Polci, P. 12295
Polezhaev, S. L. 6224
Polgár, Z. 4300
Polgar, Z. 5472
Poli, C. H. E. C. 7684
Poli, M. 105, 1924, 7508
Polidori, E. 8393, 9225
Polidoros, A. N. 2017, 10707
Polignano, G. B. 6407
Poliksenova, V. D. 5543
Politeski Morissette, J. C. 609
Polito, V. S. 11318
Politov, D. V. 763
Politz, O. 6161
Polizzi, E. 973, 3437
Poljak, M. 8149
Poll, L. 9905
Pollacsek, M. 209, 5122
Pollak, E. 7269
Pollak, L. M. 193, 5120
Pöllänen, E. 3603, 11535
Pollard, N. 10923
Pollard, N. J. 5284
Pollaschek, C. 4127
Polle, A. 5806
Pollet, B. 4648
Polley, A. 1379
Polley, H. W. 11483
Pollmann, K. 3793
Pollner, S. 7845, 8862-8863
Pollock, C. J. 304
Polo, M. C. 7988
Polonetskaya, L. M. 5792
Półtorak-Kądziołka, A. 768
Polyakov, A. V. 5791
Poma, A. 3981, 8396
Pomar, K. P. 1949
Pomortsev, A. A. 7434, 7449
Pompeu, A. S. 12386
Pompeu, J., Jr. 4482
Pompeu Júnior, J. 2412, 2421, 2426-2427, 9013
Ponce, M. R. 11736
Poncet, V. 2952
Ponchet, M. 5770
Poncu, J. 3248
Pong-Wong, R. 5936
Pongrat, A. 3432
Ponitka, A. 5233
Ponnusamy, A. S. 12205
Ponnuswami, V. 11089, 12559
Ponnuswamy, A. S. 1132, 1136
Ponnuswamy, V. 12558
Ponomarev, A. G. 1319
Pons, R. 101
Pont, M. 7980
Pont-Lezica, R. F. 2752
Pontécaille, C. 5287
Pontes Nunes, R. de 5115
Pontier, D. 871, 10231
Pontti, M. R. 9156
Pónya, Z. 4978
Ponz, F. 1882
Pool, M. 9341
Poole, A. T. 6323
Poole, N. J. 1915
Pooler, M. R. 8276
Pooni, H. S. 1560, 1650, 4798, 5997, 6247
Poor, A. H. 6096
Pooran Chand 10617
Poovaiah, B. W. 2523, 10396
Popa, M. 9407
Popandron, N. 3204-3205, 3208
Popendikytė, V. 3794
Popławska, W. 6800
Popov, A. S. 11205
Popov, R. 7501
Popov, S. I. 6768
Popov, V. N. 7495, 11282
Popova, O. M. 4970
Popović, M. 1569
Popović, R. 7488
Poppy, G. M. 6833
Populer, C. 6652
Porceddu, E. 970, 3862, 5033, 5052, 6086, 6088, 6144, 9431, 9495
Porchas, M. 4483
Porebski, S. 5614, 10046
Porfiri, O. 107, 1795, 1924, 2820-2821, 2896, 3813, 3819, 10591
Pornon, A. 12901
Porqueddu, C. 7646
Porretta, S. 11116
Port, H. A. 12096
Porta-Puglia, A. 2001, 5291, 5429
Portaluppi, P. 2290
Portela de Carvalho, C. G. 7334
Portelance, C. 8755
Porter, D. M. 4541
Porter, D. R. 2701, 3880, 7420, 11968
Porter, N. G. 845
Porter, R. A. 296
Portetelle, D. 5468
Portis, E. 5349, 11152, 12569
Portyankin, D. E. 5792
Portyanko, V. A. 177
Poschenrieder, C. 4208
Poshiya, V. K. 8175
Pospíšilová, D. 7985
Possingham, J. V. 3316
Post-Beittenmiller, D. 3725
Posthumus, F. 9978
Postlethwait, J. 10564
Postma-Haarsma, A. D. 4040
Pot, D. 4669
Potaczek, H. 6564
Potapova, T. A. 7461
Potemkin, O. N. 7026
Potenko, V. V. 3576
Potenza, L. 1790, 7171, 8393, 9225, 11628
Potes, M. F. 11322-11323, 11329
Poth, H. 4357
Pothen, J. 12866
Potokina, E. 6410, 10912
Potrykus, I. 5164, 6084, 8424, 8618, 9667
Potter, D. A. 1725
Potter, J. W. 2360, 12673
Potter, R. H. 136
Potter, T. 6838
Potting, R. P. J. 6833
Potts, B. M. 6990, 10290, 11463, 11465
Potůček, O. 3623
Poucke, K. van 8441
Pouénat, M. L. 12811
Pouget, R. 2383
Poukkula, M. 9568
Poulev, A. 9264
Poulsen, A. D. 8349, 11542
Poulsen, C. 5270, 10936
Poulsen, G. S. 5741
Poulsen, T. S. 10510
Poulsen Roser ApS 7080
Poulton, J. E. 6687
Poupet, A. 5770
Povalyukhin, M. I. 1599
Poveda, E. G. 1539
Poveda, J. L. 8773, 10956
Poverene, M. M. 1226
Powell, A. A. 1316
Powell, G. 9226
Powell, G. K. 1860
Powell, M. 8309
Powell, W. 176, 2193, 3366, 4766, 5055, 5079, 6157, 6173, 6866, 6881, 7017, 8598, 11492
Powelson, M. 5475
Power, A. B. 1704
Power, J. B. 1318, 1854, 3781, 4400, 4495, 4565, 4567, 4633, 4676, 4719, 4767, 4805, 5093, 5905, 7135, 8119, 8869, 11077, 12519, 12521
Powles, S. B. 5667, 6838
Poysa, V. 6381
Poyser, S. J. 1296
Pozhidaev, A. E. 2794
Pozo, A. del 9934
Pozo, J. C. del 9359, 10541
Pozo, O. del 702
Pozueta-Romero, J. 7906
Pozzi, C. 154
Prabagaran, S. R. 1136, 12205
Prabakaran, A. J. 10182
Prabhakar Singh 1537
Prabhu, A. S. 2122
Prabhu, K. V. 1557
Prada, J. M. de 6452
Pradeep, A. K. 2683
Pradeep Kachroo 4908
Pradhan, A. 6785
Pradhan, A. K. 599
Pradhan, B. 6845, 12732
Pradhan, C. 3563
Pradhan, S. B. 9674
Pradhan, S. K. 3501, 4622, 10272
Prado, E. 10031
Prados-Ligero, A. M. 12500
Praekelt, U. M. 8454
Prakash, A. H. 8082
Prakash, B. G. 3461
Prakash, C. S. 4317, 7213, 7793, 10168
Prakash, G. P. 1657
Prakash, H. S. 5144, 8679
Prakash, N. S. 11241, 11358, 12789
Prakash, S. 605, 1546, 2448, 2456, 6769, 10272
Prakash, V. 5441
Prakash Lakshmanan 7294
Pramanick, K. K. 9927
Pramanik, S. 5968
Pramanik, S. C. 9704
Pramila Gupta 12364, 12439
Pramod Tandon 4574
Praparat Hormchan 3133
Prasad, A. B. 1994
Prasad, C. 9910-9911
Prasad, G. S. V. 1185
Prasad, K. 652
Prasad, K. V. H. 3806
Prasad, M. 11834, 11868
Prasad, M. B. N. V. 12696
Prasad, M. N. R. 3474
Prasad, M. S. 4239
Prasad, M. S. L. 4239
Prasad, M. V. R. 3470, 9641
Prasad, N. S. 4663
Prasad, P. R. 12697
Prasad, R. B. 288, 1058, 6063, 6248
Prasad, R. N. 9206
Prasad, T. G. 6078, 8082
Prasad, T. R. G. 11603
Prasad, Y. 12403
Prasannalatha, C. H. 6456
Prasert Chatwachirawong 2254
Prashanthi, S. K. 1014
Prášil, I. 7396, 8539
Prášilová, P. 7396, 8539
Prat, D. 8263
Prat, L. 1580, 1583-1584
Prat, S. 46, 5458, 9900, 12527
Pratibha, R. 12260
Prats-Moya, M. S. 6764-6765
Pratt, L. H. 3237, 6166, 11109
Pratt, R. C. 6227
Pratt, R. G. 320, 2149
Pray, C. E. 2958
Praz, G. 554
Predieri, S. 3275, 8936-8937
Preetha, N. 10288
Preez, R. du 8027
Preis, C. 6179
Preisig-Müller, R. 4671, 6611
Preiss, J. 1332
Preiti, G. 5401
Prem Narain 3674
Prema Manapure 3139
Premachandran, M. N. 5730, 8103
Premakumari, D. 12865
Premanand Das 11604
Premananda Das 1104
Prendergast, H. D. V. 4496
Presl, K. B. 5683
Presley, J. 11422
Pressoir, G. 2125
Prestage, S. 11104
Préstamo, G. 6516
Prestes, A. M. 7351
Presting, G. 10586
Presting, G. G. 2873
Preston, C. 5667, 6838
Pretorius, Z. A. 11917
Pretová, A. 5309
Preťová, A. 9567
Preuss, D. 9344
Previtali, F. 10714
Previti, P. 1786
Prevost, A. 4255
Prévost, G. 4309
Prevost, G. 8420, 11305
Pribék, D. 4299
Price, D. 8141
Price, E. A. C. 12994
Price, G. D. 8145, 9096
Price, H. J. 1636, 2469, 9389
Pridgeon, A. M. 10405
Priester, W. de 5058
Prieto, L. M. 12926
Prieto-Dapena, P. 5692
Prieto-Samsonov, D. L. 2486
Priilinn, O. 976, 9457
Prikhshayat Singh 1952
Prima, G. di 110, 2861, 5401
Primack, R. 3620
Prime, T. A. 33
Primikirios, N. I. 11216
Pring, D. R. 4000, 5136, 7511, 8668
Pringle, G. J. 1497
Prins, M. 5548
Prins, R. 6145, 9436
Prinzivalli, C. 5563
Prioletta, S. 4533
Prior, A. 11583
Prior, F. 12801
Prioul, J. L. 3979, 10705
Priti Krishna 9980
Pritoni, G. 5663
Pritsa, T. 11321
Priya Sriraman 14
Priyadarshan, P. M. 12866
Procaccini, G. 2685
Procopiuk, A. M. 5004
Procter, C. M. 6038
Procunier, D. 3554
Procunier, J. D. 6978, 12860
Prodanović, S. 1962, 4991, 9460, 11876
Prodanovic, S. 5066
Prodhan, A. K. M. A. 9683
Proebsting, W. M. 9405
Proeftuinnieuws 4342
Proft, M. P. de 8871, 9958
Prohens, J. 1535, 5564, 10082
Prokhorova, S. V. 9588
Prokopovich, E. L. 4967
Proksch, P. 1735

Promila Gupta 1771
Prończuk, M. 10684
Pronier, V. 1470, 4442
Proscevičius, J. 3669, 4260
Prosperi, J. M. 4133, 5253, 6344, 9751, 12273, 12303, 12307
Prosser, F. 4737
Prosser, I. 6370
Protected Plant Promotions 7050, 7087, 7105-7107
Protić, N. 2855
Protić, R. 1962, 2855, 3872
Protich, N. 2855
Protich, R. 2855, 3872
Protopapadakis, E. 2420, 8012, 12692
Proudlove, M. O. 7445
Proust, J. 4580
Provan, J. 6157, 6866, 6881, 7017, 8598, 11492
Provine, W. 11686
Provine, W. B. 11686
Prowell, D. P. 929
Pruitt, R. E. 11754
Pruneddu, G. 242-243, 9657, 9702
Prunet, J. P. 8031
Prus-Głowacki, W. 1695, 8240
Prusti, A. M. 6859-6860, 7526-7527
Pryor, A. 2050
Pryor, T. 12126
Przybylska, J. 327, 3094, 9773
Przywara, L. 4467, 11221
Pshenichnikova, T. A. 4970
Ptáček, O. 10228
Pu, H. M. 4507, 5668-5669, 8040
Pu, Z. J. 7349
Pu HuiMing 4507, 5668-5669, 8040
Pua, E. C. 7123, 11256
Pua EngChong 7123, 11256
Pucci, P. 9225
Puchta, H. 692, 10499, 11740, 12808
Puddephat, I. 4643, 9255
Pudelska, H. 9413
Puech, S. 4771, 9766
Puecher, D. I. 1226
Pueyo, E. 7988
Pugliesi, C. 3437, 8064, 11283
Puglisi, P. 8503
Puhalsky, V. A. 8617
Pühler, A. 4598, 7209
Pui, A. Y. 62
Pui AuYeung 62
Puigderrajols, P. 2573
Puigdomènech, P. 897, 7471, 7486, 11343
Puigdomenech, P. 11989
Puite, K. 6634
Pujar, S. 148
Pujol, G. 8471
Pujolà, M. 2196, 6425
Pukhal'skiĭ, V. A. 7418-7419, 7449
Pukhal'sky, V. A. 10650
Puleo, G. 3360
Pulido, I. 10371
Pullaiah, N. 3262
Pullaiah, P. C. 7110
Pullaiah, T. 1255, 5281
Pulliam, D. A. 11268
Pullman, G. 5812
Pun, K. B. 12256
Pun, U. K. 11538
Pundeva, R. 9095
Punia, R. C. 984, 8669
Punina, E. O. 1638, 8332
Punitha, D. 7569, 8176
Punzalan, G. 2113
Punzalan, G. C. 286
Puolimatka, M. 2003, 10619
Pupillo, P. 5107
Puppala, N. 3556
Puppo, A. 4126
Pupulin, F. 1761
Purandare, N. D. 6581
Purar, B. 5128, 7501
Purcell, J. 11433
Purchase, J. L. 1955
Purcifull, D. E. 4377
Puri, S. 7008, 7008, 10276, 10278, 10476
Purugganan, M. D. 4863, 11771
Purushotham, M. G. 8082
Purushotham, S. 9739, 9747
Purushothaman, R. S. 1593, 4553, 11346
Purwantara, A. 12724
Pusch, I. 12049
Pusch, O. 7739
Pusey, P. L. 4409
Pushpa Kumari 10839
Pushpa Yadav 4944
Pushpalatha, T. 9709
Pushpangadan, P. 8356
Puskás, A. 2038
Pustovoitova, T. N. 12092
Putenikhin, V. P. 8261
Putievski, E. 7150
Putnoky, P. 57
Putter, H. de 1420
Putterill, J. 3738
Puttick, D. 628
Putyrskiĭ, I. N. 9562
Puzone, L. 8434, 9230
Pwee, K. H. 2085
Pwee KengHock 2085
Pyke, K. A. 7275, 8463, 8478
Pylatuik, J. D. 4866
Pyo, J. H. 279
Pyo JaeHie 279
Pyon, J. Y. 12147
Pyryt, B. 7809
Pysh, L. D. 7219
Qaiser, M. 330-331
Qamaruz-Zaman, F. 4755
Qettler, G. 6190
Qi, A. 4182-4183
Qi, C. K. 2461, 4507, 5668-5669, 8040
Qi, F. L. 12638
Qi, G. M. 6711, 9000
Qi, H. X. 10865
Qi, J. 7995
Qi, J. M. 261
Qi, L. L. 1941, 10612, 11842
Qi, M. 771, 4680
Qi, N. 7696
Qi, Q. L. 7504
Qi, W. Q. 8361, 11532
Qi CunKou 2461, 4507, 5668-5669, 8040
Qi FengLian 12638
Qi GiuMei 6711
Qi GuiMei 9000
Qi HuaXiong 10865
Qi JianMin 261
Qi Jie 7995
Qi LiLi 10612
Qi Ming 771, 4680
Qi Ning 7696
Qi QiaoLi 7504
Qi WenQing 8361, 11532
Qian, B. 2174
Qian, H. R. 1124
Qian, J. 3040
Qian, Q. 6289, 7567, 9671, 9719
Qian, W. 8237
Qian, W. P. 7366
Qian, X. F. 613, 10125
Qian, X. M. 1019, 2869
Qian, X. X. 6081
Qian, X. Z. 2458
Qian, Y. Q. 7714, 8201
Qian, Y. T. 11924
Qian, Z. L. 505
Qian, Z. X. 8131
Qian Bo 2174
Qian Jie 3040
Qian Qian 7567, 9671, 9719
Qian Wei 8237
Qian WeiPu 7366
Qian XiaoFang 613, 10125
Qian XiaoXi 6081
Qian XiuZhen 2458
Qian Yang 3598
Qian YingQian 7714, 8201
Qian YouTing 11924
Qian ZhiLong 505
Qian ZhongXing 8131
Qiang, L. 2046
Qiang, X. J. 8163
Qiang Liu 2046, 8652
Qiang XueJie 8163
Qiao, A. M. 2442
Qiao, Y. X. 7323
Qiao AiMin 2442
Qiao JianLi 8163
Qiao YanXiang 7323
Qin, B. Y. 772
Qin, B. Z. 2585
Qin, C. 1224
Qin, G. F. 11494
Qin, H. L. 12618
Qin, J. 10982
Qin, M. M. 7260
Qin, T. C. 9593
Qin, W. S. 9308
Qin, X. 9889, 9896
Qin, Z. Q. 1498
Qin, Z. W. 6533, 9948
Qin BangYan 772
Qin BinZhan 2585
Qin Chen 1224
Qin GuoFeng 11494
Qin HeLan 12618
Qin Jun 10982
Qin MinMin 7260
Qin TaiChen 9593
Qin WenSheng 9308
Qin Xin 9889, 9896
Qin ZhangQi 1498
Qin ZhiWei 6533, 9948
Qing, T. 11766
Qing, X. G. 284
Qing Tian 11766
Qing XianGuo 284
Qiou, R. Q. 5703
Qiou RuiQiang 5703
Qiu, A. D. 4484
Qiu, B. Q. 10853
Qiu, B. X. 6406, 12363
Qiu, F. 4236
Qiu, F. L. 7541
Qiu, J. 10918
Qiu, J. X. 2163, 4163, 9783
Qiu, L. J. 9795
Qiu, Q. S. 10167
Qiu, R. H. 7577-7578
Qiu, R. L. 12485
Qiu, X. M. 2541, 9109, 11402
Qiu, Y. L. 2798, 11791
Qiu AnDong 4484
Qiu BoQin 10853
Qiu Fang 4236
Qiu FuLin 7541
Qiu JiaXun 2163, 4163, 9783
Qiu LiJuan 9795
Qiu QingShu 3463, 10167
Qiu RuiLian 12485
Qiu RunHeng 7577-7578
Qiu XinMian 2541, 9109, 11402
Qiu YinLong 2798, 11791
Qu, C. Q. 6538
Qu, G. P. 8131
Qu, G. R. 4681
Qu, J. B. 4180
Qu, L. H. 2615, 5915, 7296, 7318, 7561, 8267, 8307, 8400
Qu, L. J. 11128
Qu, L. P. 6701
Qu, X. S. 612
Qu ChunQiu 6538
Qu GuiPing 8131
Qu GuoRong 4681
Qu JianBo 4180
Qu LiangHu 2615, 5915, 7296, 7318, 7561, 8267, 8307, 8400
Qu LiJia 11128
Qu LuPing 6701
Qu XinShun 612
Quadir, M. A. 11073
Quaedvlieg, N. E. M. 1841
Quagliaro, G. 11274
Quagliotti, L. 5349, 11152
Quail, P. H. 29, 915, 6029, 7260, 8821, 9409, 11749
Qualset, C. O. 3665
Quamme, H. A. 10012-10014
Quan, L. Y. 9682
Quan LiYong 9682
Quandt, J. 628
Quang, D. X. 6660
Quaranta, F. 186, 215, 9591, 9633
Quarín, C. L. 4118
Quarìn, C. L. 7288
Quarin, C. L. 5239
Quarrie, S. A. 936, 10719
Quarta, R. 2433
Quatrano, R. S. 9677
Quattrucci, M. 5518, 8895
Que, G. S. 5220
Que, Q. D. 7108
Que GengSheng 5220
Que QiuDeng 7108
Quebedeaux, B. 643
Quecini, V. M. 8448
Queiroz, M. F. de 6429
Quemada, H. 1412
Querci, M. 1342, 5933
Querol, E. 5458
Quesada, M. A. 2366, 6569, 12668
Quesenberry, K. H. 12314
Qui, J. X. 1268
Qui, Q. S. 3463
Qui JiaXun 1268
Quick, J. S. 2806, 9537
Quick, W. P. 1624
Quijano, C. 1193, 6293
Quillec, S. le 11094
Quillet, M. C. 11088, 11271
Quilombo, H. A. 11133
Quin, F. M. 6507, 12490
Quincose, M. 8017
Quinlan, J. D. 3654
Quinn, C. 12023
Quinn, J. A. 3039
Quinn, M. 5812
Quinn, P. B. 4720
Quintana, J. M. 7743
Quintana, M. 1324
Quintero, C. M. 12392
Quintero, F. J. 4581
Quirino, B. F. 9360
Quirk, P. 4761
Quiros, C. F. 2444, 6512, 8049, 9895
Quiroz, A. 5902
Quiroz, H. C. de 615
Quisenberry, J. E. 711
Quisenberry, S. S. 2701
Qureshi, M. 4751
Qureshi, R. H. 7393
Raamsdonk, L. W. D. van 1754
Raap, A. K. 1805
Rabaey, T. L. 12150
Rabbani, M. A. 594
Rabjohn, P. 5709
Raboy, V. 6077, 11815
Racca, P. 12784
Rachenko, M. A. 4291
Rachubinski, R. A. 6014
Radcliffe, E. B. 2701
Radcliffe-Smith, A. 10413
Raddi, S. 11513
Rademacher, M. A. M. 6199
Rademacher, T. 12444
Rademaker, M. C. J. 5895, 7280
Radeva, V. 4131, 4134
Radhakrishna, R. M. 1122, 1138
Radhakrishnan, T. 3465, 9049, 11333
Radhakrishnan, V. V. 4038
Radić-Miehle, H. 2852
Radicati, L. 529
Radice, S. 11034
Radilova, L. D. 6648
Radomir, L. 9260
Radović, D. 7436
Radović, S. R. 9720
Radwan, S. R. H. 11419
Rady, M. M. 5346
Ræbild, A. 11506
Raeker, M. Ö. 133
Raemaekers, R. 8832
Raemakers, C. J. J. M. 3182

Rafalski, A. 10697, 12344
Rafecas, M. 6772
Raffa, K. F. 749
Raffaele, E. 2645
Raffin, A. 8246
Rafi, M. M. 4993
Rafii, Z. A. 1704
Ragagnin, V. A. 9826
Ragan, M. A. 10461, 11639
Raggi, G. 8992
Raggi, V. 108
Raghavendra, A. S. 862
Ragheb, H. M. A. 7899
Raghothama, K. G. 7888, 11812
Raghunathachari, P. 5172
Raghuram, N. 6214
Ragusa, S. 1780
Raha, P. 1277, 2812
Raheja, R. K. 6810, 10150
Raheja, S. R. 6563
Rahi, M. 9135
Rahim, M. 1570, 1575, 3468, 10916
Rahim, M. A. 1246, 10914, 12327
Rahman, A. 3959
Rahman, M. 5022
Rahman, M. A. 12575
Rahman, M. H. 5688, 8297
Rahman, M. T. 4061
Rahman, S. 674, 3898, 9444, 9487, 11856
Rahman, S. M. 3084, 6400, 8771, 9801-9803
Rahman, S. M. M. 6505
Rai, B. 10124
Rai, J. N. 4024
Rai, K. N. 1106, 4010-4013, 10768, 10771-10772
Rai, N. 3241
Rai, O. P. 5433
Rai, S. 823, 8372, 11602, 11604
Rai, U. K. 5681
Raibekas, A. A. 1860
Raikhel, N. V. 9324, 10528
Raimúndez U., E. 7113
Raina, S. K. 278, 12187
Raina, S. N. 2152, 3471, 3504, 6408, 6871
Raines, C. A. 8529
Raj, B. 1637
Raj, D. 2648, 2653, 5866, 8335
Raj, L. 7761
Raj, S. 12866
Raj Kumar 4269
Raja, R. G. 8230
Rajagopal 10250
Rajagopal, D. 11276
Rajagopal, J. 12958
Rajagopal, K. B. 3549
Rajagopalan, A. 12961
Rajagopalan, R. 1199
Rajakumar, M. 1593, 4553
Rajalingam, G. V. 8383
Rajam, M. V. 1809
Rajan, M. V. 2384
Rajan, S. 11171
Rajaram, S. 98, 127, 7326, 9420, 11848
Rajaravindran, R. 388
Rajaseger, G. 5808, 12900
Rajbir Yadav 10112
Rajcan, I. 5733
Raje, R. S. 9649, 12412
Rajeev Gupta 6016, 6016
Rajeev Rastogi 2284
Rajeevalochan, A. N. 830
Rajender Singh 2862, 7773, 11897
Rajendiran, K. 11278
Rajendra Kumar 3439
Rajendra Singh 10055-10056
Rajendrakumar, C. S. V. 4833
Rajendran, A. 10351
Rajendran, B. 11346
Rajendran, G. 12701
Rajendran, R. S. 867
Rajesh Kumar 2864, 5553, 10004
Rajeswari, M. J. 12866
Rajewski, J. F. 10739, 10745-10747, 10771, 10773-10776
Rajgopal, B. 1014
Rajgopal, K. 3465
Rajguru, S. N. 11424, 11426
Rajkai, K. 1086
Rajmohan, K. 4734
Rajnish Khanna 4221
Rajput, D. K. 11608
Rajput, J. C. 12617
Rajsbaum, R. 7635
Rajyashri, K. R. 293
Rakesh Kumar 5203, 9840, 9852, 10831
Rakesh Minocha 11496
Rakesh Patel 10132, 10137
Rakesh Tuli 4645
Rakesh Vaishnavi 2859
Rakhunde, S. D. 3642
Rakonjac, V. 5587
Rákosy-Tican, L. 5768
Rakouský, S. 10512
Rakow, G. 614, 620, 627, 1557, 3425, 4521, 11266, 12714, 12716
Rakow, G. F. W. 601, 619, 11257
Rakshit, S. 7765
Rakshit, S. K. 6505
Rakwal, R. 12248
Rallo, J. 10081
Rallo, L. 11313, 11324
Ralovski, S. 3509, 4571
Ram, A. S. 12790
Ram, C. 8669
Ram, D. 10005
Ram, G. 11579, 11607
Ram, H. H. 1395, 10004, 12361
Ram, H. Y. M. 847, 1771, 6619
Ram, K. 8093, 9865
Ram, M. 11579, 11608, 11613
Ram, N. 755
Ram, P. 11608
Ram, S. 653
Ram Avtar 2945
Ram Bakshi 9063
Ram Bhajan 10132, 10137
Ram Chandra 12966
Ram Krishna 3122, 5415
Ram Kumar 3126, 5633
Rama Vaidyanathan 4071
Ramachandra-Kini, K. 5144
Ramachandran, S. 8442, 11268
Ramakrishna, C. 2064
Ramakrishna, W. 3005, 5214, 11817
Ramakrishnan, S. 12701
Ramakrishnayya, G. 10855
Ramalakshmi, S. 839-841
Ramalho, M. A. P. 1056, 4211, 6428
Ramalingam, J. 4230, 12195
Ramalingam, R. S. 5714
Ramamohan, G. 6078, 12740
Ramamoorthi, N. 392, 5715, 5719, 6877
Ramamurthy, K. S. 5281
Raman, A. S. 2773
Ramana, M. V. 9870
Ramanjulu, S. 5144
Ramanna, M. S. 4746, 6477, 8818, 9967
Ramanujam, B. 12748
Ramarao, G. 10786
Ramasamy, P. 396, 6235
Ramawat, K. G. 7142, 9205
Ramdoyal, K. 6900, 11342, 12765
Rameau, C. 1297-1298
Ramesh, B. 6447, 9851
Ramesh, S. 2681, 4530, 7157, 11007
Ramesh Arora 11654
Ramesha, M. S. 1134-1135, 1144, 1154, 1175, 7532, 10821
Ramgareeb, S. 1691
Ramgiry, S. R. 1277, 2812, 4227, 7734
Rami, J. F. 227, 3998, 6237, 10750
Ramirez, I. 3553
Ramírez, J. L. 8647
Ramírez, L. 5810, 7172, 8397
Ramírez, M. C. 10654
Ramirez, M. C. 3912
Ramírez, N. 7113
Ramirez, P. 7726
Ramírez, R. 4068
Ramírez Díaz, J. L. 9590
Ramírez-Parra, E. 11847
Ramírez S., C. 3297
Ramkishore 12472
Ramkrishna, K. 8373
Ramming, D. W. 4424, 4445
Ramos, A. 5365, 5384, 10664
Ramos, J. A. de O. 6382
Ramos, S. 2868, 7421
Rampino, P. 11881
Ramraj, V. M. 3469
Ramsay, G. 2193, 6786, 6789, 8035
Ramsay, L. 176, 5055, 5079
Ramsay, L. D. 4334
Ramsey, J. 7278
Ramulu, K. S. 5933
Ran, H. Z. 9786
Ran, L. G. 10114
Ran, Y. 8331
Ran HuiZhen 9786
Ran LongGui 10114
Rana, A. 9821
Rana, J. S. 8054, 9575
Rana, M. K. 2840
Rana, R. B. 10482
Rana, V. K. S. 2944
Ranade, S. A. 822, 12950
Ranalli, G. 109
Ranalli, P. 4286, 4624, 5385
Ranalli, R. 8396
Rančelienė, V. 3914
Rancillac, M. 5287, 5379
Randall, D. D. 2916, 9363, 9610
Randall, S. K. 6923
Randazzo, C. 3329
Randeep Rakwal 12248
Randell, K. 10044
Randhawa, M. A. 11899
Randle, W. M. 1364, 8325
Randoux, B. 11088
Rane, J. 7314, 10629
Raney, P. 619
Rangaiah, S. 10786
Ranganadhacharyulu, N. 5783
Ranganathan, T. B. 240, 12207
Rangappa, M. 7719
Rangarajan, A. 1374-1375
Rangasamy, P. 1143, 4230, 5199, 5218, 12205, 12210
Rangasamy, S. R. S. 394, 1320
Rangaswamy, C. R. 830, 839-841
Rangaswamy, M. 396, 1143, 1145, 1155-1156, 1199, 12193
Rangaswamy, N. S. 6795, 10145
Rangaswamy, P. 1132
Range, P. 7159
Rangel, F. 3986
Rangel, P. H. N. 5938, 6249
Rangswamy, M. 1132
Rani, A. S. 10174
Rani, C. V. D. 10837
Rani, Ch. V. D. 1177
Rani, M. 9215
Rani, N. J. 11147
Rani, N. S. 1113, 1185, 10832, 10852
Rani, P. U. 11154
Rani, S. S. 1255
Rani, U. 7853
Ranieri, A. 8885, 9135
Ranjan, S. 7598
Ranjan Swarup 56
Ranjbar, M. 6377-6378
Ranjekar, P. K. 148, 3005, 4051, 5214, 7345, 9530, 9858, 11003, 11714, 11817
Ranjeva, R. 10237
Ranocha, P. 10294
Ranty, B. 10237
Rao, A. A. 5625
Rao, A. M. 2064
Rao, A. N. 4802, 5808, 10478
Rao, A. S. 4012-4013
Rao, A. V. S. 10869
Rao, C. D. 5808
Rao, C. H. 11335
Rao, C. H. M. 1587
Rao, C. P. 1147, 12196
Rao, C. R. 9870
Rao, D. V. R. 10442
Rao, E. V. V. B. 3401, 11251
Rao, G. S. B. P. 8120
Rao, G. U. 599, 2720
Rao, G. V. R. 4539
Rao, I. M. 2145
Rao, K. P. C. 2956
Rao, K. R. 10434
Rao, K. S. 1587, 5689
Rao, K. V. 3633
Rao, K. V. S. 4010-4011
Rao, M. J. V. 2479
Rao, M. S. 11138-11139, 12696
Rao, M. S. S. 7719, 8769
Rao, N. G. P. 3997
Rao, P. A. 12756
Rao, P. S. 844, 6714, 10068, 12764
Rao, R. 4174, 4904
Rao, R. R. 8364
Rao, R. R. B. 2135
Rao, S. A. 12110
Rao, S. K. 2895, 3123-3124, 3128, 9861
Rao, S. S. 10830, 10838
Rao, U. P. 1185, 7532, 12264
Rao, V. K. 12414
Rao, V. P. 10759, 12159
Rao, V. R. 4802, 5697, 5925, 9239, 9913, 10478
Rao, V. S. 7345
Rao, V. S. P. 148, 7329, 9530
Rao-Naik, C. 4873
Rapacz, M. 8051, 9039
Rapanà, P. 11629
Rapillard, C. 4390
Rapisarda, A. 1780
Rapisarda, P. 569, 1521
Raquel, M. H. 3376
Rasch, D. A. M. K. 2
Rascio, A. 10633
Rascio, N. 2927
Rasco-Gaunt, S. 7347, 7376, 9440
Raseira, M. do C. B. 12637
Rashal, I. 3913, 3931, 8732
Rasheed Ahmad 6585, 6592
Rasheed Ahmed 6453
Rashid, A. 7393
Rashid, K. Y. 1558, 5393, 6978, 10992, 12859-12860
Rashmi Aggarwal 5030
Rashmi Sharma 787
Rashotte, A. M. 919
Raskalieva, V. A. 417
Raskin, I. 9264
Raskin, V. 10218
Rasmussen, F. N. 5882
Rasmussen, G. 4636
Rasmussen, J. B. 3825
Rasmussen, J. O. 4275
Rasmussen, O. S. 4275
Rasmussen, P. 2419
Rasmussen, S. K. 3927, 7155, 9555
Rasmusson, D. C. 165, 6156, 8613
Raspé, O. 532, 2347
Rastija, M. 12773
Rastogi, K. B. 9848
Rastogi, N. K. 1088, 9685, 12223
Rastogi, R. 2284
Rastogi, V. K. 1088
Ratanadilok, N. 2272
Ratcliff, D. 9729
Ratcliff, F. G. 12827
Ratet, P. 9750
Rath, J. 204
Rathee, J. 2720

Rather, A. G. 5200, 12718, 12739
Rathi, A. S. 12169
Rathi, O. P. S. 7766
Rathinasabapathi, B. 2536
Rathjen, A. J. 3873, 9514
Rathjen, J. P. 11122
Rathnaswamy, R. 396, 1313, 9864
Ratho, S. N. 4066
Rathore, R. S. 11008
Rathus, C. 10736
Ratinam, A. A. D. 12211
Ratnam, W. 4660
Ratnambal, M. J. 3447, 10160, 12745, 12748
Ratnaparkhe, M. B. 383, 5426
Ratnaparkhi, R. D. 631
Ratnayake, C. 6790
Ratner, K. 12532
Rattey, A. R. 656
Ratti, S. 11119
Ratushnyak, Y. I. 12530
Rau, H. M. 8257
Raupp, W. J. 3814, 11879, 11932
Rausch, T. 4558, 5740, 8045, 12451
Rausher, M. D. 11800, 12487
Raut, R. N. 3435
Raut, S. K. 3477
Rava, C. A. 12382
Ravagnani, S. 12386
Ravanel, S. 15, 11730
Raveendran, T. S. 3130-3131, 4539, 8176, 11010, 11417
Ravelonandro, M. 1432, 8971, 12643, 12646-12648, 12821
Raventós, D. 157
Raventos, D. 2875
Ravi 1203, 7622
Ravichandran, R. 5745
Ravikesavan, R. 1313
Ravikumar, R. 6775
Ravikumar, R. L. 640
Ravindra Mulge 4774, 12970
Ravindran, P. N. 8369, 12960
Ravindran, P. S. 12963
Ravindran, S. 5625
Ravishankar, A. 9244
Rawat, M. S. 4662
Rawat, R. 6896
Rawat, S. R. 11772
Rawsthorne, S. 611
Ray, A. 2756
Ray, B. K. 4044
Ray, D. T. 6985
Ray, I. M. 318, 4136, 7675, 7680
Ray, J. A. 6230
Ray, J. D. 10709
Ray, M. F. 1742
Ray, S. 12952
Ray Wu 5096
Rayapati, P. J. 8634
Rayas-Duarte, P. 11870
Raybould, A. F. 455, 676, 2133, 6046, 12502
Rayburn, A. L. 9389, 9506, 12345
Raygoza, B. 8648
Raymer, P. 8442
Raymer, P. L. 2464, 11268
Raymond, C. A. 4640
Raymond, O. 782, 5847
Raymond, P. 5522, 12659
Raynal, M. 9354, 9362
Raynal-Roques, A. 3607
Raynaud, C. 8555
Rayon, C. 9335
Raza, S. 6368, 10913
Razdan, A. 10666
Razi, H. 5693
Razkin, N. 5810
Razmilic, I. 9207
Ražukas, A. 2224, 2242, 3153
Razzaque, M. A. 7395
Rea, G. 5291, 5412
Rea, P. A. 9372
Read, J. C. 6241, 7651
Reader, J. K. 3109
Reader, S. 9449
Reader, S. M. 4975, 5257, 9451
Reali, A. 2924, 6257
Ream, J. E. 2773
Reaney, M. J. T. 8037
Reaño, R. 4016
Reavy, B. 2247
Rebers, M. 4354
Rebetzke, G. J. 3035, 4191, 6107, 7361, 9466
Rebgetz, R. H. 10939
Récalt, C. 8117
Rech, E. L. 3104
Recklinghausen, I. von 3732
Rector, B. 8442
Rector, B. G. 7730
Recupero, G. R. 2414, 2425, 3360
Recupero, S. 552, 5613
Red Pepper Research-Development Ltd 6586
Redaelli, R. 2891, 8619, 9494
Redak, R. A. 1743
Reddanna, P. 406
Reddi, N. S. 1177
Reddy, A. G. S. 2479
Reddy, A. R. 6075
Reddy, A. S. N. 31, 1837
Reddy, B. M. 3262, 3438, 8782
Reddy, C. C. 406
Reddy, C. D. R. 3459
Reddy, C. K. 286, 1188
Reddy, C. R. 1577
Reddy, D. R. 3262
Reddy, G. M. 3000, 10174
Reddy, G. R. 406
Reddy, I. 8569
Reddy, I. P. 8782
Reddy, J. R. 3473
Reddy, K. H. 1577
Reddy, L. J. 5431, 6875
Reddy, M. 10283
Reddy, M. B. 7491, 7493
Reddy, M. K. 12394
Reddy, M. L. 3459
Reddy, M. S. S. 1315, 4049, 4645
Reddy, M. V. 3459, 9870
Reddy, N. S. 1171, 2479, 10837, 12710
Reddy, O. U. K. 1148, 1152
Reddy, P. B. 1185
Reddy, P. C. 8082
Reddy, P. C. B. 10969
Reddy, P. M. 1188, 9701, 10808
Reddy, P. N. 3459
Reddy, P. P. 11138, 12696
Reddy, P. R. 1255
Reddy, P. R. R. 11335
Reddy, P. V. 8080
Reddy, S. M. 4893
Reddy, T. B. 3262
Reddy, T. P. 6459, 9641
Reddy, V. R. K. 7463-7464, 8563, 8592, 11976
Reddy, V. S. 3536, 5685, 8128
Reddy, V. V. P. 5510
Reddy, Y. V. R. 7516
Rédei, G. P. 57
Redfearn, M. 3495, 9075
Redha, A. 122, 990
Redkozubov, I. A. 10195
Redmann, R. E. 10957
Reed, B. 11438
Reed, B. M. 3274, 5578, 8377, 12671
Reed, D. W. 8037
Reed, G. L. 4319
Reed, J. D. 300
Reed, J. W. 11766
Reed, L. M. 12004
Reed, R. L. 6241
Reed, T. D. 6919-6920
Rees, A. 1709
Rees, D. 3846
Reese, J. C. 12161
Reeves, A. F. 12458
Reeves, C. 11496
Reeves, D. W. 12324
Reeves, G. 2137
Reeves, P. 918
Reeves, P. A. 1744
Reeves, T. 9241
Regan, S. 12876
Regazzi, A. J. 2107, 9630
Regenass-Klotz, M. 859
Reggiani, F. 8595
Regina, G. 8503
Regina, M. 7427
Regina, M. de A. 1490
Register, J. C., III 12094
Register, J., III 1066
Regmi, H. N. 1350
Regner, F. 2375, 3322, 5620, 11212
Regnér, S. 8609, 10665
Régnier, J. M. 6440
Rêgo, E. R. do 7891
Rêgo, M. M. do 6757
Regulinski, D. P. 12311
Rehfeldt, G. E. 12890
Rehman, A. 909
Rehman, S. 5022
Reich, M. 11190
Reichert, N. A. 4185
Reichheld, J. P. 5759
Reid, C. L. 12678
Reid, J. B. 2209, 6438, 7758, 9837, 10988
Reid, J. D. 282
Reid, P. D. 10369
Reid, R. 7640
Reidy, B. 3037, 8733
Reier, Ü. 3294
Reif, H. J. 4671
Reifschneider, F. J. B. 9899
Reighard, G. L. 4445, 12662
Reijans, M. 6580
Reilly, C. C. 4409
Reimholz, R. 1338, 12454
Reindl, A. 4901
Reinert, J. A. 7651
Reinhardt, D. 474
Reinke, R. 7537, 7587
Reis, A. 5809
Reis, M. de S. 6250, 7534
Reis, M. S. 2176, 2179
Reiter, W. D. 1918, 9335
Rekha, A. 12696
Rekha, K. 3647, 10275
Rekha Mathur 9888
Rekika, D. 142, 3902
Remans, T. 10066
Remashree, A. B. 8369
Remeeus, P. M. 11137
Remington, D. L. 10318
Remy, S. 2392, 2394, 2408
Ren, C. M. 5134
Ren, G. J. 6288, 7572
Ren, J. 10135
Ren, J. J. 4379
Ren, J. P. 9950, 10146-10147
Ren, L. J. 1016, 6090
Ren, N. 7556, 7563
Ren, Q. 7876
Ren, R. H. 10017
Ren, S. X. 7350
Ren, X. 1944, 6074
Ren, X. P. 6873
Ren, X. S. 6537
Ren, Y. C. 9540
Ren, Y. J. 2441
Ren, Z. B. 3293, 6696
Ren ChunMei 5134
Ren GuangJun 6288, 7572
Ren JianPing 9950, 10146-10147
Ren JiJun 4379
Ren LiJuan 1016, 6090
Ren Nan 7556, 7563
Ren Qun 7876
Ren RuiHua 10017
Ren ShuXin 7350
Ren Xian 1944, 6074
Ren XiaoPing 6873
Ren XueSong 6537
Ren YouCheng 9540
Ren YueJian 2441
Ren ZhongBo 3293, 6696
Renard, M. 591, 596, 602, 626, 1550, 6784, 8038, 11259
Renaud, R. 8944, 8952, 8955, 8971
Rengel, Z. 382, 1004
Rennenberg, H. 748, 5806
Rennick, K. A. 9038
Renno, J. F. 4014
Renobales, G. 11619
Rensburg, J. B. J. van 6229
Rensburg, L. van 6941
Rensen, I. van 9165
Rensing, K. H. 10327
Rensink, W. A. 924
Rentsch, D. 6559, 11674
Renuka Rawat 6896
Renwarin, J. 3183
Renz, A. 8730, 12445
Renzo, M. A. di 1226
Repčák, M. 9208
Repellin, A. 9490
Resende, L. V. 11133
Resende, R. de O. 8868
Reshetnikov, V. N. 2899, 6485
Resta, P. 3375, 8998, 9021
Restivo, F. M. 2290, 10217
Restrepo, S. 8847
Restuccia, C. 3329
Retamales, J. B. 9227
Rether, B. 7519
Retuerto, R. 7006
Reuben, S. O. W. M. 3206-3207
Reuber, T. L. 1879
Reumanen, M. 8943
Reungmaneepaitoon Suparat 6505
Reunova, G. D. 8336
Reusch, J. D. H. 1211
Reusch, T. B. H. 7165
Reust, W. 2225, 4248, 5456
Reuter, I. 5982
Reuter, R. 296
Reuveni, R. 7150
Revanappa 9725
Reveal, J. L. 5280
Revell, D. F. 11242
Revenkova, E. 3756, 11735
Revilla, P. 2908, 7505, 12053, 12137
Rey, H. Y. 9108
Rey, J. Y. 10077
Rey, P. 2241
Reycke, L. de 439, 457, 4322
Reyes, B. G. de los 10891
Reyes, H. C. 3407
Reyes C., L. M. 1505, 3099, 5632
Reymond, P. 1860
Reymundo, F. C. 9327
Reyniers, F. N. 6073, 6238
Reynolds, C. D. 8330
Reynolds, H. 8479, 12814
Reynolds, M. P. 6137
Reynolds, P. H. S. 4838, 4842, 5934
Rezaie, S. 5139
Rezanoor, N. H. 310
Rezende, V. F. 12388
Rezgui, S. 3937, 12572
Řezníček, V. 2342
Rha, E. S. 9679
Rha EuiShik 9679
Rhee, S. Y. 3728
Rho, C. W. 7339
Rho, J. H. 8087
Rho, Y. D. 7718
Rho ChangWoo 7339
Rho JaeHwan 8087
Rho YoungDeok 7718
Rhoades, D. 8139
Rhoades, D. F. 4576
Rhoades, M. 2024
Rhoads, D. M. 1068
Rhodes, A. M. 10076
Rhodes, I. 1241-1242, 12319
Rhodes, M. J. C. 5404
Rhyne, C. L. 11413
Rhyner, C. 3075
Riaz, S. 8894
Riaz Ahmad 141
Riaz Ahmed 9047
Riazuddin, S. 3024
Ribaut, J. M. 9241

Ribeiro, D. T. 8454
Ribeiro, L. N. V. P. 2390
Ribeiro, S. G. 3104
Ricard, B. 216
Ricci, P. 5770
Riccioni, L. 5291
Rice, K. J. 308
Rice, L. G. 10721
Rice, M. E. 3989
Richard, L. 8472
Richard, M. 4654
Richard-Forget, F. 6673
Richard-Molard, M. 2507, 6072, 6906
Richards, A. J. 4729, 4748, 6841
Richards, D. E. 2764, 6031, 10587
Richards, E. J. 4859, 10509
Richards, K. 2501, 6944
Richards, K. D. 6092
Richards, R. A. 6107, 7361, 8556, 9466
Richards, S. 3480
Richardson, D. G. 8938
Richardson, M. D. 12162
Richardson, T. 8231
Richardson, T. E. 8228, 12884
Richaud, F. 8070
Richberg, M. H. 8440
Richer, C. 8295
Richharia, A. K. 2970
Richter, D. 853, 11648-11649
Richter, E. 4857
Richter, K. 2329, 2888, 8918, 12622
Rickauer, M. 12811
Rickertsen, J. 3827-3828
Rico, E. 12905
Ridao, A. 2470
Riddell, K. V. 1612
Ride, J. P. 817, 1773, 7231
Rideau, M. 4769
Ridge, D. R. 668
Ridley, H. N. 2652
Ridolfi, M. 4669
Ridout, C. J. 9549
Ridout, M. S. 1888
Ridsdill-Smith, T. J. 8758, 12320
Riechers, D. E. 960
Riechmann, J. L. 7220, 9272
Riedel, L. 3235
Riedell, W. 12142
Riedell, W. E. 6141
Rieder, P. 12265
Rieger, M. A. 5667, 6838, 7064
Riehl, M. 11996
Riek, J. de 2492
Rieksta, D. 4717
Riemenschneider, D. E. 4493, 11473
Riemer, H. M. 5290
Rieping, M. 11361
Ries, R. 3323
Rieseberg, L. H. 634, 1740, 2787, 4531, 5690, 6847, 7100, 11277
Riesen, W. 516, 3264
Riesmeier, J. W. 2239, 7805
Riesner, D. 4677
Rietveld, E. M. 8892
Rifel, A. A. 4291
Rigal, D. de 6673
Rigattieri, E. 5517
Rigau, J. 7486, 11343, 11989
Rigazio, L. 554
Riggs, R. D. 12368, 12372
Rigola, D. 3396
Říha, K. 3532
Riha, K. 1728
Rihtere, A. 4717
Riikonen, M. 8136
Rijk, P. de 5921, 5969-5970
Rijssen, R. van 7059
Rikiishi, K. 7580
Rikkerink, E. 6633
Riley, A. 7347
Riley, J. C. M. 2765
Riley, J. M. C. 22
Riley, K. W. 5697, 9913
Rillo, E. 8071
Rim, Y. W. 3033, 5244
Rim YongWoo 3033, 5244
Rimbault, I. 2124-2125
Rimmer, S. R. 3422, 10103
Rinaldi, L. M. R. 12896
Rinallo, C. 11479
Rincón, A. R. del 11114
Rincón, F. 4228
Rincón C., D. F. 3098
Rincón-Carruyo, X. 6338
Rines, H. W. 189, 3945, 5094, 8622
Ringli, C. 58
Rinku Ghosh 10303
Rio, M. 8213, 11489
Rios, E. 3986
Ríos, H. 4384
Rios, R. D. 5004
Ríos, S. 2159
Ríos Ruíz, S. A. 2696
Riou, C. 8792
Riou-Khamlichi, C. 4861
Rioux, S. 9510
Riov, J. 3363
Ripoche, P. 11378
Riquelme, F. 4481
Risseeuw, E. 10541
Risterucci, A. M. 5748, 11719
Ristic, Z. 2048, 3980
Risueño, M. C. 6516
Rita Joseph 10782
Ritchie, J. T. 9418, 11824
Ritchie, S. 876
Ritland, D. 12094
Ritland, K. 1686
Ritter, E. 1333, 1888, 4273, 8397, 9903, 10161
Riva, G. A. de la 2486, 3488
Rival, A. 8070
Rivalta, L. 3272
Rivas Platero, G. G. 7726
Rivata, R. S. 11196
Rivera, D. 2159, 3297
Rivera, E. 10212
Rivera, L. E. 1365
Rivkin, M. I. 6431
Rivoal, R. 3810, 5049, 7331
Rizza, F. 2886
Rizzotto, M. 9182
Rizzuti, B. 11327
Roach, P. S. 4565, 8119
Robacker, C. D. 4702, 8283
Robaglia, C. 3225
Robards, K. 2004
Röbbelen, G. 1556, 1926, 2452
Robbins, J. C. 12139
Robbins, R. T. 6972
Robbins, T. P. 3611
Robbrecht, E. 5969-5970, 11644
Robeff, P. 1095
Roberds, J. H. 934
Robers, M. B. 10109
Robert, D. 10519
Robert, J. 12792
Robert, L. 609
Robert, L. S. 5670
Robert, M. 642
Robert, O. 5048
Robert, T. 2952
Robertis, M. de 5965
Roberts, A. V. 4420
Roberts, E. H. 1800, 6310
Roberts, J. A. 5675, 6010, 10063
Roberts, J. J. 3888, 3907
Roberts, J. K. M. 7346
Roberts, K. 2530
Roberts, M. R. 5773, 6572
Roberts, P. A. 4364
Robertson, A. J. 10631
Robertson, D. 5989
Robertson, E. J. 896, 10524
Robertson, L. 3826
Robertson, L. D. 1311, 2213, 3115, 6312, 6444, 7643, 12411
Robertson, M. 5026, 9554
Robertson, S. 8478
Robertson, T. L. 3762
Robinson, A. F. 12846-12847
Robinson, C. 3557, 4853, 8480, 11259
Robinson, C. K. 4881
Robinson, D. 11259
Robinson, D. G. 9313
Robinson, D. J. 749, 3174
Robinson, D. S. 9846
Robinson, J. 11955
Robinson, K. R. 1753
Robinson, M. 12993
Robinson, N. J. 6038
Robinson, S. L. 4184
Robinson, W. A. 7023
Robles, P. 10538, 11736
Robleto, E. A. 4206
Robotham, B. G. 667
Robotti, A. 7508
Robredo, C. G. 5004
Robredo, L. M. 12329
Robson, F. 918
Robson, P. R. H. 6019
Roby, D. 871, 5770, 10231
Roca, R. 7471
Roca, W. 89, 12390
Rocca, F. della 3152
Rocchetti, G. 107
Rocha, R. 1586
Rocha, V. S. 2180
Rocha Júnior, W. C. 4212
Rochange, F. 4919
Rochat, C. 5375
Roche, B. M. 2581-2582
Roche, D. 10770, 12166
Roche, L. 11174
Roche, P. 6633, 6653
Rocheford, T. 12057
Rocheford, T. R. 6201
Rocher, A. 1836
Rocher, E. J. de 683-684
Rodd, V. 9544
Rode, A. 11246
Rode, J. 4764
Röder, M. S. 114, 4962, 8593, 9443
Roderick, H. W. 2006
Rodermel, S. 3745, 6028
Rodeva, V. 7902
Rodgers, M. 6004
Rodrigo, M. J. 12942
Rodrigues, C. J., Jr. 2439
Rodrigues, J. A. S. 8670
Rodrigues, L. S. 2203
Rodrigues, P. H. V. 2402
Rodrigues, R. 2202
Rodrigues, W. A. 1100
Rodrigues-Pousada, C. 5263
Rodrigues-Pousada, R. 9337
Rodríguez, A. 5564, 7882, 7904
Rodríguez, D. 6452, 6996-6997
Rodriguez, D. 10293, 11468
Rodríguez, E. 8781, 12385
Rodríguez, F. I. 52, 3734
Rodríguez, J. 3184
Rodriguez, J. 10161
Rodriguez, J. M. 12566
Rodríguez, L. E. 10365, 10371-10372, 10374
Rodríguez, M. 10372, 12527
Rodríguez, M. C. 7882
Rodriguez, M. C. 10289
Rodríguez, O. 12381
Rodríguez, P. L. 2729, 4869
Rodriguez, P. L. 1842
Rodríguez, R. 2470, 8673, 10163, 12751
Rodríguez, R. H. 4527
Rodriguez, R. L. 10803
Rodríguez, S. 8650
Rodríguez-Cerezo, E. 2538
Rodriguez-Cerezo, E. 8158
Rodríguez-Concepción, M. 4351, 7109, 7310, 9963
Rodríguez-Conde, M. F. 5493, 7844
Rodríguez G., R. 6216
Rodríguez-Galán, J. M. 10375
Rodríguez García, H. 10336
Rodríguez-García, M. I. 12751
Rodríguez-Jurado, D. 5427
Rodríguez Manzano, A. 8853
Rodríguez Molina, M. C. 5540
Rodríguez-Navarro, J. 12639
Rodríguez Nodals, A. 4473
Rodríguez Nodals, A. A. 8853
Rodríguez-Oubiña, J. 10395
Rodríguez Pardina, P. E. 7726
Rodríguez-Quijano, M. 999
Rodríguez R., H. 6341
Rodríguez-Riaño, T. 8310
Rodríguez-Rosales, M. P. 637, 11120
Rodríguez-Saona, L. E. 4319
Rodríguez Toledo, J. M. 10080
Roe, J. L. 8473
Roeckel-Drevet, P. 2468
Roelofs, F. P. M. M. 1420
Roemer, P. 1246
Roemheld, V. 9629
Røen, D. 6626
Roer, L. 4289
Roeven, R. T. P. 8391
Roff, D. A. 1884
Rogbell, J. E. 12231
Rogers, D. L. 9151, 12889
Rogers, E. E. 1879
Rogers, E. J. 1234
Rogers, H. J. 2137, 10492
Rogers, J. C. 157, 6171, 8123
Rogers, J. J. M. 6481
Rogers, S. W. 157, 6171
Rogers, W. J. 10209-10210, 10473
Roggero, P. 8157
Roggero, P. P. 7646
Rognli, O. A. 306
Rognon, F. V. 5699
Rogowsky, P. M. 9619
Rogstad, S. H. 1474
Roh, J. H. 4078
Roh, S. W. 12147
Roh, T. Y. 11068
Roh JaeHwan 4078
Roh TaeYoung 11068
Rohani, P. 2287
Rohde, A. 1667, 6021
Rohde, W. 154, 10161
Rohini, V. K. 5689
Rohman, P. C. 2078
Röhner-van Rensen, U. R. 9165
Rohr, R. 5830
Rohrbeck, M. 9097
Röhrig, H. 5758
Roichev, V. 6715
Roig, L. A. 7883
Rojanaridpiched, C. 2254
Rojas, A. 5692
Rojas-Beltrán, J. A. 5468
Rojas-Martínez, A. 9016
Rojek, R. 12049
Rokka, V. M. 1328, 3157, 3159, 5644, 6475
Roldán, M. 10235-10236
Roldán-Ruiz, I. 4103, 8732
Roldan-Ruiz, I. 2492
Rolev, V. S 187
Rolfe, B. G. 4142
Rolfe, R. 8086
Rolland, N. 7856
Rollfinke, I. K. 8878
Rolls, B. 885
Roma, P. 521
Romagnoli, M. V. 11420
Romagosa, I. 153, 2885, 3921, 5076, 6167, 6169, 7440-7441, 8614, 9563, 11823
Roman, G. 9357
Román, M. I. 4473, 7897, 8853
Romane, G. 5348
Romanenko, A. S. 4290-4291
Romani, A. 10166
Romani, M. 7677
Romano, A. 9393
Romanov, G. A. 7797
Romanov, V. I. 3113
Romanyuk, L. 5313
Romashchenko, A. G. 5979
Romazanov, I. P. 7502
Rombaldi, C. 4347
Rombauts, S. 5976, 9295, 11708
Romchatngoen, S. 6305
Rome, S. 4203

Romeis, J. 7778
Romeis, T. 5542
Römer, P. 10914, 10916, 10918
Römer, W. 1043
Romero, A. 5702
Romero, G. O. 10803
Romero, J. 4648
Romero, J. M. 10375
Romero, L. 6566
Romero, M. 3378-3379, 3381, 3409, 9027
Romero, M. A. 3391, 3405, 3411, 9019, 9026
Romero, M. V. 1472
Romero, R. 3096
Römheld, V. 1004, 9408
Romieu, C. 2378, 12675
Romo, A. M. 6342
Rompf, R. 8851
Ron, J. 8647
Ron Parra, J. 9590
Rona, J. P. 7246
Ronald, P. 3020
Ronald, P. C. 7199, 8720, 9678, 10865
Ronald, P. S. 6186
Ronde, J. A. de 6489
Ronen, G. 5527
Ronfort, J. 933, 9751, 12303, 12307
Rong, J. K. 9438
Ronga, G. 6135, 10633
Rongbai, L. 7566
Rongbai, L. I. 12208
Ronin, Y. I. 1889, 8513, 8593
Rönnberg-Wästljung, A. C. 7001
Ronning, C. M. 4307
Ronse Decraene, L. P. 11644
Rooijen, G. J. H. van 621
Rook, F. 8476
Rooke, L. 7376, 9440, 11878
Rooney, L. W. 231, 10753
Rooney, W. L. 319, 7514, 10733
Roos, E. E. 1801
Roose, M. L. 1522, 4479, 6743, 7859, 8004, 8015, 11083
Rooster, L. de 429, 438-439, 465, 4322, 4380, 4777
Root, S. 5964
Rörsch, A. 9397
Ros, F. 12002
Ros, R. 7245
Rosa, L. 5809
Rosa, L. de 3231
Rosa, L. de la 5273, 5399, 9236
Rosa, M. la 2414
Rosa, R. de la 11313
Rosado, A. 6753
Rosahl, S. 6473, 12471
Rosales, R. 8788
Rosas, J. C. 1290, 4206, 4209
Rosati, C. 3588
Rosati, E. 9703
Rosati, P. 5613
Rosato, M. 2029-2030, 12022
Roscoe, T. J. 1554, 11259
Rose, A. 1869
Rose, J. 2578
Rose, R. J. 314
Rose, S. C. 8122
Rose-Fricker, C. A. 6321-6322, 6327-6328, 12281-12282
Roselli, G. 9048
Rosellini, D. 3048, 12989
Rosen, C. J. 8831
Rosen, E. 2758
Rosenberg, V. 4276
Rosenfeldt, S. 753
Rosenow, D. T. 10749
Röser, M. 1225, 3044
Roshchenko, M. V. 2899
Roshchina, V. V. 10391
Roshetko, J. M. 11645
Rosi, P. 2029, 12022
Rosier, J. P. 10051
Rosolenko, S. I. 9562
Rosquin, I. 2505
Ross, A. S. 4884, 6018
Ross, G. S. 563, 10017
Ross, H. A. 12448
Ross, J. G. 7665
Ross, J. J. 2209, 7758, 9837, 10988
Ross, W. J. 8719
Rossberg, M. 5531
Rosselló, J. A. 3608, 3615, 9174, 11558, 12922
Rosselló, J. A. E. 4779
Rosser, S. J. 8134
Rossetti, A. G. 3408
Rossetto, M. 8381, 9126, 9214
Rossi, C. E. 2187
Rossi, I. 1790, 11628
Rossi, L. 963
Rossi, M. 497
Rossi, V. 12784
Rossi, V. D. 11283
Rossignol, M. 5107, 5761
Rossini, L. 12148
Rossiter, J. 1858
Rossnagel, B. G. 6168
Rössner, U. 4277
Rossouw, F. T. 6489
Roşu, A. 3208
Rošulj, M. 7496
Rosvall, O. 8247
Rotarenco, V. A. 12021
Roth, R. 1072
Rothacker, D. 4280
Rothan, C. 1470, 4442, 12659
Rothen, B. 6084
Rother, R. 7091
Rothstein, R. 9605
Rothstein, S. 2284
Rothstein, S. J. 22, 2765, 4843, 6040, 11258
Rotino, G. L. 2309
Rotkiewicz, D. 6822
Rottenberg, A. 1905
Rotundo, A. 1421, 1468
Rouau, X. 1959
Roubelakis-Angelakis, K. A. 11216
Roudet, J. 1491
Roudier, F. 12304
Rougé, P. 1818, 6738, 7226
Rouge, P. 8330, 9925
Roulland, T. M. 11874
Roulund, H. 7027-7028
Roumet, P. 8555
Rounsley, S. D. 2750
Roupakias, D. 5050, 10245, 10958
Roupakias, D. G. 1394, 3250
Rouquié, D. 5761
Rouse, J. L. 7042
Roush, R. T. 8986, 12129, 12516
Rousi, M. 5802
Rouskas, D. 3409
Roussel, G. 2571
Rousset, F. 933
Rousseu, R. J. 9133
Roussis, V. 1782
Roustan, J. P. 2381
Rousvoal, S. 3651
Rout, G. R. 287, 1104, 3146, 3502, 4070, 10308
Routley, M. B. 9172
Rouvier, S. M. 9108
Roux, C. 2529
Roux, L. G. le 6337
Roux, N. 1502
Roux, S. 9847
Roux, S. J. 6020, 8457
Roux, Y. 5375
Rouxel, F. 2251, 5388
Rouxel, T. 626
Rouzé, P. 5976, 7237, 9270, 9295, 11708
Roversi, A. 5589, 5591
Rovira, M. 3378-3379, 3381, 9027
Rowarth, J. S. 6099, 11538
Rowe, D. E. 320, 2149
Rowe, R. N. 11538
Rowland, L. J. 7975
Roxas, C. A. 4802
Roy, A. 504
Roy, A. K. 4141, 12299
Roy, B. 12214
Roy, B. A. 9173, 10581
Roy, B. N. 3343-3344
Roy, J. K. 11834, 11868
Roy, K. 3014
Roy, M. K. 11716
Roy, N. K. 12198-12199
Roy, P. K. 3555
Roy, R. K. 10351
Roy, R. N. 398
Roy, S. 6738, 10271, 10303
Royer, M. 7857
Royle, D. J. 10299
Royo, C. 6195
Royo, J. 12471
Roytchev, V. 2377
Rozelle, S. 3665
Rozenberg, P. 11510-11511
Rozenblum, A. 11206
Rozov, S. M. 8795, 8797
Rozpara, E. 8946, 8962, 8975
Rozwadowski, K. 11258
Ru, Z. G. 6143
Ru ZhengGang 6143
Ruan, D. L. 3020, 9678
Ruan, G. H. 2562
Ruan, R. W. 9468
Ruan, Y. 26, 6253
Ruan, Y. L. 1639, 3938
Ruan DeLing 3020, 9678
Ruan GuanHai 2562
Ruan RenWu 9468
Ruan YiLi 3938
Ruan Ying 6253
Ruan YongLing 1639
Ruas, C. F. 4082
Ruas, P. M. 4082
Ruaud, J. N. 10290
Ruban, N. 3307
Ruban, N. N. 6699, 10039
Rubatzky, V. 3224
Rubatzky, V. E. 3653
Ruberti, F. 10964
Rubiales, D. 3798, 3912, 5345, 5395, 10654
Rubies-Autonell, C. 11925
Rubin, D. M. 9305
Rubini, A. 8401
Rubinstein, B. 2634, 10369
Rubio, F. 955
Rubio, J. 3121, 5416
Rubio, P. 4940, 4969
Rubio, T. 11680
Rubio-Cabetas, M. J. 3285, 12652
Rubluo, A. 7129
Ruckenbauer, P. 2699, 2860, 3882, 5027, 7407, 9525
Rudall, P. J. 3778, 9392
Rudas, V. A. 12530
Ruden, B. E. 3827-3828
Rudenko, M. I. 8617
Rüdiger, W. 10225, 11379
Rudko, T. 6806
Rudloff, E. 616
Rudoi, A. B. 159, 3922
Rudolf, K. 11070
Rudolph, K. 4776
Rudraradhya 9690
Rudraradhya, M. 1116, 9689
Ruegger, M. 3751
Ruelke, O. C. 7664
Rueness, J. 8404
Ruenrgruedee Wanussakul 756
Ruetz, W. F. 8257
Rufener, G. K., II 6205, 6225
Ruffini Castiglione, M. 9759
Ruffio-Châble, V. 446, 6529, 9944
Ruffoni, B. 5871
Rugh, C. L. 1808, 2583, 9371
Rugienius, R. 4455
Rugini, E. 11309, 11314, 11530
Ruhen, M. 7879
Rühl, E. H. 3336, 10048
Rui, M. F. 10792
Rui Chen 2324
Rui MingFang 10792
Ruisa, S. 1446
Ruiter, R. K. 2234
Ruíz, J. A. 5902
Ruiz, J. A. 3972
Ruiz, J. J. 1535, 7904
Ruiz, J. M. 6566
Ruiz, M. 5399, 9485, 11795
Ruiz, M. T. 6370
Ruiz de Galarreta, J. I. 9903
Ruiz-Dueñas, F. J. 7173
Ruiz-Lara, S. 12527
Ruiz-Medrano, R. 3258
Ruiz Rejón, C. 7114, 11533
Ruiz Rejón, M. 7114, 11533
Ruiz-Tapia, E. N. 9722
Ruiz Téllez, T. 7670
Rumbaugh, M. D. 6358
Rumeau, D. 9104
Rummel, D. R. 11431, 11438
Rumpold, H. 8751
Rumpunen, K. 3276, 7880
Rumsey, F. J. 5888
Rumyantseva, L. T. 2561
Rundle, S. J. 11737
Runions, C. J. 2589, 10327
Runk, J. L. V. 4921
Runkle, E. S. 1731, 8528
Running, M. P. 912, 4882, 4888
Ruo, L. B. 11062
Ruo LiBin 11062
Ruoss, B. 3156, 4295
Rupert, T. 6416-6418
Ruperti, B. 10063
Rupp, D. 10054
Rupp, H. M. 9328
Ruppel, M. 9380
Rural Advancement Foundation International 9271
Rush, D. 11443
Rush, D. E. 11444
Rush, M. C. 7627
Rushton, P. J. 2002, 7196
Russ, M. H. 11827
Russanov, L. 2295
Russell, A. C. 5408
Russell, A. L. 5473
Russell, B. L. 2536
Russell, J. 176, 6173
Russell, J. H. 7272
Russell, J. R. 3366, 6157, 6866
Russell, K. 6686
Russell, M. D. 11044
Russell, S. D. 3527, 5894, 7281, 11385, 11588
Russell, S. J. 5888
Russell, W. A. 6199, 6427
Russelle, M. P. 3051
Russi, L. 3507
Russin, J. S. 9809, 11885
Russinova, E. 3524
Russo, E. 12156
Russo, G. 2425
Russo, M. 3644, 10633
Russo, M. P. 2414, 3360
Russo, P. 1345
Russo, S. 241, 6257, 9656
Rusterholz, P. 516, 1445, 1451
Rustichelli, C. 8189
Ruter, J. M. 11490
Rutger, J. N. 6303, 7529
Rutherford, R. 1848
Rutherford, R. S. 2485
Rutherford, S. M. 2769, 10524
Rutkowski, P. 1759
Ruuska, S. 9096
Ruuska, S. A. 8144-8145
Ruwali, K. N. 6136
Ruzgas, V. 2819
Rwezaula, P. 1499
Ryadchikov, V. G. 6224
Ryals, J. 1828, 4874, 8587
Ryals, J. A. 1878
Ryan, A. B. 11948
Ryan, C. A. 4345, 5539, 6556
Ryan, K. G. 8324
Ryan, M. D. 4828
Ryan, P. R. 6092
Rybakova, M. I. 10650
Rybay Pty Ltd 4696-4697, 7045, 7054
Rybczyński, J. J. 1218, 12326
Rybiński, W. 1996
Ryburn, J. A. 86, 12834
Ryder, C. 6633

Ryder, E. J. 6543
Rymareva, E. V. 4290
Rytz, A. 4355
Ryu, J. A. 7841
Ryu, J. G. 8300
Ryu, K. R. 7546
Ryu, S. K. 2296
Ryu, S. N. 5187, 8087
Ryu, Y. H. 7706-7707
Ryu JungGi 8300
Ryu KilRim 7546
Ryu SooKyung 2296
Ryu SuNo 8087
Ryu SuNoh 5187
Ryu YongHwan 7706-7707
Ryynänen, L. A. 2592, 8260
Rzepczyk, A. 4751
Sa, P. B. de 4377
Saa Otero, M. P. 4465
Saalbach, G. 2160, 9097
Saalbach, I. 2160
Saam, C. 2852
Saastamoinen, M. 2003
Saatçi, N. 11224
Saavedra, A. L. 3846
Saba, T. 5744
Sabaghpour, H. 5449
Sabanci, C. O. 6311
Sabater, B. 10514
Sabelli, P. A. 10696
Saberi, H. K. 3873
Sabina, M. R. 3409
Sabir, S. 11899
Sablowski, R. W. M. 40, 10547
Saboora, A. 7149
Sabrawat, A. K. 6283
Sabry, S. R. S. 7386
Sabry Neto, H. 10086
Sabu, K. K. 8356
Saccani, G. 5516-5517, 8874
Saccardo, F. 5421, 5429, 6455, 11530
Sacco, F. 1985
Saccone, C. 5965, 5971
Sachan, J. K. S. 2037
Sachdeva, P. 6136
Sachinoglou, A. 10958
Sachithanantham, K. 1593, 4553
Sachs, M. 11981
Sachs, M. M. 2939
Sack, M. 12826
Sączyńska, V. 3982, 10718
Sadahira, S. 12975
Sadananda, N. 11359
Sadanandam, A. 5551
Sadanshio, S. A. 11297
Sadanshiv, S. A. 10615
Sadashiva, A. T. 11138
Sadasivaiah, R. S. 9456
Sadasivam, A. 2950
Sadeghian, S. Y. 677
Sadek, S. E. 5116
Sadiki, M. 5335, 5425
Sadiq, M. S. 9854
Sadras, V. O. 1648, 10152
Sadri, B. 5449
Saedler, H. 891, 905, 9617, 11546, 11788
Saeglitz, C. 12777
Saeki, K. 155
Saénz, L. 642
Saenz, R. 8890
Sáenz de Miera, L. E. 5403
Sáez, F. 5909
Sáez, L. 3608, 12922
Saez-Vasquez, J. 10104
Safford, R. 5473, 9892
Safriel, U. N. 10671
Sagar, M. A. 12216
Sagasser, M. 905, 9339
Sagawa, S. 1269
Sage, G. C. M. 5991
Sage, T. L. 10392
Saghai Maroof, M. A. 10810
Sági, L. 2392, 2394, 2408, 7999
Sagi, L. 10066
Sagi, M. 11107
Sagi, Zs. 12564
Saglio, P. 216
Sağsöz, S. 10885, 11973
Sah, J. N. 5681
Saha, M. N. 4622
Saha, S. 4226, 12836
Saha, T. 6980
Sahagún-Castellanos, J. 2929
Sahagún Castellanos, J. 8509
Sahai, S. 1115, 10485
Sahai, V. N. 12203
Saharan, G. S. 12734
Saharan, M. S. 12734
Sahasrabudhe, N. A. 3005, 4051
Sahi, A. N. 6049
Sahi, B. K. 9063
Sahi, C. 9250
Sahib, K. H. 4012, 10734
Sahibzada Rafiullah 9047
Şahin, B. 6726
Şahin, N. 6721, 6725
Sahlström, S. 5006, 6124
Sahoo, N. C. 1161
Sahrawat, A. K. 6280, 10843
Sahu, B. C. 5446
Sahu, R. K. 1201
Sahu, U. K. 3203
Saibal Mahapatra 6464
Said, F. B. 5126
Said, M. S. 5346
Saïdi, N. 119
Saidi, N. 4817
Saidman, B. O. 10302
Saĭfullin, R. G. 10622
Saiga, T. 1406
Saikia, A. 11921
Saikia, A. K. 10873
Saikia, D. 11579
Saikia, D. K. 10651
Saikia, K. 12928
Saikia, S. K. 10651
Saiko, V. 5317
Sailaja, M. V. 6245
Sain, R. S. 4996
Sain Dass 2940, 9614, 12113
Sainani, M. N. 9858, 11003
Saindon, G. 6419, 7736-7737, 9817
Saindrenan, P. 5763
Saini, H. C. 2648, 5679-5680
Saini, N. 7773, 8373
Saini, P. S. 2304
Saini, R. G. 3021, 5042, 5045, 10832
Saint, J. P. le 6529
St. Clair, D. A. 4366, 7898
St. Clair, G. 10698
St. Martin, S. K. 7700
St. Pierre, C. A. 5145, 9510
Sairam, R. K. 143
Saisingtong, S. 122
Saito, A. 6642, 8675
Saito, C. 1608, 3586, 4573, 6939, 11803
Saito, H. 458, 8856, 12776
Saito, K. 1832, 4545, 4854, 4870, 6000, 6884, 8380, 8485, 9928
Saito, M. 1832, 4870
Saito, N. 8326
Saito, S. 10790
Saito, T. 463, 1623, 4892, 8870, 8931, 10505, 12630
Saito, Y. 8548, 8856, 11757
Saitoh, H. 1406
Saitoh, K. 1271
Saitoh, T. 4045
Saitou, T. 8460
Saji, K. V. 12960
Saji, S. 8691
Sajjanar, G. M. 3461
Saka, N. 12232
Sakagami, Y. 3529
Sakai, A. 1608, 3586, 4573, 5851, 6939, 9098, 9221, 11803
Sakai, F. 4602, 4607, 10297, 10312
Sakai, H. 912, 2744
Sakai, K. 3249
Sakai, S. 2321, 3085, 3776, 10441, 10946
Sakai, T. 4506
Sakai, Y. 6797
Sakaki, A. 161
Sakakibara, H. 7490
Sakakibara, T. 9838
Sakakibara, Y. 10807
Sakamoto, A. 1872, 3015, 8500, 9361
Sakamoto, K. 5794
Sakamoto, T. 3339, 8688
Sakamoto, W. 4855, 7240, 8048, 8449
Sakanishi, K. 4440
Sakano, K. 2962
Şakar, D. 6448
Sakata, K. 5526
Sakata, Y. 3312, 4929, 5455, 11146
Sakhare, R. S. 3080, 10952
Sakhizai, D. G. 6098
Sakila, M. 7602
Sakiyama, F. 4932, 5579, 12629
Sáková, L. 4332, 6437, 6798
Sakovich, V. I. 5792
Saku Sivasupramaniam 11433
Sakuma, F. 2624, 4749, 7115, 7117
Sakuraba, W. 6635
Sakuragui, C. M. 9013
Sakurai, A. 10532
Sakurai, N. 9560
Sakuta, C. 4386
Sala, F. 6630
Salaberry, M. T. 4527
Salaj, J. 3583, 11497
Salajova, T. 11497
Salam, M. A. 11252
Salama, S. A. 2928
Salamah, A. 12818
Salamini, F. 154, 1333, 1888, 3632, 5061, 6492, 12942
Salamon, P. 8153
Salamone, P. 9275
Salamov, A. A. 5973
Salánki, K. 1393
Salas, G. 3088, 4534
Salaün, J. P. 63
Salazar, L. F. 5933
Salazar, M. P. 1873
Salazar, S. 9246
Salazar B., A. 1430
Salcedo, G. 3395
Salchert, K. 57, 66, 7255
Saldarelli, P. 11389
Saleem, A. 12845
Saleem, M. 12438
Saleh, F. M. 7813-7814
Saleh, N. A. M. 825
Salehian, Z. 160
Salem, A. H. 3853
Salem, I. E. M. 10961
Saleque, M. A. 4057
Salesses, G. 3285, 8969, 8971, 8976, 12652
Salgueiro, S. 9440
Salhuana, W. 2909
Salick, J. 8429, 12877
Salih, A. A. 10757
Salih, S. 3266
Salimath, P. M. 1015, 7768, 9862, 9880, 9884-9885
Salimath, S. S. 7725
Salina, E. A. 2827, 4945
Salinas, J. 2749, 5502, 9332
Salisbury, P. A. 12724
Säll, T. 2491, 8516
Sallares, R. 6128
Salliot-Maire, I. 9335
Salm, T. P. M. van der 781
Salman, R. M. 3817, 3867
Salmanowicz, B. P. 12334
Salmeri, C. 4327, 8864
Salmeron, J. M. 7198
Salmon, D. F. 3906
Salmon, J. M. 7245
Salomé, P. A. 2761
Salomon, B. 173, 1223, 4106, 4108-4109, 4113, 6331, 9553, 10889, 12286
Salomon, S. 692
Salter, M. G. 1612
Salunke, C. B. 10752
Salunkhe, C. K. 6714
Salvà, I. 5764
Salvador, R. J. 1087, 6222
Salvadore, G. 103
Salvagiotti, F. 7333
Salvalaio, I. 9656
Salvi, S. 1070, 10716
Salyaev, R. K. 4290
Samac, D. A. 316, 3055, 6353
Samad, M. A. 7395
Samadia, D. K. 9992
Samaiya, R. K. 1007
Šamaj, J. 5117, 9045
Samaliev, H. 8843
Samanani, N. 1770
Samancı, B. 1076
Samantaray, S. 287, 1104, 3146, 3502, 4070, 10308
Samarajeewa, P. K. 4063
Samaras, S. 6062
Samarasinghe, W. L. G. 10065
Samatadze, T. E. 8359
Samborska-Ciania, A. 9728
Samersov, V. F. 9588
Sami Kamal 2249
Samita Patel 55
Sammons, B. 4363
Sammour, R. H. 10908
Samosir, Y. M. S. 10162
Samoylov, A. 7845
Samoylov, V. M. 3083
Sampson, B. J. 9057
Sampson, H. A. 5709
Sampson, J. F. 737
Sampson, V. 5922
Samresh Dwivedi 11580
Sams, C. E. 10017
Samson, T. 3520
Samuel, R. 10291
Samuel Rai 11604
Samuelsen, A. I. 1609
Samyn, G. 4763
San-José, M. C. 6995
San Martin, J. 9207
Sanada, T. 4403, 8983, 12633
Sanada, Y. 8676, 9317
Sanaja, V. O. 12556
Sanan, N. 9250
Sancak, C. 8565
Sanchez, A. 2121, 3376
Sanchez, A. C. 7564, 8717
Sanchez, A. M. 11178
Sánchez, E. 2196, 3096, 3955, 6425
Sánchez, F. 5351, 12599
Sánchez, F. J. 6443
Sanchez, G. 8847
Sánchez, J. 8647
Sanchez, N. 2576
Sánchez, P. 6918
Sanchez, S. 6490
Sánchez Agudo, J. A. 12905
Sánchez Castillo, F. del 5533
Sánchez-Cuxart, A. 7160
Sánchez de Jiménez, E. 1069, 9616
Sánchez de la Hoz, M. P. 1031
Sánchez-Díaz, M. 10991
Sánchez-Escribano, E. M. 6712
Sánchez-Fernández, R. 64, 1825
Sánchez G., J. J. 3972
Sánchez-Mata, D. 4700
Sánchez-Monge, R. 3395
Sánchez Rodríguez, L. 12886
Sánchez Sánchez, J. 12905
Sánchez-Serrano, J. J. 12447, 12471
Sanda, S. L. 9279
Sandal, N. 325
Sande, K. van de 5758
Sandeep Kumar 11487
Sandei, L. 470, 5516-5517
Sandermann, H. 5806
Sandermann, H., Jr. 765, 2535, 12820
Sanders, D. 25
Sanders, P. 3988
Sanders, P. M. 4864
Sanderson, M. A. 6241, 10766
Sandha, G. S. 12739
Sandhu, J. S. 5570
Sandidge, C. R., Jr. 4391
Sandlin, C. M. 10974

Sandmann, G. 3747
Sandoval, M. C. 12123
Sandoz, G. 4519
Sane, A. 5933
Sane, A. P. 12197
Sane, P. V. 822, 4645
Sanematsu, S. 5367
Sanetra, C. M. 384
Sanford, J. C. 11716
Sanford, L. L. 4307
Sang, T. 5849, 10363, 12924
Sang Tao 5849, 10363, 12924
Sangam, V. S. 1014-1015
Sangaré, A. 5775, 6507
Sangare, A. 3448, 8071, 12490
Sangduen, N. 11222
Sangeeta Dhaubhadel 9980
Sänger, H. L. 3235
Sanghamitra Saha 4226
Sanghamitra Samantaray 1104
Sangit Kumar 4239
Sangoi, L. 1087, 3800, 6222
Sanguineti, M. C. 1070, 2925, 10716, 12528
Sanguino, A. 4552
Sangwan, I. 9805
Sangwan, N. S. 12950
Sangwan, R. S. 2228, 2519, 5468, 8806-8807, 9037, 10127, 10131, 10136, 10577, 11579, 12950
Sangwan, V. 7773
Sangwan, V. P. 8562
Sangwan-Norreel, B. 4309
Sangwan-Norreel, B. S. 2228, 2519, 10577
Sanhueza, R. 9226
Sanjay Ghawana 2720
Sanjay Gupta 8750
Sanjay Narang 9575
Sanjay Singh 10863, 12595
Sanjeev Gupta 12299
Sanjeev Singh 2970
Sanjeev Verma 12772
Sanjiv Gupta 4151
Sanjukta Parui 4933
Sankar, G. R. M. 11335
Sankhla, D. 12328
Sankhla, N. 12328
Sankula, S. 2127
Sanlaville-Boisson, C. 5847
SanMiguel, P. 2025
Sanmiguel, P. 2026
SanMiguel, P. J. 11814
Sannigrahi, A. K. 514
Sano, A. 9009
Sano, H. 1126, 4563, 5769, 10549
Sano, T. 10233
Sano, Y. 1166, 1168, 5211, 12186
Sanou, H. 7834
Sanou, J. 7475
Sansavini, S. 1442, 2334, 5600, 6630-6631, 6633, 6656, 7944, 7972, 8904
Sansberro, P. A. 9108
Sanso, A. M. 3612, 11559
Sansotta, A. 11249
Sant, V. J. 9858
Santa-Cruz, A. 1388
Santa Cruz, S. 11391
Santalla, M. 1318
Santamaría, S. 6435
Santana, A. A. D. 2432
Santana, J. C. F. de 10259
Santana, N. 7897
Santana Santana, A. 10080
Santandrea, G. 1629, 11996
Santaniello, V. 2708, 2816, 3664
Santen, E. van 6329, 10918, 12325
Santha, I. M. 6374
Santha, S. 393, 9881-9882
Santhkumar, G. 2953
Santhy, V. 1169
Santi, F. 2353, 7970, 10031
Santilocchi, R. 7507
Santis, A. de 9631
Santis-Maciossek, G. de 10225
Santos, A. 10161
Santos, C. 1562, 8397, 11634
Santos, F. G. 2059
Santos, F. G. dos 1100, 4004-4006, 12158
Santos, G. A. 5696, 5698
Santos, I. C. dos 12434
Santos, J. 3378
Santos, J. B. 4212
Santos, J. B. dos 4211
Santos, J. L. 3775
Santos, J. W. dos 3550, 5784, 6965, 10175
Santos, L. C. 6506
Santos, M. 453
Santos, M. X. dos 5123
Santos, P. 10934
Santos, P. G. 6250
Santos, R. 5643, 8017, 8405, 8410
Santos, R. C. dos 3460, 5713, 9052
Santos, V. F. dos 9052
Santos, W. R. dos 1654-1655, 11455
Santos Antunes, A. F. 11324
Santos Dias, L. A. dos 4568
Santos-Guerra, A. 11340
Santra, D. K. 5426
Santucci, A. 10965
Sanz, A. 688
Sanz, G. 3391
Sanz, J. 5861
Sanz, J. M. 11948
Sanz, M. 5360
Sanz, V. 3568
Sanz-Burgos, A. P. 7417
Saponetti, L. S. 2217
Sapporo Breweries Ltd 11622
Sapra, R. L. 3674
Sapra, V. T. 3190, 7719, 12836
Sara, S. C. 4760
Saradhi, P. P. 9361
Sarai, A. 3521
Sarala, B. S. 11518
Sarala Devi, D. 7909
Sarangi, D. 1526
Saraswathi, T. 11148
Saraswathyamma, C. K. 12864-12865
Sarath, G. 6391
Sarathe, M. L. 9687
Saratlić, G. 7496
Sarawgi, A. K. 9685, 12223
Sarblouki, M. N. 11875
Šarčević, H. 4997
Sarda, X. 10153
Sardana, R. 12801
Sardinha, R. M. A. 3414
Sareen, P. K. 3125
Sareen, S. 2665
Sarı, A. O. 706
Sari, N. 12601
Sari-Gorla, M. 2034, 3396, 12108-12109
Sarial, A. K. 10823
Šarić, M. 1962, 2855
Sarindu, N. 12700
Sarita Chaudhary 9980
Sarkar, A. K. 11487
Sarkar, B. K. 12234
Sarkar, D. 1335, 1337, 2712, 6482
Sarkar, K. P. 10270, 12574
Sarkar, K. R. 5103, 9607
Sarkar, R. K. 1201, 2115
Sarkar, S. K. 10272
Sarkarung, S. 10863, 12233
Sarker, A. 5396-5397, 12406-12407
Sarker, A. M. 10626
Sarker, R. H. 9692
Sarker, Z. I. 7395
Sarma, A. 9878
Sarma, B. K. 4239
Sarma, D. 8314, 10850
Sarma, K. C. 1120
Sarma, K. K. 1785
Sarma, N. K. 2109
Sarma, N. P. 1152
Sarma, R. N. 4963
Sarma, Y. R. 12967
Sarnaik, D. A. 5552
Sarobol, E. 2254
Sarode, N. D. 9858
Saroha, M. K. 872, 5986
Sarojini, G. 12224
Sarojini Menon 10403
Sarquís, J. I. 1069
Sarquis, J. I. 6490
Sarr, A. 2062, 2952
Sarrafi, A. 9446, 12741
Sarrazyn, R. 465
Sarria, R. 8783
Sarriés, G. A. 10972
Sarrobert, C. 9971
Sarswat, C. V. 10456
Sartori, Â. L. B. 5811
Saruhashi, Y. 11936
Sarwar, A. K. M. G. 9683, 12201
Sarwar, G. 9854
Sarwar, M. 5571, 6820
Sarzi Amadè, A. 5515
Sasahara, H. 6275, 10827
Sasahara, T. 12226
Sasaki, A. 3009, 10657
Sasaki, K. 3179
Sasaki, N. 4573, 9098
Sasaki, T. 293, 959, 1030, 1167, 2853, 4963, 5167, 6080, 6125, 7625, 8424, 8691, 8717, 9668, 10870, 12200
Sasaki, Y. 3427, 9838, 10557
Sasakuma, T. 983, 4550, 7397, 7666, 9437, 9515
Sasanuma, T. 4948, 9505
Šašek, A. 96, 1958, 5070, 7396
Sasikumar, B. 2675, 8369, 12960
Sasikumar, S. 12866
Sasmal, B. G. 10271
Sass, L. 5255
Sassa, H. 2434, 7937, 7969
Sassen, A. 9289
Sassikumar, D. 9864
Sassoli, O. 11308
Sastry, E. V. D. 3875, 4154, 5075, 8370
Sastry, J. A. 9046
Sastry, L. V. S. 6136
Satange, I. V. 11416
Šatarić, I. 7488
Satarova, T. N. 12086, 12146
Satheeshan, K. N. 12961
Sathish, P. 1034, 10662
Satish Lodha 12436
Sato, A. 5622, 5653, 7289
Sato, F. 8121
Sato, K. 5963, 7435
Sato, M. H. 2320
Sato, T. 5917, 8315, 9806, 12589
Sato, Y. 3515, 4323, 5168, 6691, 8424, 12630
Sato-Nara, K. 9994
Satoh, H. 3218, 5221, 10703, 10828
Satoh, J. 8549, 9462
Satoh, K. 11750
Satoh, R. 3178, 3757
Satoh, S. 4386, 5794, 6496
Šatović, F. 9627
Satpute, G. K. 1787
Sattar, A. 2672
Sattelmacher, B. 10553
Satterfield, K. 2877
Satya Prakash 6769
Satya Vir 11599
Satyanarayana, P. V. 4049
Satyavir 1591, 12243
Satyendra Rajguru 6974
Saúco, V. G. 2391
Sauer, N. 3736, 6036, 11755
Sauer, W. 3044
Sauerteig, S. 1858
Sauge, M. H. 4446, 12663
Saukel, J. 5904
Saulnier, L. 1964, 11877
Saumitou-Laprade, P. 3651, 10201
Saunders, J. A. 5321
Saunders, J. W. 2498, 6908, 12782, 12785
Saunier, R. 2326
Saurer, W. 8533, 9496
Saus, M. L. A. 1400
Sauter, M. 4062, 9678, 12030
Sautter, C. 6084
Sauvage, F. X. 2378
Sauvanet, A. 10519
Sauvant, D. 2936
Sauviac, L. 4911
Savage, G. P. 582
Savage, J. R. K. 10414
Savé, R. 3391, 10093
Savel'ev, G. D. 1212
Savel'ev, N. I. 527
Savić, A. P. 9720
Savidan, Y. 12276
Savini, G. 3314
Savino, V. 11389
Saviozzi, F. 5020, 10638
Savita Shanker 11729
Savitha, M. 12740
Savithramma, D. L. 387, 390, 6458
Savithri, H. S. 5144, 5933
Savithri, P. 12697
Savka, M. A. 91
Savolainen, O. 4668-4669, 9144, 12885
Savolainen, V. 1907, 3784
Savouré, A. 8505
Saw, L. G. 12900
Sawa, S. 3748, 8493
Sawada, H. 6720
Sawada, S. 6108, 8534, 8571, 8772
Sawasaki, T. 7234
Sawazaki, H. E. 7010
Sawazaki, T. 10805
Sawers, R. J. H. 9594
Sawhney, R. N. 2864, 2866, 7414, 10649
Sawhney, V. K. 8321, 9316
Sawicka-Sienkiewicz, E. 1246, 10914, 10920
Sawicka-Sienkiewicz, E. J. 10919, 12333
Sawycky, X. L. 11370
Saxe, H. 11506
Saxena, D. C. 143
Saxena, K. B. 4229, 5431
Saxena, M. C. 5410
Saxena, M. M. S. 660, 4548
Saxena, N. 1149
Saxena, N. P. 1312, 8803
Saxena, O. P. 2950
Saxena, P. K. 7075, 10357
Saxena, R. R. 10838
Saxena, S. 11624
Saxena, V. K. 11982
Sayanova, O. 5900
Sayed-Ahmed, M. S. 9574
Sayed-Tabatabaei, B. E. 8599, 9548
Sayers, E. J. 4964
Sayre, K. D. 3846
Sbordoni, V. 11249
Sbrighi, M. 550, 552, 3310-3311, 8994
Sbrighi, P. 552, 3310
Scala, F. 2243
Scala, S. la 765, 5541
Scaltsoyiannes, A. 2599, 8259
Scalzo, R. lo 5563
Scalzotto, E. 5515
Scandalios, J. G. 2017, 6212, 10707
Scannerini, S. 843, 854
Scapim, C. A. 2180, 6422, 6589, 8670, 9630
Scarafoni, A. 5263
Scaramuzzi, F. 12931
Scarano, M. T. 1520
Scarascia Mugnozza, G. T. 864, 9431
Scarisbrick, D. H. 4047
Scartazza, A. 8606, 10628
Scartezzini, F. 7152
Scarth, R. 3422, 4511, 10103
Šćepanović, T. 3872

Schaaf, D. M. 8302
Schaafsma, A. W. 2205
Schaal, B. A. 1909, 4912, 7826, 10804
Schaap, P. J. 4788, 8391
Schaart, J. 6634
Schacherer, F. 5982
Schachermayr, G. 8533, 8590
Schachschneider, R. 1936
Schachtman, D. 9253
Schachtman, D. P. 3720
Schade, H. 5034
Schaewen, A. von 11023
Schäfer, C. 8137
Schäfer, H. J. 8045
Schäfer, U. A. 8037
Schäfer-Menuhr, A. 4245
Schäfer-Menuhr, A. 5933
Schäfer-Pregl, R. 1333
Schaffer, A. 12532
Schaffer, A. A. 6600
Schaffer, R. 918, 3738
Schafferman, D. 6880, 11162
Schaffrath, U. 11960
Schaik, H. P. van 5864
Schalk, M. 9819
Schaller, A. 5537, 7886
Schaller, G. E. 3734, 8496
Schaller, H. 892, 7230
Schaller, R. 416
Schammass, E. A. 7691
Schantz, M. L. 4580
Schantz, R. 503, 4580, 7906
Schapira, A. H. V. 5965
Schat, H. 6039
Schatt, S. 4315
Schauerte, M. 7214
Schaumberger, A. 2699
Schauser, L. 325
Schechert, A. W. 7503, 8665
Scheel, D. 6473, 7201
Scheer, I. 11088
Scheeren, P. L. 10602
Scheerens, J. C. 11201-11202
Scheffler, B. 12049
Scheffler, B. E. 11998
Scheibe, R. 3749, 6481
Scheible, W. R. 9345
Schein, J. 11732
Scheiner, O. 4488
Schell, J. 57, 1831, 2146, 4796, 5758, 7255
Schellenbaum, L. 6937
Scheller, H. V. 4894, 8484, 8603
Schemske, D. W. 2633, 7278
Schenk, H. 1043
Schenk, P. M. 10066
Schepers, F. 11077
Scheres, B. 11783
Schermann, N. 7970, 11510-11511
Schernthaner, J. P. 178
Schertz, K. F. 10737
Scherzer, A. J. 6999
Schesser, M. 7928
Scheuring, D. C. 8811
Scheyhing, F. 9428
Schiavi, M. 449, 6513
Schiavon, L. 10020
Schiavone, C. 11325
Schiavone, M. 8576
Schiebel, R. 3235
Schiebel, W. 3235
Schieder, A. 777
Schieder, O. 1283, 2160
Schiefelbein, E. L. 6156
Schiefthaler, U. 1902
Schiemann, A. 3940, 10741, 11967
Schiemann, J. 5740
Schierholt, A. 618
Schierup, M. H. 1901
Schiestl, F. P. 10401
Schiff, S. 1629
Schifino-Wittmann, M. T. 3064-3065, 9760, 9771
Schilde-Rentschler, L. 3156, 4295
Schilkey, F. 5964
Schill, B. 2189, 6409
Schillberg, S. 12826
Schilling, E. 11291
Schilling, E. E. 4531
Schillinger, W. F. 2856
Schilperoort, R. A. 5058
Schimmelpfennig, D. 4935
Schinkel, B. 1926
Schipprack, W. 5138
Schirone, B. 738, 9131
Schirra, M. 11326
Schiva, T. 9181
Schjoerring, J. K. 6803
Schlagheck, A. 12116
Schlagnhaufer, C. D. 927
Schlaman, H. R. M. 1841, 4142
Schlarbaum, S. E. 9162, 11467
Schlegel, R. 5013
Schlein, M. 157
Schlich, T. 12395
Schlichting, C. D. 3752
Schlinker, G. 2488
Schmelzer, E. 9893, 12949
Schmelzer, G. H. 4014
Schmid, J. 3336
Schmid, J. E. 122, 990, 3851, 8561, 8590
Schmid, M. 2319, 5998, 8456
Schmidt, A. 6473
Schmidt, H. 1461, 1463, 4417, 6633, 6655-6656, 6683, 8979, 10013
Schmidt, J. 1735, 5590, 5758, 6473
Schmidt, J. S. 6401, 6404
Schmidt, M. E. 6387, 7723
Schmidt, R. 7233, 10503
Schmidt, R. J. 156, 2034, 3960
Schmidt, T. 1597, 2497, 7767
Schmidt, T. M. 5968
Schmidt, W. 10445
Schmidt-Bleek, K. 6930
Schmidtling, R. C. 7019, 10319
Schmiediche, P. 12482
Schmit, A. C. 8063
Schmit, V. 5156
Schmitt, J. 7254
Schmitt, N. F. 9552
Schmitt, T. 5531
Schmitthenner, A. F. 7700
Schmitz, F. 9245
Schmitz, G. 5531
Schmitz, S. 10560
Schmülling, T. 4585, 7797, 9328, 9385
Schmutz, U. 572, 12699
Schnabel, A. 3565
Schnabl, H. 8060, 8065, 11289-11290
Schnable, P. S. 7484, 8637
Schneck, V. 735
Schneeberger, R. 6211
Schneider, A. 557
Schneider, A. D. 194
Schneider, F. 10607
Schneider, J. C. 12489
Schneider, J. H. M. 12938
Schneiter, A. A. 1563
Schneitz, K. 1902
Schnell, D. E. 5890
Schnell, F. W. 1893
Schnell, R. J. 5486, 8016
Schnittger, A. 4865, 10537
Schnitzler, W. H. 416
Schöb, H. 6935
Schober, V. 558
Schöber-Butin, B. 8840
Schöberlein, W. 12283
Schoch, S. 10225
Schock, G. 5678
Schoentgen, F. 2666
Schöffl, F. 4901, 11660
Schols, H. A. 1967
Scholten, O. E. 4304, 7819
Scholthof, H. B. 11680
Scholz, F. 752, 4677, 7214, 8202
Scholz, G. 3114
Scholz, H. 4120
Scholze, P. 454, 12512
Schön, C. C. 2016
Schondelmaier, J. 2888
Schönenberger, J. 9177
Schonhof, I. 9949
Schontz, D. 7519
Schoof, H. 3743
Schoofs, H. 2392, 2404
Schoofs, M. 12509
Schoper, J. 3967
Schori, A. 10884
Schouten, H. J. 6656
Schrader, O. 10445
Schraudner, M. 2535
Schrauwen, J. A. M. 2234
Schreiber, H. 2339, 6656, 6658
Schreiner, M. 9949
Schreuder, M. 9238
Schrire, B. D. 1252
Schröder, A. 7152
Schröder, G. 1735, 12948-12949
Schröder, J. 1735, 12948-12949
Schröder, W. P. 4853, 8480
Schröder-Pontoppidan, M. 12720
Schroeder, H. 5283
Schroeder, J. I. 48, 955, 10632
Schroeder, J. W. 1080
Schroeter, B. 4308
Schroeven, S. 6644
Schubert, A. 5034
Schubert, I. 2804, 2873, 3092, 4324, 10586
Schubert, R. 765
Schubert, V. 5034
Schubiger, F. X. 9730
Schuch, U. K. 1743
Schuch, W. 9278, 11104, 11660
Schuck, E. 10051
Schueller, C. 9295
Schuelter, A. R. 7908
Schuenemann, D. 3724
Schüepp, H. 6937
Schuerman, P. 1853
Schuiteman, A. 7126
Schüler, K. 3151, 4245-4246, 4280
Schuler, T. H. 6833
Schüll, C. 2518
Schulman, A. 7427
Schultz, D. J. 5908
Schultze-Kraft, R. 8759
Schulz, A. 2239, 11690
Schulz, B. 891, 2053
Schulz, H. 8861
Schulz, R. 9408
Schulze, J. 316, 6383, 7422
Schulze, M. 1461
Schulze, W. 5889
Schulze-Lefert, P. 175, 1047, 3939, 5026, 6080
Schumacher, H. M. 5933
Schumacher, K. 5531
Schumacher, K. D. 9600
Schumann, A. W. 6901
Schumann, D. 12826
Schumann, E. 5034, 12863
Schumann, G. 9891
Schumann, U. 5998, 8456
Schuphan, I. 6911
Schupp, J. M. 4197, 7713
Schupp, J. R. 1425
Schutzman, B. 3591
Schuurink, R. C. 9552
Schuyer, M. 7241
Schvartzman, J. B. 9831
Schwab, A. P. 319
Schwab, B. 4865, 10537
Schwab, R. L. 12324
Schwacke, R. 6559
Schwall, G. P. 9892
Schwall, M. 12048
Schwartz, H. F. 4213
Schwarz, G. 6178, 7422
Schwarz, H. 4865
Schwarz, S. 4410, 12636
Schwarz-Sommer, Z. 11546
Schwarzacher, T. 3723
Schwarzbach, E. 4814
Schwarzfischer, A. 4258
Schwarzfischer, J. 4258
Schwebel-Dugué, N. 10516
Schwechheimer, C. 3714
Schweizer, D. 3092, 7739, 12802
Schweizer, G. 8588
Schweizer, P. 11908
Schwekendiek, A. 4671
Schwencke, J. 9140
Schwenger-Erger, C. 10995
Schwenkel, H. G. 9190, 10393
Schwenn, J. D. 7224, 11583
Schwertfeger, J. 5964
Schwizer, T. 1451
Sciancalepore, A. 970, 5032
Scienza, A. 7987
Scippa, G. 6407
Scissum-Gunn, K. D. 11050
Scoles, G. 2824, 6127
Scoles, G. J. 182, 6168
Scollan, C. 11366
Scorpan, V. G. 12015-12016
Scortegagna, S. 4737
Scortichini, M. 1542
Scorza, R. 1432, 8971, 12643, 12646-12648
Scotland, R. W. 5845
Scott, A. 3056
Scott, D. B. 10531
Scott, D. L. 7213
Scott, D. L., Jr. 7793
Scott, J. E. 2077
Scott, J. W. 5544, 8301
Scott, M. C. 4726
Scott, N. S. 2413
Scott, P. E. 10366
Scott, R. 1553
Scott, R. A. 4198
Scott, R. C. 1675
Scott, R. J. 1861
Scott, R. K. 2690
Scott, S. E. 6782
Scott, T. A. 10596
Scotti, I. 764
Scrugli, A. 10406
Scuderi, G. 9130
Scurtu, I. 3105, 3261
Scurtu, M. 3261
Scutt, C. P. 1730, 11652
Seabourn, B. W. 3827-3828, 7380
Seabra, R. M. 1604
Seabrook, J. E. A. 408, 5471, 12443
Seah, S. 957, 2050, 5026, 9534
Seals, D. F. 6923
Sealy, J. R. 10353
Sears, B. B. 2622
Sears, R. G. 7399, 7404, 7411, 7415-7416
Sears, T. 10205
Sebastian, L. S. 4077, 7530-7531
Sebastiani, L. 11283
Sebastiano, A. 4259, 8819
Sebata, T. 9800
Seberg, O. 2796, 3935, 7668, 8518
Šebesta, J. 2006
Sechnyak, A. L. 4967
Secor, G. 411
Sedbrook, J. 2758, 10546
Sedbrook, J. C. 6035
Sedda, P. 11303
Seddaiu, G. 4100
Seddig, S. 4285, 4287, 7812
Sedee, N. J. A. 9552
Sedelnikova, T. S. 8195
Sederoff, R. 5812
Sedgley, M. 7060, 7064-7065, 7067, 8072, 10091
Sedilot, C. 11094
Sediyama, C. S. 2176, 2179-2180, 8770, 9706, 12347
Sediyama, T. 2176, 2179-2180, 7727, 9808, 9810
Sedjo, R. A. 2706
Sedov, E. N. 526, 12631
Seefeldt, S. S. 6153, 11931
Seehaus, K. 3089
Seelanan, T. 86, 12837
Seemüller, E. 12634
Seeni, S. 8356, 10403
Seeta, P. 10157

Seetharama, N. 5409
Seetharamaiah, K. V. 10837
Seetharaman, K. 11156
Sefc, K. 3322
Sefc, K. M. 2375, 11212, 11215
Segelken, J. B. 12993
Segers, G. 4862
Seglias, N. 6654
Segnini, I., Jr. 2565
Seguí, E. 1249
Séguin, A. 8264
Seguin, M. 11797, 12764
Séguin-Swartz, G. 11257
Segura, A. 8835
Segura, J. 818, 9204, 10431
Sehgal, O. P. 2647
Sehnke, P. C. 2913
Seib, P. A. 1965-1966, 8569
Seilert, G. J. 6847
Seim, R. 11732
Seip, L. 10140, 10151
Şeker, M. 12693
Sekhon, M. 11732
Sekhon, R. S. 11982
Seki, H. 5391, 8326
Seki, M. 4850, 4905, 9373, 11724, 11734
Sekiguchi, M. 886
Sekimoto, H. 4354
Sekine, M. 9101
Sekiya, M. 12678
Sela, I. 5755, 10218
Sélassié, K. G. 11132
Selbitschka, W. 7209
Selig, L. 6201
Selinger, D. A. 3969
Seliskar, D. M. 2142
Sellami, S. 5335, 5347
Sellés, M. 7116
Selman-Housein, G. 2486, 11343
Selvan, T. 10456
Selvapandiyan, A. 3536
Selvaraj, U. 11010
Selvarajan, R. 2655
Selvarani, M. 5199, 12210
Semeada, A. M. 12391
Sementi Elette 2698
Semerikov, L. F. 5826
Semerikov, V. L. 5826, 11507
Semikhodskii, A. 936, 4963
Semikhov, V. F. 7298
Semir, J. 1762, 5880, 11567
Sen, H. 1355
Sen, P. 2508, 4044
Sen, P. K. 6049
Sen, S. K. 6980, 12706
Sen, S. N. 12233
Senadhira, D. 1187, 1193, 3012, 3670, 4060, 5155, 6247, 6293, 9707
Senauer, B. 3665
Senda, K. 4278
Senda, M. 6635, 7711
Séne, M. 10705
Senecoff, J. F. 2583
Seneen, G. de 8867
Senesi, E. 5563
Senger, B. 8533
Senger, H. 11646
Şengül, H. 682
Sengupta, P. K. 2214
Sengupta, R. K. 5369
Sengupta-Gopalan, C. 6351
Senior, I. 593
Senior, I. J. 5994
Senoo, K. 1267
Sentenac, H. 7245
Senthil, N. 5712, 6235, 7523
Senthilkumar, P. 755, 6260, 9662
Sentoku, N. 2517, 3515, 5168, 8424, 8695
Seo, B. B. 7841
Seo, B. K. 7070
Seo, D. H. 8088
Seo, J. H. 1028, 11966
Seo, S. 5769
Seo, Y. W. 9416
Seo ByungKey 7070
Seo DongHwan 8088
Seo JaeHwan 1028, 11966
Seo YongWeon 9416
Seok, S. J. 253, 5096
Seok SoonJong 253, 5096
Seon, J. H. 804
Seon JeongHoon 804
Seong, K. Y. 1117
Seong, R. C. 6399
Seong KiYeong 1117
Seong RakChun 6399
Sepp, S. 5859
Seppänen, M. 6475
Seppänen, M. M. 409
Serafim, M. 3414
Serafini, L. A. 10452
Seraj, Z. I. 9692
Sereni, L. 2861
Sereno, M. J. C. de M. 1053, 2893, 8620, 9578
Serezhkina, G. V. 3889
Sergeeva, L. I. 7797
Serieys, H. 11271, 11291
Serini, C. 106
Serino, G. 2753
Serkov, V. A. 1057
Serna, A. 11996
Seroczyńska, A. 1383, 2301
Seron, L. H. 1539
Serova, Z. M. 526
Serquen, F. C. 9999
Serra, M. T. 4375
Serra, P. 6728
Serraf, C. I. 1348
Serrano, J. F. 11322-11323, 11329
Serrano, M. 4481
Serrano, M. C. 11322
Serrano, M. S. 10977
Serrano, R. 4820, 4869
Serrato Cruz, M. Á. 9180
Serres, J. 7226
Serter, E. 10711
Servettaz, O. 2659
Seryi, A. P. 7365
Sesar, B. 4950-4951
Sesé, A. I. L. 12599
Seshu Lavania 4827, 6048
Sessa, F. 5263
Sessions, A. 8530, 10518
Sethi, G. S. 1012, 1973, 2830, 2840, 2859
Sethi, P. N. 4238
Sethuraj, M. R. 12864-12866
Setimela, P. S. 2058
Setter, T. 1193
Setter, T. L. 8714
Settu, A. 4186
Setty, M. V. N. 11000
Setty, T. A. S. 11603
Seung, Y. K. 7706-7707
Seung YealKyu 7706-7707
Seurei, P. 6914
Sévignac, M. 8792, 12387
Sewell, M. M. 5813, 7020
Seyis, F. 10111
Seymour, G. B. 2396, 2697, 9969
Seymour, N. P. 11927
Sgarlata, R. 1521
Sgrulletta, D. 6135
Sha, G. L. 6667
Sha, X. Y. 7627
Sha GuangLi 6667
Shaat, M. M. N. 12611
Shabaeva, L. A. 10622
Shabelsky, E. 11162
Shackel, K. A. 3392
Shadakshari, Y. G. 12959
Shadchina, T. M. 980
Shade, R. E. 12429
Shadenkov, A. A. 1054, 11975
Shaffaaedin, S. 11964
Shafikova, T. N. 4290
Shah, D. 2649
Shah, J. 4908
Shah, M. A. 3874
Shah, R. P. 7316
Shah, S. A. 10141
Shah, S. J. A. 10141
Shahak, Y. 12532
Shahda, W. T. 12524
Shahi, J. P. 12083
Shahidi, F. 11651
Shahijram, L. 10055-10056
Shahmuradov, I. A. 8802
Shahzad, S. A. 12551
Shai, O. 7939
Shaik Mohammad 635, 7372, 7491, 7493, 11284
Shaikh, M. A. 11861
Shaila, M. S. 12753
Shailaja Hittalmani 9715, 10829
Shailesh Lal 8635
Shaji Philip 12967
Shaked-Sachray, L. 4732
Shakhovskiĭ, A. M. 11069
Shakiba, M. R. 8581, 11855
Shakila, A. 11147
Shakya, R. 4314
Shalata, A. 3243
Shalev, G. 12797
Shalini Mathur 11580, 11582
Shameekumar Patil 6391
Shamina, A. 2675
Shammi Raj 12866
Shamov, D. 3038
Shamsad, S. Z. K. M. 8069
Shan, H. Y. 11021
Shan, L. 147
Shan, S. 685
Shan, X. 8535
Shan, X. Q. 9659
Shan, Z. H. 8085
Shan HaiYan 11021
Shan Lun 147
Shan Song 685
Shan XueQin 9659
Shan ZhiHui 8085
Shanahan, M. T. 8450
Shaner, D. L. 3702
Shaner, G. E. 2892
Shang, C. M. 11096
Shang, H. S. 11916
Shang, Z. Q. 6576
Shang ChunMing 11096
Shang HongSheng 11916
Shang ZhenQing 6576
Shankar, M. 12335
Shankar, P. C. 1528
Shankar, V. 7774
Shankaranarayana, K. H. 830
Shanker, S. 11729
Shanklin, J. 921
Shanmugasundaram, P. 235
Shanmugavalli, N. 2482
Shannon, J. C. 192
Shannon, M. C. 5951
Shanower, T. G. 7778
Shantha Nagarajan 10629
Shanthakumar, G. 9690
Shanthi, S. 648
Shanti Patil 3139, 10820, 10826, 11417
Shao, K. T. 4790
Shao, M. 5739
Shao, Y. 5179, 7608
Shao Ying 7608
Shao You 5179
Shappley, Z. 11433
Shappley, Z. W. 1635, 5785
Sharan, M. 1614
Sharangi, A. B. 570
Sharich, M. 2855
Sharief, A. E. 11448
Sharif, A. 10999, 11012, 11016
Sharif, M. 3349
Shariflou, M. R. 9491, 10604
Sharkova, V. E. 2161
Sharma, A. 1257, 2647
Sharma, A. B. 1530
Sharma, A. K. 271, 7314, 9206
Sharma, B. 1301, 3110, 5397, 7765
Sharma, B. K. 6554
Sharma, C. M. 378
Sharma, D. 1170, 9699
Sharma, D. J. 4999, 5003
Sharma, D. K. 4999, 7598
Sharma, D. L. 5037
Sharma, D. N. 2863
Sharma, D. P. 8615
Sharma, E. 11601
Sharma, G. C. 9579
Sharma, H. 9532, 11926
Sharma, H. C. 2162
Sharma, H. P. 9395
Sharma, I. B. 2864
Sharma, I. K. 2608, 7124, 8354
Sharma, I. M. 10079, 11240
Sharma, J. B. 10649
Sharma, J. K. 12262-12263
Sharma, J. P. 10849
Sharma, J. R. 2670, 2672, 2682, 10433, 10448, 11590
Sharma, K. 1120, 8238
Sharma, K. C. 9649
Sharma, K. D. 11896
Sharma, K. K. 3017, 5193
Sharma, M. 9206
Sharma, N. 11238
Sharma, N. P. 2992
Sharma, O. P. 12383
Sharma, P. 3548
Sharma, P. C. 11868
Sharma, P. K. 2843
Sharma, P. N. 12383
Sharma, P. R. 11017
Sharma, R. 787
Sharma, R. B. 12198
Sharma, R. K. 1094, 4996, 7389, 8030, 9421, 9856, 11661
Sharma, R. L. 5140-5141
Sharma, R. N. 9883
Sharma, R. P. 4368, 10997
Sharma, S. 488, 1058, 2670, 2679, 6248, 10640, 11607, 11612-11613
Sharma, S. B. 213
Sharma, S. C. 10351
Sharma, S. D. 3370, 12731
Sharma, S. K. 754, 2840, 4271, 8558, 8564, 9477, 9853, 12240
Sharma, S. L. 4662
Sharma, S. N. 4996, 5075, 6398, 6590
Sharma, S. P. 2846, 10783, 10998, 12529, 12758
Sharma, S. R. 5436
Sharma, T. R. 2954, 3840, 7352, 10108, 10110
Sharma, T. V. R. S. 12503
Sharma, Y. 9649
Sharma, Y. D. 2647
Sharma, Y. K. 4271
Sharman, M. 521
Sharon, D. 5651
Sharon, M. 1528
Sharopova, N. R. 177, 11282
Sharp, P. J. 996, 8171, 9491, 10604
Sharpe, A. G. 8052
Sharrock, R. A. 6019
Sharrock, S. 1499
Sharrock, S. L. 2388
Sharrocks, A. D. 4740
Shasany, A. K. 10449, 11579, 11582, 11607-11608, 11613
Shashidhar, H. E. 9715, 10829
Shashidhar, K. S. 832
Shatnawi, M. A. 10041
Shatskaya, O. A. 12042
Shaug, S. P. 2942-2943
Shaug SuePea 2942-2943
Shaul, O. 5756
Shaw, F. H. 5855
Shaw, J. G. 8158
Shaw, J. M. H. 1709
Shaw, M. L. 1364, 11059, 12506
Shaw, M. W. 12479
Shaw, P. 4975, 5898, 8519, 9449
Shaw, P. C. 10419
Shaw, P. J. 2760, 2760, 6101, 9451, 9596, 11726
Shaw, R. G. 4503, 5855
Shaw, R. S. 1247
Shaw, S. S. 11170
Shaw PangChui 10419
Shchapova, A. I. 7460-7461
Shchepanovich, T. 3872

Shcherbak, V. S. 12042
Shcherbakov, R. A. 159, 3922
Shcherbatenko, I. S. 11681, 12824
Shcherbina, E. 5313
Shchukin, A. 2386
Sheail, J. 6047
Shebelut, C. W. 12679
Sheedy, J. G. 11927
Sheehy, J. 5156
Sheen, J. 50, 1071, 9595, 11804
Sheen J. 8477
Sheikh, F. A. 5200, 12718
Sheikh, I. A. 3431
Shekar, V. B. 11416
Shekar-Shetty, H. 5144
Shelby, P. 11732
Sheldon, C. C. 49, 917, 6027
Shelikhov, P. V. 7264
Shelton, A. M. 5505, 12129, 12516
Shelton, B. 8886
Shelton, D. R. 11846, 11873
Shelton, H. M. 9779-9781, 10468
Shelton, M. 5282
Shen, B. 4819
Shen, B. F. 11415
Shen, C. Q. 7406
Shen, D. F. 3821
Shen, D. L. 7216
Shen, D. S. 8682
Shen, D. X. 5645, 6716-6717
Shen, F. F. 8183
Shen, F. Y. 3463, 10167
Shen, G. B. 8640
Shen, G. F. 685
Shen, G. Z. 2961, 10802
Shen, H. C. 10101
Shen, H. L. 4683
Shen, J. H. 2667, 7136-7137
Shen, J. Y. 8711
Shen, K. A. 2287-2288
Shen, L. 4344
Shen, L. A. 10104
Shen, L. J. 1510
Shen, L. S. 2971
Shen, P. 5225
Shen, P. R. 11163
Shen, Q. X. 4823, 5068
Shen, R. 9710
Shen, S. Q. 9710
Shen, S. X. 3216, 6526, 6528
Shen, W. B. 5331
Shen, W. H. 4580, 10222
Shen, W. X. 12600
Shen, X. H. 239, 733, 3013, 4664
Shen, X. K. 5494
Shen, X. L. 2539
Shen, X. P. 6296
Shen, X. R. 1016, 3854, 6090
Shen, Y. 3019
Shen, Y. G. 3222
Shen, Y. J. 4466, 5617
Shen, Y. K. 199
Shen, Y. X. 11943
Shen, Z. M. 5655
Shen, Z. T. 263, 1119
Shen BingFa 11415
Shen ChangQing 7406
Shen DaLeng 7216
Shen DeSheng 8682
Shen DeXu 5645, 6716-6717
Shen DongFeng 3821
Shen FaFu 8183
Shen FuYu 3463, 10167
Shen GeZhi 2961, 10802
Shen GuangBin 8640
Shen GuiFang 685
Shen HaiLong 4683
Shen HuiCong 10101
Shen JiaHeng 2667, 7136-7137
Shen JinYao 8711
Shen LiJuan 1510
Shen Lin 4344
Shen LiShuang 2971
Shen PeiRong 11163
Shen QingXi 4823, 5068
Shen Rui 9710
Shen ShiQuan 9710
Shen ShuXing 3216, 6526, 6528
Shen WeiXing 12600
Shen WenBiao 5331
Shen WenHui 4580, 10222
Shen XiaoHua 21
Shen XiaoKun 5494
Shen XiaoRong 1016, 3854, 6090
Shen XiHong 239, 3013
Shen XiHuan 733, 4664
Shen XinLian 2539
Shen XiuPing 6296
Shen YanXin 11943
Shen Ying 3019
Shen YingGan 3222
Shen YuJie 4466, 5617
Shen YunKang 199
Shen ZhaoMin 5655
Shen ZongTan 263, 1119
Sheng, B. C. 7958
Sheng, B. Q. 11906
Sheng, C. X. 6817
Sheng, J. P. 4344
Sheng, J. S. 3764
Sheng, L. H. 1180
Sheng, L. X. 5088
Sheng, N. 2707
Sheng BaoQin 11906
Sheng BingCheng 7958
Sheng ChuXing 6817
Sheng JinSong 3764
Sheng JiPing 4344
Sheng LaHong 1180
Sheng LiangXue 5088
Sheng Luan 6016, 6016
Sheng Ning 2707
Shenoy, V. V. 2114
Sheoran, R. K. 4998, 9044, 12170
Shephard, H. 11652
Shepherd, G. J. 3610
Shepherd, K. M. 8107
Shepherd, K. W. 1055
Shepherd, M. 2811
Shepperson, R. 629
Sher Ali 10801
Sheridan, P. M. 4759
Sheridan, W. F. 2921
Sherif, M. 5335
Sherman, A. 4904
Sherman, B. K. 5813
Sherman, J. M. 2620
Sherman, W. B. 1471, 1473, 4439, 6694, 11195, 11197-11198
Sherrer, A. 4155
Sherrier, D. J. 33, 6442
Sherriff, L. J. 2209
Sherson, S. 7233, 7236
Sherwood, R. T. 12166
Shetty, H. S. 8679
Shetty, S. A. 8679
Shevchenko, A. G. 10204
Sheveleva, E. 7192
Shevtsova, L. N. 11946
Shewry, P. 11856
Shewry, P. R. 1999, 5900, 7376, 9440, 10223, 10474, 11660, 11781, 11878
Shi, A. 11910-11911
Shi, A. N. 5220
Shi, C. 12656
Shi, C. C. 1119
Shi, C. H. 3007, 7605, 9696, 12221
Shi, F. 4175, 10950
Shi, G. W. 5617
Shi, G. X. 12946
Shi, H. P. 7929
Shi, J. 199, 357
Shi, J. R. 12730
Shi, J. S. 730
Shi, J. Y. 6640
Shi, L. F. 316, 3236
Shi, L. H. 10612
Shi, L. X. 8480
Shi, M. F. 11415
Shi, M. L. 4594
Shi, M. W. 6143
Shi, R. H. 1969
Shi, S. H. 2614-2615, 7297, 7561, 8285-8286
Shi, S. W. 612, 6804, 6818, 8041
Shi, S. X. 3637
Shi, S. Y. 10854
Shi, T. Y. 3790
Shi, W. J. 2547
Shi, X. H. 2350
Shi, X. P. 4596
Shi, Y. 6561, 12656
Shi, Y. G. 7498, 9620
Shi, Y. P. 10015
Shi, Y. S. 8682, 9454
Shi, Y. Z. 8008, 8014
Shi AiNong 5220
Shi ChunChai 1119
Shi ChunHai 3007, 7605, 9696, 12221
Shi Feng 4175, 10950
Shi GuiWin 5617
Shi GuoXin 12946
Shi HePing 7929
Shi JianRong 12730
Shi Jin 199, 357
Shi JinYu 6640
Shi JiSen 730
Shi LanXin 8480
Shi LiFang 316, 3236
Shi LiHua 10612
Shi ManFa 11415
Shi ManLing 4594
Shi MingWang 6143
Shi RuiHe 1969
Shi ShouYun 10854
Shi ShuWen 6804, 6818, 8041
Shi SiXin 3637
Shi SuHua 2614-2615, 7297, 7561, 8285-8286
Shi SuWen 612
Shi TaiYuan 3790
Shi WeiJun 2547
Shi XiPing 4596
Shi XueHui 2350
Shi Ying 6561
Shi YinPing 10015
Shi YongGang 7498, 9620
Shi YongZhong 8008, 8014
Shi YunSheng 8682
Shi YunSu 9454
Shiba, H. 3428
Shibata, D. 4850, 7821, 9297, 11046, 11724, 11734
Shibata, K. 5892
Shibata, M. 1733, 3136
Shibata, Y. 8469
Shibles, R. 1270
Shibli, R. A. 10041
Shibuya, M. 12904
Shibuya, N. 2962, 7559
Shieh, G. J. 6220, 8631, 8646, 10687
Shieh GuangJauh 8631, 8646, 10687
Shields, R. 9972
Shigapov, Z. Kh. 8261
Shigapova, A. I. 8261
Shigehara, I. 2380
Shigemoto, N. 5296
Shigemune, A. 9653
Shigeta, Y. 8358
Shigyo, M. 5492, 6517, 8859
Shih, D. S. 5720-5721, 8995
Shih, M. C. 9334
Shih MingChe 9334
Shihata, Z. A. 9825
Shii, C. T. 8338
Shii, K. 5221
Shii ChouTou 8338
Shiina, T. 693, 2826, 8549, 8559, 9089, 9462, 10613
Shijimaya, K. 8707
Shikanai, T. 1845, 7257, 9102
Shikazono, N. 898
Shilaja Hittalmani 9654
Shillito, R. 91
Shilov, I. A. 12000
Shim, H. K. 11962
Shim, J. U. 7596, 9697
Shim, K. K. 562, 6719, 7070, 11523
Shim HyeongKwon 11962
Shim JaeUk 7596, 9697
Shim KyungKu 562, 6719, 7070, 11523
Shimada, H. 10809, 10946
Shimada, N. 11365
Shimada, T. 277, 3006, 3394, 4903, 6256, 6690-6691, 7591, 11838
Shimamoto, K. 4032, 5221, 7591, 8424, 8424
Shimamoto, Y. 255, 342, 3086, 5294, 12172, 12778
Shimanskiĭ, L. P. 7466
Shimanuki, T. 10886
Shimazaki, K. 9815
Shimizu, H. 6251
Shimizu, J. Y. 4679
Shimizu, K. 5870, 7257, 10389
Shimizu, M. 9293, 11584, 12978
Shimizu, S. 373, 2210
Shimizu, T. 7711, 9012
Shimizu, Y. 4607
Shimofurutani, N. 2322
Shimokawa, T. 5167
Shimomura, K. 8266, 8380
Shimomura, S. 12812
Shimonaka, M. 8931
Shimonishi, Y. 4903
Shimosaka, E. 9505
Shimosaka, M. 1614
Shimoya, A. 12434
Shimura, I. 534, 1480-1481, 9178
Shimura, Y. 3748
Shin, B. C. 11568
Shin, C. N. 225, 303
Shin, D. C. 7704-7705
Shin, D. E. 225
Shin, D. H. 502, 1617, 5797-5799, 11454
Shin, D. K. 7545, 10861
Shin, H. 6960
Shin, H. K. 8303-8304
Shin, H. T. 7543-7544
Shin, J. S. 3033, 5618, 7984
Shin, M. 895, 7855
Shin, M. S. 7543-7544
Shin, Y. S. 1118, 7547
Shin, Y. U. 518, 520, 5574, 10007, 10032
Shin ByongChul 11568
Shin DongHo 5797-5799, 11454
Shin DongHyun 502, 1617
Shin DongKyeong 7545, 10861
Shin DooChull 7704-7705
Shin HakKi 8303-8304
Shin HyunTak 7543-7544
Shin JaeSoon 3033
Shin JeongSheop 5618, 7984
Shin MunSik 7543-7544
Shin YongUk 518, 520, 5574, 10007, 10032
Shin YoungSeop 7547
Shin YoungSup 1118
Shinano, T. 12322
Shinde, G. C. 10178
Shinde, K. G. 5377, 12393
Shinde, R. B. 1276, 1278
Shinde, Y. M. 10178
Shinkawa, T. 12629
Shinmyo, A. 9101
Shinoda, K. 434, 796, 4754, 6522, 9197
Shinohara, K. 10295, 11477
Shinohara, M. 9471
Shinotsuka, K. 8386
Shinozaki, K. 2250, 3757, 4850, 4879, 4897, 4905, 4907, 9311, 9317, 9373, 10520, 11724, 11734
Shinsenji, A. 12775
Shinshi, H. 687
Shintani, A. 9663
Shintani, D. 1870
Shinwari, Z. K. 9373
Shioga, P. S. 1059, 10689
Shiomi, S. 512, 4348, 10003, 11158
Shiota, H. 2250, 3178, 8846

Shioya, S. 301-302, 8736, 8739
Shirai, K. 4210
Shirai, S. 4210
Shiraishi, M. 11229
Shiraishi, T. 5367, 5391, 12818
Shiraiwa, N. 11185
Shirano, Y. 7821, 9297
Shirasu, K. 1047, 3939
Shiratori, G. 8848
Shirley, B. W. 6067
Shirmohamadali, A. 1288
Shirsat, A. H. 7248
Shishido, K. 5917, 9223
Shishido, R. 2086
Shishkova, S. 3509, 4571
Shishlov, M. 3797
Shishlova, A. 3797
Shiu, O. Y. 486
Shiu OiYin 486
Shivaji Pandey 8650
Shivakumar, B. G. 1310
Shivakumar, S. 6465
Shivakumar, T. M. 2037
Shivanandam, V. N. 11029
Shivanna, K. R. 599, 847, 1771, 6785, 6795, 11299
Shivashankar, K. T. 11148, 12959
Shivramkrishnan, S. 12159
Shnyreva, A. V. 8394
Shoba Cherian 4362
Shoda, M. 2674, 11344
Shoeb, F. 1809
Shoemaker, R. C. 4176, 4179, 4197, 8775
Shoghi, F. 2587
Shoji, K. 1129, 8689, 8694
Sholars, T. A. 10933
Shomari, S. H. 3657
Shon, J. K. 432, 7839
Shon, T. K. 1108, 7524
Shon JaeKeun 432, 7839
Shon TaeKwon 1108
Shoran, J. 7335
Shorning, B. Yu. 6089
Short, T. W. 8497
Showalter, A. M. 7884
Shpak, M. 9383
Shrestha, R. 8188
Shri Kant 8582
Shrikant 9477
Shrikant Chavan 11223
Shrivastav, M. N. 10830
Shrivastava, A. K. 5535-5536
Shrivastava, D. 12743
Shrivastava, D. K. 2902
Shrivastava, M. K. 2177, 5316
Shrivastava, M. N. 2126
Shrives, K. J. 2368
Shrohi, A. 11140
Shtereva, A. 482
Shtereva, L. A. 7896
Shu, C. 2555
Shu, H. R. 6639, 10015
Shu, J. L. 3500
Shu, L. H. 1180, 3004, 4028, 7582
Shu, Q. 3271
Shu, Q. Y. 4052, 4080, 5197, 7568
Shu, X. D. 5236
Shu Chune 2555
Shu HuaiRui 10015
Shu HuiRui 6639
Shu JiLin 3500
Shu LiHui 1180, 3004, 4028, 7582
Shu QingYao 4052, 4080, 5197, 7568
Shu Qun 3271
Shu XuDong 5236
Shuai, S. R. 9733
Shuai SuRong 9733
Shuai Weng 3728
Shuda, M. 7856
Shudo, K. 9876
Shui, Y. M. 11556
Shui YuMin 11556
Shukla, A. 8532
Shukla, B. C. 2126
Shukla, D. S. 143
Shukla, G. P. 9652
Shukla, K. C. 1007
Shukla, P. T. 5781, 8175
Shukla, R. S. 2177, 5316, 5907, 11608
Shukla, S. 2668, 5903, 7145, 7147, 10416
Shulaev, V. 8156
Shulembaeva, K. K. 11930
Shumny, V. K. 7633, 11840
Shumnyĭ, V. K. 2727, 4222, 6927
Shumnyi, V. K. 7321, 7763
Shvadchak, I. 8204
Shykoff, J. A. 8376
Si, H. M. 5204, 7603, 12202
Si, J. H. 2567
Si HuaMin 5204, 7603
Si HuaMing 12202
Si JiHai 2567
Siadat, A. 5086
Siah, T. M. 4485
Siamasonta, B. M. 10922
Sibley, J. L. 11490
Siboni, A. 8992
Sibov, S. T. 10720
Sicard, D. 12387
Sichkar', V. I. 10948
Siciliano, S. D. 8531
Siddaraju, R. 9739
Siddhartha Roy 10303
Siddiq, E. A. 1146, 1148, 1152, 4791, 5181
Siddiqi, M. Y. 11772
Siddique, K. H. M. 355
Siddiqui, B. A. 1396
Siddiqui, M. M. 992
Siddiqui, M. R. 4231, 12364, 12439
Siddiqui, N. U. 4591
Siddiqui, S. H. 11345
Sidebottom, C. 413
Sidebottom, C. M. 5473, 9892
Sidebottom, C. S. 9273
Sidhu, J. S. 1203
Sidhu, P. S. 5436
Sidler, M. 58
Sidorenko, A. P. 10498
Sidorenko, L. 3963
Sidorov, V. A. 12442
Sidorova, K. K. 4222, 7759, 7763
Sidorovich, E. A. 3309, 10040
Sié, M. 2101-2102
Siebenmorgen, T. J. 282
Siebke, K. 8141
Sieczka, J. B. 5457
Sieczka, M. T. 4297, 4303
Siedow, J. N. 1068
Siegerist, W. C. 11886
Siegmund, D. 8512
Siepel, A. 5964
Sierotzki, H. 2341
Sierra, E. 6342
Sigareva, M. 9950
Sigareva, M. A. 4336, 5503
Signor, C. E. L. 6196
Signor, M. 7699
Signora, L. 42
Signorini, M. A. 8745
Sigueria, P. R. 4568
Sigurdsson, V. 4647
Sihachakr, D. 1348, 7287
Siimisker, T. 3351
Sijaona, M. E. R. 3418
Sikdar, S. R. 2753, 12713
Sikora, E. J. 4363
Silber, M. V. 8878
Silbernagel, M. J. 2200, 2204, 4214, 7751
Silberstein, L. 7917
Šilhár, S. 9924
Silhavy, D. 14
Silim, S. N. 11772
Silió, L. 10289
Silis, D. Ya. 6189
Siljak-Yakovlev, S. 2062
Silkova, O. G. 7460-7461
Sillanpää, M. J. 78, 10565
Sillero, J. A. 11820
Sillero, J. C. 5345, 5395
Sills, G. R. 6463, 8102
Silué, D. 12514
Silva, A. A. L. da 12131
Silva, A. A. S. da 11133
Silva, A. T. 10920
Silva, A. Z. 12711
Silva, C. H. O. 9630
Silva, C. M. da 5323
Silva, D. M. 7946
Silva, E. A. M. da 6757
Silva, E. F. 12173
Silva, E. F. da 5154
Silva, G. L. da 2194
Silva, H. 7191
Silva, H. T. da 6423
Silva, J. A. da 2390
Silva, J. A. L. da 9810
Silva, J. B. V. da 3196
Silva, J. C. 2107, 9630
Silva, J. da 5115, 5728
Silva, J. G. C. da 868, 8785
Silva, J. L. O. da 1107
Silva, J. V. da 2277
Silva, M. A. S. 10343-10344, 10346
Silva, M. de A. 1594
Silva, M. J. 10720
Silva, M. J. da 2021, 4083
Silva, N. 12294
Silva, P. 7191
Silva, P. C. 10463, 10726
Silva, R. J. 12760
Silva, S. A. G. 12382
Silva, W. J. da 2039, 6201
Silva Conceição, A. da 2400
Silva-Dias, J. 453
Silva Dias, J. C. da 12508
Silva e Oliveira, J. 12106
Silva Ferreira, A. da 5123
Silva Ledo, F. J. da 10454
Silvarolla, M. B. 4564, 12795
Silveira, E. B. 7901
Silveira, E. P. 1291, 8785
Silver, D. L. 317
Silverio, J. 5121
Silversides, F. G. 10596
Silvertown, J. 11790
Silvester, W. B. 7869-7870
Silvestroni, O. 11209, 11213
Silvey, V. 10593
Simagin, V. S. 3286
Simakov, E. A. 4243
Simane, B. 1573
Simbaya, J. 11266
Simeone, M. 9495
Simeone, R. 970, 995, 4972, 5032, 9465
Simić, D. 7501
Simion, E. 9453
Simioni, C. 3065
Simmonds, J. A. 10611
Simmonds, M. S. J. 4925
Simmonds, N. W. 11657
Simmons, C. 2051, 3740, 10803
Simmons, G. S. 11430, 11432, 12850
Simón, B. F. de 6993
Simon, J. E. 1781, 12972
Simon, J. W. 5106
Simón, M. R. 1978, 3850
Simon, M. R. 7401
Simon, P. 11036
Simon, P. W. 1347, 5479-5480, 7820, 7822, 12475
Simon, R. 918, 1745, 4888
Simone, A. de 944
Simone, G. W. 4377
Simone, M. de 3360
Simone, N. 11325
Simonetti, M. C. 5032, 9465
Simonetto, P. R. 1494
Simonneau, T. 3531
Simonovska, B. 3170
Simons, B. H. 9378
Simons, G. 6580
Simonsen, J. P. 11506
Simonson, J. G. 2052
Simonson, L. 12709
Simpson, B. B. 333
Simpson, C. E. 4538, 12755
Simpson, C. G. 9093
Simpson, D. 10325
Simpson, E. 6780
Simpson, E. C. 6836
Simpson, J. 2520, 7635
Simpson, J. D. 6988
Simpson, R. D. 2706
Simpson, R. J. 4101
Sims, C. A. 1471, 1473, 6694, 11197-11198
Sims, D. A. 1227
Simwat, G. S. 1646
Sincha, K. P. 1408-1409
Sinclair, B. K. 2292
Sinclair, P. 10337
Sinclair, T. R. 10709
Sinclair, W. T. 4673
Šindelář, L. 5774
Šindelářová, M. 5774
Sinden, S. L. 405
Sindhan, G. S. 11956, 12437
Sindhu, A. 7773, 8373
Sindhu Verma 2902
Sindhuveerendra, H. C. 831, 840
Sinesio, F. 564
Sing, A. 12769
Sing, K. 9078
Singal, H. R. 7773
Singer, E. 10944
Singer, P. B. 11495
Singer, R. B. 10402
Singh, A. 1176, 1592, 5434, 10133-10134, 11579, 11607-11608, 12243, 12958
Singh, A. B. 645
Singh, A. K. 1038, 1173, 1178, 1537, 3118, 4024, 11579, 12083, 12733, 12966
Singh, A. N. 267
Singh, A. P. 7776, 8106, 11347
Singh, B. 4043, 12416
Singh, B. B. 4928, 5433, 11011
Singh, B. D. 660, 1592, 2673, 4548
Singh, B. K. 360, 3702
Singh, B. M. 11896
Singh, B. P. 11019, 11080
Singh, C. B. 1576, 2895, 3068, 4227, 5316, 7734
Singh, C. D. 9648
Singh, D. 2847, 2944, 3370, 3545, 5040, 7772, 8562, 12769
Singh, D. K. 10004
Singh, D. N. 267, 666, 5113, 5725, 9062, 10839
Singh, D. P. 3116, 5433, 5437, 9257, 9849, 11154, 11423
Singh, D. V. 958, 5030, 7413
Singh, G. 5448, 8412
Singh, G. P. 660, 671, 1592, 4548, 5725, 7314, 7776, 9061-9062, 11019
Singh, H. 2097, 5038, 7893, 11834, 11868, 12240
Singh, H. B. 2673, 11608
Singh, H. P. 11608
Singh, I. 2219, 4998, 5075
Singh, I. D. 3501
Singh, I. J. 10128
Singh, I. P. 5443
Singh, I. S. 3118, 5113
Singh, J. 609, 4615, 4618, 7919, 7926, 11006, 11031, 12419
Singh, J. K. 12083
Singh, J. N. 3431
Singh, J. P. 375, 1149, 2097, 2211, 2478, 11608
Singh, J. R. P. 12766
Singh, J. V. 4240, 8809, 9871
Singh, K. 3840, 7352, 7357, 11608
Singh, K. B. 1311, 3707
Singh, K. N. 7394
Singh, K. P. 8558, 8560
Singh, L. 5432
Singh, L. I. 11017
Singh, M. 1595, 2842, 3125, 3442, 9853, 10005, 10834, 11015, 11608

Singh, M. B. 5876-5877, 10496, 10812
Singh, M. H. 5894
Singh, M. P. 267, 1592, 10839, 12769
Singh, M. R. K. 11017
Singh, N. 2668, 5923, 7145, 9063, 9871, 9927, 10603
Singh, N. B. 3279-3280, 5435, 5438, 5440, 9868, 10028, 10456
Singh, N. K. 4024, 5172, 6219
Singh, O. N. 10863
Singh, O. P. 1007, 9860
Singh, P. 645, 1537, 1952, 7695
Singh, P. J. 12415
Singh, P. K. 12557
Singh, P. P. 12595
Singh, R. 2061, 2862, 4043, 7773, 9001, 10055-10056, 11897
Singh, R. A. 1595, 10864
Singh, R. B. 2673, 10102, 12465
Singh, R. J. 2170, 4178, 8767, 12372
Singh, R. K. 5725, 6295, 9061, 10863
Singh, R. M. 7776
Singh, R. N. 6049, 12083
Singh, R. P. 2673, 3021, 3665, 11915, 11920, 12768
Singh, R. S. 1785, 4024
Singh, S. 1134-1135, 1144, 1154, 1175, 2097, 2970, 4069, 5342, 5534, 10863, 11561, 11607, 11932, 12595
Singh, S. B. 274, 1038, 1173, 2478, 4053
Singh, S. D. 3806, 4011
Singh, S. K. 6049, 10833
Singh, S. N. 670, 12356, 12771
Singh, S. P. 362, 367, 671, 2668, 2679, 3140-3143, 3489, 5448, 5903, 6430, 7145, 7147, 7735, 7895, 8171, 9112, 9841-9842, 9867, 10416, 10764, 11591, 11612, 12433
Singh, S. S. 2863, 9041
Singh, S. V. 7796, 11018, 11033
Singh, T. 9209
Singh, T. B. 3493
Singh, T. H. 431
Singh, U. 286, 1188, 2113, 12357, 12413, 12758
Singh, U. K. 10836
Singh, U. P. 7776
Singh, U. S. 5172
Singh, V. 10483, 11140
Singh, V. K. 1651
Singh, V. P. 5342, 6446, 7190, 9871, 10823, 11015, 11608
Singh, V. R. 11608
Singh, V. S. 6164
Singh, Z. 8904
Singhsamant, P. K. 5649
Singla, S. L. 2116, 2720
Sinha, A. 10930
Sinha, A. K. 9479, 12738
Sinha, B. P. 9479
Sinha, N. 11807-11808
Sinha, S. K. 11170, 11262, 12215, 12538
Sinha, U. S. P. 3562
Siniscalco, A. 2861
Sink, K. C. 9212
Sinpatananon, A. 11222
Sinton, S. M. 11085
Šíp, V. 1954
Siqueira, D. L. de 6757
Siqueira-Júnior, C. L. 1384
Siqueiros Delgado, M. E. 2144
Sirand-Pugnet, P. 3731
Siranut Lamseejan 3133
Sirianni, P. 4288
Sirianni, R. 11312
Sirigu, A. 8875
Sirisena, J. A. 10065
Sirju-Charran, G. 2268
Sirohi, A. 5434
Siroky, J. 1728, 9170
Sisco, P. 11686
Sisson, V. A. 6921
Sisti, D. 9225, 11628
Sita, G. L. 837, 3646, 5441, 10285, 12753
Sitailo, L. 2525
Sitaramaiah, K. V. 1171, 1177
Sitarek, M. 9228
Sitbon, F. 2529, 5765
Sitrit, Y. 12797
Sitton, J. W. 12278
Sivaguru, M. 8439
Sivamani, E. 5225
Sivaramakrishnan, S. 1106, 2288
Sivasamy, M. 11921
Sivasankar, S. 2284, 4843
Sivasithamparam, K. 957, 9008
Sivasubramaniam, P. 2995
Sivasubramanian, P. 9688
Sivasupramaniam, S. 11433
Siverio-Grillo, G. 2393
Sivestro, S. di 2850
Siviero, P. 470, 5516-5517, 6521, 7924, 8874, 9975-9976
Sivolap, Yu. M. 4532, 8058, 10584, 10948
Sivritepe, H. Ö. 372
Sivritepe, N. 7991
Sjakste, T. 8732
Skabo, S. 4635, 6990
Skácel, M. 6356
Skaggs, P. A. 3579
Skarzhinskaya, M. 2449, 9264, 12720
Skavdahl, M. 11741
Skeritt, J. H. 3865
Skerritt, J. 3897
Skerritt, J. H. 8570
Skibinski, D. O. F. 2795
Skierski, J. S. 6478
Skinner, J. S. 1689, 5819
Skipsey, M. 5285, 11744
Skirvin, R. M. 506, 524, 5571
Skljarova, N. P. 4243
Skogley, C. R. 6322
Skokut, T. 202
Skoøt, L. 3113
Skopový, V. 6184
Skornyakov, N. N. 9541
Škorpík, M. 1954
Skorupska, A. 4402
Skøt, L. 42, 12337
Skoula, M. 4781, 8382
Skov, E. 8248-8251
Skovmand, B. 3665, 6137, 9241
Skre, O. 1660
Skriver, K. 157, 4848
Skroch, P. W. 468, 1288
Skubisz, G. 6806
Skucińska, B. 6787
Skupinová, S. 6497
Skupski, M. P. 5964
Skvortsov, A. K. 7003, 8209
Slabas, A. R. 1544, 5106, 9277, 9279
Slabaugh, M. B. 638
Slack, S. A. 1345, 5457
Slade, R. W. 8381
Slafer, G. A. 1951, 8540, 9511, 11823
Slageren, M. W. van 4947
Slaski, J. J. 10630
Slavov, S. 1630
Slee, M. U. 2595-2596
Sleper, D. A. 4089, 6406, 12363
Šlesingerová, T. 8097
Sliesaravičius, A. 4188, 4793
Slightom, J. L. 10361
Slinkard, A. E. 7151, 10473, 10966
Sloan, R. C., Jr. 12489
Slocum, R. D. 2207
Slominski, B. A. 11266
Slonimski, P. 5965
Sloof, P. 5965
Slooten, L. 8661, 10715, 11660
Sloover, J. de 532, 8282
Slosser, J. E. 12855
Sluiman, H. J. 12982
Slusarkiewicz-Jarzina, A. 5233
Sluys, M. A. van 5523, 8454
Slycken, J. van 739, 2579, 4651, 8208
Slykerman, J. 4690
Smale, M. 2829, 3665, 8432
Smale, P. E. 845
Small, E. 1234, 3050
Small, I. 8449
Small, R. L. 86, 6953, 12834
Smalle, J. 3765
Smallwood, M. 413
Smart, L. B. 713
Smartt, J. 11657
Smeekens, S. 430, 1827, 7250, 8476
Smeeton, B. 12830
Smeets, E. 430
Smets, E. 3779, 11644
Smets, H. 11028
Śmiałowski, T. 9577
Smigocki, A. C. 2357, 10200
Smilovenko, L. A. 8672
Smirnoff, N. 6009, 11673
Smirnov, A. G. 565
Smirnov, K. V. 555
Smirnov, V. G. 7457
Smirnov, V. V. 10204
Smita Kurup 9315
Smith, A. 1211
Smith, A. G. 2528
Smith, A. M. 62, 4277, 5370, 7760
Smith, A. P. 10551
Smith, B. J. 4452, 6703
Smith, B. N. 9249
Smith, C. E. 8787
Smith, C. W. 6973, 11394
Smith, D. 10017
Smith, D. B. 1999
Smith, D. C. 2437
Smith, D. L. 1675, 2926, 8639
Smith, D. R. 11496
Smith, D. W. 7675
Smith, G. F. 6057, 7131, 11451
Smith, G. R. 673, 8107, 12314
Smith, H. 1821
Smith, H. G. 8411
Smith, I. W. 4639
Smith, J. 3494
Smith, J. B. 11833
Smith, J. J. 10988
Smith, J. M. 1559, 9074
Smith, J. W. 9051
Smith, K. 202
Smith, K. F. 305, 3035, 4101
Smith, L. G. 2032
Smith, L. H. 200
Smith, L. S. 312
Smith, L. Y. 1002
Smith, M. A. 10223
Smith, M. A. L. 1527, 5610, 10041
Smith, M. E. 8429
Smith, M. K. 1474, 2397, 2407, 6748, 9792
Smith, M. W. 2772, 4374, 4381, 6770
Smith, N. 3214
Smith, N. A. 1367
Smith, N. J. 6180-6182
Smith, O. D. 4538
Smith, P. 5283
Smith, P. M. C. 4151
Smith, R. 12981
Smith, R. H. 4603, 8122, 11406
Smith, R. I. 10941
Smith, R. J. 3920, 10676
Smith, R. M. 5905
Smith, R. R. 321
Smith, R. S. 1238
Smith, S. 2909
Smith, S. E. 479
Smith, S. R. 1237
Smith, S. S. 2701
Smith, T. H. 6415
Smith, V. A. 12135
Smith-Becker, J. 11678
Smits, M. 9552
Smole, J. 1458, 3287
Smolkina, Y. V. 12043
Smouni, A. 8213
Smouse, P. E. 11, 9198
Smyth, D. R. 3700
Snape, J. W. 4963, 5019, 8692-8693, 10587, 11882
Snedden, W. A. 11773
Snehil Kalra 167
Snelgar, W. 525
Snell, P. 7537
Sneller, C. H. 1264-1265, 4164, 6405
Snidaro, M. 104, 1924, 7699
Snijman, D. A. 5873, 8337
Snook, M. E. 222, 10727, 12138
Snow, A. A. 6839
Snow, J. P. 9809
Snowball, R. 1239-1240, 6344
Snowdon, R. J. 592
Snyder, G. W. 10200
Snyder, J. 6095
Snyder, J. C. 12554
Snyman, C. 3355
Snyman, S. J. 3486, 3491
So, I. S. 3618, 11565
So, R. B. 9701
So InSup 3618, 11565
Soare, G. 11281
Soares, A. A. 6250, 7534
Soares, J. J. 726
Soares, P. C. 6250, 7534
Soares Filho, W. dos S. 10074
Soave, C. 7268
Sobesky, O. 3194
Sobha, S. 10275
Sobhana Sivasankar 22, 2284
Sobotka, R. 6798
Sobral, B. W. S. 8102, 9059
Sobral, M. 8367
Sobrinho, R. B. 6760
Socias, R. 10092
Socias i Company, R. 3374, 3377, 3385, 3387, 3389, 6766, 9024-9025, 12707
Sodek, L. 7010
Sodmergen 12915
Soejima, A. 2626
Soejima, J. 2336-2337, 6636-6637, 8914, 10016, 12620
Soengas, P. 2908
Soest, L. J. M. van 6060
Sofiari, E. 433, 3182, 12499
Sofrová, D. 12054
Sogeke, A. K. 11300
Soh, M. S. 1852
Soh, W. Y. 448
Soh MoonSoo 1852
Sohal, B. S. 4618
Sohan Ram 653
Sohn, J. K. 2978, 8300
Sohn, U. 595
Sohn JaeKeun 2978, 8300
Soja, G. 946
Sojitra, V. K. 10172
Sokolenko, A. 889
Sokoloff, D. D. 5279, 7693
Sokolov, D. D. 7693
Sokolov, I. D. 7264
Sokolov, L. N. 2741, 6002, 8501, 10507
Sokolov, M. V. 11493
Sokolov, N. V. 8235
Sokolov, O. A. 8538
Sokolov, V. A. 7476, 7479, 12013, 12026
Sokolova, E. I. 7264
Sokolova, T. I. 7264
Sokolović, D. 12288
Solanas, J. L. 7154
Solanki, I. S. 6446, 7770
Solanki, J. S. 10783
Solanki, R. S. 12769
Solano, A. M. 8628
Solano, R. 1865
Solano, W. 10211
Solano S., J. 9500
Soldati, A. 9632
Soldatini, G. F. 8885, 9134-9135
Soldo, P. 8867

Soler, A. 10094
Soler, C. 2878, 6175, 11935
Soler, V. 1783
Soleri, D. 3665
Solh, M. B. 5430
Soliman, A. S. 2155
Soliman, F. H. S. 5116
Soliman, K. M. 10949
Soliman, S. S. A. 9509
Solis, A. G. A. 473
Söll, D. 3740, 10555
Soll, J. 9396, 11583
Solleiro, J. L. 3686
Solodenko, A. E. 4532, 8058, 10584
Soloki, M. 4463
Solomon, M. 6403
Solomon-Blackburn, R. M. 8841
Solomos, T. 11026
Solórzano, E. 12542
Solovyev, V. V. 5973
Soltész, M. 5588, 8924, 8926-8927, 8929-8930, 8933, 8939
Soltis, D. E. 3784, 12923
Soltis, P. S. 3784
Soma Paul 12713
Somani, R. B. 10751
Sombrero, A. 7440
Somerfield, S. D. 2292
Somers, D. A. 1049, 3945, 8622, 10598, 12145
Somers, D. E. 926
Somers, D. J. 614, 1557, 11257
Somersalo, S. 409
Somerville, C. 921, 10511
Somerville, C. R. 9345
Somerville, S. 10511, 11710
Somkuwar, R. G. 431, 10978
Sommer, H. 11546
Sommer, H. E. 12879
Sommer, S. 3519, 8266
Sommers, E. 2559
Somonte, D. 3184
Somsong Chotechuen 3133
Somssich, I. E. 7196, 10508
Somyot Pichitporn 3133
Son, C. K. 7753
Son, C. Y. 3590, 10340
Son, D. H. 562, 6719
Son, S. G. 746
Son, S. H. 804
Son, Y. G. 7706
Son ChangKi 7753
Son ChangYeol 10340
Son ChangYoul 3590
Son DongHyun 562, 6719
Son SukGyu 746
Son SungHo 804
Son YoungGu 7706
Sondahl, M. R. 2512
Sonderman, B. S. 10710
Song, A. D. 10457
Song, B. 5915
Song, B. L. 11064
Song, C. Y. 12174
Song, D. G. 11021
Song, D. M. 7575
Song, F. B. 1090
Song, F. M. 4073, 9117
Song, F. Z. 12627
Song, G. H. 7497
Song, G. L. 10244
Song, H. S. 1024-1025, 7339, 7455
Song, H. X. 2184
Song, H. Y. 6537
Song, J. Q. 5132
Song, J. R. 7336, 8545
Song, J. X. 8900
Song, J. Y. 2195
Song, K. H. 5844, 7073
Song, L. G. 10355
Song, L. J. 7849
Song, L. Q. 12174
Song, M. 2283, 6537
Song, M. T. 1118, 7547
Song, M. X. 11065
Song, Q. H. 4613
Song, R. G. 4466
Song, R. J. 7405
Song, S. B. 7704-7705
Song, S. D. 7841
Song, S. M. 1236
Song, S. Y. 5919
Song, T. M. 7497, 9612, 12097
Song, T. Q. 8163
Song, W. G. 6792, 8044
Song, W. Q. 7456
Song, W. X. 3500
Song, W. Y. 3020, 9678
Song, X. L. 5153, 8709
Song, X. P. 7708
Song, X. Y. 130, 3864, 7384
Song, Y. C. 3985, 7542, 7546, 7556, 7563, 8164, 8663, 12124
Song, Y. G. 5617
Song, Y. H. 4201
Song, Y. L. 5036
Song, Y. N. 442, 3155, 3200, 6587
Song, Y. R. 11022
Song, Y. S. 3155
Song, Z. W. 11150
Song AnDong 10457
Song BaoLin 11064
Song Bin 5915
Song ChengYan 12174
Song DeMing 7575
Song DongGuang 11021
Song FengBin 1090
Song FengMing 4073, 9117
Song FuZheng 12627
Song GuoLi 10244
Song HaiXing 2184
Song HongYuan 6537
Song HyunSook 1024-1025
Song HyunSuk 7339, 7455
Song JaiYoung 2195
Song JianRong 7336, 8545
Song JiaXiang 8900
Song JunQi 5132
Song KiHwan 5844, 7073
Song LianJiu 7849
Song LiQuan 12174
Song LiuGao 10355
Song Ming 2283, 6537
Song MinXia 11065
Song MoonTae 1118, 7547
Song QianHao 4613
Song RuiJie 7405
Song RunGang 4466
Song SeokBo 7704-7705
Song ShuMing 1236
Song SiYang 5919
Song TianQing 8163
Song TongMing 9612, 12097
Song WeiXi 3500
Song WengGuang 6792, 8044
Song WenQin 7456
Song WenYuan 3020, 9678
Song XiaoLu 5153, 7606, 8709
Song XiYun 130, 3864, 7384
Song XuePu 7708
Song YanRu 11022
Song YiChing 8164
Song YooHan 4201
Song YouCheon 7542
Song YouChun 7546
Song YoungNarm 6587
Song YuLi 5036
Song YunChun 7556, 7563, 8663
Song YunGuang 5617
Song ZhiWei 11150
Soni, D. K. 9685, 12223
Sonnewald, U. 1338, 5506, 7205, 9099, 9902, 11695, 12451, 12454
Sonntag, K. 4264
Sonoda, N. 2212
Sonoda, R. M. 7664
Sonoda, S. 1631, 12825
Sontot, A. 2906
Sood, D. R. 6446
Sood, K. C. 9820
Sood, S. 10006
Sood, V. K. 10616
Soomro, A. R. 6959
Soomro, Z. A. 10253
Sooriamuthu Seeni 10403
Soosten, C. von 12777
Sopanen, T. 8196
Sopena, A. 6169
Sopko, B. 12054
Sopory, S. 12394
Sopory, S. K. 1096, 2792, 2922, 5685, 6214
Sopp, E. 3336
Soranzo, N. 764, 6881, 7017, 11492
Sordi, M. E. B. 10607
Soreng, R. J. 5234
Sorensen, E. L. 2701
Sørensen, M. 2262, 2264, 2267, 2269, 2271, 2273, 2276, 2696, 3197
Sorensson, C. T. 10944
Soressi, G. P. 6553
Soria, F. 10289
Soriano, C. 1435
Soriano, J. A. 9017
Sorkhi-Lalehloo, B. 11859
Sornsathapornkul, P. 1673
Sorochinskiĭ, B. W. 8235
Sorochins'kiĭ, B. V. 11493
Sorochinsky, B. V. 8235
Soroka, A. I. 4526
Sorour, W. A. I. 11332, 11337
Sorrell, D. A. 4578
Sorrells, M. E. 132, 5728, 6120, 8622, 9463
Sorri, V. A. 12467
Sorribas, X. 6425
Sos-Hegedus, A. 4293
Sosa, P. 8410
Sosa, P. A. 8403
Sosa, V. 4757
Sosef, M. S. M. 7118
Sosnikhina, S. P. 7457
Sosnovskaya, T. F. 2899
Sosnowski, S. 363
Sossey-Alaoui, K. 11291, 12662
Sosulski, F. W. 137, 7151
Sotelo, G. 12301-12302
Soteras Acosta, R. 8426
Sotirova, V. 12540
Sotirova, V. G. 11124
Sotta, B. 3531, 7246, 10232
Sottile, F. 3409
Souch, G. R. 10435
Souche, S. 4328
Souciet, G. 8449
Souer, E. 12929
Souframanien, J. 5218
Soumitra Ghoshroy 3764
Soundararaj, A. P. M. K. 240
Sounigo, O. 5748, 9082
Sourdille, P. 1935
Sourour, M. M. 3458
Sousa, C. N. A. de 968, 3892, 9423, 10602
Sousa, M. T. 5392
Sousa, P. G. 9576
Sousa-Vieira, O. de 8100
South Africa, Agricultural Research Council 6491
South Australian Seedgrowers Co-operative Limited 6362-6366, 9755
Southerton, S. G. 1663
Southgate, E. M. 5093
Southwick, S. M. 1456
Souty, M. 11190
Souza, A. A. 1293
Souza, A. P. 10720
Souza, C. A. S. 4568
Souza, C. L., Jr. 6198
Souza, E. 6082-6083, 6120
Souza, E. J. 3826
Souza, J. C. de 6476, 9982
Souza, J. G. 2277
Souza, J. G. de 726
Souza, J. P. 9013
Souza, L. A. C. 8003
Souza, M. A. de 968, 7387
Souza, M. de 5790
Souza, M., Jr. 12700
Souza, P. A. E. de 5081
Souza, P. E. de 6360
Souza, S. R. de 2565
Souza, V. A. B. de 4438, 4441
Souza, V. C. 9013
Souza Filho, G. A. de 4083
Souza Gonçalves, P. A. de 1352
Souza Gonćalves, P. de 2565
Sow, A. 1164, 9684, 9717
Sowik, I. 8996
Sowka, S. 4488
Sozinov, A. A. 177, 7495, 10498
Sozzi, G. O. 478
Spaar, D. 2128
Spada, A. 2290, 11652
Spada, M. 10096
Spadek, Z. E. 11617
Spaink, H. P. 1304, 1841, 4142, 7212
Spalding, E. P. 925
Spampinato, P. L. 11309
Spaner, D. 6168
Spang, O. 8137
Spangenberg, G. 4095, 7662
Spangler, R. 12156
Spano, G. 11881
Spanò, L. 3981
Spanu, A. 242-243, 9657, 9702
Sparinska, A. 4717
Sparks, C. 7376, 9440, 11362
Sparvoli, F. 6421, 10965
Spasenoski, M. 11112
Spasibionek, S. 6811, 6823
Spasojević, B 3872
Spasojevich, B. 3872
Spassova, M. I. 5548
Specht, C. E. 180, 2801
Spehar, C. R. 10955
Speijer, P. R. 12491
Speirs, J. 11104
Spena, A. 2309, 12912
Spence, J. 3023
Spencer, D. 3567, 3570
Spencer, M. E. 10435
Sperisen, C. 758, 765, 7214
Sperling, P. 3441
Sperlingsson, C. 6905
Sperr, W. R. 8751, 12297
Spetsov, P. 5031
Spicer, K. 12909
Spicer, P. G. 1725
Spielhofer, P. 1917
Spielman, M. 1861
Spielmeyer, W. 727, 5026, 9521
Spies, J. J. 6336, 10895
Spiessens, K. 4380
Spiker, S. 9092
Spillane, C. 3177
Spilotro, P. J. 8491
Spina, A. 2861
Spiridovich, E. V. 2899
Spirov, P. 3510-3511
Spittlehouse, D. L. 12890
Spitzauer, S. 8751
Spolaore, S. 10043
Spooner, D. M. 3164, 8810
Spoor, W. 11657
Spraul, M. 521
Sprenger, N. 6937
Sprenne, M. A. 5842
Sprent, J. I. 6881
Spring, J. I. 3320
Springer, F. 11027, 12445
Springob, K. 12948
Spunar, J. 1925
Spurway, R. 9121
Squire, G. 8035
Squire, G. R. 6786
Srba, V. 8108
Sreedhar, N. 7607
Sreelatha, U. 4734
Sreenath, H. L. 11357, 12791
Sreenath, P. R. 932
Sreenivasan, T. V. 665, 6893
Sreenivasulu, N. 5144
Sretenović-Rajičić, T. 11111
Sridhar, K. 3435
Sridhar, P. 872
Sridhar, V. V. 9064
Sridhara 6465
Sridharan, C. S. 4539
Srikant Kulkarni 9526
Srikant Sharma 2679, 11612
Srikanth, R. 7193
Srinivas, T. 1315

Srinivas, T. R. 9001
Srinivasa, R. C. 8705
Srinivasan, A. 1312, 8803
Srinivasan, C. S. 11358-11359, 12788-12789
Srinivasan, K. 1546, 10978
Srinivasan, N. 11765
Srinivasappa, K. N. 12560
Srinivasarao, G. Y. 3717
Sriprasertsak, P. 12818
Srivalli, T. 12571
Srivastav, P. K. 3562
Srivastava, A. K. 4944
Srivastava, C. P. 8799, 9839
Srivastava, H. K. 1787, 2737
Srivastava, J. P. 8093
Srivastava, K. D. 958, 5030
Srivastava, K. K. 12465
Srivastava, P. S. 12958
Srivastava, P. S. L. 5023, 8584, 9518
Srivastava, R. B. 4998
Srivastava, R. K. 274, 4053
Srivastava, R. P. 671
Srivastava, S. K. 10352
Srivastava, U. 11659
Srivatanakul, M. 8122, 11406
Środa, M. 9728
Ssonko, R. 11080
St-Pierre, B. 10422
St-Pierre, C. A. 1317
St-Pierre, R. 3348
Stabel, S. 57
Stace, C. A. 3786
Stacey, G. 12996
Stacey, G. N. 3780, 9240
Stacey, M. G. 6011, 7218
Stacey, N. 2530
Stachowicz, M. 9587, 10625
Stack, R. W. 9523, 11832, 11905
Stack, S. M. 1378, 9966
Stackeviciene, E. 3302
Stacy, E. 3620
Stacy, R. A. P. 160, 9362
Stadelmann, F. J. 3037, 7662, 8733
Staden, J. van 1750, 2246, 4906, 6054
Stadlbauer, A. 3322, 5620
Stadler, R. 3736, 11755
Staebell, M. 11984
Staehelin, C. 5320
Stafford, A. M. 10435
Stafford, H. A. 198
Stafstrom, J. P. 4217
Staginnus, C. 7767
Stahl, E. A. 11779
Staiger, D. 9355
Stainer, R. 517
Stair, D. W. 236
Stalker, D. M. 12305
Stall, R. E. 366, 8890
Stallen, N. van 9958
Stam, M. 1747
Stam, P. 3746, 8607, 11942
Stam, W. T. 7165
Stamigna, C. 5429
Stammers, M. 1216
Stamova, L. 11126
Stamp, P. 122, 990, 3851, 8561, 8590, 9632
Štampar, F. 5592, 6643
Stamper, D. 5964
Stanaitienė, J. 4188
Stanca, A. M. 2001, 2886, 7447, 8594-8595, 8600
Stancheva, J. 7902
Standardi, A. 820
Standhardt, D. 7877
Staneloni, R. J. 9327
Stange, I. 9158
Stanhope, M. J. 12982
Stanienė, G. 4419
Stanker, L. H. 8825
Stankovic-Stangeland, B. 57
Stanley, J. S. 5709
Stanley, R. L., Jr. 7664
Stansel, J. W. 275, 7624, 10868
Stanwood, P. C. 1801
Stanys, V. 1465, 4419, 4793, 8957
Stapleton, A. E. 2915
Stappen, J. vander 6371, 8763, 12339
Starast, M. 3298
Stark, C. R. 10729
Stark, D. M. 8836
Starner, D. E. 4168, 4170
Starostenko, N. V. 2533
Starr, J. L. 6973, 12755
Starrantino, A. 2425, 5634, 5636
Starrett, D. 4488
Starshova, N. P. 8312
Starzycka, E. 6832
Starzycki, M. 6832
Staskawicz, B. J. 70, 489, 3246, 11122
Stassart, J. M. 8661, 10715
Staswick, P. 11739
Staswick, P. E. 69
Statsenko, A. P. 1340
Stattmann, M. 1329, 4263
Staub, J. E. 2318, 9999, 10001, 12606
Staub, J. M. 12442
Stavely, J. R. 9825
Stavrakakis, M. N. 2376
Stavreva, D. A. 10228
Stavropoulos, N. 6062, 10173
Steadman, J. R. 368, 4209, 4213, 5362, 10974
Steane, D. A. 5845, 11465
Stec, A. 5125, 12073
Steckler, D. 9597
Steed, A. 10719
Steed, J. M. 12723
Steele, C. L. 769
Steele, K. D. 11496
Steele, M. 9113
Steele, S. 11878
Steen, P. 5741
Steenkamp, J. M. 4371
Ştefănescu, E. 3227
Stefani, A. 2841
Stefanini, F. M. 10281
Stefanini, M. 557, 10057
Stefanis, E. de 6135
Stefano, A. di 5613, 8990
Stefanov, S. Y. 376
Stefanović, L. 7506
Steffen-Campbell, J. 8845
Steffens, J. C. 12552
Steffenson, B. J. 11953
Stegmeier, W. D. 10768, 10772
Stehli, A. 9632
Stehno, Z. 1930
Stein, D. B. 4727
Stein, H. 2146
Steinbachs, J. E. 10572
Steinbiss, H. H. 5758
Steinbüchel, A. 896
Steiner, A. M. 10888
Steiner, B. 9525
Steiner, E. 11586
Steiner, K. E. 805, 1758
Steiner, W. 8216
Steinhoff, S. 4642, 11466
Steinitz, B. 12563
Steinkellner, H. 2375, 2571, 3322, 4641, 11212, 11215, 11368, 12870
Steinmetz, A. 8063
Steinmüller, K. 1619, 9103, 9286, 10235
Steinrücken, G. 2490, 2493
Steinum, T. M. 160
Stella, P. 5515
Stelling, D. 5290
Stelly, D. M. 1636, 3541, 5099, 12836
Stenhouse, J. W. 9641
Stepanenko, I. L. 5979
Stepanov, G. S. 6981, 8190
Stepansky, A. 6600, 11160
Stephan, B. R. 8240
Stephan, W. 5525, 10562-10563
Stephens, D. A. 4831
Stephens, J. L. 8597
Stephens, K. 9275
Stephens, L. C. 785, 789
Stephens, P. A. 2172, 5310
Stephenson, A. G. 509, 1366, 2629, 3259, 8311, 9171
Stephenson, P. 94, 969, 10819, 11833
Steponkus, P. L. 2781
Sterjiades, R. 10294
Sterk, P. 5961
Sterky, F. 11471
Stern, D. B. 9595, 10694
Stern, R. A. 7939
Stetina, S. R. 7627
Stettler, R. F. 747, 2575
Stevenin, J. 7228
Stevens, K. 5965
Stevens, M. R. 5544, 5548
Stevens, P. F. 3789, 9399
Stevens, R. 4086
Stevens, W. F. 6505
Stevenson, B. 3761
Stevenson, D. 3747
Stevenson, J. F. 10329
Stevenson, K. L. 4104, 12285
Stevenson, M. 9936
Stevenson, P. C. 11005
Stevenson, T. W. 11461, 12305
Stevenson, W. 411
Stewart, C. N., Jr. 5955, 8442, 11268
Stewart, D. 10294
Stewart, D. W. 2926, 8639
Stewart, H. E. 3168
Stewart, J. G. 12473
Stewart, J. L. 9776
Stewart, J. M. 712, 723, 1645, 6955-6956, 6967, 6970, 6972, 6974, 6976, 12835, 12837
Stewart, J. N. 5454
Stewart, L. E. D. 4630
Stewart, M. 1685
Stewart, S. D. 11434, 11436
Stewart, W. M. 3906
Steyn, E. M. A. 11451
Steyn, J. M. 3166, 6488
Steyn, P. J. 3167
Sthapit, B. 8419
Sthapit, B. R. 7187, 10785
Sticklen, M. 4002
Sticklen, M. B. 783
Stiefel, V. 7471
Stiefkens, L. 10083
Stiekema, W. 12468
Stierschneider, I. 558
Stiewe, G. 2452
Stilio, V. S. di 788, 4921
Stiller, J. 325
Stimart, D. P. 1864, 4584
Stinard, P. 11981, 12100-12101
Stinard, P. S. 12010, 12045, 12068, 12078-12079, 12102-12103
Stine, M. 8226
Stirling, B. T. 1261, 9788
Stirton, C. 332
Stirton, C. H. 11526
Stitt, M. 57, 1338, 5467, 5506, 7258, 7805, 8475, 12454
Stobart, A. K. 10223
Stocchi, V. 1790, 7171, 8393, 9225, 11628
Stocker, S. 5967
Stockhaus, J. 4357, 9636
Stockinger, E. J. 1873
Stoddard, F. L. 1927, 3803
Stoebe, B. 10585
Stoeckel, D. 10918
Stoesser, G. 5961
Stoeva, I. 6121-6122
Stoeva, M. 3513, 4569
Stoeva, P. 7889
Stoger, E. 3023, 3895, 6091, 11837
Stoike, L. L. 2622
Stoilova, A. 4612
Stoilova, T. 5402, 6146, 8884, 12405
Stojaković, M. 7477
Stojakovic, M. 5128
Stojanović, S. 2006
Stojkovski, C. 10841
Stojšin, D. 4192-4193
Stokes, K. D. 2769
Stokes, T. L. 10509
Stölen, O. 3197
Stølen, O. 3886, 3891, 4994, 6137, 9722, 11898
Stoll, M. 5758
Stoltze, C. 11583
Stommel, J. R. 492, 4307
Stone, B. 4095
Stone, D. 11751
Stone, J. M. 19
Stone, N. K. 7859, 11083
Stoop, J. M. H. 8402
Storck, L. 3682
Storer, A. J. 11499, 11499
Storey, R. 6747
Storey, R. M. J. 8411
Storey, T. 2005
Storozhenko, S. 188, 2747
Stösser, R. 515, 1437-1438, 1462, 3283, 8956
Stougaard, J. 325, 1841
Stoutemyer, M. R. 1736
Stowe-Evans, E. L. 3741
Stoyanov, B. 4570
Stoyanova, M. 4223, 5368
Stoyanova, S. 2933-2934
Stoyanova, S. D. 3681
Straatman, K. R. 5673
Strack, D. 1735, 6473
Stracke, S. 1037
Strada, G. della 550, 5597
Straeten, D. van der 9337
Stram, Y. 5755
Strampelli, N. 1795
Strand, Å. 7258, 8475
Strand, M. 11505
Strangman, E. 7052
Stransky, E. 6559
Stransky, H. 6559
Strasser, R. 11368
Straume, M. 2761
Strauss, S. 4632
Strauss, S. H. 5814, 6998
Streckeisen, P. 8533
Strehl, S. 3092
Streibig, J. C. 5741
Streiff, R. 2571
Strelchenko, P. 6174
Streltsyna, S. A. 3354
Streng, S. 3940, 11967
Streubel, M. 6234
Strickland, R. W. 9729
Strid, Å. 8794, 10980
Stringam, G. R. 11261
Stringer, J. K. 655-656, 658
Strittmatter, G. 9070
Strizhov, N. 2146, 5505
Strnad, M. 3091, 9328
Strobbe, I. 4847
Strohm, M. 5806
Strong, D. R. 8752, 12291
Strongitharm, B. H. 5473
Stronk, O. P. 4040
Strube, H. 4555
Strumas, F. 10392
Struś, M. 6140
Strus, M. 10634
Struss, D. 1556, 8049
Struttmann, J. M. 3941
Stubbe, W. 11586
Stubbs, G. 11388
Stucker, R. E. 3953, 6354
Stuczyńska, J. 7652, 7655-7658
Stuczyński, M. 7652, 7655-7658
Studer, E. 3075
Stuitje, A. R. 9302
Stummer, B. 479
Stür, W. W. 9779, 9781
Sturaro, M. 1991
Sturm, A. 4314-4315, 5478
Stuthman, D. D. 1048, 6183, 8622, 9823
Stymiest, C. 3827-3828
Stymne, S. 12720
Su, C. C. 4753
Su, H. 12723
Su, J. 2117, 4065
Su, J. C. 12486
Su, J. K. 6352

Su, J. Q. 9110
Su, M. Y. 779
Su, Q. 475, 6290, 7609, 9529
Su, V. 12810
Su, W. J. 5919
Su, X. J. 5497
Su, Y. J. 2610, 10332
Su, Y. Q. 10207
Su, Z. Z. 12128
Su ChingChang 4753
Su JiaKai 6352
Su Jin 2117, 4065
Su JinQi 9110
Su JongChing 12486
Su MenYun 779
Su Qian 6290, 7609
Su Qiao 475
Su Qing 9529
Su WenJin 5919
Su XiaoJun 5497
Su YingJuan 2610, 10332
Su YinQuan 10207
Su ZhiZong 12128
Suárez, E. 7421
Suárez, E. Y. 1985, 4979, 5009
Suárez, J. C. 1259-1260
Suárez-López, P. 918
Subandi 2013
Subbalakshmi, B. 6859-6860
Subbaraman, N. 385, 9866
Subburamu, K. 6562
Subda, H. 10678, 10681
Subedi, M. 7187
Subedi, P. P. 488
Subhadra 3125
Subhadrabandhu, S. 1533, 5647, 6754
Subhash Katare 12440
Subhra Chakraborty 4081
Subodh Joshi 9953, 12504
Subrahmanya Hegde 10858
Subrahmanyam, N. C. 6245
Subrahmanyam, P. 6875
Subramaniam, K. N. 4802
Subramanian, M. 240, 648, 5715, 5719, 6877
Subramanian, S. 2757, 9830
Subramanian, V. B. 1140
Subramonian, N. 9064
Subudhi, H. N. 5146
Subudhi, P. K. 7562
Sud, D. 12383
Suda, Y. 9179
Sudahono 2418
Sudar, R. 4987, 5322
Sudarić, A. 5322
Suddith, J. I. 4863
Sudesh Jood 167, 6163
Sudha, S. 12749
Sudhakar, C. 5144
Sudhakar, D. 3023, 4027, 10587
Sudhaker, D. 5169
Sudhanshu Jain 1641
Sudharshan, M. R. 12968
Sudhendu Mandal 4933
Sudhersan, C. 8021
Sudhir Kochhar 7328
Sudhir Shukla 2668, 5903, 7147, 10416
Sudhir Sopory 12394
Sudhiranjan Gupta 10860
Sudir Shukla 7145
Sudo, H. 8380
Suekawa, O. 10192
Suemori, M. 11383
Suen, D. F. 6501-6502, 11054, 12177, 12484
Suen DerFen 6501-6502, 11054, 12177, 12484
Suenaga, K. 9524
Sueyoshi, K. 9806
Suga, R. 1197, 2960
Suga, S. 425
Sugano, S. 4856
Suganuma, N. 2212
Sugar, D. 8921, 8934
Sugata, S. 1694
Sugawara, H. 5962, 11534, 12775
Sugha, S. K. 6575
Sugimoto, A. 664, 10192, 11344
Sugimoto, K. 7600, 10219
Sugimoto, M. 24
Sugimoto, N. 11596
Sugimoto, S. 9876
Sugimoto, Y. 4980, 10757
Sugishita, H. 9100
Sugita, K. 12807
Sugita, M. 8527, 9087-9088, 11371
Sugita, S. I. 8739
Sugiura, A. 1533, 5647, 5654, 6754, 7969, 9015, 12653
Sugiura, K. 311, 5238
Sugiura, M. 7932, 8527, 9087-9088, 9100, 11371
Sugiura, S. H. 6077
Sugiyama, H. 1696
Sugiyama, K. 508, 1407, 3312, 4929, 6603
Sugiyama, M. 9928
Sugiyama, S. 10882
Sugiyama, T. 7490, 10583
Suh, D. H. 8087
Suh, D. Y. 1027, 7338
Suh, H. B. 12507
Suh, H. S. 10861
Suh, J. N. 11565
Suh, J. S. 8087
Suh, K. H. 500
Suh, M. C. 5908
Suh, S. J. 1023-1026
Suh DongHwan 8087
Suh DuckYong 1027, 7338
Suh HakSoo 10861
Suh HoBum 12507
Suh JungNam 11565
Suh JungSik 8087
Suh KiHo 500
Suh MiChung 5908
Suh SaeJung 1023-1026
Suhai, S. 8511
Suhandono, S. 7824
Suharsono 6932
Sui, D. Z. 7697
Sui DeZhi 7697
Suire, C. 498
Sujatha, M. 10182
Sujatha Sankula 2127
Sujathamma, P. 3341, 10059
Sujay Rakshit 7765
Sukanya, D. H. 3052
Sukhvibul, N. 6748
Sukno, S. 12742
Sul, I. W. 2296, 9406
Sul IllWhan 2296
Süle, S. 2374, 12677-12678
Suleymanova, Z. J. 8802
Suliman, W. 5430
Sulkinoja, M. 2568
Sullivan, J. A. 9835
Sultan Singh 5342
Suma, B. 11252
Suman, B. C. 6563
Sumana Ngampongsai 3133
Sumant Chengappa 9972
Sumar, S. 10008
Sümer, S. 11513
Sumi, A. 2112
Sumi, S. 2279
Sumi, T. 5653
Sumit Roy 10271
Sumita Jha 12952
Sumiyoshi, T. 12974
Summer, E. J. 6924
Summerfield, R. 5398
Summerfield, R. J. 4182-4183, 5372, 6461, 11334, 11786, 12396
Summers, A. O. 9371
Sumner, I. G. 11242
Sun, B. X. 3040
Sun, C. C. 613, 623, 10125
Sun, C. J. 1513
Sun, C. L. 3393, 4649, 11469
Sun, C. Q. 2092, 6252
Sun, C. W. 4770
Sun, C. X. 1034, 10662
Sun, D. Y. 6066, 12935
Sun, F. Z. 7962
Sun, G. C. 7616, 8721, 12249, 12252
Sun, G. F. 11021
Sun, G. J. 5940
Sun, G. L. 1223, 4106, 6087, 6331, 10889
Sun, H. 344-345, 5485
Sun, H. M. 9938
Sun, H. W. 10267
Sun, J. 3542, 8169, 10247-10248
Sun, J. B. 505, 5555
Sun, J. H. 6104
Sun, J. L. 5331
Sun, J. M. 2175
Sun, J. R. 11929
Sun, J. S. 7575, 9675, 12165
Sun, J. Z. 5782
Sun, L. 6014, 6254
Sun, L. J. 3903, 9540, 11938
Sun, L. Y. 1372
Sun, L. Z. 1948, 6102, 9458
Sun, M. 1373, 2076, 4484, 5236, 9666, 9914
Sun, M. F. 2070, 5159
Sun, M. L. 6538
Sun, P. 11676
Sun, P. T. 3234, 7850
Sun, Q. 10643, 12126
Sun, Q. X. 6094, 9516
Sun, R. 12031
Sun, R. F. 6527
Sun, S. 7963-7964
Sun, S. C. 7379, 7410
Sun, S. M. 5108
Sun, S. S. 10421
Sun, S. S. M. 2802
Sun, S. Y. 8721, 12249, 12252
Sun, T. P. 2772
Sun, W. 9771
Sun, W. B. 10355
Sun, W. C. 6794
Sun, W. N. 8505
Sun, X. 1179
Sun, X. F. 10865
Sun, X. P. 11924
Sun, Y. 7379, 9847, 11470
Sun, Y. J. 6206
Sun, Y. M. 3189
Sun, Y. Q. 1121, 4072, 5213
Sun, Y. S. 12218
Sun, Y. W. 10267
Sun, Y. Z. 772
Sun, Z. D. 2540
Sun, Z. H. 11234, 11236
Sun, Z. K. 11167
Sun, Z. L. 5108
Sun, Z. R. 8298
Sun, Z. T. 6913
Sun, Z. X. 5204, 7603, 9671, 12202
Sun BiXin 3040
Sun CaiLing 3393
Sun ChangWei 4770
Sun ChaoCai 613, 623, 10125
Sun ChuanQing 2092, 6252
Sun ChuanXin 1034, 10662
Sun CuiLing 4649, 11469
Sun CunJun 1513
Sun DaYe 6066, 12935
Sun FuZai 7962
Sun GenLou 1223, 10889
Sun GuChou 7616
Sun GuoChang 8721, 12249, 12252
Sun GuoFeng 11021
Sun GuoJun 5940
Sun HongMing 9938
Sun HongWu 10267
Sun Huan 344-345
Sun Hui 5485
Sun JieBo 505, 5555
Sun Jing 8169, 10247-10248
Sun JingRui 11929
Sun JingSan 7575, 9675, 12165
Sun JinHua 6104
Sun JiZhong 5782
Sun JunLi 5331
Sun JunMing 2175
Sun LanZhen 1948, 6102, 9458
Sun LiJun 3903, 9540, 11938
Sun Lin 6014
Sun Ling 6254
Sun LiYan 1372
Sun Mei 1373, 9666, 9914
Sun MeiLing 6538
Sun Min 4484
Sun Ming 2076, 5236
Sun MingFa 2070, 5159
Sun PeiTian 3234, 7850
Sun QiXin 6094, 9516
Sun RiFei 6527
Sun SanSheng 10421
Sun ShanCheng 7379, 7410
Sun Sheng 7963-7964
Sun ShiMeng 5108
Sun ShuYuan 8721, 12249, 12252
Sun TaiPing 2772
Sun WanCang 6794
Sun WeiBang 10355
Sun WeiNing 8505
Sun XiaoFen 10865
Sun XiaoPing 11924
Sun YanSong 12218
Sun Ye 11470
Sun YiWen 10267
Sun YongZhao 772
Sun YouQuan 1121, 5213
Sun Yu 7379, 9847
Sun YuanMing 3189
Sun YueJin 6206
Sun ZhanTian 6913
Sun ZhiDong 2540
Sun ZhiLiang 5108
Sun ZhongHai 11234, 11236
Sun ZhongKui 11167
Sun ZiRan 8298
Sun ZongXiu 5204, 7603, 9671, 12202
Sunako, T. 6635
Sundararaman, V. 348
Sundaresan, V. 10533
Sundås-Larsson, A. 3580
Sundberg, B. 5765, 12876
Sundberg, D. N. 1270
Sundberg, E. 10521
Sundblad, L. G. 11505
Sundby, C. 8502
Sunder, S. 12243
Sunderman, D. W. 6082-6083
Sundriyal, R. C. 7186, 11601
Suneja, S. 8557
Sung, B. R. 5244
Sung, S. K. 5749, 12184, 12621
Sung, S. S. 11467
Sung, Y. 4340
Sung ByungRyeol 5244
Sung SoonKee 12184, 12621
Sung Yu 4340
Sunil, K. P. 6585, 6592
Sunil Kumar 652
Sunil Puri 10276, 10278, 10476
Sunilkumar, G. 5754
Sunita Jain 7142
Sunjevaric, I. 9605
Sunnichan, V. G. 847
Sunohara, Y. 1121, 10790
Sunseri, F. 2309
Suo, Y. 3209
Suoniemi, A. 7427
Suparat, R. 6505
Suphla Bajpai 2669
Suprasanna, P. 10068
Supriyo Chakraborty 1321-1322
Surana, P. P. 1276, 1278, 3082
Suranant Subhadrabandhu 6754
Surányi, D. 3284, 8960
Surawit Wannakrairoj 10404
Surekha Katiyar 2720
Surender Kumar 9037, 10127, 10131, 10136
Surendra Singh 4069
Surendran, C. 10286
Suresh, S. 9651
Suresh Chand 6283, 10843
Suresh Kumar 9840, 9852
Suresh Ramachandran 2464, 8442, 11268
Suresha, P. 9673
Sureshkumar Balasubramanian 1902

Surget, A. 1959
Suri, S. S. 7142, 9205
Surin, N. A. 11946
Surinder Kumar 8650
Suriyan Cha-um 756
Suriyawan, K. 2272
Šurlan-Momirović, G. 4991, 11876
Surlan-Momirović, G. 12288
Surma, M. 1021, 10667, 11958
Surprenant, J. 3046
Suryakumar, M. 9864
Suryanarayan, M. A. 12503
Suryanvanshi, Y. B. 2951
Susannamma Kurien 11252
Sushil Kumar 2669, 2681, 7157, 10449, 11580-11582, 11608, 11613
Sušić, Z. 6560
Suso, M. J. 5336-5337
Süss, K. H. 7592
Sussman, M. R. 11666
Šuštar-Vozlič, J. 4785, 8387
Susweta Biswas 10303
Suthamathi, P. 1155
Sutherland, K. G. 12723
Sutherland, M. W. 997
Sutherland, P. W. 3267
Sutka, J. 4963, 5019, 8554, 10655, 11863, 11882
Sutradhar, A. K. 7364
Sutter, A. 9146
Suttner, R. J. 6387, 7723
Sutton, K. H. 1331
Sütyemez, M. 11193
Suurs, L. C. J. M. 7811
Suwan, J. 3003
Suwanagul, A. 8938
Suyama, T. 10002
Suyama, Y. 4678
Suzán, H. 4370
Suzuki, A. 1127, 9695
Suzuki, G. 3427-3428
Suzuki, K. 9556, 10359, 10420
Suzuki, K. I. 10427
Suzuki, M. 1480, 2087, 2322, 6642
Suzuki, S. 10362, 12296
Suzuki, T. 594, 3730, 4573, 9098
Suzuki, W. 8279
Suzuki, Y. 1184, 9698, 11365
Svab, Z. 9086
Svábová, L. 5390
Svaithramma, D. L. 6465
Svanella, L. 4442
Švec, M. 1983, 6191, 10624
Švehlíková, V. 9208
Svendsen, I. 10659
Svensk, H. 2446-2447
Svenson, M. 3580
Svensson, B. 10659
Svensson, G. 131, 9484
Svensson, J. 9404
Svoboda, P. 956, 8385
Svolba, J. 8257
Swagata Ray 12952
Swain, B. 4067
Swaminathan, M. S. 2717
Swamy, B. V. R. 10285
Swamy, K. R. M. 11251
Swamy, N. R. 9586
Swamy, P. M. 9249
Swamy, S. L. 7008
Swan, G. E. L. 3150
Swan, T. W. 10435
Swanson, T. 2709
Swanston, J. S. 5079, 6169, 6173
Swarn Lata 2830
Swaroop, K. 12503
Swarup, R. 56
Swati Jain 9482
Sweeney, K. 7097
Sweet, J. B. 629, 6780, 6836
Sweetingham, M. W. 12335
Sweetman, J. 4586
Sweets, L. E. 12127
Swelam, A. A. 3853
Swennen, R. 2392, 2394, 2404, 2408, 5629-5630, 10067
Święcicki, W. 10929
Swiecicki, W. 4150
Święcicki, W. K. 10929
Święciki, W. K. 10921
Świeżyński, K. M. 4297, 4303, 12455
Swift, M. L. 10596
Swingle, W. T. 10076
Swinny, E. 4684
Switzerland, Landwirtschaftliche Forschungsanstalt Reckenholz 6470-6472
Swoboda, I. 5876-5877, 10812
Sy, A. A. 2124
Syamal, M. M. 3241
Sybenga, J. 3062
Sycheva, I. M. 6160
Sychov, A. 6672
Syed, N. H. 5997
Sýkorová, S. 5070, 7806
Sylvester-Bradley, R. 2690
Sylvestre-Guinot, G. 11508
Symon, D. E. 8986
Symonenko, V. K. 4967
Syodai, T. 247-248
Syono, K. 10215-10216
Sype, G. van de 4126
Szabados, L. 1831, 2146, 7255
Szabó, A. T. 3813
Szabó, L. 3331, 4978
Szabo, L. J. 10598
Szabó, T. 5588, 8924, 8933, 8939
Szabó, T. T. 5590
Szabó, Z. 5588, 5590
Szała, L. 6788
Szalai, G. 12112
Szalma, S. 12068
Szász, A. 1393
Szczerbakowa, A. 6478
Szczyglowski, K. 1247, 5270
Sze, H. 9312, 11727
Sze, Y. Z. 10811
Sze YongZee 10811
Széll, M. 3237
Szewc-McFadden, A. K. 1423
Szilágyi, S. 7500
Szilassy, D. 1393
Szklarz, M. 8909
Szlachetko, D. L. 1759-1760, 3624, 3626, 11573
Szmidt, A. E. 7018, 8258
Sznaper, C. 571
Szőke, L. 3331
Szopa, J. 1327
Szot, D. 11827
Szponarski, W. 5761
Szundy, T. 1086
Szunics, L. 8589, 8589
Szymanowska, E. 7146
Szymanski, D. B. 2770
Szymanski, M. 3719, 5972
Szymczak, J. A. 8965
Szymczak-Nowak, J. 6843
Szymkowiak, E. J. 5530
Taba, S. 185, 3665, 3677, 5949, 9241
Tabaeizadeh, Z. 4356
Taban, S. 7618
Tabanao, D. A. 7531
Tabares, F. P. 5488
Tabashnik, B. E. 11268
Tabata, S. 7453, 9297
Tabe, L. 5283
Tabei, Y. 463, 1405, 5206
Tabien, R. 10868
Tabien, R. E. 7624
Tabira, H. 8941
Taborda, R. J. 11196
Tábori, K. M. 3163
Táborský, V. 5774
Tabuchi, K. 5834, 10946
Tabuchi, T. 534
Tabuchi, Y. 6612
Tacchini, M. 3588
Tachibana, K. 8846
Tachibana, N. 10791
Tackaberry, E. S. 12801
Tadakuma, K. 10505
Tadano, T. 12322
Tadege, M. 10574
Tadeo, M. 8628
Tadesse, M. 11544
Tadesse, N. 5430
Tadesse, W. 1295
Tadmor, Y. 11987
Taeb, M. 3805
Taffin, G. de 861
Tagade, R. 10940
Tagami, T. 803
Taghian, A. S. 8113
Tagliani, L. 3963, 10698
Tagliasacchi, A. M. 5350, 10964
Taguchi, G. 1614
Taguchi-Shiobara, F. 12217
Taha, E. M. 7386
Tahara, M. 1356
Tahir, G. R. 276
Tahir, M. 3833, 3936, 4954, 5043, 11016
Tahvanainen, J. 5802, 11459
Tai, G. C. C. 4247, 5462, 5471, 12443
Tai, G. C. G. 6427
Tai, G. H. 9313
Tai, J. C. 4510
Tai, J. X. 6113
Tai, P. Y. P. 10187
Tai GuiHua 9313
Tai JianXiang 6113
Taillurat, P. 9084
Tailor, H. C. 12159
Taira, H. 5302
Taira, T. 281
Taiz, L. 910
Taji, A. 6584
Taji, T. 4905, 11724
Tajima, F. 6508
Tajima, S. 8695
Takabatake, R. 10583
Takabe, T. 8604, 8616, 11534
Takács, A. 4299
Takács, I. 3976
Takács-Hudák, Á. 8822
Takada, H. 7453
Takada, Y. 10946
Takagi, M. 2280
Takagi, Y. 3084, 6400, 8771, 9801-9803
Takahara, Y. 2987
Takahashi, A. 5221
Takahashi, B. 1496
Takahashi, H. 158, 162, 8280, 10985
Takahashi, K. 7346, 10946
Takahashi, L. S. A. 2194
Takahashi, M. 3085, 5836, 7234, 7932, 8143, 11383
Takahashi, N. 10505, 10946
Takahashi, S. 9311, 12682
Takahashi, T. 8548, 11761
Takahashi, W. 8808
Takahashi, Y. 1623
Takahata, M. 1696
Takahata, Y. 5302, 6796
Takai, R. 2962
Takaichi, M. 9262
Takaiwa, F. 1127, 1992, 4031, 5206, 5296, 7439, 7610, 8424, 8596, 8599, 9548, 9695, 9798, 12183
Takamura, H. 878
Takamura, T. 4750, 7112
Takanashi, M. 179, 181
Takane, K. 9701
Takano, H. 6939
Takano, J. I. 1631
Takano, M. 2105, 10985
Takano, T. 3016
Takanokura, Y. 4478, 10073
Takao, T. 4903
Takasaki, T. 3429
Takase, H. 10397
Takashio, M. 8386
Takaso, T. 2589, 10327
Takata, K. 7403, 7453
Takatsu, Y. 2624, 4749, 7115, 7117
Takatsuji, H. 9265
Takatsuto, S. 61, 4884, 5532, 6018, 6438, 8483, 10532
Takayama, S. 3428, 3538
Takayama, S. Y. 12294
Takayama, T. 1938, 1961, 5867
Takayanagi, K. 594, 8284, 8849
Takeda, G. 3016
Takeda, K. 158, 162-163, 5060, 7435, 9414, 11944
Takeda, S. 10219
Takeda, Y. 681, 3516, 9754, 11355
Takegami, J. C. 7735
Takeno, K. 10002
Takeoka, Y. 7600, 8315
Takeshita, K. 1625
Taketa, S. 158, 3908, 5060, 9414, 11944
Takeuchi, A. 2775
Takeyasu, K. 2320
Takita, E. 7821, 11046, 12181
Takita, T. 10790
Takken, F. L. W. 11130
Takumi, S. 7631, 8553, 9473, 9513
Takusagawa, S. 10814
Takvorian, A. 7881, 10516
Takyu, T. 5744
Tal, M. 3243
Talaie, A. R. 3382, 3386, 6763
Talarczyk, A. 12461
Talat, K. 10157
Talat Khursheed 5341
Talavera, C. 642
Talavera, S. P. 5488, 5490-5491
Talbert, L. E. 1002, 8535, 8577
Talbert, R. E. 12267, 12270
Taleei, A. 11828
Talhinhas, P. 5268, 10916, 10920, 10927, 10934
Talhouk, S. N. 3372, 10089
Taliaferro, C. M. 10891
Tallakson, W. A. 2019
Taller, J. 1398, 12567
Tallis, G. M. 7271
Tallury, S. P. 3956
Talukdar, B. S. 2064, 10778
Talukdar, M. C. 1734, 8314, 11539
Talukdar, P. 8697-8698, 9878
Tamagnone, L. 2530, 12071
Tamaki, K. 2999
Tamaki, T. 8386
Tamaki, Y. 11728
Tamaoki, M. 2212, 2517, 10234
Tamas, L. 3897
Tambá-Bungué, P. 3414
Tambong, J. T. 3190
Tamburini, R. 5516, 9976
Tamhankar, S. A. 148, 3005, 9530
Tamiya, S. 1350, 8849
Tammam, A. M. 9517
Tammisola, J. 5601
Tamura, F. 10024, 11185
Tamura, K. 1207, 6301, 7625
Tamura, M. 5654, 12708
Tamura, Y. 10790
Tan, A. 706, 12919
Tan, A. Ş. 5716
Tan, C. L. 4567
Tan, D. Y. 1008
Tan, F. C. K. 11256
Tan, F. X. 8285
Tan, G. J. 1205, 7406
Tan, G. X. 3004
Tan, H. 4626
Tan, H. T. W. 12900
Tan, I. H. 12982
Tan, J. Z. 11021
Tan, L. W. 8182
Tan, Q. 10460
Tan, S. 4873, 7473
Tan, S. Y. 8900
Tan, X. L. 1142, 5183
Tan, Y. 12891
Tan, Y. J. 8085
Tan, Y. L. 8041
Tan, Z. B. 10867
Tan DeYong 1008
Tan FengXiao 8285
Tan GenJia 1205, 7406
Tan GuangXuan 3004

Tan JiaZhen 11021
Tan LianWang 8182
Tan Qi 10460
Tan Shi 7473
Tan SuYing 8900
Tan YaLing 8041
Tan YuJun 8085
Tan ZhenBo 10867
Tanabe, K. 10024, 11185
Tanaka, A. 898, 4884, 6018
Tanaka, H. 8279
Tanaka, I. 2656
Tanaka, K. 1631, 4046, 4892, 7552, 7837, 10505, 12775, 12873
Tanaka, M. 4323, 4750, 12774, 12780, 12783
Tanaka, N. 1250, 8317, 8525
Tanaka, O. 6256, 8808
Tanaka, R. 8308, 11379
Tanaka, T. 10076
Tanaka, Y. 1610, 2320, 2632, 3587, 3729, 4545, 4685, 6884, 8358
Tănăsescu, M. 3238, 3247
Tanchak, M. A. 178
Tandoh, O. 5824
Tandon, J. P. 2842, 7389
Tandon, P. 4574
Tandon, R. 11299
Taner, K. Y. 12591
Tanesaka, E. 8395
Tang, C. M. 10247
Tang, C. Y. 3356
Tang, D. 10819
Tang, D. Q. 1720, 4682-4683
Tang, D. Z. 252, 290, 5194
Tang, F. Q. 5720-5721
Tang, G. Q. 5478
Tang, H. R. 8940
Tang, H. V. 4000, 7511, 8668
Tang, J. 7833, 9916
Tang, J. C. 256
Tang, J. D. 5505, 12516
Tang, K. 1179
Tang, K. X. 10865
Tang, L. F. 2020
Tang, L. H. 2981, 3009, 4055
Tang, Q. Y. 10608
Tang, S. 1390
Tang, S. P. 4508
Tang, S. Q. 2615, 7595
Tang, S. X. 289
Tang, S. Z. 1141, 5178, 5182
Tang, W. 1690, 8268
Tang, W. G. 7510
Tang, X. H. 265, 5179, 7297
Tang, X. L. 6692
Tang, X. M. 8298
Tang, X. N. 6711, 9000
Tang, X. Y. 4359
Tang, Y. 6361
Tang, Y. C. 4661
Tang, Y. G. 1141
Tang, Z. Q. 10038
Tang CanMing 10247
Tang ChingYan 3356
Tang DingQin 4682-4683
Tang DingZhong 252, 290, 5194
Tang DongQin 1720
Tang FuQiang 5720-5721
Tang GuoQing 5478
Tang HaoRu 8940
Tang JianChu 256
Tang Jun 7833, 9916
Tang KeXuan 10865
Tang LingHua 2981, 3009, 4055
Tang LongFei 2020
Tang QiYuan 10608
Tang ShaoQing 2615, 7595
Tang ShenXiang 289
Tang ShuiPing 4508
Tang ShuZhu 1141, 5178, 5182
Tang WenGuang 7510
Tang XianHua 7297
Tang XiaoNing 6711, 9000
Tang XiaoYan 4359
Tang XiHua 265, 5179
Tang XiuLian 6692
Tang XueMei 8298
Tang YanCheng 4661
Tang YuGeng 1141
Tang ZhongQiu 10038
Tanguy, A. M. 5049, 5051
Tanguy, X. 626
Tanhuanpää, P. 3433
Tani, T. 12247
Taniguchi, M. 7490, 10583
Taniguchi, T. 8315
Taniguchi, Y. 161, 9569
Tanikawa, T. 2280
Tanimoto, T. 5913
Tanio, M. 1961, 3926
Tanisaka, T. 1752, 2980, 11101, 12250
Tanki, M. I. 3254
Tanko, R. J. 9051
Tanksley, S. 12525
Tanksley, S. D. 1131, 1389, 4355, 4361, 9961, 11115, 11117
Tanner, G. J. 7688
Tanner, J. W. 3070-3074, 4192-4193
Tanno, K. I. 7439
Tano, S. 898
Tanoue, H. 5167
Tanriver, E. 6693
Tanrıver, E. 6722
Tanveer, H. 11608
Tanyolaç, B. 6123
Tanzarella, O. A. 970, 5033, 5052, 6086, 6144, 9431
Tänzler, P. 1863
Tao, D. 2184
Tao, H. 7977
Tao, J. X. 2065
Tao, L. X. 9673
Tao, L. Y. 10875, 12258
Tao, Q. N. 1191
Tao, R. 2434, 5654, 7969, 12653
Tao, R. X. 8721, 12249
Tao, Y. Z. 233
Tao Dan 2184
Tao Hong 7977
Tao JiXuan 2065
Tao LinYong 10875, 12258
Tao LongXing 9673
Tao RongXiang 8721, 12249
Taofik, S. 4612
Taoka, K. I. 11363
Tapia, C. 2261
Tapia, R. 5643, 8017
Tappeiner, J. C. 4679
Tarabu, J. 9779
Tarakanov, I. G. 447
Taramino, G. 2914
Tar'an, B. 3103
Taranenko, N. 1267
Tarasov, V. A. 8127
Tarasova, R. S. 7633
Tarayre, M. 2677
Tarchini, R. 1662
Tarchoun, N. 12572
Tardío Pato, F. J. 3058
Targon, M. L. P. M. 2421
Tariq, A. H. 12845
Tariq, M. S. 1566
Tariq Mahmood 511
Tarkowski, C. 6114, 9585, 10685
Tarsem Lal 12595
Tartarini, S. 6633, 7944, 11312
Tarui, S. 11867
Tasaka, M. 9297, 9358, 10546
Taschetto, O. N. 2919
Tashakorie, A. 2277
Tashi Dawa 10616
Tashiro, T. 4045, 7863
Tashiro, Y. 5492, 6517, 8859, 9929, 9932, 12492, 12496
Tassi, F. 2290, 10217
Tatarinova, T. D. 1319
Tatematsu, K. 4877
Tateno, Y. 5962
Tatge, H. 5370
Tatham, A. S. 7376, 11878
Tatlioglu, T. 12608
Tatout, C. 4501
Tatsuzawa, F. 8326
Taube, F. 9628
Tauberger, E. 5477
Tauer, C. G. 8230, 10306, 10314
Taura, S. 3022
Taurchini, D. 9130
Tauriainen, A. 3157, 6475
Tauriainen, A. A. 6185
Tava, A. 1233
Tavakkol-Afshari, R. 981
Tavares, R. 10516
Tavares-de-Sousa, M. 5413, 5424
Taveira, L. R. 3971
Tavesoli, A. 8207
Tavladoraki, P. 12798
Tawara, H. 9923
Tawfik, A. A. 824
Tax, F. E. 4884, 6018
Taya, A. S. 3069
Taya, S. 1938, 1961
Taylor, A. J. 1386, 11104
Taylor, C. 1055
Taylor, C. M. 11597
Taylor, D. 9028
Taylor, D. C. 9346, 11067
Taylor, G. 6894
Taylor, G. J. 10630
Taylor, G. O. 8107
Taylor, G. S. 11084
Taylor, I. B. 5528
Taylor, J. 6412-6414, 7738
Taylor, J. D. 5386
Taylor, J. E. 3665
Taylor, J. F. 4438, 4441
Taylor, J. J. 8492
Taylor, J. R. N. 10753
Taylor, L. P. 10378
Taylor, M. A. 2362, 4449, 8816, 12448
Taylor, M. A. J. 11242
Taylor, N. 3020, 10953
Taylor, N. G. 9345
Taylor, N. J. 1128
Taylor, N. L. 321
Taylor, P. W. J. 4224, 12340
Taylor, S. 2368
Taylor, S. P. 11827
Taylor, V. M. 5675
Taylor, W. 9487
Taylor-Grant, N. 10949
Tchango, J. T. 2405, 7996
Teague, T. G. 11441
Teasdale, R. D. 1663
Techen, N. 11998
Tedesco, S. B. 3064, 4117, 10894
Teeri, T. H. 1727, 1735, 3603, 11535, 11593
Teerkorn, T. 7130
Teetes, G. L. 10760, 10763
Teetes, L. 2701
Tefera, H. 7667, 9743, 10896, 12290
Teferedegne, B. 10943
Tegeder, M. 1283, 9833
Tegelen, L. J. P. van 10418
Tehranifar, A. 2368
Tei, F. 8895
Teijeiro, T. 128
Teisson, C. 1507
Teixeira, J. B. 10069
Teixeira, M. G. 1291, 4207
Teixeira, R. de C. 7727, 9808, 9810
Tekeoglu, M. 383, 5426
Telford, J. 413
Teller, G. 2666
Tello, J. C. 12597
Tembo, S. 3452
Temperini, O. 5512
Templeton, G. E. 8719
ten Cate, C. H. H. 781
ten Hoopen, R. 3611
Tenca, P. L. 5110
Teng, P. C. P. 5881
Teng, S. 2095
Teng, W. L. 7810
Teng Sheng 2095
Teng WeiLi 7810
Tenhaken, R. 3089
Tenkouano, A. 2395, 3357, 4470-4471, 5631
Tenllado, F. 12828
Tennant, P. 12700
Tenning, P. 9076
Tenorio, J. L. 5384, 6443
Teófilo Sobrinho, J. 9013, 10071
Tepfer, D. 1372
Tepfer, M. 5954
Tepperman, J. M. 6029, 11749
Teppner, H. 5240
ter Horst, J. 5864
Terachi, T. 11057
Terai, O. 8931, 12630
Teramoto, S. 3136
Terán, H. 362, 7735
Terao, T. 11011
Terashima, I. 886
Terauchi, R. 6508, 11652, 11748
Terauchi, T. 11344
Terblanche, C. J. 1211
Tercé-Laforgue, T. 5305
Terenina, N. S. 4316
Terentjeva, N. 1741
Tereshchenko, N. A. 7449
Tereshonkova, T. A. 11127
Terol, J. 9332
Terranova, G. 2425
Terrier, N. 2378
Terry, M. J. 4352
Terry, N. 4510, 4517, 10205
Terryn, N. 7237, 9270, 9295
Tersac, M. 11271, 11291, 11650
Terui, Y. 10805
Terzi, V. 154, 3909, 6177, 8594, 8600
Teshome, A. 8666, 8674
Tesi, R. 12593
Tesnière, C. 2378
Tessier, C. 4464
Testa, A. 8839
Tester, R. F. 1960, 6173
Testerink, C. 9302
Testillano, P. S. 6516
Testolin, R. 3338, 11652, 12658
Testoni, A. 5563, 8997
Tétégan, E. 5119
Tetsuka, T. 9721, 9724, 12975
Teulires, C. 4631
Tewari, I. 9036
Tewari, J. P. 9036
Tewari, K. K. 3536, 10983
Tewari, R. K. 11612
Tewari, T. N. 671
Tewatia, A. S. 12476
Tewe, O. O. 4232
Tewes, A. 2525
Tewksbury, J. J. 4370
Teycheney, P. Y. 5954
Teyssier, E. 7856
Tezuka, M. 4556-4557
Thakral, N. K. 10133-10134
Thakur, A. 11155
Thakur, A. K. 8723-8724, 12262-12263
Thakur, D. P. 12169
Thakur, J. C. 7853
Thakur, M. P. 12360
Thakur, P. C. 9953
Thakur, P. S. 11155
Thakur, R. 4024, 10836
Thakur, R. C. 8225
Thakur, R. P. 10759, 12159
Thakur, S. K. 2992, 11862, 11952
Thakur, S. S. 4365
Thaler, L. 2906
Thalheim, C. 9365
Thalmeir, S. 3235
Thamarus, K. A. 10298
Thaminy, S. 6774
Than, K. A. 12335
Thanaisawanrayangkura, S. 2272
Thanassoulopoulos, C. C. 1394, 3250
Thandapani, V. 6562
Thangaraj, M. 1320, 5218

Thangavelu, K. 3562, 5625
Thangavelu, M. 3404
Thangavelu, S. 5710
Thanh, N. D. 4048
Thapliyal, P. N. 12357
Thapliyal, R. C. 11486
Thara, K. V. 6255
Thaware, B. L. 3145
Thaxton, P. M. 724, 4616-4617, 6958, 11425
Thayer, N. 5964
Theagarajan, K. S. 830, 841
Theissen, G. 9617, 11788
Thelen, H. 1333
Thelen, J. J. 2916, 9610
Theodoro, G. de F. 1292
Theodoulou, F. L. 2460, 6093
Theologis, A. 59, 1859
Theoret, C. M. 8531
Theres, K. 5531
Thériault, P. 7015
Thermes, C. 9750
Therrien, M. C. 2000, 3904-3905
Theunissen, B. 2789
Theuns, I. 3708
Theurer, C. 12604
Theurer, J. C. 6908, 12785
Thévenin, J. M. 5748
Thévenot, C. 10705
Thi, A. T. P. 2277
Thibaud, J. B. 7245
Thibaud-Nissen, F. 3083
Thibault, J. 1670
Thibodeaux, D. P. 720
Thiele, A. 8821
Thiele, K. 11464
Thieme, R. 4249, 4261, 4264, 4302, 8842, 11024
Thieme, T. 4302, 8842
Thierry, D. 691
Thierry D'Ennequin, M. le 2062
Thiery, M. G. 11136
Thies, J. A. 5558-5559
Thies, W. 5684
Thimmaiah, S. K. 12560
Thimmanna, D. 10786
Thirtle, C. 4935
Thiru Selvan 10456
This, D. 10653
This, P. 560, 1488, 4464
Thiyagarajan, K. 1132, 1143, 1155
Thoiron, S. 5107
Thole, H. H. 889
Thom, E. R. 6325
Thomann, M. 517
Thomas, A. M. 12279
Thomas, B. 2208, 2697
Thomas, B. R. 8227, 10803
Thomas, C. 1390, 9847
Thomas, C. M. 494, 12541
Thomas, D. 10220, 11746, 12510
Thomas, D. J. 1262, 1266
Thomas, D. S. 1504
Thomas, G. 443, 855, 4071, 6446, 8866, 9064
Thomas, H. 2134, 8734, 12279
Thomas, H. M. 4097-4098
Thomas, J. 1657
Thomas, J. B. 967, 1224, 8747
Thomas, J. E. 6780, 6836
Thomas, K. K. 12988
Thomas, M. 9306, 10530
Thomas, M. R. 2413, 11209
Thomas, P. 6617, 6749, 9988
Thomas, P. E. 412, 2306
Thomas, R. J. 12151
Thomas, S. 8342
Thomas, S. A. 5885
Thomas, S. G. 1854
Thomas, S. M. 9243
Thomas, T. L. 1834, 4591, 9322
Thomas, W. T. B. 176, 5079, 6173, 8598
Thomashow, M. F. 870, 1873, 2781, 11775
Thomasset, B. 10220, 11746
Thombre, B. B. 7777
Thomé, G. C. H. 10599
Thome, J. 12390
Thomma, B. P. H. J. 1875, 2783, 2785, 3763, 11778
Thommen, A. 1445
Thompson, A. 5528
Thompson, A. E. 6985
Thompson, A. J. 1005, 1381, 8573, 9969
Thompson, C. 6786
Thompson, C. E. 6789, 8035
Thompson, D. 8200
Thompson, D. B. 2045-2046, 8652
Thompson, E. A. 1687
Thompson, F. L. 1772
Thompson, G. A. 11690
Thompson, J. 11362
Thompson, J. A. 335, 337-338, 6385
Thompson, J. D. 309, 2644, 2677, 8327, 10571
Thompson, J. E. 22, 2765
Thompson, J. F. 6396
Thompson, J. P. 11927
Thompson, P. 2701
Thompson, P. G. 12489
Thompson, R. 3, 3667, 5964, 6043, 12060
Thompson, R. D. 5459, 11996
Thompson, T. E. 1540, 4497
Thompson, W. F. 2208, 8692, 9092
Thomsen, K. K. 6161
Thomson, J. A. 1230
Thomson, S. 4630
Thongbai, P. 6293
Thoquet, P. 6574
Thordal-Christensen, H. 1046
Thorlby, G. 4902
Thormann, I. 11669
Thornburg, R. 4845
Thornburg, R. W. 2742, 6001, 11742
Thorne, L. 1828
Thorpe, C. 9436
Thorpe, M. A. 3373
Thorpe, T. A. 7294
Thorup-Kristensen, K. 4219
Thorvilson, H. G. 11438
Thottapilly, G. 3132
Thouvenot, D. 12514
Thresh, J. M. 12479, 12481
Thseng, F. S. 8646, 10687
Thseng FuSheng 8646, 10687
Thulaseedharan, A. 10275
Thulin, M. 5807, 8288
Thulke, O. U. 828
Thum, K. E. 5071
Thurston, H. D. 8429
Thykjær, T. 325
Tian, B. M. 2441, 6792, 8044
Tian, C. 7348
Tian, C. E. 2972, 7570
Tian, C. G. 2450
Tian, C. Y. 7452
Tian, G. W. 2667, 4973, 7136-7137
Tian, H. Q. 3527, 11385
Tian, L. G. 349
Tian, L. M. 9960
Tian, P. 264
Tian, P. Z. 4195
Tian, Q. F. 4649
Tian, R. Y. 6596
Tian, S. B. 11144
Tian, S. P. 6561
Tian, W. Z. 10866
Tian, X. Y. 9889, 9896
Tian, Y. C. 5577
Tian, Z. G. 10255
Tian, Z. H. 11338
Tian, Z. Y. 11035
Tian BaoMing 2441, 6792, 8044
Tian Chai 7348
Tian ChanGen 2450
Tian ChangEn 2972, 7570
Tian ChangYe 7452
Tian GuoWei 2667, 4973, 7136-7137
Tian HuiQiao 11385
Tian LiGuo 349
Tian LiMei 9960
Tian PeiZhan 4195
Tian Po 264
Tian QiFan 4649
Tian RuYan 6596
Tian ShiBing 11144
Tian ShuPing 6561
Tian WenZhong 10866
Tian XingYa 9889, 9896
Tian YingChuan 5577
Tian ZhiHong 11338
Tian ZhongYan 11035
Tian ZiGang 10255
Tibbits, W. 8198, 11462
Tibiletti, E. 6551
Tiburcio, A. F. 4796, 12448
Tichit, L. 5615
Tichtinsky, G. 10516
Tickoo, J. L. 3138, 11014
Tiedemann, J. 83
Tiedje, J. M. 5968
Tieman, D. 2298, 8886
Tieman, D. M. 477, 8883
Tiemann, H. 4264, 4267, 4279, 4282, 11024
Tierens, K. 6738
Tietjen, W. L., Jr. 11413
Tiezzi, A. 2233
Tiffin, P. 11800
Tigerstedt, P. 2704
Tigerstedt, P. M. A. 4658, 8368, 9210
Tihohood, D. 12371
Tiilikkala, K. 10465
Tijet, N. 63
Tikader, A. 3343, 5625
Tikholiz, O. A. 6704
Tikhonov, A. 2025
Tikhonov, A. P. 11814
Tikhonov, N. P. 10765
Tikhonovich, I. A. 376, 1304, 3113, 8797, 10990
Till, S. 4127
Tillard, P. 9367
Tiller, K. 8056
Tillier, S. 5926
Tillman, B. L. 11885
Tímár, I. 4978
Timko, M. P. 1689, 5819
Timmerman-Vaughan, G. 5394
Timmerman-Vaughan, G. M. 3109
Timmermans, M. C. P. 2023, 6210
Timmis, J. N. 2542, 8173
Timms, E. 3036, 8740
Timofeyeva, L. 976
Timoshenko, M. K. 5543
Tindale, M. D. 1674
Ting, J. T. L. 6790
Ting, Y. C. 12066
Tingey, S. 10588
Tinjuangjun, P. 5169, 10865
Tinker, N. A. 6168, 11963
Tio-Touré, B. 6223, 7834
Tiongco, E. R. 4077, 12255
Tiratsuyan, S. G. 1957
Tirel, C. 3594
Tirol-Padre, A. 286, 2113
Tirore, E. A. 7388
Tischer, I. 5580
Tischler, C. R. 6241, 10766, 11483
Tischner, T. 1086
Tissier, C. P. 4884
Tissot, G. 9300
Titare, V. P. 3430
Titok, V. V. 3240
Tits, M. 9068
Tivoli, B. 5387, 5389
Tiwari, B. S. 10860
Tiwari, K. R. 1305, 5393, 10942
Tiwari, N. C. 7847
Tiwari, R. 7345, 9530
Tiwari, R. K. 2679, 11591
Tiwari, R. K. S. 8702, 12204
Tiwari, V. K. 9623
Tiwari, V. N. 1277, 1641, 9687
Tixier, M. H. 114, 1935
Tizio, R. 5933
Tiznado, M. E. 477
Tjaden, J. 6480, 6480, 7263
Tjernberg, P. A. 4593
To, K. Y. 6501-6502, 11054, 12177, 12484
To KinYing 6501-6502, 11054, 12177, 12484
Toai, T. van 216
Tober, D. A. 7665
Tober, K. J. 5473
Tobias, C. M. 3246
Tobias, D. J. 2236, 12449
Tobin, E. M. 4856, 6008
Tobutt, K. R. 540, 1888, 3381, 6686, 7181, 8915, 9022
Tocchi, M. 12801
Tocci, C. 11317, 11331
Toda, J. 11229
Todd, D. 3150
Todd, J. 3725
Toderich, K. 5231
Todoriki, S. 8469
Todorov, I. 1485, 6121-6122
Todorova, J. 5368
Todorova, M. 2865, 5041
Todorović, R. 4423
Todorovich, R. 4423
Todzia, C. A. 3561
Tohme, J. 1288, 7739, 7825
Tohno-Oka, T. 161, 9569
Tohver, M. 976
Toillon, S. 5122
Toit, F. du 2701
Toit, L. J. du 10722, 12125
Tokairin, Y. 6276
Tokatlidis, I. S. 10688
Toker, C. 3127
Toker, C 3923
Toki, S. 2912, 4031, 5296
Tokimoto, K. 11631, 12979
Toklu, F. 2848
Tokoroyama, T. 5892
Tokuji, Y. 11048
Tokumoto, M. 7552
Tokumoto, U. 8358
Tokutomi, S. 8460
Tolay, I. 9539, 11880
Toledo, J. 6512
Toledo, J. F. F. de 2182, 3077
Tolk, J. A. 194
Tollenaar, M. 10706
Tolmay, V. L. 9535
Tolstikov, V. F. 7264
Tolstrup, K. 4275
Toma, S. 2359
Tomar, J. B. 4936, 9395
Tomar, N. S. 5140
Tomar, S. M. S. 1018, 5044, 7413, 11922-11923
Tomar, U. K. 12958
Tomaru, N. 7037, 7062
Tomaselli, F. 569, 3329
Tomášková, D. 9035
Tomaso, J. C. 1259-1260
Tomasoni, C. 5249
Tomasović, S. 4950-4951
Tomassi, M. 1627
Tomassoli, L. 2307, 5546-5547
Tómasson, T. 12867
Tomati, U. 11629
Tomažič, I. 3327, 3672, 4456
Tomekpe, K. 7996
Tomer, E. 1525
Tomer, R. K. S. 12585
Tomer, Y. S. 5342, 9865
Tomerius, A. 2008
Tomi, F. 11618
Tomić, V. 3614
Tomić, Z. 12288
Tomimoto, Y. 11354
Tominaga, R. 4607
Tomita, M. 7410, 9581
Tomomatsu, A. 4404
Tomomatsu, K. 8013
Tomomitsu, M. 11185
Tomono, Y. 12690
Tomooka, N. 6410
Tomotsune, H. 2624, 4749, 7115, 7117
Tomov, P. 4091, 4099

Toms, A. O. 8890
Tomsett, A. B. 1612
Ton That Trinh 7301
Tonelli, C. 1827
Tonev, T. K. 6848
Tong, G. S. 12128
Tong, H. 6026
Tong, H. H. 4019-4020, 4033
Tong, J. P. 4200
Tong, S. 1888
Tong, X. M. 9117
Tong, Y. M. 3312, 4929
Tong, Z. 7573
Tong GangShan 12128
Tong HanHua 4019-4020, 4033
Tong Hao 6026
Tong JiPing 4200
Tong XianMing 9117
Tong YaoMing 3312, 4929
Tong Zhe 7573
Tonini, A. 12556
Tonkin, M. 7051
Tonutti, P. 5706
Topper, C. P. 3657
Topping, J. F. 894, 11660
Töpsch, S. 175
Topsom, L. 4964
Topuz, F. 6730, 10062
Tör, M. 3695, 11780
Tor, M. 422, 9969
Torabi, M. 5046, 6147, 11964
Torbert, K. A. 3945
Torgersen, H. 946
Toribio, M. 2572
Torii, K. U. 3739
Toriyama, K. 3427, 8133, 9287
Torki, M. 4858
Toro, M. 10289
Török, K. 5255
Törönen, P. 10497
Toroser, D. 5506
Torrance, J. K. 8666, 8674
Torre, R. de la 4355
Torre-Boronat, M. C. de la 11218
Torrent, M. 190, 1078
Torres, A. C. 7858, 8868
Torres, A. M. 326, 5339, 7733
Torres, C. 7069, 9227
Torres, H. 8837
Torres, I. C. 5491
Torres, J. 663
Torres, L. de 6342
Torres, M. 1390
Torres Ruiz, R. A. 1844
Torrey, K. 2553
Torrigiani, E. 2001
Tortorici, M. C. 11232
Tortosa, M. E. 9036
Torvik, S. E. 2628
Toscano, L. C. 12133
Toscano de Brito, A. L. V. 11570
Tosello, G. A. 1100
Tosi, P. 9495
Tosquy, H. 8648-8649, 8659
Tosquy Valle, O. H. 8657
Tosser-Klopp, G. 10491
Tosun, H. 3936
Tosun, M. 5016, 5114, 6123, 10885, 11973
Tota, D. 5340
Tóth, K. L. 9461
Tóth, M. G. 6660
Toth, N. 7848
Toth, R. L. 12463
Totok, A. D. H. 1108
Totskiĭ, D. V. 187
Toubia-Rahme, H. 6177
Touchell, D. H. 1801
Touhami, A. O. 12244
Toumi, L. 740
Touno-Oka, T. 10657
Touraev, A. 9481
Touraine, B. 8036
Touré, M. 1317
Tourjee, K. R. 1472
Tournaire-Roux, C. 5761
Tourneur, C. 3225
Tourte, M. 10490
Tourte, Y. 10490
Tourvieille de Labrouhe, D. 12737
Tous, J. 5702, 10081
Tousch, D. 10153
Toval, G. 4648, 10289
Tovar-Gómez, M. R. 2936
Towill, L. 1801, 5578
Town, C. D. 9336
Townley-Smith, F. 9439
Townsend, A. M. 12883
Townsend, M. S. 318, 4136, 7675, 7680
Townsend, R. 3967, 4935
Townson, J. 11744
Toy, J. J. 12154
Toyoda, H. 11098
Toyoda, K. 5367
Toyoda, M. 9800, 12973
Toyoda, R. 534
Toyomasu, T. 4341
Toyoshima, H. 280, 12176, 12219
Toyoshima, Y. 2826, 8549, 8559, 9462, 10613
Toyota, M. 10825
Tozuka, A. 3086
Tozzi, A. M. G. A. 5811
Traas, J. 8466, 9290
Traavik, T. 9281
Tracy, W. F. 6215
Tragoonrung, S. 5183
Traineau, R. 7660
Trainotti, L. 10043
Tran, D. V. 2091
Tran, L. 12066
Trang, V. B. 7998
Trangoonrung, S. 1142
Tränkle, L. 10054
Tranquilli, E. 5412
Tranquilli, G. 986
Traore, A. 10213, 10756
Trápani, N. 10152
Trapero, A. 11306, 11330
Travis, S. E. 1686
Traxler, G. 3665
Treacy, M. 8442
Treder, K. 4311
Tregear, J. 8070
Treglia, A. 11881
Tréhin, C. 4579
Tremayne, M. A. 6841
Tremblay, M. F. 1692
Trepp, G. B. 6353
Trethewey, R. N. 2237, 5465, 7805
Treutter, D. 6661
Trevan, M. 10008
Trevors, J. T. 2731
Trewavas, A. J. 799
Tribhuven Singh 9209
Triboush, S. O. 10154
Tribulato, E. 5639
Tribush, S. O. 6160
Trick, H. N. 12880
Trick, M. 3426, 5501
Tricoli, D. M. 7928
Triest, L. 739, 2579, 4651, 8208
Trifonova, V. 1741
Trigiano, R. N. 4689, 4726, 9162
Trilles, B. 2257
Trillot, M. 11174
Trimmer, P. 25
Trimnell, M. R. 12036-12040
Trinh, L. N. 4048
Tripathi, A. K. 5417-5418, 10129, 11170, 12215
Tripathi, B. K. 5730, 6890, 9063-9064
Tripathi, R. S. 8722, 12261
Tripathy, P. 397, 7741
Trischler, M. 5678
Trivedi, P. K. 4645
Troccoli, A. 995, 3852, 8568
Troccoli, C. 5014
Trognitz, B. R. 11041
Troitskiĭ, A. V. 6433
Trolinder, N. L. 3548
Troll, W. 11644
Tronconi, A. 9048
Troncoso, A. 1705, 1775
Tronsmo, A. M. 11888
Trontin, J. F. 2571
Trotochaud, A. E. 19, 6026
Trottet, M. 1020, 11928
Trouche, G. 227, 3998, 6231, 6237-6238, 10750
Trounce, B. 9121
Trouslot, P. 8117, 12792
Troxler, R. F. 7473
Troyer, A. F. 11979
Troyo, E. 3478
Truco, M. J. 2433, 6762
Trudgill, D. L. 4306
Truernit, E. 3736, 6036, 11755
Trujillo, I. 4475, 11313, 11324
Trull, M. C. 1855
Truol, G. A. 7726
Truong, H. N. 2524
Truong, M. T. 4864
Truong, X. A. 4077
Truong MaiThy 4864
Trusov, Y. 9301
Trusov, Y. A. 8795
Trutmann, P. 8429
Trzebiatovski, P. von 2762
Tsaftaris, A. 10958
Tsaftaris, A. S. 9945
Tsahkna, A. 4305
Tsai, C. C. 4330
Tsai, C. J. 12782
Tsai, C. Y. 6220, 8338, 12486
Tsai, S. M. 1288, 1293, 10971-10972
Tsai ChiaYin 12486
Tsai ChingChang 4330
Tsai ChunYing 8338
Tsaktsira, M. 8259
Tsang, E. W. T. 8037
Tsang, J. S. H. 12944-12945
Tsankova, G. 2933-2934
Tsao, S. J. 3226
Tsao ShingJy 3226
Tsarenko, O. 1741
Tsarev, A. P. 7502
Tsay, Y. F. 9368
Tsay, Y. S. 8338
Tsay YiFang 9368
Tsay YuehShiah 8338
Tscholl, H. 517
Tsegaye, S. 3849
Tseng, M. M. 3226
Tseng MinMao 3226
Tsevegsüren, N. 4735
Tsiantis, M. 6211
Tsim, K. W. K. 9193
Tsinoremas, N. F. 9546, 11943
Tsoktouridis, G. 3404
Tsoneva, E. 3278
Tsou, S. C. S. 6462
Tsror, L. 12460
Tsuchida, H. 2912, 7594
Tsuchida, T. 8380
Tsuchiya, T. 425, 6233
Tsuchiya, Y. 8386
Tsuda, K. 9513
Tsuda, M. 8001
Tsuda, S. 3587
Tsuda, Y. 11596
Tsudzuki, J. 9087
Tsudzuki, T. 9087, 11371
Tsugane, K. 11776
Tsugawa, H. 2087
Tsugawa, K. 11627
Tsuge, T. 1865, 4868, 11724
Tsugita, A. 3717
Tsujimoto, H. 983, 4550, 9437
Tsukada, M. 1368
Tsukamoto, S. 5166
Tsukamoto, T. 2641, 5863, 8323, 8326
Tsukaya, H. 9317, 11757
Tsukiboshi, T. 10886
Tsumuki, H. 7435
Tsumura, Y. 4660, 4678, 7037, 12873
Tsunewaki, K. 9533, 11816, 11838
Tsunoyama, Y. 9462, 10613
Tsur, S. A. 11656
Tsuru, M. 10657
Tsutsui, M. 4750
Tsutsumi, K. 9920
Tsutsumi, K. I. 6276, 10805
Tsutsumi, N. 10814
Tsutsumi, T. 10657
Tsuzuki, E. 4047, 4050, 7585
Tsvetanov, S. 9513
Tsvetova, H. I. 10738
Tsvetova, M. I. 10743-10744
Tsyganov, V. E. 376, 8797, 10990
Tu, J. 6299
Tu, J. C. 6416
Tu, L. C. 2480
Tu, Z. Y. 4653
Tu LiChuan 2480, 6878
Tu ZhongYu 4653
Tuberosa, R. 1070, 2925, 10716
Tucci, G. F. 3649
Tucci, M. 11530
Tucić, B. 3614
Tucker, D. M. 3083
Tucker, G. 4463
Tufan, A. 8742-8743
Tufto, J. 306, 676
Tugal, H. B. 9341
Tuğay, M. E. 4284, 8830
Tugay, M. E. 3923
Tugnoli, V. 5735, 5737
Tuğrul, S. 1076
Tugwell, N. P. 6975, 11441
Tuinen, A. van 11106
Tuinstra, M. 5126
Tukeeva, M. I. 2533
Tuleen, N. A. 10606
Tuli, M. A. 5961
Tuli, R. 4645
Tullu, A. 7764
Tulmann Neto, A. 2398, 2402, 10071, 11235
Tulmann Neto, A. T. 2411
Tumer, N. E. 3535
Tunen, A. J. van 5862, 8109
Tuominen, H. 12876
Tupinambá, E. A. 12747
Tupý, J. 5760
Turan, Z. M. 4529, 11285
Turano, F. J. 23
Turbanti, L. 493
Turci, P. 3310, 8991
Turcotte, E. L. 4614
Turcotte, P. 6389
Turcu, E. 8949
Türet, M. 8565
Turetschek, E. 11212
Turgut, İ. 718, 8092
Turgut, I. 10677
Turgut, K. 1553, 8092
Turina, M. 11925
Turk, E. 3740
Türkeç, A. 4529, 11285
Turland, N. J. 5724
Turley, D. 1559
Turley, R. 723, 6967
Turley, R. B. 712, 9113, 11404
Turnbull, R. 4126
Turner, B. M. 9170
Turner, D. W. 1504, 9008
Turner, I. M. 2652, 12900
Turner, J. G. 923
Turner, S. R. 9345
Tursi, F. 8860
Tusa, N. 1520, 5640
Tusa, P. 2850
Tuteja, N. 370
Tuteja, O. P. 11423
Tuttolomondo, T. 5665
Tuxill, J. 2702, 4370
Tuxill, J. D. 4921
Tuyl, J. M. van 2657, 10398, 12937
Tuzcu, Ö. 12693
Tuzun, S. 2243, 10918
Twardosz, A. 8751
Twell, D. 2514, 4586, 7243, 10516
Twigg, P. 12709
Twyford, C. T. 422
Twyman, R. M. 5173
Tyagi, A. K. 13, 271, 10813
Tyagi, B. S. 7335, 8412
Tyagi, C. S. 2847, 5040

Tyagi, D. K. 12424
Tyagi, M. C. 5397
Tyagi, M. K. 8799, 9839
Tyagi, N. K. 6447, 7394, 9851
Tyagi, P. D. 1980, 10642, 12383
Tyagi, R. K. 10145, 12969
Tyagi, S. D. 666, 9062
Tyagi, V. K. 3143
Tyankova, N. D. 9447
Tyers, R. 9611
Tyler, G. A., III 3752
Tyler, J. M. 9796
Tymowska-Lalanne, Z. 3742
Tyrach, A. 12908
Tyrka, M. 4938
Tyrnov, V. S. 7485, 12043
Tyystjärvi, E. 8136
Tzakou, O. 1782
Tzfira, T. 744, 1659, 12911
Tzuri, G. 11987
Ubera-Jiménez, J. L. 11615
Ubieto, A. 6169
Uceda, M. 11328
Uchida, K. 808, 8881
Uchida, M. 4403
Uchida, N. 1975
Uchida, S. 8856
Uchimiya, H. 1192, 3016, 4035, 4063, 4608, 7235, 7560, 11757
Uchimura, Y. 12974
Uchiumi, T. 472
Uchiyama, M. 11185
Uchneat, M. S. 8294, 12909
Udachin, R. 5039
Udaka, K. 7710
Udall, J. A. 6120
Udatsu, T. 2981, 3009, 6292
Uday Burman 12436
Udayakumar, M. 6078, 12740
Udaykumar, M. 12213
Ude, G. N. 5321
Udupa, S. 5410
Udupa, S. M. 5428, 12411
Udvardi, M. K. 2167, 11721
Uebersax, M. A. 6412-6414, 7738
Ueckert, D. 10944
Ueda, J. 9338
Ueda, K. 9314, 10825
Ueda, T. 7235, 10692
Ueda, Y. 2617, 8326
Ueguchi, C. 3730
Uehara, Y. 6251
Ueki, J. 12182
Uemura, M. 2781
Uemura, T. 7807
Ueno, S. 7062
Uezono, I. 10192
Ugale, S. D. 2951, 9650
Ugarte-Ballon, C. 1460
Ugawa, Y. 5977
Uggenti, P. 6407
Uggla, M. 6737, 6739, 7083
Ughini, V. 5589, 5591
Ugolik, M. 8909
Ugrinović, K. 3672
Uhlen, A. K. 6124
Uhrig, H. 5061, 7813-7814, 11028
Uhrig, J. F. 11583
Uhríková, A. 9387
Ujihara, A. 1163, 1802, 2711, 6304
Ujihara, K. 664, 10192
Ujino, T. 4660
UK, Biotechnology and Biological Sciences Research Council 2691
UK, British Crop Protection Council 7176
UK, Institute of Grassland and Environmental Research 12983
Uk, Plantlife 11694
UK, Royal Horticultural Society 10400
UK, Scottish Crop Research Institute 3652
Ukai, Y. 8891, 10556
Uknes, S. 1828
Ulitcheva, I. I. 10154
Ülker, B. 9092
Ullah, A. H. J. 9298
Ullah, H. 5989, 8894
Ullah, M. A. 8069
Ullán, R. V. 3120
Ullman, D. E. 497
Ullrich, S. E. 1030, 5076, 6167, 7429, 9563
Ulmasov, T. 948, 7261, 11752
Ulrich, D. 4279, 4282, 7877
Ulukan, H. 10648
Ulvinen, S. K. 10064
Ulvinen, T. 11460
Uma Jaiswal 8221
Uma Singh 12357
Umaballava Mohapatra 11077
Umaid Singh 12413
Umamaheswari, P. 1228, 9746
Umapathy, G. 11346
Umashankar 6465
Umeda, M. 1192, 4035, 7560
Umeda-Hara, C. 4035, 4063
Umeh, V. C. 3660, 10469
Umehara, Y. 5167, 8691
Umemoto, T. 62
Umemura, Y. 7807, 9906
Umesh Srivastava 11659
Umesha, K. 9739
Umezaki, T. 336
Umoh, E. E. 8872
Umoh, U. O. 11090
Umoren, U. E. 4232
Umunna, N. N. 1098
Ünay, A. 718, 2153, 10711
Underbrink, S. M. 715, 11414
Undersander, D. J. 300
Ungaro, M. R. G. 11294
Unger, O. 1979
Ungerer, M. C. 634
Uniyal, D. P. 4662
Unno, H. 10842
Uno, T. 8380
Unterlinner, B. 10428
Unterthurner, M. 522
Uosukainen, M. 2349, 2351
Upadhaya, R. C. 7186
Upadhayay, M. P. 7188
Upadhya, M. D. 5933, 5933
Upadhyay, S. N. 6834
Upadhyaya, H. D. 2479, 6869-6870
Upadhyaya, K. C. 1838
Upadhyaya, M. K. 1475
Upadhyaya, N. M. 8424
Upadhyaya, S. N. 3068
Upasana Rani 7853
Upendra Singh 286
Uphoff, M. D. 12355
Uppal, H. S. 636
Upreti, J. 11453
Ur-Rahman, H. 4399
Uraeva, M. B. 9562
Uragami, A. 4323
Urao, T. 4879
Urazbakhtina, K. A. 8261
Urbaniak, A. 4311
Urbaniak, M. 12331-12332
Urbanietz, A. 6655
Urbanke, C. 12948
Urbanovich, O. Yu. 2809, 10660
Urek, G. 3173
Ureshino, K. 1717, 2291, 7072
Uribe, P. 6350
Urmil Verma 984
Urmila Basu 10630
Urmila Dhua 1206, 12245
Urrea, C. A. 7746
Ursul, S. V. 5524
Urueña, H. 9143
Urwin, P. E. 1814, 11682-11683, 11781
Urzainqui, A. 1827
USA, American Camellia Society 5841
USA, Cooperative Forest Genetics Research Program 9226
USA, National Cotton Council of America 853, 11648-11649
USA, NDSU Research Foundation 3943
Ušak, P. 3332
Usami, N. 9437
Usami, R. 12803
Usenik, V. 3287
Ushakov, K. V. 8797
Ushanov, A. A. 9951
Ushijima, K. 2434, 7937
Uslu, E. 310
Ustach, C. V. 12822
Usturalı, A. 682
Usuki, S. 9705
Utachak, K. 9779
Utelli, A. B. 9173
Utley, P. R. 2148
Utsugi, T. 4114
Utsumi, H. 1625
Utsumi, S. 7610, 9790, 9798, 12183
Utsuno, K. 1845
Utsunomiya, N. 5647, 6754
Utumi, M. M. 8770
Utz, H. F. 2016, 6085
Uvarov, I. 5376
Väänänen, T. 12452
Vaccari, F. 11078
Vaccino, P. 139, 1924, 5007, 10601
Vachůn, M. 6645
Václav, K. 12399
Vaculová, K. 6172
Vadez, V. 8786
Vadiveloo, J. 334
Vadivoo, A. S. 10782
Værbak, S. 4733
Vafias, B. 10958
Vaglio, M. del 5613
Vágújfalvi, A. 5019, 11882
Vahala, J. 927
Vahala, T. 8194
Vahidy, A. A. 1033
Vaičiūnienė, J. 7153
Vaidya, A. K. 10484
Vaidyanathan, P. 3076, 5218
Vaidyanathan, R. 4071
Vaillancourt, R. E. 4635, 6990, 11465
Vaillant, V. 3192
Vain, P. 1613, 5173, 8692, 9660
Vainstein, A. 744, 12911
Vaishnavi, R. 2859
Vaithilingam, R. 240
Vaitkūnienė, V. 3924
Vajranabhaiah, S. N. 8082
Vakhitov, V. A. 7342, 9433
Vaksmann, M. 6236-6238
Valanzuolo, S. 12548
Valárik, M. 5629
Valarmathi, G. 12418
Valcarcel, F. 12926
Valcárcel, J. 4575
Valcke, R. 6934
Valderrama, E. 6918
Valdez, M. 4027, 5169
Valdez Aguayo, H. R. 1665
Valdivia Bernal, R. 9590
Vale, F. X. R. do 4005-4006
Valè, G. 2001, 6177, 8594
Valent, P. 8751, 12297
Valenta, R. 8751, 12297
Valente, J. de O. 954
Valente Paes, J. M. 7727
Valentini, P. 7677
Valentonytė, R. 4260
Valenzano, C. J. 11109
Valério, L. 452
Valero, D. 4481
Valero, J. 3096, 3973
Valero, M. 3651, 8403
Vales, M. I. 12141
Valette, C. 12840
Valette, S. 3810
Valiente-Banuet, A. 9016-9017
Valizadeh, M. 11001
Valk, B. E. 9552
Valkonen, J. 7203
Valkonen, J. P. T. 1345, 2256, 12467
Valkoun, J. 3831, 3899, 3910
Valkov, V. 1630
Vallabhan, C. P. G. 2788
Vallée, P. 596, 8038
Vallega, V. 11925
Vallejo C., F. A. 6593, 6595
Vallejos, C. E. 366, 1288, 6431
Vallejos, R. H. 11420
Vallés, M. P. 1029, 11948
Vallorani, L. 9225
Valls, J. F. M. 1574, 4117, 10894
Valmayor, R. V. 2385
Valpuesta, V. 6569
Valsaladevi, G. 3589
Valverde, R. A. 11517, 12570
Vamling, K. 3791
van Altvorst, A. C. 12917
van Andel, J. 941
van Arendonk, J. A. M. 8514
van Arkel, G. 6633
van Asseldonck, M. 9295
van Baarlen, P. 9391
van Bel, A. J. E. 11720
van Bergen, S. 5058
van Berloo, R. 3746, 4830
van Bezooijen, J. 11137
van Bockstaele, E. 2492, 3708, 4092, 4099, 4103, 4132, 4144-4145, 6514, 8732
van Breusegem, F. 8661, 10715
van Caeneghem, W. 9337
van Camp, W. 2535
van Campagne, M. L. 2923
van Campenhout, S. 5630, 8763
van Casteren, W. H. M. 1967
van Cleve, B. 8481
van Creij, M. G. M. 12937
van Dam, N. M. 7139, 12957
van Damme, E. J. M. 1818, 3698, 6738, 8330, 9925
van de Loo, F. J. 1871
van de Mortel, M. 6353
van de Peer, Y. 5969-5970
van de Sande, K. 5758
van de Sype, G. 4126
van de Weg, W. E. 5616
van de Wiel, C. 6542
van de Wiel, C. C. M. 2286
van de Wouw, M. 6315
van den Berg, G. C. 5839
van den Berg, J. 2060
van den Berg, P. 12525
van den Berg, R. G. 2286
van den Berg, T. 9216
van den Boogert, P. H. J. F. 12938
van den Brink, R. 8913
van den Broeck, L. 1416
van den Broecke, A. 2492
van den Daele, H. 7237, 9295
van den Eeckhout, E. 3635
van den Ende, J. E. 2463
van den Heuvel, K. J. P. T. 7887
van den Houwe, I. 1502, 2392
van der Arend, A. 11077
van der Auwera, G. 5921
van der Biezen, E. A. 4824
van der Fits, L. 1768
van der Geest, A. 691
van der Ham, R. W. J. M. 1362
van der Heijden, G. 8435
van der Heijden, M. W. 5058
van der Heijden, R. 1768
van der Kloet, S. P. 12667
van der Knaap, E. 2965, 9678
van der Kop, D. A. M. 7241
van der Kruk, G. C. 11072, 12509
van der Logt, C. P. E. 9273
van der Maesen, L. J. G. 11577
van der Merwe, P. J. A. 6875
van der Mescht, A. 6489
van der Meulen-Muisers, J. J. M. 2657, 10398
van der Plas, L. H. W. 781
van der Salm, T. P. M. 781
van der Straeten, D. 9337
van der Voort, J. N. A. M. R. 7818-7819
van der Voort, J. R. 12468
van der Vossen, E. 12468

van der Vossen, E. A. G. 7818
van der Walt, J. J. A. 9166
van der Westhuizen, A. J. 149, 1019, 2869
van der Westhuizen, M. C. 9535
van der Winden, J. 4572
van der Zaal, B. J. 3754, 7241
van Deventer, C. S. 6139, 9483, 9535
van Deynze, A. 5728
van Dijk, A. J. 781
van Dijk, H. 2496, 10201
van Dijk, P. J. 9391
van Dijken, A. 430
van Dooren, E. P. W. M. J. 6933
van Doorn, H. E. 11072
van Doorn, J. E. 12509
van Doorsselaere, J. 12874
van Dorrestein, B. 5272, 5411
van Dun, K. 10205, 10543
van Dusen, E. 3665
van Eck, H. J. 7111
van Eeuwijk, F. A. 4818, 7440-7441
van Eldik, G. J. 2234
van Esbroeck, G. 5776, 6241
van Esbroeck, G. A. 8165
van Esch, R. J. 7887
van Geldre, E. 3635
van Ginkel, M. 98, 9420
van Griensven, L. J. L. D. 4788, 8391
van Gysel, A. 7997
van Hasselt, P. R. 9978
van Herck, J. C. 9957
van Herpen, M. M. A. 2234
van Heusden, A. W. 4364, 12525
van Heusden, S. 6633, 11142
van Heuven, B. J. 1362
van Hintum, T. J. L. 587, 11670
van Holst, G. J. 11072, 12509
van Hop, D. 12394
van Houdt, H. 4847
van Houwelingen, A. 12929
van Huylenbroeck, J. M. 4688
Van Jaarsveld, E. 810
van Jaarsveld, E. J. 11621
van Kammen, A. 6579
Van Klink, J. W. 845
van L. Campagne, M. M. 7244
van Lammeren, A. 3732
van Langenhove, L. 721-722
van Leur, J. A. G. 1045
van Leuven, F. 6738, 8330
van Loon, C. D. 1330
van Loon, L. C. 9251, 9378
van Mechelen, J. R. 9552
van Mele, P. 3397
van Montagu, M. 64, 188, 1253, 1667, 1825, 2747, 3635, 3697, 3701, 3708, 3765, 3774, 4064, 4847, 4862, 5252, 5756, 5759, 5976, 6021, 7237, 7265, 7277, 8441, 8505, 8661, 9270, 9295, 9337, 9381, 10296, 10377, 10526, 10715, 12342, 12377, 12874
van Norel, A. 4304, 7819
van Oeveren, J. C. 2657, 10398
van Onckelen, H. 1487, 6934, 9337
van Oordt, E. 11078
van Poucke, K. 8441
van Raamsdonk, L. W. D. 1754
van Rensburg, J. B. J. 6229
van Rensburg, L. 6941
van Rensen, I. 9165
van Rijssen, R. 7059
van Rooijen, G. J. H. 621
van Santen, E. 6329, 10918, 12325
van Schaik, H. P. 5864
van Slageren, M. W. 4947
van Sluys, M. A. 5523, 8454
van Slycken, J. 739, 2579, 4651, 8208
van Soest, L. J. M. 6060
Van Staavaren BV 4723, 10381-10386
van Staden, J. 1750, 2246, 4906, 6054
van Stallen, N. 9958
van Tegelen, L. J. P. 10418
Van Toai, T. 216
van Tuinen, A. 11106
van Tunen, A. J. 5862, 8109
van Tuyl, J. M. 2657, 10398, 12937
van Veen-Schotanus, L. 9973
van Waes, C. 3977, 4132, 4138
van Waes, J. 3977
van Wezel, R. 5862
van Wiik, R. 11993
van Wijk, R. 12565
van Wuytswinkel, O. 3533
van Wychen, L. R. 12150
van Wyk, B. E. 1652
van Zandvoort, P. M. 7819
Vanaja, M. 11335
Vanaja, T. 4038
Vanavichit, A. 1142, 5183
Vancanneyt, G. 12471
Vance, C. P. 316, 6353, 11476
VanDee, K. L. 12145
Vandemark, G. J. 9647
Vandenberg, A. 10966, 10992
vander Heiden, M. G. 18
vander Kloet, S. P. 1477
Vander Pereira, A. 12106
Vander Stappen, J. 6371, 8763
vander Stappen, J. 12339
Vanderborght, T. 4237, 12435
Vandercappellen, L. 2505
Vanel, F. 2418
Vang-Petersen, O. 551
Vange, T. 6278
Vangelista, L. 8751, 12297
Vangerow, S. 7130
Vanhaecke, M. 12575
Vanheule, M. 459
Vanlerberghe, G. C. 698
Vann, S. R. 8719
Vanniarajan, C. 2482, 4230, 12195
Vannini, C. 8498
Vannozzi, G. P. 3443, 11292
Vanoost, N. 459
Vanparys, L. 439, 4343
Vanstone, V. A. 11827
Vansuyt, G. 3533
van't Hof, J. 10246
VanToai, T. T. 866
Vanyushin, B. F. 6089
Vapa, L. 7436
Var, M. 8943
Varakina, N. N. 1971
Varalakshmi, B. 5510
Vardapetyan, R. R. 1957
Vardhan, P. N. H. 387, 390
Varela, F. 5273, 9764, 11795
Varela, M. C. 5804
Vargas, C. F. 1763
Vargas, F. 3409
Vargas, F. J. 3378-3379, 3391, 3405, 3411, 9019, 9026-9027
Vargas, G. 12488
Vargas, P. 5861
Vargas, R. N. 11445
Vargas Hernández, J. J. 1665, 1677
Varghese, Y. A. 12864
Vargo-Gogola, T. C. 683
Varier, A. 12758
Varma, B. K. 361
Varman, P. V. 3462, 4539, 5710, 6868
Varner, G. V. 6412-6414, 7738
Varón, R. 1399
Varón-Castellanos, R. 1400
Varoquaux, F. 9362
Varotto, S. 5459
Varshney, A. 989, 9482
Varshney, R. K. 10575, 11834, 11868
Varshney, S. K. 5681
Vârtopeanu, D. 12626
Varughese, G. 98
Várzea, V. M. P. 2439
Vasanthi, R. P. 3467, 3472-3473, 8080
Vasas, G. 7168
Vasconcelos, L. F. L. 9014
Vashi, P. S. 3475
Vashishat, R. K. 3125
Vashishtha, B. B. 9992
Vasic, N. 5128
Vasicek, A. 2868, 7421
Vasil, I. K. 3894
Vasile, C. 11281
Vasile, T. 3257
Vasilenko, R. K. 6648
Vasileva, B. 4129
Vasilevko, V. T. 8124
Vasilevska, J. 8858
Vasilj, Đ. 8146
Vass, I. 2780, 5255
Vasseur, J. 11088
Vassileva, I. 1807
Vassilevska-Ivanova, R. 1807
Vassilevskaia, T. D. 5263
Vassiliou, Z. 11093
Vasudeva, R. 11518
Vatamaniuk, O. K. 9372
Vatanpour, A. 4498
Vatcharakorn, P. 8268
Vaucheret, H. 32, 691, 2730
Vaughan, D. A. 6410
Vauterin, M. 7227
Vauzelle, C. 10490
Vavasseur, A. 1846, 2776, 4875, 9331
Vavilov, N. I. 555, 6058
Vaylay, R. 6329
Vaz, F. B. D. 11235
Vaz Patto, M. C. 5339, 7733, 10916, 10927
Vázquez, A. 12684
Vázquez, J. F. 999, 9485
Vazquez-Flota, F. A. 813, 10422
Vázquez-Padrón, R. I. 2486, 3488
Vázquez-Yanes, C. 9237
Veale, E. 4902
Veale, E. L. 9374
Vear, F. 11293, 12737
Veasey, E. A. 7691
Vecchia, F. D. 2927
Věchet, L. 8591
Vedel, F. 1615, 2522, 12809
Vedna Kumari 7692
Veen-Schotanus, L. van 9973
Veena 5685
Veenhuis, M. 2319
Veenu Koul 2726
Veerabadhiran, P. 396
Veeresh, G. K. 11276
Veerman, A. 1330
Vega, A. de la 5810
Vega, A. S. 5246
Vega, J. 3368
Vega, J. M. 977, 1943, 4971
Vega, M. C. 8638, 8653-8655
Vega, S. 1324, 4288
Vega-Palas, M. A. 10464
Végh, K. R. 1086
Veilleux, R. E. 404, 6484, 8522
Veillon, J. M. 3594
Veit, B. 2923, 12081
Veit, M. 9165
Vekemans, X. 1901, 2054, 4205, 9159, 12152
Velasco, L. 618, 4514-4515, 5684, 6821, 6824, 6855, 8099
Velasco, P. 6228, 7505, 12137, 12141
Velasco-Negueruela, A. 10078
Velásquez, P. 11078
Velazhahan, R. 8718
Velazquez, A. G. 10429
Velázquez Martínez, A. 1665, 1677
Veldman, F. J. 12686
Vélez-Colón, R. 1365
Velikov, A. V. 3576
Veljić, M. 1244
Vello, N. A. 1291, 10951, 12346
Velten, J. 711
Velterop, O. 941
Velu, G. 395
Veluswamy, P. 393, 9881-9882
Veluthambi, K. 5754, 12788
Vembu, B. 11051
Vencill, W. K. 3078
Vencovsky, R. 6043, 7691, 10971, 12007
Venczel, G. 12564
Vendrame, W. A. 10097
Vendramin, G. G. 493, 758, 3572, 9129
Vendrell, M. 6705
Venegas, A. 8837
Veneklaas, E. J. 3900
Venema, J. H. 9978
Venette, J. R. 12376
Vengadesan, G. 6775
Veni, B. K. 1185
Venkanna, N. 3633
Venkatachalam, P. 1572, 5441, 12753
Venkatakrishnakishore 7522
Venkatesha, J. 12965
Venkateshaiah, H. V. 3346
Venkateswari, J. 6778
Venkateswarlu, B. 8083
Venkateswarlu, O. 5442
Venkateswarlu, S. 11335
Venora, G. 5340, 9759, 12432
Venskutonis, P. R. 7153
Venter, H. J. T. 6336
Venter, S. L. 3167
Venthou-Dumaine, A. 3192
Ventura, M. 649, 5600, 6630
Venugopal, M. N. 12970
Veprev, S. G. 6907, 8111
Vera, P. 5521
Verbakel, H. 9295, 12525
Verbelen, J. P. 9301
Verbič, J. 3672, 4085
Verbitskiĭ, V. L. 5738
Verbruggen, N. 7265, 8505
Verbsky, M. L. 3762
Verbyla, A. 3
Verch, T. 3514
Verdaguer, D. 2573
Verde, I. 2433
Verdegaal, P. S. 3373
Verdeil, J. L. 8070-8071
Verderevskaya, T. D. 12650
Verderio, A. 5087, 5090, 10714
Verdier, V. 3181, 8847
Verdisson, S. 6710
Verdugo, I. 12527
Verduijn, M. 9391
Verelst, I. 4103
Veremis, J. C. 4364
Veress, Z. 2038
Vergara, N. 8650
Vergari, G. 2473, 11307, 11320
Vergauwe, A. 3635
Vergne, P. 9619
Vergnolle, C. 9299
Vergote, N. 466-467
Vergunst, A. C. 17
Verhaegen, D. 8197
Verhaegh, J. 6633, 6641
Verhaert, P. 9925
Verhalen, L. M. 6968
Verhey, S. D. 5068
Verhoeven, H. A. 8109
Verkerke, W. 9973
Verkleij, J. A. C. 6039
Verma, A. K. 5687
Verma, B. S. 3126
Verma, D. P. 5552
Verma, D. P. S. 2117
Verma, G. P. 5203
Verma, H. D. 2484, 4547
Verma, K. P. 12360
Verma, M. P. 360
Verma, N. 6785
Verma, O. P. 10126, 10132, 10137
Verma, P. K. 1838
Verma, P. S. 660, 1592, 4548, 5725
Verma, R. C. 787, 3068, 3129, 9782

Verma, R. K. 8025, 10288, 11579
Verma, S. 12772
Verma, S. K. 2883, 2993, 2996, 5552, 10045, 10824
Verma, S. S. 984, 9623-9624
Verma, S. S. P. 398, 5553
Verma, T. S. 9953, 12504
Verma, U. 984
Verma, V. K. 11159
Vermaas, W. 12395
Vermaere, K. 2784
Vermeersch, S. 4651
Vermeesch, A. M. G. 7811
Vernacchia, M. 9976
Verneau, O. 4771
Verneque, R. S. 7525
Vernhettes, S. 32, 51, 2730
Vernieri, P. 8064, 11283
Vernooij, B. 7198
Vernoud, V. 10904
Vernoux, T. 64, 5759
Véronési, C. 12811
Veronesi, F. 820, 2136
Veronesi, J. A. 9630
Verpoorte, R. 1768, 3528, 10418
Verrier, J. L. 5770
Verschoor, M. 2470
Vershinin, A. V. 1296
Verularkar, S. B. 5437
Verwoert, I. I. G. S. 4040
Verykokidou, E. 1782
Ves Losada, J. C. 12312
Veselov, S. Yu. 6934
Vesperinas, E. S. 1561
Vettakkorumakankav, N. N. 7075
Vetten, N. de 5864
Vettore, A. L. 2021, 4083
Veylder, L. de 4862, 7277, 10526
Vézina, L. P. 9748
Vezina, L. P. 5254
Vezon, D. 37, 2754
Vezvaei, A. 3384
Vialle, T. 32
Viana, A. C. 954
Viands, D. R. 12311
Vible, J. C. 223
Viccars, E. A. 169
Vicente, M. C. de 499, 2433, 3391, 6762
Vicente, O. 1620, 6516
Vicente-Carbajosa, J. 156, 7431
Vicient, C. M. 1554
Vick, B. A. 6856, 8067
Victorio, E. E. 9779
Viczián, O. 2374
Vida, G. 1963, 7377
Vidal, J. 7881
Vidal, J. R. 2373, 10052
Vidal-Valverde, C. 5404
Vidaver, A. K. 365, 12817
Vidavsky, F. 12547
Vidhyasekaran, P. 10486
Vidigal, M. C. 1107
Vidigal Filho, P. S. 6422
Vidmar, J. J. 4896, 8036
Vidyachandra, B. 1190, 10858
Vieira, A. 11220
Vieira, A. O. S. 3610
Vieira, C. 6382, 6427, 6499
Vieira, C. P. 1634
Vieira, M. 2427
Vieira, M. A. R. 6499
Vieira, M. do C. 1354
Vieira, M. L. C. 8448
Vieira, R. F. 6382, 9827
Vieitez, A. M. 6995
Vielle-Calzada, J. P. 2755
Vienne, D. de 5127, 10705, 11707
Viereck, R. 4558, 5740
Vierling, E. 5024
Vierstra, R. D. 3944, 7239, 9305, 9320, 10214
Viertel, K. 9428
Vignali, G. 757
Vigneswaran, A. 12185
Vignols, F. 7486
Vignutelli, A. 4849
Vigouroux, Y. 6906
Vihinen, M. 3433
Vijaya, N. 3596
Vijayachandra, K. 5754
Vijayakumar, C. H. M. 1134-1135, 1140, 1144, 1154, 1175, 10821
Vijayalakshmi, K. 12756
Vijayan, K. 3342-3344
Vijendra Singh 11140
Viji, Z. 7463
Vijn, I. 430
Vikas 3140-3143, 9841-9842, 9867, 12433
Vikram, A. 1385
Vilà, M. 4758
Viladomat, F. 7116
Vilardi, J. C. 10302
Vilhelmsen, A. L. 6137
Viljoen, A. 1652
Vilkki, J. 3433
Villa, M. 12108-12109
Villacis, L. A. 3368
Villadsen, D. 7801
Villalba, M. 10163, 12751
Villalobos, H. 9006
Villalta, O. N. 2343
Villand, J. 468
Villand, P. 10507, 11710
Villani, F. 11249
Villani, P. J. 5371
Villanueva, A. E. 4077
Villanueva, B. 3666
Villanueva, J. 5458
Villanueva, J. M. 3737
Villanueva, M. A. 5351
Villar, R. 3900
Villareal, R. L. 127, 9480
Villari, G. 9975, 11118
Villarreal, E. 566
Villarroel, R. 4064, 7237, 9295, 11746
Villaseñor, J. 3677, 5949
Villaseñor Mir, H. E. 8546
Villaseñor-Mir, H. E. 11830, 11848
Villegas, F. 663
Villegas-Sepúlveda, N. 7635
Villemur, P. 6727
Villiers, T. A. 3165, 4498
Villwock, V. K. 5121
Vimal, S. C. 5073
Vimala, Y. 4827, 6048
Viña, G. de la 9440
Viña, M. dela 8720
Vinardell, J. M. 12304
Vinatzer, B. 7972
Vinatzer, B. A. 2334
Vinay Mahajan 118, 7357
Vincent, C. 10375, 12916
Vincent, J. F. V. 8135
Vincieri, F. F. 10166
Vincourt, P. 4523
Vindhiyavarman, P. 5712
Vineet Shankar 7774
Vinhadelli, W. S. 9826
Vinkenoog, R. 1861
Vinocur, B. 744
Vinod 3110, 8370
Vinod, K. K. 12866
Vinod Kumar 9138
Vinod Sangwan 7773
Vinti, G. 2911, 8478
Vir, O. 3117, 7766
Vir, S. 11599
Viraktamath, B. C. 1134-1135, 1144, 1154, 1175, 7532, 10821
Virchow, D. 3676
Virdis, F. 11326
Viricel, M. R. 4203
Virk, D. S. 6134
Virk, K. S. 1591
Virk, P. S. 2963, 5997
Virmani, S. M. 384
Virmani, S. S. 4791, 6299
Viršček-Marn, M. 6643
Virtanen, A. 4687
Viruel, M. A. 2433
Virupakshappa, K. 6857
Viscardi, M. 1517
Vischi, M. 11274
Vishnu Bhat 8750
Vishwa Dhar 5443, 12420
Vishwakarama, D. N. 5203
Vishwakarma, S. R. 5073, 8615
Visperas, R. M. 1165
Viss, T. C. 11081
Visscher, P. M. 80, 936, 3769
Visser, B. 8505, 10895
Visser, D. 480
Visser, J. 4788, 8391
Visser, K. 3923
Visser, N. C. 6336
Visser, R. G. F. 3182, 7811, 9904
Viswanathan, C. 7392
Viswanathan, P. 7464, 8563, 8592
Viswanathan, P. L. 386, 7787
Viswanathan, R. 12770
Vitagliano, C. 8064
Vitale, A. V. 11789
Vitale, P. 5421
Vitali, D. 3310
Vitanova, I. M. 8967
Vitelli, G. 449
Vitellozzi, F. 5029
Viterbo, A. 1747
Vithanage, V. 6748
Vito, M. di 11393
Vito, R. 10165
Vitti, D. 11530
Vittsenko, V. P. 214
Vivek, B. S. 5479-5480, 7822, 12475
Vivek Kumar 11956
Vivekanandan, K. 4802
Vivekanandan, P. 12207
Viveros, M. 3373, 3392
Viviani, A. 6625
Vivier, G. 12750
Vizgarra, O. N. 3097
Vizir, I. Y. 8464
Vlachos, D. 1079
Vladianu, D. 12644
Vlahakis, C. 7312
Vlahov, G. 11325
Vlahova, M. 3604, 4132, 12309
Vlakhova, M. 4132
Vlašínová, H. 9142
Vlasyuk, Ī. V. 11351
Vlasyuk, V. Ī. 11351
Vleesschauwer, V. de 9381
Vlek, P. L. G. 384
Vliegher, A. de 3818, 4138
Vodenicharova, M. 8884
Vodkin, L. O. 338, 348, 2172
Voelker, T. A. 11265
Vogel, H. 9207
Vogel, J. C. 5888
Vogel, J. P. 1853
Vogel, K. P. 6316, 12275
Vogel, R. 4558
Vögeli-Lange, R. 2527, 7747
Vogelpoel, L. 805
Vogelsang, R. 2783, 3763
Vogler, D. W. 2629, 8311, 9171
Vogt, H. 9165
Voigt, T. B. 2135
Voĭlokov, A. V. 7458-7459
Voĭnikov, V. K. 1971
Voinnet, O. 1613, 1633
Voirin, B. 11609
Voirol, E. 4355, 11117
Voisin, R. 3285, 12652
Vojdani, F. 713
Vokál, B. 400
Volckaert, G. 6371, 8763, 12339
Voldeng, H. D. 6388-6390
Volenec, J. J. 3049
Volgin, V. V. 10204
Volis, S. 10671
Volker, P. 5816, 8233
Volkmann, D. 5117
Volkov, R. 4250
Volkov, R. A. 12802
Vollmann, U. 10417
Volokita, M. 2516
Volotovskiĭ, K. A. 8214
Volpetti, V. 3716
Volpi, R. 3507
Volpicella, M. 3716
Volrath, S. 4874, 8587
Voltas, J. 2885, 3921, 7440-7441
Voluevich, E. A. 5035
von Aderkas, P. 1684, 3566, 5827-5828, 11509
von Arnim, A. G. 6011, 7218
von Arnold, S. 3582, 8194, 9404, 10328
von Bothmer, R. 173, 1223, 2703, 3947, 4106, 4108, 6331, 8601, 9553, 10889, 11944, 12286
von Caemmerer, S. 8138, 8145, 9096
von Cammerer, S. 8140
von Jolley, D. 4160
von Keller, A. 11289
von Kittlitz, E. 6409
von Recklinghausen, I. 3732
von Schaewen, A. 11023
von Soosten, C. 12777
von Trzebiatovski, P. 2762
von Weissenberg, K. 8196
von Wettstein, D. 1995, 5069, 6161
von Wirén, N. 9369
von Wuehlisch, G. 8238
Vonarx, E. J. 1896
Vondráček, J. 6629
Voort, J. N. A. M. R. van der 7818-7819
Voort, J. R. van der 12468
Vornam, B. 7214
Voronkova, E. V. 9898
Vörösbraranyi, I. 7499
Voroshilova, V. A. 10990
Vorsa, N. 3305, 6701, 7976, 8988
Vorster, P. 9166
Vos, P. 6580, 9295
Vosman, B. 480, 2286, 6542
Voss, H. 1600
Voss, T. J. 2643
Vossen, E. A. G. van der 7818
Vossen, E. van der 12468
Votava, E. J. 4372
Vovchuk, S. V. 3881
Vovides, A. P. 3591
Vowden, C. J. 1888
Voyiatzi, C. 11321
Voyiatzis, D. 11321
Voyiatzis, D. G. 11643
Voylokov, A. V. 8625
Voytas, D. F. 1887, 3745
Vracarevic, M. 5066
Vratarić, M. 5322
Vrebalov, J. 8886, 9969
Vrielink, R. 6633
Vries, H. de 2786, 2789
Vries, M. de 9978
Vries, O. M. H. de 5916
Vries, S. C. de 1868, 1903, 6037
Vrtala, S. 8751
Vu, J. C. V. 1198
Vu Dinh 11853
Vujanić-Varga, D. 6659
Vulić, B. 7183
Vulkova, Z. 7889
Vullioud, P. 2440
Vuokko, R. 11481
Vuylsteke, D. 567, 1500, 2395, 3357, 4470-4471, 8000
Vuylsteke, M. J. R. 8633
Vyas, P. 6795
Vyas, S. P. 6468
Vyletel, R. 363
Vyskot, B. 1728, 9170, 11652
Vyšniauskienė, R. 4260
Výsný, J. 8204
Vysotskaya, O. N. 11205
Vyvadilová, M. 3220, 9035
W. Kordes' Sohne 4704-4710
Wachira, F. N. 6914, 11353
Wachter, R. de 5921, 5969-5970
Wada, H. 2746
Wada, K. 9317, 11776

Wada, M. 807, 3630, 10412
Wada, T. 4042, 4325
Wada, Y. 9790
Waddell, D. 2160
Wade, L. J. 6264
Wadood, A. 4995
Waes, C. van 3977, 4132, 4138
Waes, J. van 3977
Wagemans, C. 6652
Wagenvoort, M. 7669
Wagner, A. 7016, 7270
Wagner, B. 11454
Wagner, C. 9901
Wagner, D. 10547
Wagoire, W. W. 3886, 3891, 4994, 11898
Wagstaff, S. J. 1722, 8289, 11529
Waheed, A. 9857
Wahid, M. A. 6453, 7771
Wahlberg, S. 12729
Wahle, G. 2012
Waiblinger, H. U. 10107
Waie, B. 1809
Waines, J. G. 988, 3804, 3899, 4993, 7740, 8581
Waite, D. 7760
Wakasugi, T. 9087, 11371
Wakasugi, Y. 8006
Wakita, Y. 3006, 6256
Wako, T. 10586
Wakui, K. 6796
Wakuliński, W. 10672
Walbot, V. 2022, 2915, 3964, 5988
Walch-Liu, P. 5467
Walden, A. 2598
Walden, A. R. 2594, 2598
Walden, D. B. 12017, 12023-12024, 12107, 12111
Walden, R. 5758
Waldia, R. S. 7770
Waldin, T. R. 6230
Waldron, B. L. 9523, 11905
Waldvogel, R. 2527, 6935
Walia, D. P. 1036
Waliyar, F. 3660, 10469
Walkemeier, B. 1333
Walker, A. J. 11781
Walker, A. R. 49, 7251, 11765
Walker, D. 8442
Walker, E. L. 2634, 10369
Walker, J. C. 19, 9289, 9398
Walker, J. D. 7251
Walker, J. M. 3944, 10214
Walker, J. R. L. 1331, 11032
Walker, J. T. 12762
Walker, L. 10541
Walker, M. A. 3333, 5621
Walker, M. B. 7472
Walker, M. D. 7213
Walker, N. 11995
Walker, R. R. 6747
Walker, S. C. 4086
Walker, S. J. 7916
Walker-Simmons, M. K. 5068
Wallace, H. M. 6746
Wallace, L. E. 3622
Wallace, R. J. 10943
Wallali, L. D. 9023
Walles, B. 3583, 11561
Walling, L. L. 12534
Wallsgrove, R. M. 12725
Wallwork, H. 11959
Walt, J. J. A. van der 9166
Walter, C. 2594, 2598, 5817, 7016
Walters, C. 1801
Walters, L. 11992
Walters, S. A. 4388, 12613
Walther, U. 2889
Walton, R. 9544
Walz, C. 2238
Wan, J. 12193
Wan, L. C. 1982
Wan, M. L. 12767
Wan, P. 10612
Wan, S. Q. 9996
Wan, W. C. 12702
Wan, X. C. 11516
Wan, Y. 9441
Wan, Y. H. 6526
Wan, Z. X. 6526
Wan LiChuan 1982
Wan MeiLiang 12767
Wan Ping 10612
Wan ShuQin 9996
Wan WuChang 12702
Wan XianChong 11516
Wan YuHai 6526
Wan ZiXing 6526
Wandera, F. P. 9779
Wandera, P. F. 9780
Wanderley, M. J. R. 10259
Wang 3535, 5381
Wang, A. D. 10798
Wang, A. L. 12128
Wang, B. 1969, 4236, 5108, 5918, 8640
Wang, B. G. 6675, 7953, 7961
Wang, B. H. 5160
Wang, B. L. 4509, 6801
Wang, B. S. 4653
Wang, B. Y. 4030
Wang, C. 11131
Wang, C. B. 7318
Wang, C. G. 11598
Wang, C. L. 1141, 2981, 3009, 4055, 5220, 6292, 10846-10847, 10867
Wang, C. M. 5766
Wang, C. S. 4753, 10851, 12936
Wang, C. T. 3463, 9615, 10167
Wang, C. X. 7558, 9637
Wang, C. Z. 7681
Wang, D. 3288, 3845, 6483
Wang, D. C. 11598
Wang, D. L. 7624
Wang, D. Q. 3841
Wang, D. R. 1482
Wang, D. S. 4021, 4373, 6525, 7337, 9939, 11063
Wang, D. X. 1679
Wang, D. Y. 481, 2594, 6055, 7894
Wang, E. D. 4611
Wang, F. 6742
Wang, F. M. 5222
Wang, F. T. 12657
Wang, F. Y. 9889, 9896
Wang, G. 1982
Wang, G. C. 2984
Wang, G. H. 589, 6791
Wang, G. J. 4611, 8424, 12365
Wang, G. L. 2052, 9613, 9947
Wang, G. P. 4358
Wang, G. Q. 4406, 11021
Wang, G. X. 4161
Wang, G. Y. 208, 8181
Wang, G. Z. 4406
Wang, H. 2131, 3938, 5326, 10798, 12069
Wang, H. F. 9458
Wang, H. G. 4961
Wang, H. H. 6066
Wang, H. L. 1647, 3258, 12486
Wang, H. M. 10258, 10269
Wang, H. S. 3500
Wang, H. X. 1008, 7714, 8201, 9947
Wang, H. Y. 266, 1551, 4981, 5314, 9310, 10378
Wang, H. Z. 4559
Wang, J. 150, 2123, 4466, 5617, 5898, 9296, 10419, 11760
Wang, J. B. 762
Wang, J. C. 339, 3606, 5858, 7551
Wang, J. F. 292
Wang, J. G. 2166, 6578, 6594
Wang, J. H. 848, 5635, 8168, 8340, 12972
Wang, J. J. 4989, 7446, 8896
Wang, J. K. 71, 2106, 5334
Wang, J. L. 2185, 4917, 5293, 5307, 9797
Wang, J. M. 3934
Wang, J. P. 2092, 2441, 10135
Wang, J. R. 1661, 9125
Wang, J. S. 12239
Wang, J. X. 6557, 10436
Wang, J. Y. 349, 9203
Wang, J. Z. 8711
Wang, K. B. 10244
Wang, K. C. 6549
Wang, K. J. 5302
Wang, K. S. 5801
Wang, L. 239, 481, 3013, 3985, 6255, 6561, 7894, 12124, 12250
Wang, L. C. 2332
Wang, L. H. 2803, 3822
Wang, L. J. 203, 5092
Wang, L. M. 5293, 5307, 8183
Wang, L. P. 5445
Wang, L. R. 8980, 8984
Wang, L. X. 1777, 2055, 9529
Wang, L. Y. 10436
Wang, L. Z. 5485, 6510, 6582, 7697, 12555
Wang, M. 2, 481, 3923, 5058, 6561, 7894, 11071, 11128
Wang, M. B. 1632, 9795
Wang, M. L. 1551, 7223, 7575
Wang, M. N. 11916
Wang, M. Q. 12227
Wang, M. X. 11470
Wang, M. Y. 9615
Wang, N. Y. 7717
Wang, P. 1982, 2184, 3535, 6357
Wang, P. H. 5018
Wang, P. L. 3191
Wang, P. S. 3500, 4236, 7885
Wang, P. W. 7099
Wang, P. Y. 7697
Wang, Q. 10508, 12656
Wang, Q. M. 772
Wang, Q. R. 8579
Wang, Q. S. 12627
Wang, Q. Y. 4041, 5676, 7340
Wang, R. 6244, 8046
Wang, R. C. 2759
Wang, R. J. 8291
Wang, R. L. 5125
Wang, R. M. 5215
Wang, R. R. C. 5237, 9738
Wang, S. 88, 12372
Wang, S. A. 196, 9615
Wang, S. C. 3965, 9203
Wang, S. F. 8758, 12320
Wang, S. H. 7791, 9459
Wang, S. J. 7663, 12486
Wang, S. K. 1598
Wang, S. L. 121, 1941, 4037, 11842
Wang, S. M. 6420, 9744
Wang, S. P. 2123, 7217, 9664, 10810
Wang, S. Q. 8101
Wang, S. S. 6675, 7953
Wang, S. T. 3226, 3230
Wang, S. W. 6602, 7368, 10609
Wang, S. X. 617
Wang, S. Y. 4195, 7004
Wang, T. 2610, 5370, 5381, 10332
Wang, T. B. 955
Wang, T. L. 9845
Wang, T. T. 4330
Wang, T. Y. 3680
Wang, W. 772-773, 4681, 7315, 8184
Wang, W. A. 1702
Wang, W. L. 4002
Wang, W. M. 183, 6289
Wang, W. Q. 6878, 10268
Wang, W. R. 613, 623, 10125
Wang, W. Y. 10396
Wang, W. Z. 4190
Wang, X. 9673
Wang, X. C. 4973, 9426-9427
Wang, X. D. 3542, 7838, 9833
Wang, X. F. 4162
Wang, X. G. 5314
Wang, X. H. 4009
Wang, X. J. 2283, 7465
Wang, X. K. 259, 2092, 6252, 12206
Wang, X. L. 4033, 5219, 7623, 9716, 12266
Wang, X. M. 5196, 6033, 8664, 8794, 9308, 11021, 12227
Wang, X. Q. 2961, 10421, 10802
Wang, X. W. 1933, 3234, 3839, 7810, 7850, 11035
Wang, X. Y. 3617, 7517, 9947, 11929
Wang, Y. 123, 1929, 5248, 6380, 6936, 11129, 11375
Wang, Y. B. 2028, 2044, 8629
Wang, Y. C. 5676, 10792
Wang, Y. D. 8700
Wang, Y. F. 481, 4702, 7894, 8283, 12955
Wang, Y. H. 3843, 5549, 6526-6527, 6825, 8050
Wang, Y. J. 451, 6597
Wang, Y. L. 3949, 6558, 7849
Wang, Y. M. 5676
Wang, Y. P. 2028, 2044, 2483, 5202, 6882, 7624, 8629, 9615, 10181, 10868
Wang, Y. Q. 8185, 8940
Wang, Y. R. 6266, 7520, 12191
Wang, Y. T. 5333
Wang, Y. W. 6030
Wang, Y. Z. 4181, 7940, 12730
Wang, Z. 6095, 7575, 9425
Wang, Z. D. 10692-10693
Wang, Z. G. 1606
Wang, Z. H. 2028, 2044, 8629
Wang, Z. J. 6254
Wang, Z. L. 2667, 7136-7137, 7663, 8101
Wang, Z. M. 1702, 4166, 6666, 11632
Wang, Z. N. 9454
Wang, Z. P. 2537, 10240
Wang, Z. Q. 5196, 5324
Wang, Z. R. 1989
Wang, Z. S. 5919
Wang, Z. T. 10419
Wang, Z. X. 3216, 6527-6528, 6761, 7696, 8682, 10870
Wang, Z. Y. 254, 8125, 10241
Wang, Z. Z. 8177, 12428
Wang AnDong 10798
Wang AnLe 12128
Wang BaiYang 4030
Wang BaoGen 6675, 7953, 7961
Wang BaoHe 5160
Wang BaoSong 4653
Wang Bin 4236, 5108, 5918
Wang BingLiang 4509, 6801
Wang Bo 1969, 8640
Wang CaiLian 10846-10847
Wang CaiLin 1141, 2981, 3009, 4055, 6292
Wang ChangSheng 10851
Wang ChengBing 7318
Wang ChengXiang 9637
Wang ChengZhang 7681
Wang ChongTao 9615
Wang ChuangTang 3463
Wang ChuanTang 10167
Wang ChunGuang 11598
Wang ChunLian 5220, 10867
Wang ChunMing 5766
Wang ChunXin 7558
Wang CoShine 4753
Wang DaCheng 11598
Wang Dan 6483
Wang DaoQuan 3841
Wang DaXin 1679
Wang DaYong 6055
Wang DeSen 6525, 9939, 11063
Wang DeSheng 4021, 4373, 7337
Wang DeYuan 481, 7894
Wang DingRong 1482
Wang EnDe 4611
Wang FaMing 5222
Wang FanTing 12657
Wang Feng 6742
Wang FengYi 9889, 9896
Wang Gang 1982
Wang GeJiao 12365
Wang GuangJie 4611
Wang GuangQing 11021

Wang GuangQuan 4406
Wang GuangZhen 4406
Wang GuanLin 9947
Wang GuiLin 2052, 9613
Wang GuoChang 2984
Wang GuoHuai 589, 6791
Wang GuoPing 4358
Wang GuoXun 4161
Wang GuoYin 208, 8181
Wang HaiFeng 9458
Wang HaiLin 1647
Wang HaiSi 3500
Wang HaiYan 1551
Wang HaiYang 266, 4981, 9310
Wang HaiYing 5314
Wang Han 2131
Wang HengLong 12486
Wang HongGang 4961
Wang HongHai 6066
Wang HongLi 3258
Wang HongMei 10258, 10269
Wang HongXin 7714, 8201
Wang HuaiYu 10378
Wang HuanXiao 1008
Wang HuaZhong 4559
Wang Hui 3938, 10798
Wang HuoXu 9947
Wang JauJueh 8896
Wang JauYueh 9203
Wang JennChe 3606, 5858
Wang JianFei 292
Wang Jiang 2123
Wang JianGang 6594
Wang JianGuan 2166
Wang JianJun 7446
Wang JianKang 71, 5334
Wang JianPing 2092, 2441, 10135
Wang JianZhong 8711
Wang JiChai 339
Wang Jie 150
Wang JiGuo 6578
Wang JiHong 8168, 12972
Wang JinBang 762
Wang Jing 9296, 11760
Wang JingChen 7551
Wang JingHua 5635
Wang JinLiang 4917
Wang JinLing 2185, 5293, 5307, 9797
Wang JinSheng 12239
Wang JinYu 349
Wang JiXiang 6557
Wang Jun 4466, 5617, 10419
Wang JunHui 848, 8340
Wang JunJuan 4989
Wang JunMei 3934
Wang KangCai 6549
Wang KeJing 5302
Wang KeSheng 5801
Wang KunBo 10244
Wang Lei 239, 481, 3013, 6561, 7894
Wang LiangJiang 203, 5092
Wang LianZheng 7697
Wang LiChao 2332
Wang LiHai 3822
Wang LiMing 5293, 5307
Wang LingXian 1777
Wang LiPing 5445
Wang LiRong 8980, 8984
Wang LiuMing 8183
Wang LiXin 2055, 9529
Wang LongZhi 5485, 6510, 6582, 12555
Wang MaoBin 9795
Wang MaoLi 7575
Wang MaoLin 1551
Wang MeiNan 11916
Wang MeiYun 9615
Wang Min 11128
Wang Ming 481, 6561, 7894
Wang MingBo 1632
Wang MingLi 7223
Wang MingQuan 12227
Wang MingXiu 11470
Wang NaiYong 7717
Wang Pei 6357
Wang PeiHong 5018
Wang PeiSheng 4236, 7885
Wang PeiYing 7697
Wang PengWei 7099
Wang Ping 1982, 2184
Wang PingLi 3191
Wang PingSheng 3500
Wang QiangSheng 12627
Wang QiMing 772
Wang QingRen 8579
Wang QiuYan 5676
Wang QiuYe 7340
Wang RenMin 5215
Wang RongChen 2759
Wang RongLin 5125
Wang Rui 8046
Wang RuiJiang 8291
Wang SanLiang 4037
Wang SanTai 3226, 3230
Wang ShanHong 9459
Wang ShaoKe 1598
Wang ShiPing 2123, 7217, 9664, 10810
Wang ShiShan 6675, 7953
Wang ShouCai 3965
Wang ShuAn 196, 9615
Wang ShuangWu 6602
Wang ShuiQi 8101
Wang ShuJen 12486
Wang ShuMin 6420, 9744
Wang ShunCheng 9203
Wang ShuWen 7368
Wang Su 88
Wang SuHua 7791
Wang SuiYi 7004
Wang SuJie 7663
Wang SuLing 121
Wang SuYun 4195
Wang TianYun 3680
Wang TieBang 955
Wang Ting 2610, 10332
Wang TsuTsuen 4330
Wang Wei 772-773, 4681, 7315, 8184
Wang WeiAn 1702
Wang WeiMin 183
Wang WeiRong 613, 623, 10125
Wang WenLing 4002
Wang WenQuan 6878, 10268
Wang WenZhen 4190
Wang WuYi 10396
Wang Xi 9673
Wang XiangKun 259, 2092, 6252, 12206
Wang XiangMing 12227
Wang XiaoDong 7838
Wang XiaoGuang 5314
Wang XiaoJia 2283
Wang XiaoJing 34
Wang XiaoJun 7465
Wang XiaoLing 4033, 5219, 7623, 9716, 12266
Wang XiaoMeng 8794
Wang XiaoMing 8664
Wang XiaoQuan 10421
Wang XiaoWu 3234, 7850
Wang XiaoYan 9947
Wang XiCheng 9426-9427
Wang XinDing 9833
Wang XingYu 7517
Wang XingYuan 11929
Wang XinQi 2961, 10802
Wang XinWang 1933, 3839
Wang XinWei 7810, 11035
Wang XiuHua 4009
Wang XueChen 4973
Wang XueFei 4162
Wang XueMin 6033, 9308
Wang XueMing 5196
Wang XunMing 11021
Wang YaFu 12955
Wang YanHua 6526
Wang YanQin 8185
Wang YanTong 5333
Wang YaRu 7520
Wang YiBo 2028, 2044, 8629
Wang YiChun 10792
Wang Ying 1929, 5248
Wang YingDian 8700
Wang YingMing 5676
Wang YiPing 5202, 7624
Wang YiRou 6266, 12191
Wang YiZhi 4181
Wang Yong 123, 6936, 11375
Wang YongChang 5676
Wang YongFei 481, 7894
Wang YongHe 3843
Wang YongHong 5549
Wang YongJian 451, 6597
Wang YongPu 2028, 2044, 8629
Wang YongQing 8940
Wang YongZhang 7940
Wang YouPing 2483, 6882
Wang Yuan 11129
Wang YueFang 4702, 8283
Wang YuHai 6527
Wang YuLan 3949
Wang YuLong 7849
Wang YunHua 6825, 8050
Wang YunLan 6558
Wang YuPing 9615
Wang YuWen 6030
Wang YuZhong 12730
Wang ZaiMing 6666
Wang ZePing 2537, 10240
Wang ZeSheng 5919
Wang ZhaoLan 7663
Wang ZhaoMin 1702
Wang ZhenDong 10692-10693
Wang ZhengGang 1606
Wang ZhengTao 10419
Wang ZhenHua 2028, 2044, 8629
Wang ZhenMin 4166
Wang ZhenXing 6761
Wang ZhenZhong 12428
Wang ZheZhi 8177
Wang Zhi 7575
Wang ZhiJian 6254
Wang ZhiQin 5196
Wang ZhiRong 1989
Wang ZhiXiang 8682
Wang ZhiXin 7696
Wang ZhiYong 4856
Wang ZhongLi 2667, 7136-7137
Wang ZhongYi 10241
Wang Zhuan 9425
Wang ZiLin 8101
Wang ZiNing 9454
Wang ZiQiang 5324
Wang ZiXin 3216, 6527-6528
Wang ZiXuan 10870
Wang ZongYang 254, 8125
Wani, S. A. 12229, 12718-12719
Wann, J. M. 11617
Wannakrairoj, S. 10404
Wanner, G. 10225
Wanner, L. A. 9376
Wanussakul, R. 756
Waquil, J. M. 12133
Waranyuwat, A. 221
Warburton, M. 9241
Ward, D. A. 1854, 4767, 7135
Ward, E. 1828, 4874
Ward, J. M. 5889
Ward, L. N. 7712
Ward, R. D. 2795
Wardle, P. 8289
Ware, A. H. 11827
Ware, D. 900
Warkentin, T. D. 1305, 5393, 10992
Warming, E. 10087
Warner, S. A. J. 5773
Warnick, D. 12132
Warnock, D. F. 3991-3992
Warren, C. A. 2022
Warren, D. 9167
Warren, G. 4902
Warren, G. J. 9374
Warren, J. M. 2133
Warren, R. F. 67, 7221, 9379
Warwick, D. R. N. 12747
Warwick, R. 7051
Warwick, S. I. 3050, 4516
Wasaki, J. 12322
Wasala, S. K. 6400
Waser, N. M. 7290
Washida, H. 1127, 9695
Washington, W. S. 2343
Washio, K. 12179
Wasilewicz-Flis, I. 3175
Wassenegger, M. 3235
Wassom, J. 12057
Wasternack, C. 2874, 4353, 4849, 5063
Watabe, K. 3178, 8846
Watahiki, M. K. 4877
Watanabe, A. 7710, 8380, 10520
Watanabe, H. 898, 2641, 5863, 8323, 8326, 12978
Watanabe, I. 5444, 10946
Watanabe, J. A. 11037-11038
Watanabe, K. 1181, 1345, 1496, 2999, 8493, 10845, 11541
Watanabe, K. N. 11037-11038, 12467
Watanabe, M. 3427-3428, 3428-3429
Watanabe, N. 3538, 3847, 6170, 8536
Watanabe, S. 12812
Watanabe, T. 2321, 2686, 11625
Watanabe, Y. 4682, 10362, 11146
Watarai, M. 1195
Waterhouse, P. M. 1632, 8424
Waterman, P. G. 4926
Waters, E. R. 5024
Waterston, R. 11732
Wathelet, B. 7745
Watillon, B. 1460, 3268
Watkins, C. B. 525, 11207
Watkins, R. 6647
Watmough, S. A. 7013
Watson, C. E. 10754-10755, 10758, 10761-10762
Watson, J. C. 4221
Watson, L. E. 3031
Watson, M. F. 8378
Watt, A. D. 9141, 12882
Watt, K. 11208
Watt, M. P. 1691
Watters, J. 9093, 9596
Watts, R. 2875
Watts, R. J. 6323
Waugh, C. D. 6325
Waugh, R. 176, 2193, 3940, 5055, 5079
Wauters, A. 2492, 9068
Wawrzyńczak, D. 8996
Wawrzyniak, M. 6831
Waxman, D. 3766
Waycott, M. 2685, 7166
Waycott, W. 6543
Wayne, J. E. 483
Weaver, C. A. 230
Weaver, J. B., Jr. 11442
Weaver, L. M. 6032
Webb, B. D. 2077, 2079
Webb, C. A. 2050
Webb, C. J. 7284
Webb, D. 7713
Webb, D. T. 4730
Webb, K. J. 12337
Webb, S. E. 12605
Webb, Z. A. 11443
Webber, J. 3566
Weber, A. 6052
Weber, B. E. G. 5953
Weber, D. J. 5330
Weber, E. 4758
Weber, H. 2191, 5262, 6493, 9816
Weber, L. H. 9760
Weber, M. 1684, 3566
Weber, S. 2467
Weber, W. E. 5034, 8625, 11349, 12863
Webster, C. 7346
Webster, E. P. 12267
Webster, F. H. 8622
Webster, J. A 2701
Webster, J. A. 11968
Webster, R. W. 1229
Wee, E. G. T. 33
Weeden, N. F. 5575, 6631-6632, 7319, 9761
Week's Roses 7081
Weerakoon, N. D. 10504

Weerd, N. de 10496
Weers, B. D. 6001
Wees, S. C. M. van 68
Weg, W. E. van de 5616
Wege, L. 8759
Wegelin, T. 5366
Wegener, C. 4292
Weginwar, D. G. 11272, 11286-11287
Węgrzyn, S. 6814, 9577
Wehling, P. 616, 4249
Wehner, T. C. 2323, 4388, 7931, 12613
Wei, D. M. 9601
Wei, F. H. 3496
Wei, G. 9659
Wei, J. 10531
Wei, J. C. 982
Wei, J. K. 4075, 8715
Wei, J. M. 199, 357
Wei, J. W. 2081
Wei, L. 1103, 2315
Wei, L. M. 3948
Wei, M. 7313
Wei, N. 9310
Wei, R. P. 11501
Wei, S. H. 7790
Wei, S. L. 11065, 12936
Wei, S. Z. 2430
Wei, W. 7714, 8201
Wei, W. B. 894
Wei, W. N. 2350
Wei, W. Q. 5494
Wei, X. 2570
Wei, X. H. 7533
Wei, X. W. 11360
Wei, Y. L. 6664
Wei, Y. M. 7509, 9637
Wei, Y. Q. 1515, 1947
Wei, Y. R. 8932
Wei, Y. T. 3215, 9947
Wei, Y. Y. 9937
Wei, Z. C. 1410
Wei, Z. L. 8041
Wei, Z. M. 2169
Wei, Z. X. 10025
Wei DeMing 9601
Wei FangHua 3496
Wei Guo 9659
Wei JiaMian 199, 357
Wei JianKun 4075, 8715
Wei JianWen 2081
Wei JinCheng 982
Wei Li 1103
Wei LiangMing 3948
Wei Lin 2315
Wei Ning 9310
Wei ShengZhong 2430
Wei ShuHong 7790
Wei ShunLian 11065
Wei Wei 7714, 8201
Wei WenBin 894
Wei WinNa 2350
Wei WuQing 5494
Wei XiaoWen 11360
Wei XingHua 7533
Wei YangQiou 1515
Wei YaoMing 7509, 9637
Wei YiQin 1947
Wei YouYing 9937
Wei YueRong 8932
Wei YuLian 6664
Wei YuTang 3215, 9947
Wei ZeLan 8041
Wei ZhenCheng 1410
Wei ZhiMing 2169
Wei ZhongXin 10025
Weibel, F. 8919
Weidner, A. 5034
Weigand, A. 6010
Weigand, F. 3910, 5410, 8801, 12411
Weigand, S. 2701
Weigel, D. 44, 3750, 9318, 10548, 11770
Weih, M. 1660
Weihe, A. 4857, 9267
Weil, M. 4357
Weilenmann, F. 8533
Weilenmann, M. E. 1259-1260
Weiler, E. W. 7222, 10527
Weilguny, H. 3173
Weimken, A. 430
Weinbaum, S. A. 11188
Weinert, J. 12116
Weingartner, D. P. 411
Weinman, J. J. 4142
Weipert, D. 10683
Weir, B. S. 9204
Weir, I. 11652
Weis, H. 4396
Weisbeek, P. 430, 924
Weisbeek, P. J. 68
Weise, S. E. 11763
Weisemann, J. M. 8766, 9793
Weising, K. 6064, 8801
Weiss, D. 11549
Weissenberg, K. von 8196
Weisshaar, B. 905, 1827, 7309, 9339
Weissinger, A. K. 9092
Welander, M. 2333, 7938
Weldekidan, T. 11980
Weldy, T. W. 3622
Welham, T. 5382
Welinder, K. G. 10501
Welke, G. A. 12349
Welker, O. A. 6270
Wellburn, A. 12814
Wellburn, A. R. 9105
Wellburn, F. 12814
Wellburn, F. A. M. 9105
Wellendorf, H. 8250, 11506
Weller, J. I. 1889
Wells, B. R. 2078
Wells, D. 6006
Wells, J. M. 12458
Welman, W. G. 11143
Welsh, S. L. 2158
Weltjens, I. 6371, 8763, 12339
Welz, H. G. 7503, 8665
Wen, C. K. 12981
Wen, C. S. 5875
Wen, F. 7614
Wen, F. J. 6483
Wen, F. S. 4218, 10987
Wen, F. Y. 7849
Wen, G. S. 2093, 7613
Wen, J. 1998, 2614
Wen, L. Y. 5102, 10700
Wen, S. X. 256
Wen, X. S. 10769
Wen, X. X. 1942
Wen, Y. C. 2441, 6792, 10135
Wen, Z. Y. 9454
Wen ChiaSzu 5875
Wen ChiKuang 12981
Wen FengYing 7849
Wen FuJiang 6483
Wen FuShi 4218, 10987
Wen GuoSong 2093, 7613
Wen Jiang 1998
Wen Jun 2614
Wen LanYing 5102, 10700
Wen ShengXian 256
Wen XiangXu 1942
Wen XinShan 10769
Wen YanCheng 6792, 10135
Wen YunCheng 2441
Wen ZhiYu 9454
Wenck, A. R. 5812
Wendehake, K. 114, 9443
Wendehenne, D. 701
Wendel, J. F. 86, 3565, 5788, 6953, 9111, 12834, 12837
Wenderoth, I. 11023
Wendt, U. K. 11023
Weng, C. 8226
Weng, M. L. 4236, 5918
Weng, S. 3728
Weng ManLi 4236, 5918
Weninger, A. M. 8037
Wenny, D. L. 1251
Wenslaff, T. F. 5728
Wenzel, G. 1329, 1913, 2230-2231, 4256, 6178, 9599, 12441
Wenzel, W. G. 2060, 10741
Werck-Reichhart, D. 9819
Werlemark, G. 6739, 7083, 11199
Werner, C. P. 12727
Werner, D. 9804
Werner, D. J. 2354, 4437
Werner, G. 4735
Werner, J. E. 6479
Werner, T. 9328
Werr, W. 3961
Wersuhn, G. 2232
Werth, C. R. 6994
Wery, J. 1644
Weryszko-Chmielewska, E. 7158
Weselake, R. J. 12712
Wesenberg, D. 9579
Wesenberg, D. M. 5076, 8622
Wessels, J. G. H. 5916, 7172
Wessler, S. R. 203, 1064, 1816, 2018, 5092
West, A. G. 4740
West, C. M. 5709
West, J. G. 9399
Westcott, R. J. 5093, 5473, 9892
Westedt, A. L. 4308
Westercamp, P. 11174
Westerkamp, C. 6052
Western, T. L. 8465
Westfall, R. D. 12889
Westhoff, P. 39, 212, 3662, 6234
Westhuizen, A. J. van der 149, 1019, 2869
Westhuizen, M. C. van der 9535
Westin, J. 11505
Westman, A. L. 9040
Weterings, K. 4864
Wettasinghe, R. 3202
Wetten, A. 4399, 10917, 10930
Wettstein, D. von 1995, 5069, 6161
Wetzel, C. 3745
Wetzel, J. B. 9506
Wetzstein, H. Y. 647, 2436, 4665, 10097, 12752
Wevers, J. D. A. 8115
Weyens, G. 2505
Wezel, R. van 5862
Whalen, M. C. 8890
Whalen, R. H. 12065
Whang, S. S. 1160
Whang SungSoo 1160
Wheatley, C. 6505
Wheeler, C. C. 12267
Wheeler, G. L. 6009
Wheeler, N. C. 1701
Wheeler, T. 5398
Wheeler, T. A. 12843
Wheeler, T. R. 5372, 6461, 11334, 12396
Whelan, J. 1274, 9792
Whelan, R. 7068
Whelan, R. J. 8278
Whetten, R. 11482
Whetten, R. W. 5812, 10318
Whiley, A. W. 6748
Whitaker, J. R. 11651
Whitbread, G. 9399
White, A. G. 6649
White, A. J. 9277
White, C. I. 3731
White, D. G. 12120
White, D. W. R. 213, 3056
White, J. W. 3668
White, K. A. 1711
White, M. J. 2208, 11693
White, N. D. G. 11270
White, P. J. 25, 193, 5120
White, P. R. 3951
White, T. 9226
White, T. J. 4382
White, W. H. 4561, 6898
Whitecross, M. 12816
Whitehead, S. 5398
Whitehead, V. B. 805
Whitelam, G. C. 38, 55, 5191, 6019, 6023, 9327
Whitelaw, C. A. 5675, 6010, 10063
Whitely, R. S. 11081
Whiteman, P. H. 11461
Whitham, S. 6492
Whitham, S. A. 4913
Whitham, T. G. 1686
Whitkus, R. 8024
Whitlock, B. A. 10580, 12796
Whitlock, M. C. 4915
Whitmer, S. 1768
Whitney, D. A. 1101
Whitney, S. M. 8138, 8140
Whitten, W. M. 5883
Whittier, R. F. 11724
Whittle, E. 921
Whitton, J. 11277
Wiatr, K. 10929
Wicker, E. 5388
Widawsky, D. 3665
Widholm, J. 2249, 12057
Widholm, J. M. 221, 1250
Widjaja, E. A. 4802
Widmer, A. 10581
Widrlechner, M. P. 838, 1081, 5605, 6307
Widstrom, N. W. 222, 4008, 10727, 12138
Wiel, C. C. M. van de 2286
Wiel, C. van de 6542
Wield, D. 3721
Wielebski, E. 6828
Wielebski, F. 6827
Wielgat, B. 12461
Wielgus, S. M. 5472
Wielpütz, J. 1285
Wiemken, A. 5320, 6937, 9789
Wienand, U. 11998, 12049
Wiersma, J. V. 6156
Wierzbicka, M. 11060
Wierzchowska-Renke, K. 11594
Wiese, C. 2535
Wiesman, Z. 643, 11302
Wiesmann, A. 11583
Wiesner, L. 1801
Wiesnerová, D. 10512
Wiewióra, M. 10635
Wiik, R. van 11993
Wijbrandi, J. 6580, 11137
Wijeratne, M. A. 680
Wijk, H. J. van 5077
Wijk, R. van 12565
Wijting, S. E. 1841
Wikler, K. R. 11499, 11499
Wikström, K. 8574-8575
Wiktorska, U. 1815
Wilcke, W. F. 11901
Wilcock, C. C. 3619
Wilcox, J. R. 2178, 4184, 4191, 4194, 9784
Wilcox, P. 8231
Wilcoxson, R. D. 6156
Wilczyński, G. 1327
Wild, A. 5678, 9030, 9146
Wilde, C. de 3697, 4847, 10377
Wilde, G. 5135
Wilde, G. E. 1987
Wilde, J. J. F. E. de 7118
Wilde, P. 2008
Wilde, R. 11116
Wilen, R. W. 6817, 10631
Wilhelm, E. 460
Wilhelmsson, L. 3577
Wilkin, P. 9917-9918
Wilkins, M. B. 11985
Wilkins, P. W. 6324
Wilkins, T. 6974
Wilkins, T. A. 713, 5777
Wilkinson, C. A. 6919-6920
Wilkinson, G. N. 6427
Wilkinson, J. 10502
Wilkinson, J. E. 2514
Wilkinson, L. M. 2289
Wilkinson, M. J. 2368, 3162, 4255, 6782, 8760, 8823
Wilkinson, S. 1381, 2297
Will, J. 1216, 11802
Willaert, M. 465
Willcott, J. B. 7687, 9763
Willems, P. E. L. 11545
Williams, A. 12319
Williams, C. 11400
Williams, C. G. 5099, 9145
Williams, D. 5846
Williams, E. H. 6009
Williams, H. 8673

Williams, J. H. 2477, 9384, 11334
Williams, J. H., Jr. 12868
Williams, J. T. 10478
Williams, K. J. 11959
Williams, L. E. 6876, 12757
Williams, M. A. 2019, 8450
Williams, M. R. 11434
Williams, P. H. 10109
Williams, R. W. 93, 912, 3733, 4882
Williams, S. 3023, 3895, 6091, 11837
Williams, T. A. 298
Williams, W. M. 5257, 10907
Williams, W. P. 3990, 3993, 9597, 10728, 12134
Williams-Alanis, H. 9647
Williams-Carrier, R. 95
Williamson, A. 4634
Williamson, B. 10035
Williamson, C. L. 2207
Williamson, G. 5873
Williamson, J. D. 11386
Williamson, V. M. 497, 1391, 6579
Willmitzer, L. 2238, 3244, 4353, 5465, 5477, 7797, 7805, 7808, 7892, 9901, 11027, 12446
Willmott, R. L. 2002
Willson, M. F. 5603
Wilsey, B. J. 2568
Wilson, C. 1620, 6516
Wilson, D. 7053
Wilson, D. R. 11085
Wilson, F. 2333
Wilson, F. M. 4392
Wilson, H. 8299
Wilson, J. P. 10780, 12171
Wilson, K. G. 2258
Wilson, L. A. 838
Wilson, L. T. 2100
Wilson, N. J. 11492
Wilson, R. 136, 11732
Wilson, R. E. 11894
Wilson, R. F. 4191, 6386
Wilson, R. G. 12787
Wilson, R. H. 1918
Wilson, R. K. 9189
Wilson, R. L. 12139
Wilson, R. N. 3150
Wilson, W. 5728
Wilson, W. A. 9463
Wilson, W. G. 3777, 6050
Wilson, W. K. 8470
Wilson, Z. A. 4852
Wilton, J. 1419
Wiltse, C. C. 319
Wiltshire, J. J. J. 8411
Wimmer, C. 2319
Winarto, Y. T. 1114
Winberg, B. C. 1186
Winckler, T. 9216
Winden, J. van der 4572
Windes, J. 3826
Windes, J. M. 6082-6083
Windham, M. T. 4689
Windle, R. A. 8271
Windus, J. L. 6335
Winfield, M. 11652
Wing, K. Y. 9894
Wing KinYip 9894
Winge, H. 11949
Wingender, E. 5982
Wingender, R. 8060, 8065, 11290
Wingler, A. 5062, 9558
Wingsle, G. 8479
Winicov, I. 3053, 3691, 9753
Winiger, F. A. 2225, 4248, 5456
Wink, M. 10932
Winkel-Shirley, B. 9353
Winkelmann, T. 10393
Winkler, J. 12602-12603
Winkler, R. G. 2745
Winter, K. U. 11788
Winter, P. 5410, 5428, 7767, 8801
Wintz, H. 4855, 7240, 8449
Winzeler, H. 3851, 8533
Winzeler, M. 8533, 8561, 8590, 9496
Winzer, T. 9804
Wirén, N. von 9369
Wise, R. P. 7484, 8637
Wise, R. R. 5105
Wiseman, B. R. 222, 3987, 12132, 12138, 12162
Wisman, E. 891, 905, 1863, 2766
Wiśniewska, H. 10672, 11958
Wiśniewska, I. 10697
Wiśniewski, J. 9186-9188
Wisniewski, J. P. 7756, 11121
Wiśniewski, K. 10597
Wissuwa, M. 1189
Wit, P. J. G. M. de 491, 1812, 12543
Witcher, D. R. 12094
Witcombe, J. R. 2064, 8430, 10479
Witek, Z. 10975
Witjaksono 8020
Witkowicz, R. 6816
Witono, J. 4783
Witte, B. 9893
Witte, K. de 6644
Witte, W. T. 4689
Wittemann, S. 3156
Wittenberg, K. M. 1237
Wittich, P. 3732
Wittich, P. E. 2034
Wittmann, P. 5573
Wittwer, F. 474
Wittwer, R. F. 8230
Witty, J. F. 3113
Witul, A. 11545
Wiuf, C. 10488
Wobus, U. 2191, 5262, 9816
Woese, C. R. 5968
Woeste, K. 53, 1853, 2435
Woeste, K. E. 9333
Wojciechowska, B. 9413
Wojdyła, A. T. 4763
Wójtowicz, M. 6827
Wojtowicz, M. 6828
Wolf, D. 11134, 12563
Wolf, G. A. 3881, 12116
Wolf, H. T. 5410, 9216
Wolf, I. 4300
Wolf, P. G. 6989
Wolf, S. 12350
Wolf, T. 3323
Wolfbeisser, M. 2699
Wolfe, A. D. 4661, 6335
Wolfe, D. S. 44
Wolff, R. 5241
Wolffe, A. P. 10464
Wolfinger, R. D. 1803
Wolfram, B. 8979
Wolkers, W. F. 1849
Wollenberg, K. 3782
Wolniak, S. M. 191
Wolski, T. 7158
Wolters-Arts, M. 10229
Wolverton, C. 3740
Wolyn, D. J. 414, 11087, 12523
Won, J. G. 2108, 7586
Won, J. Y. 2660, 8344
Won JeYang 2660, 8344
Won JongGun 2108
Wong, B. C. 12081
Wong, C. C. 9780
Wong, G. 10497
Wong, H. L. 9912
Wong, S. M. 7122
Wong HuiLee 9912
Wong SekMan 7122
Wongpiyasatid, A. 3133
Woo, H. H. 4218
Woo, J. G. 6069
Woo, S. L. 2243
Woo, S. Y. 4422, 4650
Woo, Y. M. 1626
Woo HoHyung 4218
Woo JongGyu 6069
Woo SuYoung 4422, 4650
Woo YoungMin 1626
Wood, B. W. 5660
Wood, D. 2719, 8427-8428, 8431, 9232
Wood, D. A. 2687
Wood, P. C. 11759
Wood, S. L. 7044
Wood, S. M. 8142
Wood, W. 1879
Woodbury, R. 9275
Woodfield, D. 3056
Woodfield, D. R. 1243, 5260
Woodfin, C. A. 10749
Woodgate, K. 6320
Woodhead, M. 2362, 11208
Woodman, W. 3959
Woods, D. L. 10119
Woods, J. H. 10329
Woods, S. M. 11872
Woodson, W. R. 10368, 10379
Woolliams, J. A. 3666, 5936
Woosley, A. 202
Wootton, M. 2851
Wopereis, J. 1247
Wopereis, M. C. S. 2101-2102
Worland, A. 7421
Worland, A. J. 252, 964, 4949, 4959, 4964, 4983, 4992, 5194, 5928, 6111, 10587
Worland, B. 8692
Worrall, D. 413
Wortman, J. 5964
Wortmann, H. 2008
Woś, H. 6814
Woś, J. 6814
Wostrikoff, K. 32
Wouters, D. 480
Wouw, M. van de 6315
Wricke, G. 2453, 3269
Wright, A. D. 211
Wright, B. D. 2714, 3665, 4815
Wright, D. 6134
Wright, D. A. 3745
Wright, F. 2193
Wright, G. C. 4483, 12687
Wright, J. M. 5254, 5258
Wright, L. M. 8330
Wright, M. 11991
Wright, M. S. 9282
Wright, R. J. 724, 6958
Wright, S. 1066
Wright, S 9204
Wright, S. 11445
Wright, W. A. 4407
Wrigley, C. W. 5284
Wrischer, M. 1867
Wrolstad, R. E. 4319
Wroth, J. M. 377, 12401-12402
Wu 4030
Wu, B. H. 8678, 11851
Wu, B. L. 5623
Wu, C. 3717
Wu, C. G. 5224
Wu, C. R. 6667
Wu, C. Y. 1127, 9695
Wu, D. H. 3242, 4358, 6290, 7609
Wu, D. L. 12857
Wu, D. X. 1732, 4052, 5197, 6602, 7568
Wu, D. Y. 3745
Wu, E. 44
Wu, F. S. 5752
Wu, G. 900
Wu, G. H. 10631
Wu, G. L. 1719
Wu, G. R. 10875
Wu, G. S. 451
Wu, G. W. 2100
Wu, G. Y. 150
Wu, H. G. 8229
Wu, H. L. 7300
Wu, H. M. 9682
Wu, H. P. 1092
Wu, H. R. 6220
Wu, H. T. 6740
Wu, H. X. 1373, 2591, 3567, 3570, 9545
Wu, J. G. 1119, 4505, 9696
Wu, J. H. 6962
Wu, J. L. 7629, 8995
Wu, J. M. 7363, 11854
Wu, J. Q. 4681, 7609
Wu, J. R. 9718
Wu, J. S. 6804, 12239
Wu, J. X. 4606, 4610, 5507, 10252
Wu, J. Y. 5814, 7833
Wu, J. Z. 5167, 12485
Wu, K. K. 5728
Wu, K. X. 10788
Wu, L. 5303
Wu, L. B. 2997
Wu, L. G. 1702
Wu, L. J. 4770
Wu, L. P. 7978, 8905
Wu, L. R. 6545
Wu, L. S. 8050
Wu, M. 2567, 10523
Wu, M. G. 250, 3019, 9716, 10789, 12266
Wu, M. J. 91
Wu, M. S. 3965
Wu, N. F. 2458
Wu, P. 1191, 3012, 4059-4060, 7581, 7612
Wu, Q. 4028, 8160
Wu, R. 747, 2117, 2575, 4030, 4065, 5096
Wu, R. G. 2585
Wu, R. S. 4058
Wu, S. B. 7517
Wu, S. H. 1514
Wu, S. J. 6081
Wu, S. L. 10072
Wu, S. Q. 257, 2985
Wu, S. S. H. 6790
Wu, S. X. 5520, 12657
Wu, S. Z. 5162, 5192, 7609, 7628, 12220
Wu, T. D. 4753
Wu, T. L. 12971
Wu, T. X. 3684
Wu, W. 9254
Wu, W. M. 12670
Wu, W. R. 9, 252, 290, 5194
Wu, X. 4601
Wu, X. . 6952
Wu, X. 8184
Wu, X. F. 7791
Wu, X. G. 9984
Wu, X. J. 10042
Wu, X. L. 11096
Wu, X. M. 2458
Wu, X. Y. 3552
Wu, X. Z. 7571
Wu, Y. 218, 1982, 2584, 4507, 5303
Wu, Y. F. 2541, 10249
Wu, Y. H. 11062
Wu, Y. J. 4376, 7249, 10018
Wu, Y. L. 291, 2120, 5223, 9152, 9713, 12246
Wu, Y. M. 848
Wu, Y. P. 7604
Wu, Y. R. 4060
Wu, Y. T. 2836
Wu, Y. W. 7350
Wu, Y. X. 8716
Wu, Y. Y. 6829, 8163
Wu, Z. B. 8168
Wu, Z. G. 5623
Wu, Z. J. 6298
Wu, Z. M. 6130
Wu, Z. R. 6608, 11165
Wu, Z. X. 6557, 7371
Wu, Z. Y. 10025
Wu BaiLe 5623
Wu BaoHua 8678
Wu BeiHua 11851
Wu ChangRong 6667
Wu ChuanGeng 5224
Wu ChuanYin 1127, 9695
Wu DeXi 6602
Wu DianXing 4052, 5197, 7568
Wu DingHua 3242, 4358
Wu DiXin 1732
Wu DongHui 6290, 7609
Wu DongLiang 12857
Wu DongYing 3745
Wu Guang 900
Wu GuangYao 150
Wu GuoHai 10631
Wu GuoLiang 1719

Wu GuoRui 10875
Wu GuoSheng 451
Wu GuoWei 2100
Wu HaiGuo 8229
Wu HePing 1092
Wu HoungTa 6740
Wu HuaiXiang 1373
Wu HuiLan 7300
Wu HuiMin 9682
Wu HuiXia 9545
Wu JiaHe 6962
Wu JiangSheng 6804
Wu JianGuo 1119, 4505, 9696
Wu JianLi 7629
Wu JianSheng 12239
Wu JianZhong 5167
Wu JiaQiong 4681
Wu JiMing 7363, 11854
Wu JingQiang 7609
Wu JingRui 9718
Wu JingYu 7833
Wu JinXin 5507
Wu JiXiang 4606, 4610, 10252
Wu JiZhong 12485
Wu JunLin 8995
Wu JunYuan 5814
Wu KangXiong 10788
Wu LianBin 2997
Wu LianJu 4770
Wu Ling 5303
Wu LiRen 6545
Wu LiShu 8050
Wu LongGao 1702
Wu LuPing 7978, 8905
Wu Min 10523
Wu Ming'an 2567
Wu MingGuo 250, 3019, 9716, 10789, 12266
Wu MingJing 91
Wu MinSheng 3965
Wu NingFeng 2458
Wu Ping 7612
Wu Qian 8160
Wu Qiang 4028
Wu Ray 2117
Wu RongLing 4646
Wu RongSheng 4058
Wu RuoGuang 2585
Wu ShangZhong 5162, 7628
Wu ShaoHua 1514
Wu ShaoXing 12657
Wu ShengXi 5520
Wu ShiZhao 5192, 7609, 12220
Wu ShuBiao 7517
Wu ShuJun 6081
Wu ShuLing 10072
Wu SongQing 257, 2985
Wu TeLin 12971
Wu TianXia 3684
Wu TzongDaw 4753
Wu Wei 9254
Wu WeiMin 12670
Wu WeiRen 9, 252, 290, 5194
Wu Xia 4601, 6952, 8184
Wu XiaoFei 7791
Wu XiaoGuang 9984
Wu XiaoLei 11096
Wu XiaoMing 2458
Wu XiaoYue 3552
Wu XiaoZhi 7571
Wu XiuJu 10042
Wu Yan 2584
Wu YanYou 6829
Wu YaoTing 2836
Wu YiFei 2541
Wu Yimei 4507
Wu YiMin 848
Wu Ying 1982
Wu YingJie 7249
Wu YongHan 11062
Wu YongJie 10018
Wu YongPei 7604
Wu Yu 5303
Wu YuanLi 9152
Wu YueJean 4376
Wu YueXuan 8716
Wu YuLiang 291, 2120, 5223, 9713, 12246
Wu YunFeng 10249
Wu YunYang 8163
Wu YuWen 7350
Wu ZengRu 6608, 11165
Wu ZhaoMing 6130
Wu ZhengBin 8168
Wu ZhengYi 10025
Wu ZhenXiang 6557
Wu ZhiGuang 5623
Wu ZhiXia 7371
Wu ZuJian 6298
Wuehlisch, G. von 8238
Wuillème, S. 5375
Wulfes, R. 9628
Wulff, B. B. H. 12541
Wulff, R. 791
Wullems, G. J. 2234, 7887, 10418
Wünn, J. 9667
Wurtzel, E. T. 11990, 12185
Wurz, A. 10107
Wustenberghs, H. 1452, 8964
Wüstenhagen, T. 2160
Wustman, R. 8840
Wuytswinkel, O. van 3533
Wychen, L. R. van 12150
Wycoff, K. 3522
Wye, C. 12525
Wyk, B. E. van 1652
Wylde, A. M. 2205
Wylie, S. 5283
Wylkop, A. 1294
Wyrick, A. 11265
Wyse, D. L. 12145
Wysocka-Diller, J. W. 7219
Xavier, D. F. 7525
Xenophontos, S. 3174
Xi, L. G. 4318
Xi, Y. A. 8687, 9672
Xi, Z. Y. 2932
Xi LianGuang 4318
Xi YongAn 8687, 9672
Xi ZhangYing 2932
Xia, G. M. 121, 7343
Xia, J. F. 5197
Xia, J. Y. 12853
Xia, K. 7617
Xia, L. 4221
Xia, L. Q. 12857
Xia, M. 2523
Xia, N. H. 10443
Xia, P. 7810
Xia, X. B. 12670
Xia, X. J. 8686, 8793
Xia, X. M. 4469
Xia, Y. 7412, 7679
Xia, Y. W. 4052, 5197, 7568, 8708
Xia GuangMin 121, 7343
Xia JianFeng 5197
Xia JingYuan 12853
Xia Kai 7617
Xia LanQin 12857
Xia Lin 4221
Xia Mian 2523
Xia NianHe 10443
Xia Ping 7810
Xia XiaoBao 12670
Xia XiaoJun 8686
Xia XiaoMing 4469
Xia XinJie 8793
Xia Yan 7412, 7679
Xia YingWu 4052, 5197, 7568
Xian, Y. L. 11052
Xian YunLan 11052
Xiang, C. B. 65
Xiang, F. N. 121
Xiang, H. J. 4895
Xiang, P. A. 5133
Xiang, Q. J. 11906
Xiang, Q. Y. 4661
Xiang, S. N. 5224
Xiang, X. 6537
Xiang, Y. 3258
Xiang, Y. B. 4080
Xiang, Y. W. 2088, 4017
Xiang ChengBin 65
Xiang FengNing 121
Xiang HongJun 4895
Xiang Ping'An 5133
Xiang QiJun 11906
Xiang QiuYun 4661
Xiang ShouNan 5224
Xiang Xun 6537
Xiang YaoWu 2088
Xiang YouBin 4080
Xiang YueWu 4017
Xiao, C. 4937
Xiao, C. L. 256
Xiao, F. C. 911
Xiao, F. H. 6891, 12254
Xiao, G. F. 8160
Xiao, G. H. 6602
Xiao, H. 5204, 12202
Xiao, J. F. 3834, 4956
Xiao, J. H. 1131, 3544
Xiao, J. P. 3637
Xiao, K. 117, 7366, 9469
Xiao, L. 982
Xiao, L. H. 5481
Xiao, L. T. 6258
Xiao, L. Z. 937, 4918
Xiao, P. G. 10421
Xiao, S. H. 4988, 6103
Xiao, W. Y. 8477
Xiao, X.. 6290
Xiao, Y. R. 8626
Xiao CengLin 256
Xiao FangHua 12254
Xiao FengCao 911
Xiao FengHui 6891
Xiao GuangHui 6602
Xiao GuiFang 8160
Xiao Han 5204, 12202
Xiao JianFu 3834
Xiao JianPing 3637
Xiao Jiefu 4956
Xiao JieHua 3544
Xiao JinHua 1131
Xiao Kai 117, 7366, 9469
Xiao LangTao 6258
Xiao Li 982
Xiao LingZhi 937, 4918
Xiao LizHen 5481
Xiao PeiGen 10421
Xiao ShiHe 4988, 6103
Xiao WenYan 8477
Xiao Xin 6290
Xiao YuRong 8626
Xie, A. Y. 11022
Xie, C. 8510, 12317
Xie, C. J. 3503, 11860
Xie, C. Q. 3683, 3771
Xie, D. S. 12616
Xie, F. T. 5314
Xie, F. X. 239, 1514, 3013
Xie, F. Z. 9119
Xie, H. 4039
Xie, H. A. 258, 7576
Xie, Hua'an 4039
Xie, J. H. 5224
Xie, K. B. 12946
Xie, K. F. 5298
Xie, L. H. 6298, 8034
Xie, L. J. 12536
Xie, L. Y. 6298
Xie, M. T. 4359
Xie, Q. 7417, 11847
Xie, Q. J. 7627
Xie, R. 2099, 4036
Xie, S. J. 1512
Xie, S. Q. 4318
Xie, S. X. 8932
Xie, W. 8392
Xie, W. H. 12616
Xie, X. B. 4033
Xie, X. S. 8711
Xie, Y. J. 208
Xie, Y. Q. 6102, 9458
Xie, Y. Z. 12485
Xie, Z. J. 7341
Xie, Z. P. 5320, 7747
Xie, Z. W. 4056
Xie, Z. X. 5476
Xie AnYong 11022
Xie ChaoJie 11860
Xie ChiJun 3503
Xie ChongQing 3683, 3771
Xie DaSen 12616
Xie FeiZhou 9119
Xie FuTi 5314
Xie FuXian 239, 3013
Xie FuXin 1514
Xie HuaAn 258, 7576
Xie JiaHua 5224
Xie KaiBin 12946
Xie KeFang 5298
Xie LianHui 6298
Xie LiHua 8034
Xie LiJun 12536
Xie LiYan 6298
Xie MingTang 4359
Xie Qi 7417, 11847
Xie Rong 2099, 4036
Xie ShenXi 8932
Xie ShiQing 4318
Xie SuJin 1512
Xie WenHua 12616
Xie XiaoBo 4033
Xie XingSong 8711
Xie YingQiu 6102, 9458
Xie YiZhi 12485
Xie YouJu 208
Xie ZhiPing 5320, 7747
Xie ZhiXin 5476
Xie ZuoJie 7341
Xifreda, C. C. 11559
Xin, H. 5298
Xin, L. 3018
Xin, Z. Y. 1940, 7353
Xin Hua 5298
Xin ZhiYong 1940, 7353
Xing, C. Z. 1647, 10260
Xing, G. M. 12955
Xing, G. S. 12955
Xing, M. 7840
Xing, Q. D. 5220
Xing, T. 11125
Xing, X. H. 10842
Xing, Y. X. 7313
Xing ChaoZhu 1647, 10260
Xing GengMei 12955
Xing GengSheng 12955
Xing Miao 7840
Xing QuanDang 5220
Xing Ti 11125
Xiong, G. S. 6916
Xiong, H. 11265
Xiong, L. M. 3758, 3761
Xiong, L. Z. 4054, 10810
Xiong, S. Q. 6665
Xiong, W. X. 6669
Xiong, X. H. 3552
Xiong, X. S. 8765
Xiong, Y. M. 11598
Xiong, Z. M. 7567
Xiong, Z. T. 3605
Xiong GeSheng 6916
Xiong Hui 11265
Xiong LiMing 3758, 3761
Xiong LiZhong 10810
Xiong ShaoQing 6665
Xiong WinXiang 6669
Xiong XingHua 3552
Xiong XinSheng 8765
Xiong YuMei 11598
Xiong ZhenMin 7567
Xiong ZhiTing 3605
Xiqué, X. 4473
Xiqués, X. 7897
Xirau, J. V. 10390
Xoconostle-Cázares, B. 3258
Xu, B. 9995
Xu, B. M. 7838
Xu, C. G. 259, 4054, 7565
Xu, C. W. 5171
Xu, D. H. 342
Xu, D. M. 4595
Xu, D. X. 244, 1799
Xu, D. Y. 9561
Xu, F. H. 4613, 6964
Xu, F. R. 2066, 2093, 7613, 9710
Xu, F. S. 6825
Xu, F. X. 4369
Xu, F. Y. 11500
Xu, G. 11984
Xu, G. Y. 6549
Xu, H. 6578
Xu, H. H. 6663
Xu, H. J. 5519, 6103
Xu, H. L. 5876-5877, 5894, 10812
Xu, H. X. 4989
Xu, J. 1776, 5057
Xu, J. B. 11066

Xu, J. C. 2971
Xu, J. J. 9786
Xu, J. L. 8687, 9672
Xu, J. X. 339
Xu, J. Z. 10167
Xu, K. 4037
Xu, L. 6525
Xu, L. C. 11035
Xu, L. K. 3824
Xu, L. L. 5331
Xu, L. P. 661, 7558
Xu, M. 3500, 9996
Xu, M. L. 2118-2119, 9593
Xu, M. X. 9529
Xu, N. Y. 2839
Xu, P. 3520
Xu, P. L. 12485
Xu, Q. 2556, 6613
Xu, Q. F. 9615, 12029
Xu, Q. G. 8699
Xu, Q. S. 2991, 11052
Xu, Q. X. 4929
Xu, R. G. 5067, 9561
Xu, R. Q. 6410, 9516
Xu, S. 8510
Xu, S. C. 2166, 2451
Xu, S. X. 10769
Xu, S. Y. 7444
Xu, S. Z. 3683, 3771, 9620, 10559, 10566
Xu, T. 12050
Xu, T. W. 1387, 5520
Xu, T. Z. 3564
Xu, W. L. 6582
Xu, W. S. 7456
Xu, W. X. 10796
Xu, X. D. 12935
Xu, X. H. 1469
Xu, X. M. 2098
Xu, X. P. 2081
Xu, X. X. 6882
Xu, X. Y. 7444
Xu, Y. 6510, 6597, 10865
Xu, Y. H. 7444
Xu, Y. J. 2555, 12857
Xu, Y. L. 9348
Xu, Y. M. 9961
Xu, Z. C. 10, 3017, 9114, 10058
Xu, Z. F. 3823, 11835
Xu, Z. G. 6296, 8715
Xu, Z. K. 12627
Xu, Z. M. 2076
Xu, Z. S. 88
Xu, Z. X. 1183
Xu, Z. Y. 9795
Xu BenMei 7838
Xu Bin 9995
Xu CaiGuo 259
Xu ChenWu 5171
Xu DaYong 9561
Xu DeXin 244, 1799
Xu DongHe 342
Xu DongMei 4595
Xu FangSen 6825
Xu FangXiu 4369
Xu FuHua 4613, 6964
Xu FuRong 2066, 2093, 7613, 9710
Xu FuYuan 11500
Xu GuoYou 6549
Xu HeJin 5519
Xu HongHan 6663
Xu HongXia 4989
Xu Hui 6578
Xu HuiJun 6103
Xu HuiLing 5876-5877, 5894, 10812
Xu JiaBing 11066
Xu JianLong 8687, 9672
Xu JianZhi 10167
Xu JiChen 2971
Xu Jie 5057
Xu JingJu 9786
Xu JinXing 339
Xu Ke 4037
Xu LangLai 5331
Xu Liang 6525
Xu LiKui 3824
Xu LiPing 661, 7558
Xu LongChen 11035
Xu Mei 3500, 9996
Xu MengLiang 2118-2119
Xu MingLian 9593
Xu MinXin 9529
Xu NaiYu 2839
Xu Ping 3520
Xu PinLian 12485
Xu Qi 2556
Xu Qiang 6613
Xu QiFeng 9615, 12029
Xu QingGuo 8699
Xu QiuSheng 2991, 11052
Xu QiXin 4929
Xu RuGen 5067, 9561
Xu RuQiang 6410, 9516
Xu ShangZhong 9620
Xu ShaoChong 2451
Xu ShaoYing 7444
Xu ShiXiong 10769
Xu ShiZhong 3683, 3771, 10559, 10566
Xu ShuCuan 2166
Xu Tao 12050
Xu TingZhi 3564
Xu TiWei 1387, 5520
Xu WenLing 6582
Xu WenSheng 7456
Xu WenXia 10796
Xu XiangHua 1469
Xu XiaoDong 12935
Xu XiaoXiao 6882
Xu XinPing 2081
Xu XinYu 7444
Xu XuMing 2098
Xu Yan 6510
Xu Yanan 10865
Xu YiMin 9961
Xu YingJun 2555, 12857
Xu Yong 6597
Xu YongHan 7444
Xu YunLing 9348
Xu ZengFu 11835
Xu ZengKai 12627
Xu ZhanYou 9795
Xu ZhaoFei 3823
Xu ZhaoSheng 88
Xu ZhenXiu 1183
Xu ZhiGang 6296, 8715
Xu ZhongChuan 10058
Xu ZhuanMo 2076
Xu ZiCheng 10, 3017, 9114
Xue, A. G. 10992
Xue, B. 12678
Xue, C. 6005
Xue, Q. H. 2678, 5985
Xue, Q. Z. 5184
Xue, R. 4033, 5219, 7623, 9716, 12266
Xue, S. Y. 5224
Xue, Z. T. 4773
Xue, Z. X. 6951
Xue QiHan 2678, 5985
Xue QingZhong 5184
Xue Rui 4033, 5219, 7623, 9716, 12266
Xue ShiYu 5224
Xue ZhiXiang 6951
Xue ZhongTian 4773
Yabuki, J. 2617
Yabuya, T. 798, 5870, 10389
Yada, R. Y. 84, 297
Yadav, B. 2847, 5040
Yadav, B. S. 12394
Yadav, D. S. 7852, 7895
Yadav, H. S. 8532, 12585
Yadav, I. S. 9037, 10120, 10127, 10131, 10136, 10142, 10185
Yadav, J. S. 1809
Yadav, L. S. 274, 645, 4053
Yadav, N. K. 12169
Yadav, N. P. 378
Yadav, O. P. 9874
Yadav, P. 4944
Yadav, R. 10112
Yadav, R. K. 5003
Yadav, R. P. 12416
Yadav, S. M. 4154
Yadav, S. P. 10998
Yadav, S. R. 4554
Yadav, S. S. 7772
Yadav, T. D. 6164
Yadav, V. S. 7772
Yadava, H. S. 1038, 9860, 10784
Yadava, T. P. 9044, 10133-10134, 10138, 11339
Yadava, U. L. 1527
Yadegari, R. 6006-6007
Yadu, Y. K. 4520
Yae, B. W. 518, 520, 7836
Yae, J. D. 10862
Yae ByeongWoo 518, 520, 7836
Yaegaki, H. 6690, 8983
Yaegashi, K. 5917
Yağbasanlar, T. 2848, 6138
Yagi, T. 2986, 6277, 6301
Yagishita, N. 1398, 12567
Yagya Dutt 12167-12168
Yahalom, A. 4868
Yahara, T. 5628, 11541
Yahiaoui, N. 699
Yahyaoui, A. H. 3937
Yaklich, R. W. 4196
Yakobi, L. M. 10990
Yakobson, I. 976
Yakovleva, E. Yu. 8127
Yakovleva, L. 12461
Yakushiji, H. 6584
Yalovsky, S. 7109, 7310
Yam, T. W. 7122
Yam TimWing 7122
Yamada, A. 8737-8738
Yamada, H. 2987, 5829
Yamada, K. 2962, 4397, 4440, 10002, 10539, 11179
Yamada, M. 5653
Yamada, S. 5753
Yamada, T. 686, 983, 1254, 1405, 5367, 5391, 5461, 9437, 10976, 12818
Yamada, Y. 1845, 3529, 5641-5642, 8121, 10420, 10427, 10703-10704
Yamagata, H. 5856
Yamagishi, H. 11057
Yamagishi, M. 277
Yamagishi, T. 4116
Yamaguchi, H. 9556
Yamaguchi, I. 135, 3339, 6610, 11365, 12803
Yamaguchi, J. 2988, 4045, 7589, 11382, 12081
Yamaguchi, K. 1411
Yamaguchi, M. 2632, 4035, 5581, 6690, 7950, 8983, 10790, 11146, 12641
Yamaguchi, O. 1041, 8610
Yamaguchi, S. 2772, 4354, 4381, 11520
Yamaguchi, T. 7093, 9185
Yamaguchi, Y. 3516, 10549
Yamaguchi-Kabata, Y. 4932
Yamaguchi-Shinozaki, K. 3757, 4879, 4897, 4905, 4907, 9311, 9317, 9373
Yamakage, K. 8326
Yamakawa, O. 6504, 11053
Yamakawa, S. 4386
Yamaki, M. 10805
Yamaki, S. 4397, 4440, 10002, 11179
Yamamoto, A. 1839, 9309
Yamamoto, F. 741
Yamamoto, H. 9009, 11750
Yamamoto, H. Y. 2513
Yamamoto, K. 2987, 12505
Yamamoto, K. T. 2774, 4877
Yamamoto, M. 512, 3504, 4877, 5641-5642, 6691, 8983, 9410, 11158, 12589
Yamamoto, M. L. 4913
Yamamoto, N. 260, 1129, 5165, 7591, 8689, 8694
Yamamoto, S. 2222, 7062
Yamamoto, T. 3394, 6690
Yamamoto, Y. 11637
Yamamoto, Y. Y. 874, 874
Yaman, M. 379
Yamanaka, C. H. 9423
Yamane, H. 2434, 5622, 5653, 6610, 7969, 12653
Yamanouchi, H. 7554
Yamanouchi, U. 9695, 10870
Yamasaki, H. 12682
Yamasaki, N. 3440
Yamasaki, S. 1548
Yamashita, H. 2380
Yamashita, K. 9929, 9932
Yamashita, K. I. 5492, 12496
Yamashita, M. 5744
Yamashita, S. 793, 4741
Yamashita, T. 5302
Yamashita, Y. 9801
Yamasue, Y. 1109
Yamato, J. 930
Yamato, K. T. 8636
Yamauchi, A. 10828
Yamawaki, K. 6759
Yamaya, T. 7553
Yamazaki, K. 3516
Yamazaki, M. 1832, 4545, 6884, 8380, 9928
Yamgar, V. T. 1779
Yamin, F. F. 5120
Yan, B. 1130, 1777, 9997, 10959
Yan, C. J. 3018, 5178, 5182, 12230
Yan, D. Y. 6874
Yan, H. H. 3526, 6263, 6300, 12190
Yan, H. L. 9671, 12202
Yan, H. M. 3985, 7556, 8663, 12124
Yan, J. 3844, 7371
Yan, J. M. 2461
Yan, J. Q. 2104, 5184, 7581, 11760
Yan, L. 2976, 11951
Yan, L. L. 11856
Yan, P. H. 8687
Yan, P. L. 10460
Yan, P. S. 10458
Yan, Q. C. 7533
Yan, Q. Q. 246, 5158
Yan, Q. S. 2095, 5645
Yan, Q. Y. 5298
Yan, R. H. 273, 4195
Yan, S. H. 4989, 7371
Yan, S. Z. 12619
Yan, T. C. 4009
Yan, V. P. 9727
Yan, W. 5130
Yan, W. C. 10853
Yan, W. G. 8726
Yan, W. K. 8438
Yan, W. Z. 7379
Yan, X. C. 9152
Yan, X. F. 7444
Yan, X. G. 1498
Yan, X. L. 1194, 1196, 7611
Yan, Y. 5066, 7127
Yan, Y. H. 5224
Yan, Y. L. 10564
Yan, Y. M. 1000, 4991, 9460, 11876
Yan, Z. 598
Yan, Z. F. 4075
Yan Bo 1130, 1777, 9997, 10959
Yan ChangJie 3018, 5178, 5182, 12230
Yan DunYu 6874
Yan HeHong 3526
Yan HongLan 9671, 12202
Yan HuiHuang 6263, 6300, 12190
Yan HuiMin 8663
Yan HuiMing 7556
Yan Ji 3844
Yan JianMin 2461
Yan Jun 7371
Yan JuQiang 2104, 5184, 7581, 11760
Yan Ling 11951
Yan LiuLing 11856
Yan Long'an 2976
Yan PeiHong 8687
Yan PeiLan 10460
Yan PeiSheng 10458

Yan QiChuan 7533
Yan QingYan 5298
Yan QinQuan 246, 5158
Yan QiuSheng 2095, 5645
Yan RiHong 4195
Yan RiHui 273
Yan ShuZhi 12619
Yan SuHong 4989, 7371
Yan TianCheng 4009
Yan Wei 5130
Yan WeiKai 8438
Yan WenChao 10853
Yan WenZe 7379
Yan XiaoLong 1194, 1196, 7611
Yan XinFu 7444
Yan XinGuo 1498
Yan XueCheng 9152
Yan YiHua 5224
Yan YiLin 10564
Yan Yong 7127
Yan YueMing 1000, 4991, 9460, 11876
Yan ZhiFen 4075
Yan Zhun 598
Yanagawa, K. 1271
Yanagihara, S. 12511
Yanagisawa, K. 1614, 3009
Yanagisawa, S. 3960
Yanagisawa, T. 135
Yanai, Y. 9297
Yanase, Y. 11355
Yanbaev, Yu. A. 12953
Yanchuk, A. D. 6987, 7039
Yandell, B. S. 6355
Yaneshita, M. 7666, 10803
Yañez, M. 12527
Yang, A. N. 6268
Yang, A. Y. 6916
Yang, B. K. 7543
Yang, C. D. 1165, 2997
Yang, C. H. 949, 3755, 11762
Yang, C. I. 1118, 7547
Yang, C. L. 11128
Yang, C. P. 730
Yang, C. Y. 6640
Yang, D. 2121, 8717
Yang, D. C. 4028, 5901, 6587, 8817
Yang, F. 4018
Yang, F. X. 709
Yang, G. B. 5303
Yang, G. H. 5481
Yang, G. M. 5556, 6596, 7905
Yang, G. P. 2048, 3980
Yang, G. S. 604, 5672
Yang, G. W. 2099
Yang, G. Y. 5318
Yang, H. 1165, 5206, 8265
Yang, H. H. 2991
Yang, H. M. 1932
Yang, H. W. 1932
Yang, H. Y. 697, 7286
Yang, J. 2619, 8709
Yang, J. B. 6267, 7565, 10439
Yang, J. C. 5196
Yang, J. F. 1237
Yang, J. H. 5624, 7608
Yang, J. L. 126, 152, 1989, 3844, 4942, 10890, 11845, 12292-12293
Yang, J. M. 5797, 7962, 11454
Yang, J. P. 5496, 9946
Yang, J. R. 3188
Yang, J. T. 2917
Yang, K. Q. 3263, 3393, 7934
Yang, L. 9218, 9459
Yang, L. G. 3790
Yang, L. J. 5319
Yang, L. M. 3234, 6477, 7850
Yang, L. S. 2076
Yang, L. Y. 6711, 9000
Yang, M. 3222, 10541
Yang, M. Q. 7127
Yang, M. S. 7962, 11145
Yang, M. Z. 1130, 9997, 10959
Yang, P. 2335, 8634
Yang, P. Z. 2537, 10240
Yang, Q. 3598, 8265, 8308
Yang, Q. C. 6392, 9787
Yang, Q. H. 6891
Yang, Q. K. 339, 2185, 5293, 5307, 5319, 7724, 9797
Yang, Q. P. 9661
Yang, Q. W. 3680
Yang, Q. Y. 5162, 5554, 7628
Yang, R. C. 2604
Yang, R. Y. 437, 1515, 2800
Yang, S. F. 486, 1921, 3710, 4023, 9007, 12531
Yang, S. H. 239, 3013
Yang, S. J. 7542, 7549, 10787
Yang, S. L. 208, 2197, 4023, 8268-8269
Yang, S. X. 2111
Yang, T. 10643, 12098
Yang, T. B. 2098
Yang, T. J. 496, 7912
Yang, T. X. 6913
Yang, W. C. 5220, 10533
Yang, W. D. 2610
Yang, W. H. 1117
Yang, W. N. 2871
Yang, W. Y. 152, 8362, 11839, 11851
Yang, X. 9696
Yang, X. B. 11676, 12355
Yang, X. E. 5215
Yang, X. H. 5213, 5624, 7123, 9412
Yang, X. M. 3835, 8163
Yang, X. O. 7605
Yang, X. P. 5481
Yang, X. X. 12531
Yang, X. Y. 6531
Yang, Y. 5215
Yang, Y. C. 2065
Yang, Y. H. 2099, 2315, 8050
Yang, Y. J. 3497
Yang, Y. P. 3592, 6794
Yang, Y. Q. 10457
Yang, Y. S. 9658
Yang, Y. W. 4330
Yang, Y. Y. 2299, 4354
Yang, Y. Z. 357, 4895
Yang, Z. 2666, 4543
Yang, Z. B. 900, 6026, 8474
Yang, Z. C. 3228
Yang, Z. F. 7539
Yang, Z. H. 1719, 10795
Yang, Z. L. 151
Yang, Z. M. 1969, 3890
Yang, Z. P. 9254
Yang, Z. S. 4989
Yang, Z. X. 11144
Yang, Z. Y. 263, 5175
Yang AnNan 6268
Yang AnYuan 6916
Yang BoKap 7543
Yang ChangDeng 2997
Yang ChangHsien 949, 3755, 11762
Yang ChangIn 1118, 7547
Yang ChongDang 1165
Yang ChongLin 11128
Yang ChuanPing 730
Yang ChuanYou 6640
Yang DaiChang 4028
Yang DeokChun 6587
Yang Fu 4018
Yang FuXin 709
Yang GenPing 2048, 3980
Yang GuangSheng 5672
Yang GuangWei 2099
Yang GuangYu 5318
Yang GuiMei 5556, 6596, 7905
Yang GuoBao 5303
Yang GuoHong 5481
Yang HeHua 2991
Yang Hong 1165, 8265
Yang HongYuan 697, 7286
Yang HuiMin 1932
Yang HuiWu 1932
Yang JaeMo 5797, 11454
Yang JianChang 5196
Yang JianMin 7962
Yang JianPing 5496, 9946
Yang Jie 8709
Yang JinHou 5624
Yang JinHua 7608
Yang JiRu 3188
Yang JuBao 6267
Yang JunBo 10439
Yang JunLiang 126, 152, 1989, 3844, 4942, 10890, 11845, 12292-12293
Yang KeQiang 3393
Yang KeQin 3263, 7934
Yang Li 9459
Yang LianSong 2076
Yang LiGuo 3790
Yang LiJie 5319
Yang LiMei 3234, 6477, 7850
Yang Lin 9218
Yang LiYing 6711, 9000
Yang Mang 10541
Yang MaoSen 11145
Yang Mei 3222
Yang MeiQuan 7127
Yang MingZhi 1130, 9997, 10959
Yang MinSheng 7962
Yang PeiZhen 2537, 10240
Yang Po 2335
Yang Qiner 8308
Yang QingChun 6392, 9787
Yang QingHui 6891
Yang QingKai 339, 2185, 5293, 5307, 7724, 9797
Yang QingPing 9661
Yang QingWen 3680
Yang QinKai 5319
Yang QiYing 5554
Yang QiYun 5162, 7628
Yang Qun 8265
Yang RongYan 1515
Yang RuiYun 437, 2800
Yang SaeJun 7542, 7549, 10787
Yang ShangFa 486, 1921, 3710, 9007, 12531
Yang ShengXiang 2111
Yang ShiHua 239, 3013
Yang ShuLan 208
Yang SiJun 7383
Yang SiLin 2197
Yang TaeJin 496, 7912
Yang TaiXin 6913
Yang TengBang 2098
Yang WanNian 2871
Yang WeiCai 10533
Yang WeiDong 2610
Yang WenCai 5220
Yang WonHa 1117
Yang WooYoung 8362
Yang WuYun 152, 11839, 11851
Yang XiaoE 5215
Yang XiaOe 7605
Yang Xiaoe 9696
Yang XiaoHong 5213
Yang XiaoHui 7123
Yang XiaoPing 5481
Yang XiaoXian 12531
Yang XiaoYun 6531
Yang XinHua 5624
Yang XinMin 8163
Yang XinMing 3835
Yang XiuHai 9412
Yang YaJing 202
Yang YaJun 3497
Yang YaoCheng 2065
Yang YaoHua 2099
Yang YauWen 4330
Yang YingZhen 357, 4895
Yang YongQing 10457
Yang YongSheng 9658
Yang YoungYell 2299, 4354
Yang Yuai 5215
Yang YuenPo 3592
Yang YuHong 2315
Yang YuHua 8050
Yang YuPing 6794
Yang ZhaoFeng 7539
Yang ZhaoSheng 4989
Yang ZhenBiao 900, 6026, 8474
Yang ZhenMing 1969
Yang ZhenYu 263, 5175
Yang ZhiHai 10795
Yang ZhiHong 1719
Yang ZhongCheng 3228
Yang ZhongXiang 11144
Yang ZhuPing 9254
Yang ZuoMin 3890
YangJie 7606
Yaniv, Z. 6880, 11162
Yankova, A. 6146
Yanmaz, R. 12591-12592
Yano, H. 6281
Yano, K. 8425, 9876
Yano, M. 175, 277, 959, 1030, 1189, 5167, 6080, 7625, 8006, 8717, 10058, 10870
Yano, T. 11627
Yanofsky, M. F. 8530, 10536
Yanokuchi, Y. 472
Yanovsky, M. J. 9327
Yanpaisan, W. 10570
Yantcheva, A. 3604
Yao, C. B. 10257-10258
Yao, C. L. 10017
Yao, J. L. 3267, 7941, 8687, 8912-8913
Yao, J. R. 2556
Yao, J. X. 5057
Yao, J. Z. 7340
Yao, K. M. 2096
Yao, K. N. 8037
Yao, L. 3225, 7854, 8041
Yao, L. S. 2070, 2074, 5159
Yao, Q. H. 794, 6674
Yao, S. J. 1006
Yao, W. H. 294
Yao, X. S. 11372
Yao, Y. A. 4181
Yao, Y. H. 88
Yao, Z. T. 8678
Yao ChangBing 10257-10258
Yao ChengLin 10017
Yao JiaLong 3267, 7941, 8912
Yao JianLong 8687
Yao JingXia 5057
Yao JingZhen 7340
Yao JinRong 2556
Yao KeMin 2096
Yao KeNing 8037
Yao Lei 7854
Yao Li 8041
Yao LiSheng 2070, 2074, 5159
Yao QuanHong 794, 6674
Yao ShuJiang 1006
Yao WenHui 294
Yao XinSheng 11372
Yao YongHui 88
Yao YuAn 4181
Yao ZhanTing 8678
Yarkin, C. 3665
Yaşa, E. 5586
Yashiro, K. 6797
Yasin, M. 9699
Yasokazu, H. 2833
Yasseen, Y. M. 9964
Yasuda, T. 1975, 9223
Yasui, C. 1368
Yasui, H. 1139, 2094, 5176-5177
Yasui, T. 2853, 6125
Yasui, Y. 1208, 3030
Yasumura, N. 10704
Yasumuro, Y. 7410
Yasuniwa, M. 10192
Yasuno, R. 2746
Yatsyna, A. A. 5609
Yau, C. P. 9669, 12180
Yau, S. K. 5405
Yau ChiPing 9669, 12180
Yau SuiKwong 5405
Yazaki, K. 8266
Yazaki, Y. 2962
Yazan, G. 682
Yazawa, S. 9989
Yazdi, M. R. K. 10105
Yazdi-Samadi, B. 11859, 11875
Ye, C. R. 2066, 2093, 4072, 7613
Ye, D. 10533
Ye, D. P. 10180
Ye, G. N. 11751
Ye, G. R. 10792
Ye, G. Y. 4080
Ye, H. C. 11585
Ye, J. C. 10415
Ye, J. M. 9544
Ye, L. J. 9597

Ye, N. L. 8032
Ye, P. H. 2174
Ye, Q. 6885
Ye, Q. L. 5549
Ye, S. Q. 10866
Ye, T. L. 7510
Ye, W. L. 8084
Ye, W. W. 2548
Ye, W. Z. 6061
Ye, X. F. 2080
Ye, X. G. 7697
Ye, X. L. 10769
Ye, Y. 11851
Ye, Z. B. 11095
Ye, Z. H. 3530, 8492
Ye, Z. W. 3312, 4929
Ye ChangRong 2066, 2093, 7613
Ye De 10533
Ye GenRu 10792
Ye GongYing 4080
Ye GuangNing 11751
Ye HeChun 11585
Ye JieCheng 10415
Ye LiJun 9597
Ye LiYong 11062
Ye NaiLin 8032
Ye PeiHong 2174
Ye Qiu 6885
Ye QiuLin 5549
Ye SongQing 10866
Ye TaoLin 7510
Ye WanZhi 6061
Ye WeiLin 8084
Ye WuWei 2548
Ye XinFu 2080
Ye XingGuo 7697
Ye XiuLin 10769
Ye Yi 11851
Ye ZhengHua 3530, 8492
Ye ZhengWen 3312, 4929
Ye ZhiBiao 11095
Yea, J. D. 1117-1118, 7548, 7615
Yea JongDoo 1117-1118, 7615
Yea JongDu 7548
Yeager, J. T. 1456, 3373
Yeang, H. Y. 10273-10274, 11454
Yeang, Y. H. 4567
Yeang HoongYeet 11454
Yeboah, N. A. 7710
Yee, E. 6463
Yeh, F. C. 2604, 11501
Yeh, K. C. 3630, 9343
Yeh, K. W. 12486
Yeh, L. S. L. 3717
Yeh, M. S. 1571, 9794, 10171
Yeh KaiWun 12486
Yeh KuoChen 3630, 9343
Yeh MauShing 1571, 9794, 10171
Yehuda, H. 7939
Yellaiah, N. 2479
Yelle, S. 9598, 11108
Yellow Rock Native Nursery Pty Ltd 4725, 7058
Yen, C. 152, 1989, 10890, 11845, 12292-12293
Yen, C. H. 949
Yen, H. 8886
Yen, H. C. 2300
Yen, H. C. E. 7133
Yen, S. K. 7133
Yen ChengHung 949
Yen Chi 152, 1989, 4942, 10890, 11845, 12292-12293
Yen ShyiKae 7133
Yencho, G. C. 405
Yeo, A. 869
Yeo, D. 11086
Yeo, S. K. 2358, 8088, 8300
Yeo, U. S. 7542, 10787
Yeo SooKab 2358, 8088
Yeo SuKab 8300
Yeo UnSang 7542, 10787
Yeoh, H. H. 9912
Yeoh HockHin 9912
Yepes, L. M. 10361
Yephremov, A. 2766
Yi, C. 5304, 5332
Yi, C. X. 6963, 10247
Yi, G. H. 4029, 7542, 7584
Yi, H. K. 11568
Yi, H. L. 9011
Yi, J. J. 9983
Yi, J. L. 1508
Yi, J. X. 5554
Yi, N. J. 10566, 11470
Yi, S. Y. 10238
Yi, T. P. 9218
Yi, Y. 41, 4895
Yi Chen 5304, 5332
Yi ChengXin 6963, 10247
Yi GiHwan 4029, 7542, 7584
Yi HanKuil 11568
Yi HuaLin 9011
Yi JianLi 1508
Yi JinJin 9983
Yi JinXin 5554
Yi NengJun 10566, 11470
Yi SoYoung 10238
Yi TongPei 9218
Yi Ying 41
Yıldırım, M. B. 2838, 2844, 3176, 3923, 10614, 10623
Yıldırım, Z. 10614
Yildiz, K. 11536
Yildiz, M. 585
Yilmaz, G. 4284
Yılmaz, G. 8830
Yin, C. Y. 8183
Yin, G. X. 6557
Yin, J. F. 7945
Yin, J. M. 444, 2130
Yin, K. L. 3326
Yin, L. Q. 2961, 10802
Yin, S. H. 690, 1617
Yin, T. F. 2184
Yin, T. L. 3915
Yin, T. M. 11470
Yin, X. 11942
Yin, X. Y. 8607
Yin, Y. F. 352
Yin, Y. P. 2544
Yin, Y. S. 12627
Yin, Z. B. 7510
Yin, Z. T. 9593, 12918
Yin ChengYi 8183
Yin GuoXiang 6557
Yin JiaMing 444
Yin JinFeng 7945
Yin KeLin 3326
Yin LiQin 2961, 10802
Yin ShaoHui 690, 1617
Yin TianFu 2184
Yin TongLi 3915
Yin TongMing 11470
Yin XinYou 8607
Yin YanPing 2544
Yin YianFu 352
Yin YongSheng 12627
Yin ZhiTong 9593
Yin ZhuanBin 7510
Yin ZuTang 12918
Ying, C. C. 12890
Ying, C. S. 5202, 7533, 7624, 10868
Ying, J. F. 1165
Ying, Z. 694
Ying, Z. T. 7857
Ying CunShan 5202, 7533, 7624
Ying JiFeng 1165
Ying Yi 4895
Ying ZhenTu 7857
Yip, J. Y. H. 698
Yip, W. K. 486
Yip WingKin 486
Yitbarek, S. 1045
Ylstra, B. 5862
Yoder, D. W. 11410
Yogeesha, H. S. 12529
Yogendra Kumar 5878
Yogendra Sharma 9649
Yogita Gupta 3875
Yokogami, N. 10790
Yokoi, S. 10669
Yokota, A. 6024
Yokota, T. 61, 5532, 6438
Yokota, Y. 898
Yokoyama, H. 7552
Yolanda, J. L. 9864
Yoneda, A. 2826
Yoneda, Y. 260, 5165
Yonekura-Sakakibara, K. 1610, 2632, 8358
Yonemori, K. 1533, 5647, 6754, 9015
Yonezawa, K. 8425
Yong, W. D. 11022
Yong WeiDong 11022
Yoo, B. C. 3258
Yoo, H. S. 11068
Yoo, K. J. 6287
Yoo, O. J. 1774
Yoo, S. D. 8756
Yoo, Y. B. 8390
Yoo ByungChun 3258
Yoo HyangSook 11068
Yoo OokJoon 1774
Yoo SangDong 8756
Yoo YoungBok 8390
Yoon, B. S. 5188
Yoon, C. Y. 7783-7784
Yoon, E. B. 1025
Yoon, E. S. 5901, 11592
Yoon, G. M. 8129
Yoon, I. S. 9875
Yoon, J. T. 432, 2358, 7839
Yoon, J. Y. 6069, 7915
Yoon, K. M. 7615
Yoon, M. S. 7718
Yoon, W. M. 7836
Yoon ByeongSung 5188
Yoon ChangYong 7783-7784
Yoon EuiByung 1025
Yoon EuiSoo 11592
Yoon GyeongMee 8129
Yoon InSun 9875
Yoon JaeTak 432, 2358, 7839
Yoon JinYoung 6069, 7915
Yoon KyungMin 7615
Yoon MunSup 7718
Yoon WhaMo 7836
York, A. C. 12858
Yoshiba, Y. 9317
Yoshida, A. 4403
Yoshida, H. 135, 878, 7435
Yoshida, I. 5856
Yoshida, K. 10024
Yoshida, K. T. 4042
Yoshida, M. 1009, 2320, 2949, 3394, 5581, 6690, 7950, 12641
Yoshida, S. 61, 1181, 2999, 3538, 4884, 6018, 8458, 10532, 10845, 11086, 11809
Yoshida, T. 1108, 1733, 2056-2057, 2108, 5054, 7515, 7524, 7586, 7599, 9653, 9811, 12155
Yoshihara, T. 5296
Yoshihashi, T. 10815
Yoshii, M. 1880
Yoshikawa, H. 450, 4323, 12515
Yoshikawa, M. 6720
Yoshikawa, N. 5838
Yoshikawa, T. 9139
Yoshimaru, H. 4660, 7062
Yoshimoto, K. 9293
Yoshimura, A. 2089, 2989, 5176-5177, 6252
Yoshinaga, K. 5653
Yoshinaga, M. 6504, 11053
Yoshino, H. 1356
Yoshino, M. 1032
Yoshioka, H. 6353
Yoshioka, K. 12803
Yoshioka, N. 1880
Yoshioka, T. 4403, 12633
Yoshitama, K. 3136
Yoshizaki, S. 12219
Yoshizumi, T. 7235
Yotani, Y. 3847
You, C. H. 8389-8390
You, J. 5782
You, K. U. 3200
You, M. S. 130
You, R. L. 4973, 8361, 11532
You, S. 11372
You, X. L. 6292
You, Y. 770
You, Y. S. 442, 6587
You ChangHyun 8389-8390
You Jun 5782
You MingShan 130
You RuiLin 4973, 8361, 11532
You Song 11372
You XiuLing 6292
You Yong 770
You YoungSook 6587
Youn, S. J. 5565, 6604, 6607, 12615
Youn SunJoo 5565, 6604, 6607, 12614-12615
Young, A. G. 2608
Young, D. A. 1062
Young, E. 1426
Young, E. F., Jr. 1540
Young, F. L. 6153
Young, G. 6173
Young, G. R. 176, 5079
Young, K. A. 6077
Young, L. D. 1263, 12369
Young, N. D. 8775
Young, S. 202
Young, S. J. 12614
Young, T. E. 7358
Yousaf Ali 276, 1202
Yousif, A. K. 7989
Youssef, M. M. A. 12259, 12549
Ystaas, J. 1450, 1794
Yu, A. 7332
Yu, B. X. 2541, 4613
Yu, D. Q. 5476
Yu, D. Y. 3603
Yu, F. L. 3497
Yu, G. H. 5749, 12621
Yu, G. L. 250
Yu, H. 3573, 4701, 8237, 12619
Yu, H. G. 12004
Yu, H. X. 3018, 12230
Yu, H. Y. 1778, 3318
Yu, H. Z. 2871
Yu, J. H. 1541, 12029
Yu, J. Z. 4929
Yu, K. F. 6381
Yu, K. S. 12660
Yu, K. W. 12921
Yu, L. 3522
Yu, L. H. 7560
Yu, L. Q. 7663
Yu, L. X. 4356
Yu, M. 11260
Yu, M. H. 12786
Yu, M. L. 6692
Yu, M. Q. 5049
Yu, N. L. 10268
Yu, Q. H. 6561
Yu, Q. Y. 2562, 2983, 12192
Yu, S. A. 8617
Yu, S. H. 10238
Yu, S. K. 11626, 11635
Yu, S. L. 8105
Yu, S. M. 8424
Yu, S. Q. 7952
Yu, S. X. 1541, 8166
Yu, W. G. 6552
Yu, W. J. 6292
Yu, X. J. 8163
Yu, X. K. 8166
Yu, X. P. 10875, 12258
Yu, X. Q. 5202, 7624, 10868
Yu, Y. 5080, 9066
Yu, Y. C. 353
Yu, Y. G. 7605, 9696
Yu, Y. H. 12202
Yu, Y. J. 8183, 11066
Yu, Y. Q. 4079
Yu, Y. X. 315
Yu, Z. F. 6068
Yu, Z. H. 366, 4747, 11403
Yu, Z. L. 2041, 6557, 12082
Yu, Z. M. 4649, 11469
Yu, Z. T. 2324, 4019
Yu Ao 7332
Yu BiXia 2541, 4613
Yu DeYue 3603
Yu DiQiu 5476
Yu FuLian 3497
Yu GuiLin 250

Yu GyungHee 12621
Yu HengXiu 3018, 12230
Yu Hong 3573, 4701, 8237, 12619
Yu HongYan 3318
Yu HongYuan 1778
Yu HuaZhong 2871
Yu JianHua 1541, 12029
Yu JiZhu 4929
Yu KangFu 6381
Yu KeeWon 12921
Yu LiHua 7560
Yu LinQing 7663
Yu LongXi 4356
Yu Min 11260
Yu MingLiang 6692
Yu NingLi 10268
Yu QingHui 6561
Yu QiuYing 2983, 12192
Yu QiYing 2562
Yu SeungHeun 10238
Yu ShiXiang 1541
Yu ShuKun 11626, 11635
Yu ShuQiong 7952
Yu ShuXun 8166
Yu SongLie 8105
Yu WeiJie 6292
Yu WenGui 6552
Yu Xiang 3258
Yu XiaoPing 10875, 12258
Yu XingJian 8163
Yu XinQiao 5202, 7624
Yu XueKe 8166
Yu YangChai 353
Yu YangJun 11066
Yu YaQun 4079
Yu Yi 5080
Yu YongHong 12202
Yu YongXiong 315
Yu YuanJie 8183
Yu YungGui 9696
Yu YunGui 7605
Yu ZengLiang 6557
Yu ZhiFang 6068
Yu ZhiHui 4747
Yu ZhiMin 4649, 11469
Yu ZhongLiang 2041, 12082
Yu ZhuTian 2324
Yu ZiTong 4019
Yuan, B. J. 6392, 7143
Yuan, C. Y. 505
Yuan, F. R. 7504
Yuan, H. 6018
Yuan, H. M. 6081
Yuan, H. X. 1977, 11916
Yuan, J. L. 9658
Yuan, J. R. 268
Yuan, L. P. 259, 1131, 1133, 1147, 2067, 2973, 2975
Yuan, P. R. 6252
Yuan, Q. 9682
Yuan, R. L. 8166
Yuan, S. Q. 6922
Yuan, S. T. 249
Yuan, T. 6104
Yuan, W. Y. 7379, 7410
Yuan, X. H. 5497
Yuan, X. P. 3019
Yuan, Y. 2451
Yuan, Y. B. 7940
Yuan, Y. L. 1647, 10260
Yuan, Y. P. 349
Yuan, Y. X. 5499
Yuan, Z. D. 8543
Yuan, Z. F. 7830
Yuan BaoJun 6392, 7143
Yuan CaiYao 505
Yuan FengRui 7504
Yuan HanMin 6081
Yuan HongXia 1977
Yuan HongXu 11916
Yuan JiaRong 268
Yuan JinLing 9658
Yuan LongPing 259, 1131, 2067, 2973, 2975
Yuan PingRong 6252
Yuan Qin 9682
Yuan RiLi 8166
Yuan ShengTang 249
Yuan SiQing 6922
Yuan Tong 6104
Yuan WenYe 7379, 7410
Yuan XiaoPing 3019
Yuan XiHan 5497
Yuan Ya 2451
Yuan YanSong 6791
Yuan YaPing 349
Yuan YongBing 7940
Yuan YouLu 1647, 10260
Yuan YuXiang 5499
Yuan ZhenDong 8543
Yuan ZongFei 7830
Yuba, A. 12973
Yüce, S. 718, 6123
Yücel, M. 1974
Yücel, S. 12601
Yue, B. S. 4484
Yue, P. 11870
Yue, Z. S. 1703, 7040
Yue BiSong 4484
Yue ZhongShu 1703, 7040
Yuen, G. Y. 69
Yuen, J. M. F. 12925
Yuhashi, K. I. 9994
Yui, M. 1914, 8891
Yui, S. 450
Yukawa, T. 5883, 8284, 8779
Yukawa, Y. 8527, 9088
Yumoto, S. 10946
Yun, C. H. 11677
Yun, D. J. 10427
Yun, D. W. 6259, 8690
Yun, H. K. 10238
Yun, H. L. 4523
Yun, H. T. 7706-7707
Yun, J. F. 7663
Yun, R. 7714, 8201
Yun, S. C. 11474
Yun, S. J. 12145
Yun ChoongHyo 11677
Yun DaeJin 10427
Yun DohWon 6259, 8690
Yun HaeKeun 10238
Yun HaiLu 4523
Yun HongTae 7706-7707
Yun JinFeng 7663
Yun Rui 7714, 8201
Yun SungChul 11474
Yunes, J. A. 2021, 4083
Yung, M. H. 3738
Yung MeiHing 3738
Yunus, M. 7190
Yurenkova, S. I. 3240
Yurina, N. P. 7215
Yusibov, V. 3514
Yusufov, A. G. 7295
Yutaka, S. 10234
Zaal, B. J. van der 3754, 6039, 7241
Zabala, M. T. de 8052
Zabaleta, E. 6932, 8461
Zabara, Yu. 6524
Zabeau, M. 6580, 9295
Zabel, P. 6579, 9283
Zabirova, E. R. 12042
Zabrodina, M. V. 1054, 6189, 11975, 12000-12001
Zaccheo, G. 11393
Zachariah, T. J. 2675, 12970
Zacharisen, M. H. 5355
Zachgo, S. 9346
Zadoks, J. C. 12938
Zadorin, A. 5376
Zafar, Y. 5022
Zaffina, F. 11331
Zafošnik, T. 11211
Zagdańska, B. 10597
Zagon, J. 11798
Zagorska, N. A. 482, 7896
Zagorskaya, A. A. 6927
Zagre, B. 9055
Zaharieva, M. 10653
Zahoor Ahmed 3349
Zähringer, U. 3441
Zaiger's Inc. Genetics 4411-4412, 4425-4428, 4430-4433
Zaika, S. 5317
Zainol, R. 4584
Zaitchik, B. 12156
Zaïtseva, A. F. 3350
Zając, T. 6816
Zakaria, A. G. 5126
Zakharchenko, N. S. 5791, 9261
Zakhavi, A. 2601
Žáková, M. 6159
Zakynthinos, G. 3409
Zaldúa, Z. 3184
Zale, J. 2867
Zalewska, E. 8865
Zalewski, D. 6115
Zalewski, J. C. 412
Zaman, F. U. 1146, 1153, 1178
Zambolim, L. 4005-4006
Zambonelli, A. 1790, 7171, 11628
Zambriborshch, I. S. 10712
Zambryski, P. C. 60, 8473
Zamir, D. 4361, 5527, 11115
Zamora, J. 9081
Zan, M. 5360
Zandecka-Dziubak, J. 6886
Zandvoort, P. M. van 7819
Zanetti, S. 8552, 9496
Zang, R. C. 5212
Zang JinFa 6955
Zang RongChun 5212
Zangirian, E. 7138
Zanke, C. 4250
Zanoli, P. 8189
Zanovello, C. 5891
Zapata, C. 4603, 8122
Zapata, M. 7749
Zapata-Arias, F. J. 10896
Zapata-Peña, L. 3816
Zárate, N. A. H. 1354
Zárate, R. 1705, 1775
Zaremuk, R. Sh. 8966
Zarger, G. H. 12719
Zarger, M. A. 12229
Zarhloul, M. K. 10105
Zarin, N. 5850
Zarka, D. G. 1873
Zarka, K. 4308
Zarka, K. A. 7815
Zarnoch, S. J. 11467
Zarsky, V. 10227
Zarzyńska, K. 7804
Zatyko, L. 12564
Zauralov, O. A. 12164
Zaveri, P. P. 7779-7780
Zawadzka, B. 8975, 12643
Zayakina, G. V. 7495
Zdravković, J. 11111
Zdravković, M. 11111
Zdyb, H. 8962
Zec, G. 4423
Zecchinelli, R. 4780
Zee, S. Y. 9291, 9669, 12180
Zee SzeYong 9291, 9669, 12180
Zeeman, S. C. 62
Zeevaart, J. A. D. 49, 6540, 9348, 11106
Zegzouti, H. 11103
Zehra, M. 11579
Zeinali, H. 6096
Zeitoune, S. 5755
Žel, J. 3172
Zelcer, A. 11134, 12563
Zelenin, A. V. 1638, 8359, 9538
Zelenin, S. M. 1319
Zelenov, A. 5376
Zeller, F. J. 1017, 2872, 2890, 4015, 6142, 6187, 8588, 9528, 9736
Zeller, V. 12632
Zeller, W. 12632
Zellner, S. 416
Želová, M. D. 8778
Zemetra, R. S. 3826, 6095, 6120, 6153
Zemljič, A. 3672
Zemrag, A. 5335
Zemtchik, E. Z. 12650
Zen, G. W. 10950
Zen, Z. R. 6113
Zen GuangWen 10950
Zen ZheRong 6113
Zencirci, N. 966
Zeng, B. A. 1947
Zeng, D. H. 8101
Zeng, D. L. 9671, 9719
Zeng, D. M. 938
Zeng, F. H. 8716
Zeng, G. H. 2550
Zeng, G. P. 6536
Zeng, G. W. 4175
Zeng, L. Q. 11835
Zeng, M. 12058-12059, 12098
Zeng, R. Q. 6903
Zeng, W. 5919
Zeng, W. K. 1071
Zeng, W. Q. 9324
Zeng, X. M. 4358
Zeng, Y. 218, 2483, 6882
Zeng, Y. S. 12428
Zeng, Y. W. 2066, 2093, 7446, 7613, 9710
Zeng BaoAn 1947
Zeng DaLi 9671, 9719
Zeng DingMu 938
Zeng DongHuo 8101
Zeng FuHua 8716
Zeng GuangWen 4175
Zeng GuiHua 2550
Zeng GuoPing 6536
Zeng LiQiong 11835
Zeng RiQiu 6903
Zeng Wei 5919
Zeng WeiKe 1071
Zeng WeiQuing 9324
Zeng XianMing 4358
Zeng YaWen 2066, 2093, 7446, 7613, 9710
Zeng YongSan 12428
Zeng Yu 2483, 6882
Zenkteler, M. 1283
Zeppa, S. 1790, 11628
Zereena Viji 7463
Zeven, A. C. 865
Zevenhuizen, E. 2786
Zeweldu, T. 1788
Zeybek, A. 10677
Zeybekoğlu, N. 10061-10062
Zeyen, R. J. 10598
Zgórka, G. 11594-11595
Zha, D. S. 437, 2800
Zha DingShi 437, 2800
Zhai, H. 420
Zhai, H. Q. 292, 5222, 5766, 7583, 12178
Zhai, X. J. 8181
Zhai Hong 420
Zhai HuQu 292, 5222, 5766, 7583, 12178
Zhai XueJun 8181
Zhan, K. H. 2836
Zhan, X. C. 3265
Zhan KeHui 2836
Zhan XiangCan 3265
Zhang, A. M. 3841, 11860
Zhang, A. Z. 2088, 4017
Zhang, B. 7849
Zhang, B. F. 10000
Zhang, B. H. 10257-10258, 10269
Zhang, B. J. 5778
Zhang, B. L. 2555, 8687, 9787, 12857
Zhang, B. X. 5556, 6596, 7905, 10230
Zhang, C. 6288, 7572
Zhang, C. H. 3216, 6526, 6528
Zhang, C. L. 5108, 7350, 7406
Zhang, C. Q. 1413, 2544
Zhang, C. S. 6206
Zhang, C. X. 3289, 12536
Zhang, C. Y. 3242, 4596, 7385
Zhang, D. B. 8125
Zhang, D. M. 5849, 10363, 12924
Zhang, D. P. 1349
Zhang, D. Q. 6812
Zhang, D. S. 341, 6533, 9948
Zhang, D. Y. 5940, 7710
Zhang, F. 2584
Zhang, F. C. 6891
Zhang, F. G. 6081
Zhang, F. L. 5569
Zhang, F. Q. 3915
Zhang, F. S. 1970
Zhang, F. Y. 2055, 7509, 9637
Zhang, G. D. 1280, 9784
Zhang, G. F. 6392, 7143

Zhang, G. L. 7518
Zhang, G. P. 3934, 7388
Zhang, G. R. 346, 2164, 5304, 5308, 5332
Zhang, G. X. 1119, 7513
Zhang, G. Y. 232
Zhang, H. 208, 3222, 7833, 8890, 9226, 9296, 9343, 9916, 11760
Zhang, H. B. 151, 2334, 9961, 11934
Zhang, H. D. 2609, 2615, 8267, 8285-8286, 8307
Zhang, H. L. 5933, 8684
Zhang, H. M. 5495, 9321
Zhang, H. S. 292, 5222, 7583
Zhang, H. X. 4806, 6540, 8163, 9003
Zhang, H. Y. 6597, 9110
Zhang, H. Z. 4469
Zhang, J. 3551, 6955-6956, 9272, 9540, 11938, 12363
Zhang, J. C. 7340
Zhang, J. F. 772, 2461, 4507, 8040, 8168, 10244
Zhang, J. H. 1413, 11469
Zhang, J. J. 1016, 2961, 3854, 6090, 10802
Zhang, J. L. 254, 8125
Zhang, J. M. 9962
Zhang, J. N. 2585
Zhang, J. R. 2422, 3271, 4415
Zhang, J. S. 6605
Zhang, J. W. 7571
Zhang, J. X. 258, 4821, 8543, 10207
Zhang, J. Y. 2871, 6268, 7963, 8040, 8948
Zhang, J. Z. 1702, 8339, 11207
Zhang, JinFa 6956
Zhang, L. 1090, 6761, 12501, 12763
Zhang, L. H. 1514, 7533, 8748
Zhang, L. J. 2185, 7724
Zhang, L. P. 6716-6717, 7533
Zhang, L. X. 5130, 5569, 6558
Zhang, L. Y. 12485
Zhang, L. Z. 10979
Zhang, M. 4190, 8392
Zhang, M. F. 6801
Zhang, M. J. 10265
Zhang, M. L. 607
Zhang, M. Q. 662, 6897, 8105
Zhang, M. R. 7379
Zhang, M. S. 7433
Zhang, M. X. 12175
Zhang, M. Y. 2450
Zhang, N. Q. 7582
Zhang, N. Y. 5184
Zhang, P. J. 2076, 12726
Zhang, P. Y. 5248
Zhang, Q. 5220, 5326, 5561, 7565, 8285, 9938, 9985, 10867
Zhang, Q. D. 2041
Zhang, Q. F. 2123, 4054, 7217, 9664, 10810
Zhang, Q. H. 10038
Zhang, Q. P. 9937
Zhang, Q. W. 730
Zhang, Q. X. 9938
Zhang, Q. Y. 709
Zhang, R. 11045
Zhang, R. C. 7696
Zhang, R. S. 183
Zhang, R. T. 2184
Zhang, R. X. 117, 982, 7366, 7583, 9469
Zhang, S. 261, 2968
Zhang, S. B. 95, 5711
Zhang, S. F. 2441, 6792, 8044, 8177, 10135, 10255
Zhang, S. G. 2098
Zhang, S. H. 5162, 12174, 12218
Zhang, S. L. 563, 3189, 3291, 4436, 8680, 10023, 10523
Zhang, S. M. 1514, 10457
Zhang, S. N. 5498
Zhang, S. P. 1128, 3020, 7953, 7961
Zhang, S. Q. 4033, 5542, 9673, 12266
Zhang, S. S. 3958
Zhang, S. Y. 767, 5324, 11906, 12638
Zhang, T. 6794, 8850
Zhang, T. C. 1103
Zhang, T. Z. 714, 3542, 6971, 8169, 10247-10248, 10260
Zhang, W. 4963
Zhang, W. B. 3271, 4559
Zhang, W. C. 6742, 11234, 11236
Zhang, W. H. 9939
Zhang, W. J. 1718, 7890, 8281, 10348
Zhang, W. X. 268, 6269, 9540, 11938
Zhang, W. Z. 11167
Zhang, X. 2028, 2044, 2080, 6162, 6266, 7577-7578, 8629, 12191, 12915
Zhang, X. B. 2976
Zhang, X. D. 1933, 11096
Zhang, X. G. 264, 2678, 6614-6616, 9661, 11978
Zhang, X. J. 6826
Zhang, X. K. 8046
Zhang, X. L. 10256
Zhang, X. M. 8687
Zhang, X. N. 10436
Zhang, X. P. 7099
Zhang, X. Q. 1410, 2095, 6165, 9733, 12293
Zhang, X. R. 2072, 8089, 8163
Zhang, X. S. 349, 10114
Zhang, X. W. 2282, 5499
Zhang, X. Y. 3312, 3843, 5029, 5237
Zhang, X. Z. 3263
Zhang, Y. 6963, 7350, 7554, 10592, 10812, 11851
Zhang, Y. B. 10419
Zhang, Y. C. 5319, 7960
Zhang, Y. D. 2052, 7489
Zhang, Y. F. 3318, 6949, 7341, 7757, 7951
Zhang, Y. G. 2543, 7833, 9916
Zhang, Y. H. 1982, 4469
Zhang, Y. J. 3915, 12218
Zhang, Y. K. 10854
Zhang, Y. L. 1970, 3930, 9377, 10554
Zhang, Y. M. 1942, 6674, 7958, 9454
Zhang, Y. P. 265
Zhang, Y. Q. 10459
Zhang, Y. S. 7518
Zhang, Y. W. 6538
Zhang, Y. X. 3102, 8340
Zhang, Y. Z. 1551, 2063, 3291, 4175, 4436, 10950
Zhang, Z. 1179, 2288, 3527, 4001, 6674, 7958-7959, 10026, 11239
Zhang, Z. B. 147
Zhang, Z. C. 6070, 6535
Zhang, Z. E. 3637
Zhang, Z. F. 3823, 7540, 10794
Zhang, Z. G. 1046, 2073
Zhang, Z. H. 3824, 6285
Zhang, Z. J. 5196, 5894, 11588
Zhang, Z. L. 685, 2555, 6402, 8709, 12857
Zhang, Z. M. 8710, 12354
Zhang, Z. P. 7004, 7518
Zhang, Z. Q. 6588, 7540
Zhang, Z. S. 5036
Zhang, Z. W. 3293, 6696
Zhang, Z. X. 2088, 4017
Zhang, Z. Y. 339, 11929, 12817
Zhang, Z. Z. 533
Zhang AiMin 3841, 11860
Zhang AnZhong 2088, 4017
Zhang BaoHong 10257-10258, 10269
Zhang BaoLiang 9787
Zhang BaoLong 2555, 12857
Zhang BaoXi 5556, 6596, 7905
Zhang Bin 7849
Zhang BingFa 10000
Zhang BingXin 10230
Zhang BinLin 8687
Zhang BoJing 5778
Zhang CaiXi 3289, 12536
Zhang CaiYing 7385
Zhang ChangYuan 3242
Zhang ChaoLiang 5108
Zhang ChengHe 3216, 6526, 6528
Zhang ChengLin 7406
Zhang Chi 6288, 7572
Zhang ChunQi 1413
Zhang ChunQing 2544
Zhang ChunSheng 6206
Zhang ChunYi 4596
Zhang CuiLan 7350
Zhang DaBing 8125
Zhang DaMing 5849, 10363, 12924
Zhang DaPeng 1349
Zhang DaYong 5940
Zhang DeShuang 6533, 9948
Zhang DeShui 341
Zhang DeYu 7710
Zhang DongQing 6812
Zhang FaChun 6891
Zhang Fan 2584
Zhang FengLan 5569
Zhang FuGuo 6081
Zhang FuQin 3915
Zhang FuSuo 1970
Zhang FuYao 2055, 7509, 9637
Zhang GenFa 6392, 7143
Zhang GenXian 1119
Zhang GenYi 232
Zhang GuiRu 346, 2164, 5304, 5308, 5332
Zhang GuiXiang 7513
Zhang GuoDong 1280, 9784
Zhang GuoLiang 7518
Zhang GuoPing 3934, 7388
Zhang HaiXuan 9003
Zhang HaiYing 6597
Zhang HanMa 9321
Zhang HeLing 5933
Zhang HengGan 7383
Zhang Hong 208, 9296, 9343, 11760
Zhang HongBin 9961
Zhang HongDa 2609, 2615, 8267, 8285-8286, 8307
Zhang Hongen 9226
Zhang HongSheng 292, 5222, 7583
Zhang HongXi 4806
Zhang HongXia 8163
Zhang HongZi 4469
Zhang Hua 3222, 7833, 9916
Zhang HuiLian 8684
Zhang HuiMei 5495
Zhang HuiYin 9110
Zhang JianCheng 7340
Zhang JianJun 2961, 10802
Zhang JianMin 9962
Zhang JianXin 258
Zhang JianYong 8040
Zhang JianZhi 11207
Zhang JianZhong 1702
Zhang JiaYan 7963
Zhang JieFu 2461, 4507
Zhang JiFan 772
Zhang JiFu 8040
Zhang JiHua 11469
Zhang JinFa 712, 8168, 10244
Zhang Jing 9540, 11938
Zhang JingJuan 1016, 3854, 6090
Zhang JingLiu 254, 8125
Zhang JingRu 4415
Zhang JingShe 6605
Zhang JingXian 4821
Zhang JinNing 2585
Zhang JinRen 2422
Zhang JinYu 2871, 6268
Zhang JinZhong 8339
Zhang JiWen 7571
Zhang JiXin 8543
Zhang Jun 3551
Zhang JunHe 1413
Zhang JunRu 3271
Zhang JunXia 10207
Zhang Lei 6761
Zhang LianXi 5569
Zhang Lie 1090
Zhang LiHua 1514, 7533
Zhang LiJuan 2185, 7724
Zhang LinPing 7533
Zhang LiPing 6716-6717
Zhang LiXin 6558
Zhang LiYu 12485
Zhang LiZhu 10979
Zhang LuXiao 5130
Zhang ManLin 607
Zhang MeiRong 7379
Zhang Ming 4190
Zhang MingFang 6801
Zhang MingSheng 7433
Zhang MingXian 12175
Zhang MingYong 2450
Zhang MinJian 10265
Zhang MuQing 662, 6897, 8105
Zhang NaiQun 7582
Zhang NengYi 5184
Zhang PeiJiang 2076
Zhang PeiJun 12726
Zhang PingYu 5248
Zhang. Q. P. 7513
Zhang Qi 5220, 9938, 10867
Zhang QiFa 2123, 4054, 7217, 9664, 10810
Zhang Qin 5561
Zhang Qing 9985
Zhang QingHua 10038
Zhang QiPei 9937
Zhang QiuPing 7513
Zhang QiuXia 9938
Zhang QiWen 730
Zhang QuanDe 2041
Zhang Qun 8285
Zhang QunYuan 709
Zhang RangTang 2184
Zhang RongChang 7696
Zhang RongXian 117, 982, 7366, 7583, 9469
Zhang Run 11045
Zhang RuSheng 183
Zhang ShangLong 563, 3291, 4436, 10523
Zhang ShanQing 4033, 9673, 12266
Zhang ShaoHong 5162
Zhang ShaoLing 10023
Zhang ShaoLong 8680
Zhang ShaoMin 1514
Zhang ShaoYing 5324
Zhang ShengLin 3189
Zhang Shi 261
Zhang ShiBo 95
Zhang ShiMin 10457
Zhang ShiPing 1128, 3020
Zhang ShouGang 2098
Zhang ShuBiao 5711
Zhang ShuFang 10255
Zhang ShuFen 2441, 6792, 8044, 10135
Zhang ShuHua 12174, 12218
Zhang ShuNing 5498
Zhang ShuQun 5542
Zhang ShuShen 3958
Zhang ShuYong 11906
Zhang SiPing 7953, 7961
Zhang SuFeng 8177
Zhang SuYing 12638
Zhang Tao 6794
Zhang TianCai 1103
Zhang TianZhen 714, 6971, 8169, 10247-10248, 10260
Zhang WanXia 9540, 11938
Zhang WeiHua 9939
Zhang WenBin 4559
Zhang WenCai 6742, 11234, 11236
Zhang WenJu 1718, 8281, 10348
Zhang WenJun 7890
Zhang WenXu 268, 6269
Zhang WenZhu 11167
Zhang WinBing 3271
Zhang XianGuang 11978
Zhang XianLong 10256
Zhang XianZhen 3263
Zhang XiaoBo 2976

Zhang XiaoDong 1933
Zhang XiaoGuang 2678
Zhang XiaoGuo 264, 9661
Zhang XiaoMing 8687
Zhang XiaoPing 7099
Zhang XiaoQi 1410, 6165
Zhang XiaoWei 2282, 5499
Zhang Xin 2028, 2044, 8629
Zhang Xing 2080
Zhang XingGuo 6614-6615
Zhang XinGuo 6616
Zhang XinQuan 9733, 12293
Zhang XinSheng 349
Zhang XiuRong 8089
Zhang XiuRu 2072
Zhang XiuSen 10114
Zhang XiuYing 3843
Zhang Xu 6162, 6266, 7577-7578, 12191
Zhang Xuan 12915
Zhang XueDong 11096
Zhang XueJia 6826
Zhang XueKun 8046
Zhang XueQin 2095
Zhang XueRen 8163
Zhang XueYing 3312
Zhang YaFang 3318
Zhang YaLan 3930
Zhang Yan 7350, 10812
Zhang YanBo 10419
Zhang YanFang 7951
Zhang YanHua 1982
Zhang YanMin 1942, 9454
Zhang YaoFang 7341
Zhang YaoWei 6538
Zhang YaoZhou 3291, 4175, 4436, 10950
Zhang Yi 6963, 7554
Zhang YiFeng 7757
Zhang YinPin 265
Zhang YiXiang 8340
Zhang YiZheng 1551
Zhang Yong 10592, 11851
Zhang YongCheng 5319
Zhang YongChun 7960
Zhang YongGang 7833
Zhang YongJu 3915
Zhang YongQiang 10459
Zhang YouZhuo 4469
Zhang YuanGen 2543
Zhang YuDong 2052, 7489
Zhang YueLin 9377, 10554
Zhang YuFan 6949
Zhang YuMing 6674, 7958
Zhang YunGang 9916
Zhang YunJiang 12218
Zhang YunKang 10854
Zhang YunLong 1970
Zhang YuShan 7518
Zhang YuXiu 3102
Zhang YuZong 2063
Zhang ZanPing 7004
Zhang ZengCui 6070, 6535
Zhang ZengMin 12354
Zhang ZengQin 7540
Zhang ZhanYuan 12817
Zhang ZhaoJie 5894, 11588
Zhang ZhaoLan 8709
Zhang ZheFu 3823
Zhang Zhen 2288, 6674, 7958-7959, 10026, 11239
Zhang ZhenFeng 7540, 10794
Zhang ZhengBin 147
Zhang ZhengGuo 2073
Zhang ZhengLing 6402
Zhang ZhenLin 2555, 12857
Zhang ZhenWen 3293, 6696
Zhang Zhian 4001
Zhang ZhiE 3637
Zhang ZhiHong 6285
Zhang ZhiMing 8710
Zhang ZhiPeng 7518
Zhang ZhiXiong 2088, 4017
Zhang ZhiYong 339, 11929
Zhang ZhongLin 685
Zhang ZhongShan 5036
Zhang ZhuQing 6588
Zhang ZiGuo 1046
Zhang ZinZhong 533
Zhang ZongHuan 3824
Zhang ZuJian 5196
Zhao, A. L. 4162
Zhao, B. 7412
Zhao, B. R. 2975
Zhao, B. Y. 5220
Zhao, C. 6538, 12428
Zhao, C. Z. 251, 2997
Zhao, D. B. 1515
Zhao, D. G. 7483
Zhao, D. L. 7336, 8545
Zhao, D. P. 12619
Zhao, D. X. 7920
Zhao, G. M. 12628
Zhao, G. R. 9003, 12654
Zhao, G. S. 5111
Zhao, H. 613, 1708, 1732, 9426-9427, 10125
Zhao, H. L. 5555
Zhao, J. 12956
Zhao, J. D. 150
Zhao, J. H. 2041, 12082
Zhao, J. R. 9601
Zhao, J. Y. 6812
Zhao, J. Z. 4596, 9119, 12849
Zhao, K. J. 12849
Zhao, L. M. 344-345
Zhao, L. S. 7504
Zhao, L. Y. 9412, 12165
Zhao, M. 196, 349, 9615
Zhao, M. F. 7565
Zhao, M. L. 8686
Zhao, M. Z. 6695
Zhao, N. M. 7560
Zhao, N. X. 5247
Zhao, Q. 3811
Zhao, Q. H. 9425
Zhao, R. H. 11258
Zhao, R. M. 4596
Zhao, R. X. 7608
Zhao, S. B. 7951
Zhao, S. J. 4770
Zhao, S. N. 6113
Zhao, S. R. 5248
Zhao, T. B. 10355
Zhao, T. C. 7962
Zhao, T. F. 7603
Zhao, T. J. 2163, 4163, 9783
Zhao, T. M. 6552
Zhao, X. 9658
Zhao, X. C. 996, 9491
Zhao, X. H. 7624, 10868
Zhao, X. M. 7323
Zhao, X. P. 1636, 3541
Zhao, Y. 1551, 5134, 6258
Zhao, Y. F. 9938
Zhao, Y. H. 4770, 5762, 7368, 10018, 10609, 10612
Zhao, Y. J. 903
Zhao, Y. L. 9612
Zhao, Y. Y. 12050
Zhao, Y. Z. 8089
Zhao, Z. D. 11500
Zhao, Z. L. 5445
Zhao, Z. W. 2183
Zhao, ZhanLing 5445
Zhao AiLi 4162
Zhao Bin 7412
Zhao BingRan 2975
Zhao BingYu 5220
Zhao Chen 6538, 12428
Zhao ChengZhang 251, 2997
Zhao DaBang 1515
Zhao DaPeng 12619
Zhao DeGang 7483
Zhao DeLi 7336, 8545
Zhao DongXu 7920
Zhao GaiRong 9003, 12654
Zhao GuiMin 12628
Zhao Hong 9426-9427
Zhao Hua 613, 10125
Zhao HuaLun 5555
Zhao Huien 1708, 1732
Zhao JianYi 6812
Zhao JianZhou 4596, 9119, 12849
Zhao JinDong 150
Zhao JiuRan 9601
Zhao Jun 12956
Zhao JunHua 2041, 12082
Zhao KuiJun 12849
Zhao LaiShun 7504
Zhao LianYuan 9412, 12165
Zhao LiMei 344-345
Zhao MeiLing 8686
Zhao Ming 196, 349, 9615
Zhao MiZhen 6695
Zhao NanMing 7560
Zhao NanXian 5247
Zhao Qiang 3811
Zhao QuanHua 9425
Zhao RongMin 4596
Zhao RuoHong 11258
Zhao RuXing 7608
Zhao ShouBian 7951
Zhao ShouJing 4770
Zhao ShuangNing 6113
Zhao SuRan 5248
Zhao TanFang 7603
Zhao TianBang 10355
Zhao TingChang 7962
Zhao TongMin 6552
Zhao TuanJie 4163, 9783
Zhao TunJie 2163
Zhao XiaoMei 7323
Zhao XinHua 7624
Zhao XinPing 1636, 3541
Zhao Xun 9658
Zhao YaHua 5762
Zhao YaHui 4770
Zhao Yan 5134, 6258
Zhao YanHua 10018
Zhao YingZhong 8089
Zhao YinHuai 7368, 10612
Zhao YongLiang 9612
Zhao YouYang 12050
Zhao YueFeng 9938
Zhao YuJu 903
Zhao Yun 1551
Zhao ZhenDong 11500
Zhao ZhenWen 2183
Zhdanov, V. V. 526
Zhdanova, N. E. 12092
Zhen, D. L. 7567
Zhen, H. 6290, 7609
Zhen, Y. L. 12293
Zhen DaLi 7567
Zhen Hai 6290, 7609
Zhen YouLiang 12293
Zheng, C. L. 580
Zheng, D. S. 7354
Zheng, D. X. 266
Zheng, G. C. 3617
Zheng, G. D. 6903
Zheng, G. H. 1801
Zheng, G. L. 5314, 10415
Zheng, H. G. 4048
Zheng, H. H. 4335
Zheng, H. Q. 1183, 3312, 4929
Zheng, H. X. 2609
Zheng, H. Y. 10528
Zheng, J. B. 2055
Zheng, J. H. 11062
Zheng, J. R. 2080
Zheng, J. T. 258, 4039
Zheng, K. L. 1124, 7629
Zheng, L. 9308
Zheng, M. 9996
Zheng, Q. F. 12695
Zheng, R. Q. 3503
Zheng, S. F. 6963
Zheng, S. H. 9811
Zheng, S. J. 433, 6964, 12499
Zheng, S. L. 1194, 1196, 7611
Zheng, S. Q. 5594, 6033, 6602, 7971
Zheng, S. Z. 2174
Zheng, W. Y. 11064
Zheng, X. 261, 2071
Zheng, X. H. 88, 4335
Zheng, X. Q. 7300
Zheng, X. S. 10875
Zheng, X. Y. 451, 6404
Zheng, Y. F. 3009, 6292
Zheng, Y. L. 152, 1989, 4942, 7498, 8277, 9620, 10890, 11845, 11986, 12292
Zheng, Y. Q. 2586, 8232
Zheng, Y. Z. 6878
Zheng, Z. 4073
Zheng, Z. L. 2526
Zheng ChengLe 580
Zheng DeXing 266
Zheng DianSheng 7354
Zheng GaiDan 6903
Zheng GuoLi 5314
Zheng GuoLiang 10415
Zheng HaiYan 10528
Zheng He 9996
Zheng HengQing 1183
Zheng HongQing 3312, 4929
Zheng HuiXian 2609
Zheng JiaTuan 258, 4039
Zheng JinBo 2055
Zheng JinHe 11062
Zheng JiuRu 2080
Zheng KangLe 7629
Zheng Ling 9308
Zheng QiFa 12695
Zheng RuQin 3503
Zheng ShaoHui 9811
Zheng ShaoLing 1194, 1196, 7611
Zheng ShiZhang 2174
Zheng ShuFeng 6963
Zheng ShuQi 5594, 7971
Zheng SiJun 433, 6964, 12499
Zheng SuQin 6033
Zheng SuQiu 6602
Zheng WeiYin 11064
Zheng XiangHong 88, 4335
Zheng XiangYang 6404
Zheng XiaoYing 451
Zheng Xuan 261, 2071
Zheng XueQin 7300
Zheng XuSong 10875
Zheng YiZhan 6878
Zheng YongLian 7498, 8277, 9620, 11986
Zheng YouLiang 152, 1989, 4942, 10890, 11845, 12292
Zheng YunFei 3009, 6292
Zheng Zhong 4073, 9117
Zhi, H. 12165
Zhi, H. J. 5331
Zhi HaiJian 5331
Zhi Hui 12165
Zhidĕkhina, T. V. 548
Zhigilei, A. 8294
Zhimulev, I. F. 11653
Zhivondov, A. 3277
Zhivotovsky, L. A. 11491
Zhiznevskaya, G. 5383
Zhong, D. B. 5202, 7624, 10868
Zhong, G. 342
Zhong, G. Y. 3363, 12094
Zhong, H. 4002, 11598
Zhong, H. H. 88, 2761
Zhong, H. X. 11547
Zhong, L. 7318, 7561
Zhong, M. 7273, 7714, 8201
Zhong, R. Q. 3530, 8492
Zhong, W. G. 5153, 8709
Zhong, W. H. 762
Zhong, W. J. 3496
Zhong, X. B. 6579
Zhong, X. H. 2350
Zhong, Y. 7297
Zhong, Y. C. 2609
Zhong, Y. Q. 5057, 6162
Zhong, Z. 9117
Zhong, Z. T. 6300
Zhong, Z. X. 81, 5500
Zhong DaiBin 5202, 7624
Zhong GanYuan 12094
Zhong Gao 342
Zhong HaiHong 2761
Zhong Heng 4002
Zhong Hu 11598
Zhong HuaXin 11547
Zhong HuiHong 88, 4335
Zhong Ling 7318, 7561
Zhong Min 7714, 8201
Zhong RuiQin 3530, 8492
Zhong WeiGong 5153, 7606, 8709
Zhong WeiHua 762
Zhong WeiJi 3496
Zhong XiaoHong 2350
Zhong Yang 7297
Zhong YeCong 2609
Zhong YuQuan 5057, 6162
Zhong ZhiTao 6300
Zhong ZhongXian 81, 5500
Zhou, A. D. 6951

Zhou, A. H. 9682
Zhou, B. L. 2539
Zhou, C. 697, 7286
Zhou, C. J. 8854
Zhou, C. Q. 3499
Zhou, C. T. 3293, 6696
Zhou, D. 762
Zhou, D. B. 2805, 11026
Zhou, D. D. 6916
Zhou, D. G. 4896
Zhou, D. X. 4858, 9304, 10515
Zhou, E. X. 3222
Zhou, F. 6663
Zhou, F. S. 1046
Zhou, F. Y. 3188
Zhou, G. H. 11924
Zhou, G. L. 6511, 6544, 8855
Zhou, G. Q. 2118-2119
Zhou, G. Y. 8084
Zhou, G. Z. 779
Zhou, H. 2454, 4009, 7561, 9441, 12031-12032
Zhou, H. P. 10793
Zhou, H. Y. 420
Zhou, J. 9909
Zhou, J. J. 2460
Zhou, J. M. 3520, 4359, 4469
Zhou, J. P. 7323, 8265
Zhou, J. S. 3009
Zhou, J. T. 6695
Zhou, K. D. 5205
Zhou, K. L. 2991
Zhou, L. 50, 4845, 8477, 10359
Zhou, L. H. 10025
Zhou, M. 3484
Zhou, M. D. 10018
Zhou, M. L. 10608
Zhou, M. P. 1016, 1811, 3854, 6090
Zhou, M. X. 2004, 5067, 9561
Zhou, P. 12656
Zhou, P. H. 8716
Zhou, Q. 10458
Zhou, Q. C. 6588
Zhou, Q. X. 1703, 7040
Zhou, R. 6872
Zhou, R. H. 4961
Zhou, S. C. 2068, 7628
Zhou, S. L. 9157
Zhou, S. P. 2805
Zhou, T. B. 257, 2985
Zhou, T. D. 1121
Zhou, W. C. 7368, 10609
Zhou, W. J. 10101
Zhou, X. 2063, 7617
Zhou, X. A. 4161
Zhou, X. C. 963
Zhou, X. L. 6605
Zhou, X. M. 2088, 4017
Zhou, X. P. 495
Zhou, Y. 4056
Zhou, Y. B. 1606
Zhou, Y. C. 2567
Zhou, Y. F. 2315
Zhou, Y. H. 1989, 7715, 10890, 12292
Zhou, Y. J. 5130, 5519
Zhou, Y. L. 6268, 11906
Zhou, Y. M. 6818, 8041
Zhou, Y. P. 5213
Zhou, Y. Q. 6392, 7143
Zhou, Z. C. 11494
Zhou, Z. H. 6971
Zhou, Z. K. 742
Zhou, Z. Q. 2332
Zhou AiHua 9682
Zhou AnDing 6951
Zhou BaoLiang 2539
Zhou CaiQing 3499
Zhou Chang 697, 7286
Zhou ChangJiu 8854
Zhou CunTian 3293, 6696
Zhou Da 762
Zhou DaBiao 2805
Zhou DaiDi 6916
Zhou DaoXiu 4858, 9304, 10515
Zhou DingBo 11026
Zhou ErXun 3222
Zhou FaSong 1046
Zhou Fu 6663
Zhou FuYing 3188
Zhou GouLin 6544
Zhou GuangHe 11924
Zhou GuangQia 2118-2119
Zhou GuiYuan 8084
Zhou GuoLin 6511, 8855
Zhou GuoZhang 779
Zhou HaiPing 10793
Zhou HaiYing 420
Zhou He 2454
Zhou Hui 4009, 7561
Zhou JiangShi 3009
Zhou JianMin 3520, 4359
Zhou JianPing 7323, 8265
Zhou JianTao 6695
Zhou JingJiang 2460
Zhou JinMei 4469
Zhou Jun 9909
Zhou KaiDa 5205
Zhou KunLu 2991
Zhou Lan 4845
Zhou Li 50, 8477
Zhou LiHua 10025
Zhou Lin 10359
Zhou MeiLan 10608
Zhou MeiXue 5067, 9561
Zhou MiaoPing 1016, 1811, 3854, 6090
Zhou MingDe 10018
Zhou PuHua 8716
Zhou Qi 10458
Zhou QiXing 1703, 7040
Zhou QunChu 6588
Zhou Rong 6872
Zhou RongHua 4961
Zhou ShaoChuan 2068, 7628
Zhou ShiLiang 9157
Zhou SuPing 2805
Zhou TianDe 1121
Zhou TingBo 257, 2985
Zhou WeiJun 10101
Zhou WenChun 7368
Zhou XiangChun 963
Zhou XiangLin 6605
Zhou XianMing 2088, 4017
Zhou Xie 2063, 7617
Zhou XinAn 4161
Zhou XuePing 495
Zhou YanQing 6392, 7143
Zhou YeFang 2315
Zhou YiHua 7715
Zhou YiJun 5130
Zhou YiLin 11906
Zhou YingBing 1606
Zhou YingChun 2567
Zhou YongHong 1989, 10890, 12292
Zhou YongJian 5519
Zhou YongMing 6818, 8041
Zhou YueLan 6268
Zhou YuPing 5213
Zhou ZhaoHua 6971
Zhou ZheKun 742
Zhou ZhiChun 11494
Zhou ZhiQin 2332
Zhu, B. 9570
Zhu, B. C. 2117, 4065
Zhu, B. G. 4180
Zhu, C. S. 6402, 7728
Zhu, C. X. 6665, 6669
Zhu, C. Y. 10732, 12354
Zhu, D. W. 2462, 6055
Zhu, G. F. 1541, 6394
Zhu, G. H. 3628, 7002
Zhu, G. R. 7325, 8980, 8984
Zhu, H. 5135, 7429
Zhu, H. Y. 12700
Zhu, H. Z. 9909
Zhu, J. 2103-2104, 3007, 4604-4606, 5011, 5212, 5785, 7444, 7581, 9114, 9463, 9696, 10252, 12221
Zhu, J. C. 1541
Zhu, J. H. 10819
Zhu, J. K. 3758, 3760-3761
Zhu, J. M. 4060, 7612, 10332
Zhu, K. G. 11500
Zhu, L. 2458, 7624, 10868
Zhu, L. H. 2971, 3018, 5178, 6263, 6289, 9671, 10867, 12190, 12230
Zhu, L. L. 7582
Zhu, L. Y. 1387, 5520
Zhu, M. D. 8687, 10788
Zhu, Q. H. 2541
Zhu, Q. L. 1934
Zhu, Q. S. 262, 5196
Zhu, R. H. 11598
Zhu, S. H. 12227
Zhu, S. L. 2554, 4174
Zhu, S. Q. 5190
Zhu, S. W. 8148
Zhu, T. 10698
Zhu, W. D. 8687
Zhu, W. H. 7038
Zhu, W. M. 2805
Zhu, X. 8323
Zhu, X. C. 1934
Zhu, X. D. 2461, 7567
Zhu, X. F. 714, 3542, 6068, 8169
Zhu, X. H. 262
Zhu, X. J. 8626
Zhu, X. P. 6874
Zhu, X. Y. 5162, 7628
Zhu, Y. 2121, 8160
Zhu, Y. G. 264, 2974
Zhu, Y. L. 4510, 4517, 5498
Zhu, Y. M. 10987
Zhu, Y. Q. 10415
Zhu, Y. X. 374, 7757
Zhu, Y. Y. 5520, 9984
Zhu, Z. 4601, 6742, 8160, 8184
Zhu, Z. D. 8664
Zhu, Z. H. 7398, 11150
Zhu, Z. Q. 1942
Zhu, Z. S. 7962
Zhu BaoChen 4065
Zhu BaoCheng 2117
Zhu BaoGe 4180
Zhu ChengSong 6402, 7728
Zhu ChuanXiang 6665, 6669
Zhu ChuanYing 12354
Zhu CuiYun 10732
Zhu DeWei 6055
Zhu DuanWei 2462
Zhu GenRui 8980, 8984
Zhu GuangHua 3628, 7002
Zhu GuoFa 1541
Zhu GuoFu 6394
Zhu GuoRong 7325
Zhu HaiYing 12700
Zhu HaiZhen 9909
Zhu JainKang 2779
Zhu JianKang 3758, 3760-3761
Zhu JianMing 10332
Zhu Jin 5785
Zhu JinChao 1541
Zhu JingMing 7612
Zhu Jun 2103-2104, 3007, 4606, 5212, 7444, 9696, 10252, 12221
Zhu KeGong 11500
Zhu Li 2458
Zhu LiHuang 2971, 3018, 5178, 6263, 9671, 10867, 12190, 12230
Zhu LiLi 7582
Zhu LongYing 1387, 5520
Zhu MaoDan 8687, 10788
Zhu QianHao 2541
Zhu QingLin 1934
Zhu QingSen 5196
Zhu QinSen 262
Zhu RongHuan 11598
Zhu ShaoLin 2554
Zhu ShengWei 8148
Zhu ShenLong 4174
Zhu ShiHua 12227
Zhu ShuJun 7606
Zhu SuQin 5190
Zhu Tong 10698
Zhu WeiDong 8687
Zhu WeiHua 7038
Zhu WeiMin 2805
Zhu Xia 8323
Zhu XianDai 2461
Zhu XiaoHong 262
Zhu XiaoPing 6874
Zhu XiaoYuan 5162, 7628
Zhu XieFei 714, 8169
Zhu XinChan 1934
Zhu XiuJun 8626
Zhu XuDong 7567
Zhu XueFeng 6068
Zhu YanMin 10987
Zhu YaYing 5520
Zhu YingGuo 264, 2974
Zhu YongLiang 4510, 4517
Zhu YongQiang 10415
Zhu Yu 8160
Zhu YueLin 5498
Zhu YuXian 7757
Zhu YuYing 9984
Zhu Zhen 4601, 6742, 8160, 8184
Zhu ZhenDong 8664
Zhu ZhengShun 7962
Zhu ZhiHeng 11150
Zhu ZhiHua 7398
Zhu ZhiQing 1942
Zhuang, B. 5711
Zhuang, B. C. 341
Zhuang, C. X. 9669, 12180
Zhuang, J. J. 5964
Zhuang, J. Y. 1124, 7629
Zhuang, L. 8267, 8400
Zhuang, T. M. 12536
Zhuang, W. J. 5711
Zhuang, Y. 5497
Zhuang Biao 5711
Zhuang BingChang 341
Zhuang ChuXiong 9669, 12180
Zhuang JieYun 7629
Zhuang Li 8267, 8400
Zhuang TianMing 12536
Zhuang WeiJian 5711
Zhuang Yong 5497
Zhuchenko, A. A. 5524
Zhuk, I. P. 12546
Zhuo, D. G. 9830
Zhuo, W. 2098
Zhuo DeGen 4896, 9830
Zhuo Wei 2098
Zhuravlev, Yu. N. 8336
Ziegelhoffer, T. 11802
Ziegenhagen, B. 729, 752, 758, 7214, 12870
Ziegle, J. N. 11932
Zik, M. 7109
Zilberman, D. 3665
Zilberstein, A. 2146
Ziman, S. 1741
Zimmer, B. 945
Zimmerman, A. M. 12096
Zimmerman, B. 1711
Zimmerman, J. L. 11047
Zimmermann, A. 2168
Zimmermann, I. 4865
Zimmermann, S. 10489, 10540, 12826
Zimmerová, J. 8989
Zimniak-Przybylska, Z. 327, 3094, 9773
Zimnoch-Guzowska, E. 4303, 12459
Zimolka, J. 6172
Zinkernagel, V. 462, 4294
Zinoni, F. 105
Zinsou, C. 3194
Zipf, A. 9579, 12836
Zirino, M. 9439
Ziska, L. H. 6395
Žitnik, S. 4629
Živanović, M. 7506
Zivy, M. 5127
Zizumbo-Villarreal, D. 641
Zlatanov, M. 4571
Zmarlicki, K. 9228
Zobova, N. V. 11946
Zode, N. G. 10940
Žofajová, A. 9567
Zoffoli, J. P. 9227
Zoghlami, A. 6345
Zohary, D. 6071
Zoina, A. 2243, 4262
Zoller, J. 6194
Zolotukhin, E. N. 10765
Zomlefer, W. B. 8524
Zondlo, S. C. 11767
Zong, S. W. 12536
Zong, X. F. 9468
Zong, X. M. 2096

Zong ShaoWei 12536
Zong XueFeng 9468
Zong XueMei 2096
Zongo, J. D. 6231
Zonta, E. P. 1291
Zope, J. S. 11297-11298
Zope, R. E. 4535
Zoppo, M. del 5020, 10638
Zorić, D. 4991, 9460, 11876
Zoric, D. 5066
Zorn, M. 5978
Zornoza, P. 1370-1371
Zoshchuk, S. A. 9538
Zottini, M. 12912
Zou, D. H. 117, 7366
Zou, J. J. 339, 5293
Zou, J. S. 2981, 4055, 9719
Zou, M. L. 10609
Zou, W. H. 3938
Zou, X. J. 5217
Zou, Y. P. 4056, 7838
Zou, Z. R. 685, 12806
Zou DingHui 117, 7366
Zou JiangShi 2981, 4055, 9719
Zou JiJun 339, 5293
Zou WanHe 3938
Zou XiaoJu 5217
Zou YuPing 7838
Zou ZhuRong 685, 12806
Zouaghi, M. 9766
Zoubenko, O. 3535
Zoundjihékpon, J. 6507, 7834, 12490
Zoysa, A. K. N. 10208
Zozaya-Garza, M. 6351
Zrenner, R. 5467, 7258
Zsuffa, L. 4652
Zuan, D. 5314
Zuan Dong 5314
Zuber, U. 3851
Zubkovich, A. A. 10674-10675
Zucchi, P. 12050
Zude, M. 573
Zuev, E. 3815
Zuffrano, M. 5735
Zuily-Fodil, Y. 9873
Zujewski, H. L. 1234
Žukas, K. 3744
Zuker, A. 1659, 12911
Zulini, L. 557
Zuloaga, F. O. 5246, 10899
Zündorf, I. 9216
Žunić, D. 3315
Zúñiga, B. 3986
Zúňiga, G. 9141
Zúñiga, G. E. 1044
Zuo, J. H. 4679
Zuo, Q. Y. 8980, 8984
Zuo, Z. 2015
Zuo JingHua 4679
Zuo QinYuan 8980, 8984
Zuo Zhuang 2015
Zupančič, A. 3170, 4764
Zupfer, J. M. 165
Zurayk, R. 10089
Žutić, I. 7848
Zvára, K. 6154, 7424
Žvingila, D. 3794, 4293
Zwatz, B. 2006
Zwick, M. 202
Zwick, M. S. 1636
Zwierzykowska, E. 5233
Zwierzykowski, Z. 1217-1218, 5233
Zwingelberg, H. 129
Zygadlo, J. A. 354

SUBJECT INDEX

Abeliophyllum distichum
  isoenzymes, genetic variation 8220
  population genetics 8220
  reproduction, population genetics 12903
Abelmoschus caillei
  fruits, multivariate analysis 11171
  yield components, multivariate analysis 11171
Abelmoschus esculentus
  bhendi yellow vein mosaic bigeminivirus 514, 12617
    genetics 3262
  inbreeding depression 10006
  Macrophomina phaseolina 11173
  yield components
    heritability 11172
    heterosis 10006
Abies
  chloroplast genetics 3583, 8258
  cytochrome-*c* oxidase, mitochondrial genetics 4678
  cytoplasmic inheritance 3583
  interspecific hybridization 3583
  isoenzymes, genetic variation 8259
  population genetics 8259
  restriction fragment length polymorphism 3583, 8258
Abies alba
  chloroplast genetics 758
  cold resistance 1699
  genetic resources 757
  microsatellites 758
  random amplified polymorphic DNA 2587
Abies amabilis
  cones 7030
  plant embryos 7030
  seeds 7030
Abies cephalonica
  cryopreservation 8260
  random amplified polymorphic DNA 8260
Abies grandis
  cold resistance 1699
  humulene synthase
    gene expression 769
    nucleotide sequences 769
  provenance trials 768
  selinene synthase
    gene expression 769
    nucleotide sequences 769
Abies procera
  habit, genetics 3584
  provenance trials 8257
Abies sachalinensis, cold resistance, techniques 5824
Abnormal development
  Actinidia deliciosa 1498
  Zea mays
    gene location 12071
    mutations 12071
Abscisic acid
  Arabidopsis thaliana 920, 2780
    gene expression 46, 54, 3758, 4880, 6021, 8487
    genetic engineering 46
    molecular genetics 913
    mutations 48, 54, 913, 920, 1846, 2776, 4880-4881
    nucleotide sequences 7223
  Brassica napus, gene expression 6817
  Craterostigma plantagineum, gene expression 3632
  Cucurbita pepo, gene expression 6606
  gene expression 1820
    reviews 9249
  Glycine 9794
  Glycine max 9794
  Helianthus annuus, mutations 8064, 11283
  Hemerocallis 2634
  Hordeum vulgare 1044, 5058
    gene expression 9559, 11945
    germplasm releases 3923
Abscisic acid *cont.*
  Hordeum vulgare cont.
    induced mutations 3923
    promoters 11945
  Lycopersicon chilense 4356
  Lycopersicon esculentum 4356
    gene expression 4353, 9979, 12537
    genetic transformation 46
    mutations 3244, 4353, 5528, 11107
    nucleotide sequences 5528
  Nicotiana benthamiana, genetic transformation 913
  Nicotiana plumbaginifolia, gene expression 3531
  Nicotiana tabacum, gene expression 700, 4591
  Oryza sativa
    gene expression 4064, 4071, 9676-9677
    nucleotide sequences 4071
  Pisum sativum, mutations 7758
  Populus trichocarpa
    gene expression 1667
    nucleotide sequences 1667
  Raphanus sativus 2260
  Solanum tuberosum, gene expression 4286
  Zea mays
    gene mapping 1070
    genetic markers 10716
    restriction fragment length polymorphism 1070
Abscission
  Cajanus cajan 384
  Corchorus capsularis 10270
  Corchorus olitorius 10270
  Sambucus nigra, gene expression 10063
  Solanum (tuberous species) 8820
Abutilon anglosomaliae, taxonomy 8288
Abutilon theophrasti, *Zea mays* 12149
Acacia
  chromosome number 7005
  cotyledons 1675
  DNA 7005
  genetic markers 4657
  phylogeny
    chloroplast genetics 4658
    restriction fragment length polymorphism 4658
  proteins
    genetic variation 8210
    phylogeny 8210
  taxonomy 1675, 8212
Acacia acuminata, taxonomy 1674
Acacia auriculiformis
  interspecific hybridization 1673
  pollination 1673
  provenance trials 4656
Acacia burkittii, taxonomy 1674
Acacia crassicarpa, provenance trials 11481
Acacia mangium
  interspecific hybridization 1673
  pollination 1673
Acacia qandalensis, taxonomy 5807
Acacia tephrophylla, taxonomy 5807
Acanthiophilus helianthi, *Carthamus tinctorius* 12743
Acanthoscelides obtectus, *Phaseolus lunatus,* gene expression 12390
Acari, *Pelargonium hortorum* 12910
ACC
  Arabidopsis thaliana, gene expression 68
  Petunia hybrida
    gene expression 10379
    nucleotide sequences 10379
Accessory chromosomes
  Amblyopyrum mutica 11936
  Zea mays 5100, 12022, 12034
    chromosome transmission 2029
    gene location 2029
Acer
  evolution 3564
  geography 3564
Acer freemanii, *Empoasca fabae* 12883
Acer palmatum, somatic embryogenesis 9142
Acer pseudoplatanus, DNA, techniques 11457
Acer rubrum
  Empoasca fabae 12883
  heat resistance 11490
  heavy metals 7013
  roots 11490
  tissue culture 7013
Aceria tosichella
  Elymus elongatus, chromosome translocation 8747
  Elymus hispidus, chromosome translocation 8747
  Triticum aestivum
    chromosome translocation 8747
    germplasm releases 7399
Acetate kinase
  Nicotiana tabacum
    gene expression 1622
    genetic transformation 1622
Acetoacetyl-CoA reductase
  Gossypium hirsutum, genetic transformation 10262
  Solanum tuberosum, genetic transformation 11022
Acetolactate synthase, *Zea mays* 12147
Acetyl-CoA carboxylase
  Avena sativa
    gene mapping 8622
    restriction fragment length polymorphism 8622
  Fagopyrum
    nucleotide sequences 1208
    phylogeny 1208
  Lycopersicon esculentum, genetic transformation 4344
  Zea mays
    gene mapping 12145
    in vitro selection 12145
***N*-acetylchitooligosaccharide,** *Oryza sativa,* gene expression 7559
Achillea
  chemotaxonomy 5904
  sesquiterpenes 5904
Achillea crithmifolia
  essential oils 11616
  morphology 11616
Achillea millefolium
  chemotaxonomy 5904
  sesquiterpenes 5904
Achras (*see Manilkara*)
Acid phosphatase
  Arabidopsis thaliana
    gene location 1855
    mutations 1855
  Cucumis melo, polymorphism 1404
  Lupinus albus
    gene expression 12322
    nucleotide sequences 12322
  Lycopersicon esculentum
    fluorescence *in situ* hybridization 6579
    gene mapping 6579
  nucleotide sequences, *Arabidopsis thaliana* 9298
  Panicum maximum 5143
  Trifolium repens 10909
  Triticum aestivum 1006
Acmena smithii, cultivars, Bullock Creek 4695
Aconitum
  chemotaxonomy 4735
  fatty acids 4735
  taxonomy 8364
Aconitum lycoctonum
  isoenzymes, polymorphism 9173
  population genetics 9173
Aconitum septentrionale, isoenzymes, genetic variation 12953
Acorus calamus
  cytochrome-*c* oxidase
    mitochondrial genetics 1769

- ***Acorus calamus*** *cont.*
  - cytochrome-*c* oxidase *cont.*
    - nucleotide sequences 1769
  - essential oils, DNA fingerprinting 11596
  - phylogeny
    - DNA fingerprinting 11596
    - mitochondrial genetics 1769
    - nucleotide sequences 1769
- ***Acorus gramineus***
  - essential oils, DNA fingerprinting 11596
  - phylogeny, DNA fingerprinting 11596
- **Acridone synthase,** *Ruta graveolens,* nucleotide sequences 12948
- **Acrylonitrile vinyl cyanide,** *Vicia faba* 9814
- **Actin**
  - *Arabidopsis thaliana* 1917
    - antibodies 10517
    - gene expression 10517
  - gene expression, reviews 10569
  - *Nicotiana tabacum* 1917
  - nucleotide sequences 11789
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 1167
    - genetic engineering 6090
    - mutations 4041
    - promoters 6090
  - *Phaseolus vulgaris,* gene expression 5351
- ***Actinidia***
  - chloroplast genetics 6064
  - microsatellites 3338
- ***Actinidia arguta***
  - cold resistance 3340
  - fruits 1496-1497
  - interspecific hybridization 1497
  - oxalates 1496
  - storage 1497
- ***Actinidia chinensis*** (*see also Actinidia deliciosa)*
  - ascorbic acid 564
  - cultivars
    - Hort16A 3337
    - Jin Nong-1 7994
  - fruits, nucleotide sequences 563
  - lipoxygenase, nucleotide sequences 563
  - microsatellites 3338
  - morphology 6719
  - organic acids 564
  - polyploidy 9003
  - random amplified polymorphic DNA 562
  - sugars 564
- ***Actinidia deliciosa***
  - abnormal development 1498
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase, gene expression 12681
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase, gene expression 10058, 12681
  - *Botrytis cinerea,* genetic transformation 6720
  - cultivars
    - Tomua 3337
    - Xingguan-2 5623
  - cytoplasmic inheritance, polymerase chain reaction 12680
  - development
    - gene expression 2084
    - genetic transformation 2084
  - endosperm 11221
  - fruits 1496, 1498
  - gamma radiation 4467, 11221
  - gene expression 1495
  - genetic transformation 1495
  - gibberellins, genetic transformation 3339
  - glucan endo-1,3-β-D-glucosidase, genetic transformation 6720
  - morphology 6719
    - genetic transformation 8688
  - oxalates 1496
  - parthenogenesis 4467
  - pollen 4467
  - pollination 11221
  - polyploidy 9003
  - quality 4468
  - random amplified polymorphic DNA 562
  - ripening, gene expression 12681
  - storage 4468
  - variety trials 1494
- ***Actinidia kolomikta,*** cold resistance 3340
- ***Actinidia melanandra***
  - fruits 1497
  - interspecific hybridization 1497
  - storage 1497
- ***Actinidia rufa***
  - fruits 1496
  - oxalates 1496
- **Activase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 8138
    - genetic transformation 8138
- **Acyl-acyl-carrier-protein desaturase**
  - *Olea chrysophylla*
    - nucleotide sequences 11315
    - restriction fragment length polymorphism 11315
  - *Olea cuspidata*
    - nucleotide sequences 11315
    - restriction fragment length polymorphism 11315
  - *Olea europaea*
    - gene mapping 11310
    - nucleotide sequences 11315
    - restriction fragment length polymorphism 11315
- **Acyl-acyl carrier protein thioesterase**
  - *Brassica napus* (rape)
    - gene expression 10123
    - genetic transformation 10123
- **Acyl carrier protein**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 18
  - *Coriandrum sativum*
    - gene expression 5908
    - nucleotide sequences 5908
- **Acyl-CoA binding proteins,** *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 1840
- **Acyl-CoA oxidase**
  - *Cucurbita*
    - gene expression 1411
    - nucleotide sequences 1411
- **Acylglycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase,** *Brassica napus* (rape), molecular genetics 11259
- **Acyltransferases**
  - *Brassica napus* (rape), gene expression 11265
  - crops, genetic transformation 1544
  - fatty oil plants, genetic engineering 1544
  - *Gentiana triflora*
    - gene expression 2632
    - nucleotide sequences 2632
  - *Umbellularia californica,* gene expression 11265
- ***Acyrthosiphon kondoi***
  - *Medicago sativa* 12312
    - germplasm releases 4136
- **Adaptability** (*see* Stability)
- ***Adenium***
  - chromosome number 12940
  - DNA 12940
- ***Adenophora ningxianica,*** taxonomy 8366
- **Adenosine 5′-phosphosulfate reductase,** *Arabidopsis thaliana,* gene expression 10549
- **Adenosinetriphosphatase**
  - angiosperms, nucleotide sequences 1909
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 16, 6030, 9305, 10520
    - nucleotide sequences 16, 9305, 9312, 10500, 10520, 11727
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - gene expression 5740
    - genetic transformation 5740
  - *Brassica napus* (rape), gene expression 5671
  - *Citrus unshiu*
    - gene expression 10073
    - nucleotide sequences 10073
  - *Glycine soja,* mitochondrial genetics 5294
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 9965
    - nucleotide sequences 9965
  - *Lycopersicon peruvianum,* gene expression 5537
  - *Medicago sativa,* nucleotide sequences 12305
  - *Nicotiana plumbaginifolia*
    - gene expression 11376
    - nucleotide sequences 11376
- **Adenosinetriphosphatase** *cont.*
  - *Nicotiana sylvestris*
    - gene expression 2522
    - nucleotide sequences 2522
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 5761
    - genetic transformation 6932
    - nucleotide sequences 5761
  - *Oryza sativa,* gene mapping 7563
  - *Solanum tuberosum,* gene expression 11040
  - *Spinacia oleracea*
    - chloroplasts 11075
    - gene expression 11075
  - *Zea mays*
    - gene expression 10694
    - promoters 10694
- **Adenosylhomocysteinase,** *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 11746
- **Adenosylmethionine decarboxylase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - cell culture 3529
    - gene expression 3529
  - *Pharbitis nil,* gene expression 5856
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 12448
    - genetic transformation 12448
- **Adenylate kinase,** *Oryza sativa,* gene expression 1192
- **Adenylate translocator,** mutations, *Zea mays* 192
- **Adenylsulfate kinase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 6017
    - nucleotide sequences 6017
- **Adenylyl cyclase**
  - *Gossypium hirsutum*
    - gene expression 4608
    - nucleotide sequences 4608
- **Adenylylsulfate reductase**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 7259
  - *Brassica juncea,* gene expression 6802
  - *Catharanthus roseus*
    - gene expression 11583
    - nucleotide sequences 11583
- ***Adesmia***
  - chromosome morphology 3063
  - chromosome number 3063
  - meiosis 3061
- ***Adesmia latifolia,*** sexual reproduction 3064
- ***Adiantum capillus-veneris***
  - chloroplasts, mutations 10412
  - extensin, gene expression 808
  - light
    - gene expression 808
    - mutations 10412
  - photoperiodism, nucleotide sequences 807
  - phytochrome, nucleotide sequences 3630
- ***Adonis amurensis***
  - flowers 9179
  - fruits 9179
- ***Adoxophyes orana,*** *Malus pumila,* genetic transformation 5577
- **ADPglucose pyrophosphorylase**
  - genetic engineering 9275
  - mutations 9275
- **Adventitious roots**
  - *Malus pumila*
    - gene expression 5572
    - nucleotide sequences 5572
- ***Aechmea,*** *Fusarium oxysporum* 4763
- ***Aegilops***
  - anatomy 3901
  - biomass 3900
  - chemotaxonomy 11937
  - chloroplast genetics 150
  - development 3900
    - nucleocytoplasmic interaction 1950
  - drought resistance 3902
  - *Erysiphe graminis*
    - chromosome addition 5031
    - chromosome substitution 5031
    - genetics 5034
    - nucleocytoplasmic interaction 5035
  - fungi 3878
  - genomes 9450
    - chromosome banding 9538
    - DNA hybridization 9538
  - geography 3896

***Aegilops** cont.*
- gliadin, genetic variation 11937
- heat resistance 3902
- *Heterodera avenae* 3810
- nitrogen, evolution 7369
- nomenclature, databases 11879
- nucleocytoplasmic interaction 7350
- nutrients 9539
  - evolution 7369
- photosynthesis 3900, 9464
  - evolution 7369
- phylogeny 150
  - polymerase chain reaction 6128
  - ribosomal DNA 6128
- polyploidy 9464, 11850
- *Puccinia recondita* 5039
- *Puccinia striiformis* 5039
- random amplified polymorphic DNA 150, 11935
- repetitive DNA, evolution 2827
- rhizosphere 11850
- salinity 3805, 3878
- taxonomy 3901
  - restriction fragment length polymorphism 5052
- *Triticum,* intergeneric hybridization 977, 3878, 4967
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 5031, 5035
- yield components, multivariate analysis 4993
- zinc 9539

Aegilops caudata, chromosome banding 5050

Aegilops crassa, *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 7350

Aegilops cylindrica
- biosafety 6095, 6153
- chromosome banding 10655
- DNA hybridization 4941
- gene flow 6095, 6153
- genomes 10655
- *Triticum aestivum* 11931
  - intergeneric hybridization 1950, 6095, 6153

Aegilops geniculata
- chromosome addition 10606
- chromosome pairing 10656
- chromosome substitution 10606
- population genetics 10653
- random amplified polymorphic DNA 10653
- sterility 10656
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 10606

Aegilops juvenalis, *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 1944

Aegilops kotschyi, *Secale cereale,* intergeneric hybridization 9413

Aegilops longissima
- *Erysiphe graminis*
  - random amplified polymorphic DNA 6144
  - restriction fragment length polymorphism 6144
- *Triticum durum,* intergeneric hybridization 5029

Aegilops markgrafii, *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 5034

Aegilops ovata
- aneuploidy 4968, 9448
- chromosome addition 9448
- copper, chromosome substitution 5017
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 2865, 4968, 5017, 5041, 9448, 9470

Aegilops speltoides
- chromosome pairing 3840
- isoenzymes, polymorphism 3899
- leaves 6154
- population genetics 3899
- *Puccinia recondita,* gene mapping 3880
- *Schizaphis graminum,* gene mapping 3880
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 3840, 3880

Aegilops tauschii
- *Agropyron cristatum*
  - *Hordeum chilense,* intergeneric hybridization 3798
  - intergeneric hybridization 10654

***Aegilops tauschii** cont.*
- amylose, techniques 1927
- chromosome pairing 10654
  - fluorescence *in situ* hybridization 3798
- *Cochliobolus sativus* 3884
- development 7424
- DNA libraries 11934
- domestication
  - nucleotide sequences 8578
  - polymerase chain reaction 8578
- *Erysiphe graminis*
  - genetics 11909
  - germplasm releases 11911
- evolution, restriction fragment length polymorphism 151
- gene mapping 1988, 11932
- genetics 1988
- genomes 8537, 8578
- glucan branching enzyme
  - gene mapping 3898
  - nucleotide sequences 3898
- glutenins
  - gene expression 3866
  - nucleotide sequences 3897, 8578
  - polymerase chain reaction 8578
- *Hordeum chilense,* intergeneric hybridization 8537
- *Mycosphaerella graminicola* 3884
- photosynthesis 7424
- phylogeny, nucleotide sequences 1002
- plant hairs, genetics 11851
- polyploidy 10654
- *Puccinia striiformis* 152
- quality, gene expression 3866
- random amplified polymorphic DNA 7423
- *Secale cereale,* intergeneric hybridization 8537
- somatic embryogenesis 8537
- sprouting 1989
- *Tilletia indica* 3884
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 4964, 7350, 11851, 11911
- *Triticum durum,* intergeneric hybridization 985, 3884, 11909

Aegilops triuncialis
- chromosome pairing 6097
- gamma radiation 6097
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 1944, 5034, 6097

Aegilops umbellulata
- DNA methylation, gene expression 7342
- ribosomal DNA, gene expression 7342

Aegilops variabilis
- chromosome pairing 7352
  - genetics 6100
- *Meloidogyne naasi,* chromosome addition 5049
- morphology 7352
- *Secale cereale,* intergeneric hybridization 9413
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 5049, 6100, 7352, 11839

Aegilops ventricosa
- chromosome addition 5051
- chromosome pairing 5051
- fluorescence *in situ* hybridization 11933
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 1950, 5051, 7350
- *Triticum durum,* intergeneric hybridization 3834, 4956

Aegle marmelos
- fruits 12706
- quality 12706

Aeneolamia varia
- *Brachiaria,* techniques 12301
- *Brachiaria brizantha* 12302

Aesculus
- chloroplast genetics, evolution 4661
- interspecific hybridization 8217
- pollination 8217
- ribosomal DNA, evolution 4661

Aesculus glabra
- genetic transformation 12880
- tissue culture 12880

Agapanthus africanus
- calcium 799
- pollen 799
- protein kinase 799

Agapanthus praecox, cultivars, Black Pantha 10360

Agaricus, breeding 7167

Agaricus bisporus
- cellulase, gene expression 2687
- colour, recombination 3650
- development
  - molecular genetics 4788
  - recombination 3650
- fructification, molecular genetics 4788
- genetic resources 849
- hydrophobins
  - gene expression 8391
  - nucleotide sequences 8391
- laccase, gene expression 2687
- mannitol dehydrogenase
  - gene expression 8402
  - nucleotide sequences 8402
- *Pseudomonas tolaasii,* recombination 3650
- random amplified polymorphic DNA 5919
- reproduction 3650
- sexual reproduction, genetics 851
- spores, genetics 851

Agaricus bitorquis, random amplified polymorphic DNA 5919

Agastache foeniculum, isoenzymes, genetics 838

Agastache rugosa
- development 10451
- seeds 10451

Agave amaniensis
- fibres 9120
- interspecific hybridization 9120

Agave angustifolia
- fibres 9120
- interspecific hybridization 9120
- isoenzymes, genetic variation 5793
- phylogeny 5793

Agave fourcroydes
- isoenzymes, genetic variation 5793
- phylogeny 5793

Agave vivipara, nomenclature 11451

Ageratum conyzoides
- β-glucuronidase
  - gene expression 4834
  - genetic transformation 4834

Agglutinins, *Ricinus communis,* artificial selection 8086

Aglaonema flemingianum, taxonomy 2664

Agonis flexuosa, cultivars, Forest Magic 7053

Agrobacterium
- crops, genetic transformation 9261
- *Gossypium* 12841

Agrobacterium rhizogenes
- *Artemisia annua,* genetic transformation 3633
- *Astragalus sinicus,* genetic transformation 1250
- *Beta vulgaris* (sugarbeet)
  - gene expression 5739
  - genetic transformation 5739
- *Cucumis sativus,* genetic transformation 7929
- genetic transformation 3706
- *Lithospermum erythrorhizon,* chorismate pyruvate-lyase 8266
- *Nicotiana glauca*
  - evolution 10215
  - gene expression 10215
- *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 2532, 10216
- *Osteospermum ecklonis,* genetic transformation 12912
- *Passiflora edulis,* genetic transformation 577
- *Paulownia elongata,* genetic transformation 11482
- *Pisum sativum* 371
- *Populus tremula,* genetic transformation 744
- *Rosa hybrida,* genetic transformation 781
- *Ulmus,* vegetative propagation 11479

Agrobacterium tumefaciens
- *Arabidopsis thaliana*
  - Cre recombinase 17
  - gene expression 11751
  - genetic transformation 37, 893, 2743, 11751

- ***Agrobacterium tumefaciens*** *cont.*
  - *Arabidopsis thaliana cont.*
    - genetics 2754
    - mutations 893
  - *Artemisia annua,* genetic transformation 3635
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - gene expression 5739
    - genetic transformation 5739
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers), genetic transformation 3214
  - *Camellia japonica,* genetic transformation 5842
  - crops, genetic transformation 878
  - genetic transformation, gene expression 1823
  - *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 711, 11406
  - *Lens culinaris* 5406
  - *Malus pumila*
    - gene expression 2333
    - genetic transformation 2333, 3266
  - *Musa,* genetic transformation 2394
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 2520
    - genetic transformation 2520, 3517
    - promoters 2520
  - *Paulownia elongata,* genetic transformation 11482
  - *Prunus* (plums) 8969
  - *Rosa* 10359
  - *Vitis riparia* 12677
  - *Withania somnifera,* genetic transformation 12952
- ***Agrobacterium vitis,*** *Vitis riparia* 12677
- ***Agrocybe,*** ribosomal RNA, nucleotide sequences 1789
- ***Agrocybe aegerita***
  - cytochrome-*c* oxidase
    - mitochondrial genetics 9224
    - nucleotide sequences 9224
  - fructification
    - gene expression 11634
    - nucleotide sequences 11634
  - mitochondrial genetics 7169
- ***Agropyron*** *(see also Elymus)*
  - genetic resources 3038
- ***Agropyron cristatum***
  - *Aegilops tauschii*
    - *Hordeum chilense,* intergeneric hybridization 3798
    - intergeneric hybridization 10654
  - chromosome pairing 10654
    - fluorescence *in situ* hybridization 3798
  - drought resistance, heritability 1222
  - polyploidy 10654
  - *Triticum aestivum*
    - chromosome translocation 3835
    - intergeneric hybridization 3835
- ***Agropyron desertorum,*** drought resistance, heritability 1222
- ***Agropyron tsukushiense,*** *Kengyilia mutica,* intergeneric hybridization 12293
- ***Agrostis***
  - inbreeding 12288
  - *Polypogon,* intergeneric hybridization 3040
  - seed production 12288
- ***Agrostis capillaris,*** cultivars 9732
- ***Agrostis stolonifera***
  - bilanafos, genetic transformation 311, 5238
  - cultivars 9732
  - herbicides, genetic transformation 311
  - phosphinothricin acetyltransferase, genetic transformation 311
- ***Aiphanes acanthophylla,*** chromosome morphology 10343
- ***Aiphanes caryotifolia,*** chromosome morphology 10343
- **Air pollution**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 11774
  - *Hordeum vulgare,* mutations 3920
  - *Nicotiana tabacum* 9105
    - gene expression 2535
  - *Picea abies,* gene expression 4677
  - *Populus* 9134-9135, 11473
    - gene expression 6999
  - *Populus canescens* 5806
- **Air pollution** *cont.*
  - *Populus interamericana* 4650
  - *Populus tremuloides* 11474-11475
  - *Prunus sargentii* 4422
  - *Trifolium repens* 6361
- ***Ajuga chamaepitys,*** essential oils 11620
- **Alachlor,** *Zea mays,* gene expression 12148
- **Alanine aminotransferase**
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 4031
    - genetic engineering 4031
    - nucleotide sequences 4031
    - promoters 4031
- **Alanine transaminase**
  - *Zea mays*
    - gene expression 2014
    - nucleotide sequences 2014
- ***Albizia julibrissin,*** embryo culture 4665
- ***Albizia lebbeck***
  - *in vitro* culture 756
  - salinity 756
- ***Albizia procera,*** tissue culture 11487
- ***Albugo candida***
  - *Brassica juncea* 10102, 11257
    - gene mapping 1555, 1557
    - genetic markers 1555
    - genetics 3435
    - random amplified polymorphic DNA 1557
  - *Brassica oleracea,* genetics 453
- **Albumins**
  - *Arabidopsis thaliana,* genetic transformation 9287
  - Brassicaceae
    - nucleotide sequences 5682
    - phylogeny 5682
  - grain legumes, genetic transformation 2160
  - *Lathyrus,* polymorphism 9773
  - *Lathyrus sativus,* genetic variation 327
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 4081
  - *Oryza sativa,* genetic transformation 4081
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 4081
- ***Alcea rosea***
  - flowers 8309
  - nectar 8309
  - pollination 8309
  - variety classification 1732
- ***Alchemilla***
  - morphology, multivariate analysis 5859
  - taxonomy, multivariate analysis 5859
- ***Alchemilla montenegrina,*** taxonomy 2671
- ***Alchemilla rubidula,*** taxonomy 2671
- ***Alchemilla vincekii,*** taxonomy 2671
- **Alcohol dehydrogenase**
  - *Arabidopsis,* molecular genetics 11748
  - *Arabidopsis thaliana*
    - molecular genetics 6012
    - mutations 2765, 9334
  - *Arabis,* molecular genetics 11748
  - *Echinochloa crus-galli*
    - genetics 1109
    - induced mutations 1109
  - *Gossypium,* nucleotide sequences 86, 12837
  - *Gossypium hirsutum,* nucleotide sequences 12834
  - *Leavenworthia,* evolution 12763
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 11104
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 3016
    - mutations 3016
  - *Paeonia,* nucleotide sequences 12924
  - Poaceae, nucleotide sequences 11822
  - *Solanum tuberosum,* gene expression 2234
  - *Sorghum bicolor*
    - nucleotide sequences 11814
    - transposable elements 11814
  - *Zea mays*
    - linkage 7495
    - molecular genetics 6012
    - nucleotide sequences 11814
    - transposable elements 11814
- **Aldehyde dehydrogenase**
  - *Oryza sativa,* nucleotide sequences 12180
  - *Vigna radiata,* nucleotide sequences 1319
- **Aldehyde dehydrogenase** *cont.*
  - *Zea mays,* mitochondrial genetics 8637
- **Aldehyde-lyases**
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 5467
    - genetic engineering 5467
- **Aldehyde oxidase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1836
    - nucleotide sequences 1836
  - *Nicotiana plumbaginifolia*
    - gene expression 4587
    - mutations 4587
- **Aldehyde reductase**
  - *Vigna radiata*
    - gene expression 2381
    - nucleotide sequences 2381
  - *Vitis vinifera,* genetic transformation 2381
- ***Aleurites fordii***
  - messenger RNA, nucleotide sequences 5721
  - stearoyl-CoA desaturase, nucleotide sequences 5720
- **Aleurone layer**
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 4032
    - genetic transformation 4032
- **Alfalfa mosaic alfamovirus**
  - *Allium cepa*
    - gene expression 12501
    - genetic transformation 12501
  - *Lycopersicon hirsutum,* genetics 11132
  - *Malus pumila*
    - gene expression 5570
    - genetic transformation 5570
    - plastocyanins
      - gene expression 5570
      - genetic transformation 5570
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 12501
    - genetic transformation 4595, 12501
  - *Pisum sativum,* genetic transformation 5394
- **Alfin,** *Medicago sativa,* nucleotide sequences 3053
- **Algae,** nomenclature, databases 10463
- **Alkaloids**
  - angiosperms 4926
  - *Atropa belladonna*
    - gene expression 10427
    - nucleotide sequences 10427
  - *Catharanthus roseus*
    - gene expression 10422
    - induced mutations 7141
  - *Lupinus angustifolius* 12331-12332
  - *Narcissus confusus,* tissue culture 7116
  - *Nicotiana tabacum,* germplasm releases 2534
  - *Papaver somniferum* 8363
    - gene expression 10426
    - nucleotide sequences 10426
  - *Peumus boldus* 9207
- **Alkanes,** *Lupinus,* chemotaxonomy 5266
- **Alkylresorcinols**
  - *Elymus,* heterosis 2011
  - triticale, heterosis 2011
  - *Triticum aestivum,* heterosis 2011
- **Alleles** (*see* Genetics)
- **Allelopathy,** *Oryza sativa* 6303
- **Allene oxide synthase**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 10527
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 10527
- **Allergens**
  - *Alnus sieboldiana*
    - gene expression 9139
    - nucleotide sequences 9139
  - *Arachis hypogaea,* nucleotide sequences 5709
  - genetic transformation, reviews 10496
  - *Helianthus annuus*
    - gene expression 633
    - nucleotide sequences 633
  - induced mutations, reviews 10496
  - *Nicotiana alata,* genetic transformation 10812
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 10812

- **Allergens** *cont.*
  - *Olea europaea*
    - gene expression 12751
    - nucleotide sequences 10163
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 10812
    - genetic engineering 10812
  - *Phleum pratense*
    - gene expression 8751
    - molecular genetics 12297
    - nucleotide sequences 8751
- **Alliin lyase**
  - *Allium cepa*
    - gene expression 11059
    - nucleotide sequences 11059
  - *Allium tuberosum*
    - gene expression 9928
    - genetic engineering 9928
    - nucleotide sequences 9928
- ***Allium***
  - chromosome morphology 3201
  - DNA, techniques 9931
  - DNA hybridization 2278
  - evolution
    - chloroplast genetics 8862
    - restriction fragment length polymorphism 8862
  - genomes, techniques 9931
  - phylogeny
    - chloroplast genetics 7845
    - nucleotide sequences 434, 6522
    - ribosomal DNA 434, 6522
  - random amplified polymorphic DNA 2278
  - ribulose-bisphosphate carboxylase
    - chloroplast genetics 9929
    - restriction fragment length polymorphism 9929
  - taxonomy
    - fluorescence *in situ* hybridization 9936
    - repetitive DNA 9936
- ***Allium altaicum***
  - genetic distance
    - random amplified polymorphic DNA 8863
    - restriction fragment length polymorphism 8863
- ***Allium ampeloprasum***
  - cytoplasmic male sterility
    - chloroplast genetics 9933
    - mitochondrial genetics 9933
- ***Allium archeotrichon,*** taxonomy 8864
- ***Allium ascalonicum***
  - anthocyanins 6520
  - breeding 428
  - chromosome aberrations 8858
  - pentachlorophenol 8858
  - pesticides 8858
- ***Allium brulloi,*** taxonomy 4327
- ***Allium cepa***
  - alfalfa mosaic alfamovirus
    - gene expression 12501
    - genetic transformation 12501
  - alliin lyase
    - gene expression 11059
    - nucleotide sequences 11059
  - aroma 1364
  - *Botrytis allii* 6523
  - breeding 1363, 6513
  - bulbs, techniques 6519
  - *Burkholderia gladioli* 6523
  - chitinase
    - gene expression 8229
    - genetic transformation 8229
  - chromosome aberrations 6049, 12495
  - chromosome addition 5492, 6517
  - chromosome banding 4324
  - chromosome transmission 6517
  - cultivars
    - Makomi 6515
    - Toyohira 4323
  - cytoplasm
    - genetic markers 9930
    - nucleotide sequences 9930
  - DNA 3202, 12495
  - DNA hybridization 5492
  - embryo culture 3210
  - fluorescence *in situ* hybridization 4324
  - β-fructofuranosidase
    - genetic engineering 430
- ***Allium cepa*** *cont.*
  - β-fructofuranosidase *cont.*
    - nucleotide sequences 430
  - *Fusarium oxysporum* 435, 6523
  - gene expression 7218
  - genetic distance, restriction fragment length polymorphism 5489
  - genetic markers 7218
    - reviews 12497
  - genetic resources 1363
  - haploidy 8857
  - hybrid varieties 3208
  - induced mutations 2788
  - interspecific hybridization 6517, 8861, 9932
  - lasers 2788
  - lead, cell division 11060
  - male sterility 3204, 3208, 9932
  - mitogen-activated protein kinase, gene expression 6516
  - ovule culture 9935
  - pathogenesis-related proteins
    - gene expression 8229
    - genetic transformation 8229
  - *Peronospora destructor* 6523
  - plant introduction 3206
  - quality 6521
  - ribulose-bisphosphate carboxylase
    - chloroplast genetics 9929
    - restriction fragment length polymorphism 9929
  - RNA polymerase, ultrastructure 7840
  - sister chromatid exchange, techniques 3203
  - somatic embryogenesis 3209
  - sucrose 1F-fructosyltransferase
    - genetic engineering 430
    - nucleotide sequences 430
  - sulfur 8861
  - tissue culture 433, 2280, 3208, 9935, 12499
  - toxic substances, cell division 11060
  - variety classification, techniques 6519
  - variety trials 3199, 3206, 9927
  - yield components 3206-3207
    - heritability 431
    - heterosis 3205
  - yield correlations 431
- ***Allium cyaneum***
  - fluorescence *in situ* hybridization 7841
  - polyploidy 7841
  - tissue culture 7841
- ***Allium fistulosum***
  - chromosome addition 5492, 6517
  - chromosome transmission 6517
  - DNA hybridization 5492
  - evolution
    - random amplified polymorphic DNA 8863
    - restriction fragment length polymorphism 8863
  - fertility, chromosome addition 8859
  - genetic distance
    - random amplified polymorphic DNA 8863
    - restriction fragment length polymorphism 8863
  - interspecific hybridization 6517, 12496
  - male sterility
    - backcrossing 12496
    - cytoplasmic inheritance 12496
  - ribulose-bisphosphate carboxylase
    - chloroplast genetics 9929
    - restriction fragment length polymorphism 9929
  - Welsh onion yellow stripe potyvirus 9937
- ***Allium galanthum***
  - interspecific hybridization 9932, 12496
  - male sterility 9932
    - backcrossing 12496
    - cytoplasmic inheritance 12496
- ***Allium grayi***
  - dormancy 6518
  - polyploidy 6518
- ***Allium nutans***
  - chromosome morphology, clonal variation 12494
  - polyploidy, clonal variation 12494
- ***Allium porrum***
  - breeding 4321
- ***Allium porrum*** *cont.*
  - cytoplasmic male sterility
    - chloroplast genetics 9933
    - mitochondrial genetics 9933
  - genetic resources 6514
  - interspecific hybridization 8861
  - *Puccinia allii* 7846
  - sulfur 8861
  - variety trials 429, 4322
- ***Allium sativum***
  - biotechnology 6069
  - chromosome morphology 5491
  - cultivars, INIFAT RM2 5488
  - essential oils 8860
  - fungi 8865
  - gamma radiation 5490
  - gene banks 12498
  - growth period, multivariate analysis 9934
  - height, induced mutations 5490
  - leek yellow stripe potyvirus 4328
  - morphology, multivariate analysis 9934
  - onion yellow dwarf potyvirus 4328
  - quality 6069
  - regenerative ability, tissue culture 5493
  - somaclonal variation, random amplified polymorphic DNA 4326
  - *Stemphylium vesicarium* 12500
  - tissue culture 2279, 4325, 7844
  - yield components, multivariate analysis 9934, 12498
- ***Allium tuberosum***
  - alliin lyase
    - gene expression 9928
    - genetic engineering 9928
    - nucleotide sequences 9928
  - cultivars, Chilgokbuchu 7839
  - ovule culture 7842
  - protoplast culture 7843
  - yield components 432
- ***Allium victorialis,*** random amplified polymorphic DNA 3200
- ***Allium wakegi,*** anthocyanins 6520
- ***Allium wallichii,*** ecotypes 3211
- ***Allocasuarina littoralis,*** cultivars, Matuka Silver 10337
- ***Allocasuarina verticillata***
  - genetic transformation 8213
  - genomes 9140
  - haemoglobin, genetic transformation 11489
  - nodulation, genetic transformation 11489
- **Alloploidy** (*see* Intergeneric hybridization; Interspecific hybridization; Polyploidy)
- ***Alnus acuminata***
  - isoenzymes, polymorphism 7009
  - population genetics 7009
- ***Alnus glutinosa***
  - biomass 7007
  - pollen germination 8216
- ***Alnus incana,*** pollen germination 8216
- ***Alnus rubra***
  - biomass 7007
  - isoenzymes, genetic variation 10307
- ***Alnus sieboldiana***
  - allergens
    - gene expression 9139
    - nucleotide sequences 9139
- ***Alnus subcordata,*** biomass 7007
- **Aloaceae,** DNA 2563
- ***Alocasia,*** taxonomy 5487
- ***Aloe***
  - plant composition 1652
  - taxonomy 1652
- ***Aloe pembana,*** taxonomy 728
- ***Alopecurus vaginatus,*** phylogeny, nucleotide sequences 3044
- ***Alstroemeria***
  - amplified fragment length polymorphism 7111
  - chromosome morphology 3612
  - chromosome number 3612
  - cultivars
    - Emily 10382
    - Little Moon 10380
    - Madeline 10381
    - Monica 10383
    - Ragna 10384
    - Sissi 10385
    - Stabelin 10381
    - Staprimil 10382
    - Staprimon 10383

- ***Alstroemeria*** *cont.*
  - cultivars *cont.*
    - Staprinag 10384
    - Staprisis 10385
    - Staprizsa 10386
    - Zsa Zsa 10386
  - embryo culture 10371
  - interspecific hybridization 5867, 11551
  - phylogeny, transposable elements 1748
  - polyploidy 5867
  - random amplified polymorphic DNA 796
  - taxonomy 11559
- ***Alstroemeria aurea***
  - chromosome pairing, fluorescence *in situ* hybridization 4746
  - defoliation 2645
  - interspecific hybridization 4746
  - pollen germination 2645
  - pollination 2645
- ***Alstroemeria inodora***
  - chromosome pairing, fluorescence *in situ* hybridization 4746
  - interspecific hybridization 4746
- ***Alternaria,*** *Brassica juncea,* induced mutations 10149
- ***Alternaria alternata***
  - *Lycopersicon esculentum* 2303
    - gene mapping 11130
    - recombination 11130
    - yeast artificial chromosomes 11130
  - *Medicago sativa,* genetic transformation 5255
  - *Nicotiana tabacum* 11386
  - *Pyrus pyrifolia*
    - induced mutations 12633
    - linkage 8941
    - random amplified polymorphic DNA 8941
- ***Alternaria brassicae,*** *Brassica juncea* 12728
- ***Alternaria brassicicola***
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1875, 2783-2785, 3763, 11778
    - genetic transformation 2784
    - promoters 2784
  - *Brassica nigra* 9040
  - *Brassica oleracea* 4336
  - *Brassica oleracea* (broccoli), backcrossing 9950
  - Brassicaceae 454, 9040
  - *Camelina sativa* 4336, 9040
  - *Sinapis alba,* backcrossing 9950
- ***Alternaria helianthi***
  - *Helianthus annuus* 11294
    - *in vitro* selection 640
- ***Alternaria radicina,*** *Daucus carota, in vitro* selection 417
- ***Alternaria solani***
  - *Lycopersicon esculentum* 2304
    - gene expression 12542
  - *Solanum nigrum, in vitro* selection 2673
  - *Solanum tuberosum* 2245
    - combining ability 7816
    - heterosis 7816
- ***Alternaria triticina,*** *Triticum aestivum* 11897
- **Alternative oxidase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 8133, 9378
    - genetic engineering 8133
  - *Glycine max*
    - gene expression 1274
    - nucleotide sequences 9792
  - molecular genetics 9257
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 698, 704, 8133
    - genetic transformation 698, 8133, 11375
- **Alternative splicing**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - computer programming 3735
    - gene expression 7225, 7228
    - genetic transformation 7225
    - nucleotide sequences 3735, 7225, 7228
  - *Lycopersicon esculentum,* phytochrome 3237
  - *Zea mays*
    - computer programming 3735
    - nucleotide sequences 3735
- **Altitude**
  - *Dactylis glomerata,* DNA 2137
- **Altitude** *cont.*
  - *Echinochloa crus-galli* 5152
  - *Echinochloa frumentacea* 5152
  - *Oryza sativa* 288, 6267
  - *Zea mays,* DNA 2030
- **Aluminium**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 10553
    - genetic engineering 8439, 10553
  - *Arachis hypogaea* 6872
  - genetic engineering 9252
  - *Nicotiana tabacum,* genetic engineering 8439
  - *Oryza sativa* 4061
    - genetics 9706
  - *Pennisetum glaucum,* artificial selection 9653
  - *Phaseolus vulgaris* 4208
  - reviews 3690
  - *Secale cereale*
    - artificial selection 6079
    - gene mapping 2010
    - random amplified polymorphic DNA 2010
  - *Sorghum bicolor,* germplasm releases 10758
  - triticale
    - epistasis 11978
    - heritability 11978
  - *Triticum aestivum* 144, 9506, 10635, 10637
    - artificial selection 6079
    - genetic engineering 8439
    - genetics 10630, 10636
  - *Zea mays* 1089, 2049
    - gene mapping 10720
- ***Amacrinum,*** *Nerine,* intergeneric hybridization 12930
- **α-Amanitin,** *Phaseolus coccineus,* gene expression 10964
- ***Amaranthus***
  - globulins 297
  - iron 1374-1375
  - leaves 1375
  - nutritive value 1374-1375, 3028
  - plant composition 10878
  - plant pigments 1373
  - quality 10878
  - seed production 6307
  - yield components, heritability 9725
  - yield correlations 5511
  - yields 5229
- ***Amaranthus cruentus***
  - chromosome pairing 9723
  - interspecific hybridization 9723
  - yield components, heritability 12272
- ***Amaranthus edulis***
  - glycine dehydrogenase (decarboxylating), mutations 5062
  - malate dehydrogenase, mutations 2129
  - phosphoenolpyruvate carboxylase, mutations 7881
  - photorespiration, mutations 5062
  - photosynthesis
    - induced mutations 7636
    - mutations 4084
- ***Amaranthus hybridus***
  - competitive ability 9959
  - genotype mixtures 9959
  - photosynthesis 10877
- ***Amaranthus hypochondriacus***
  - betaine-aldehyde dehydrogenase
    - gene expression 7635
    - nucleotide sequences 7635
  - proteins, nucleotide sequences 10876
- ***Amaranthus powellii***
  - chromosome pairing 9723
  - interspecific hybridization 9723
- ***Amaranthus retroflexus***
  - chromosome pairing 9723
  - interspecific hybridization 9723
  - *Triticum aestivum,* protoplast fusion 1957
- ***Amaranthus tricolor***
  - quality
    - combining ability 11089
    - heterosis 11089
  - yield components
    - combining ability 5510, 11089
    - heterosis 5510, 11089
- ***Amaryllis belladonna,*** *Nerine,* intergeneric hybridization 12930
- ***Amaryllis paradisicola,*** taxonomy 5873
- ***Amaryne,*** *Nerine,* intergeneric hybridization 12930
- ***Amblyopyrum***
  - biomass 3900
  - development 3900
  - photosynthesis 3900
- ***Amblyopyrum mutica,*** accessory chromosomes 11936
- ***Amelanchier arborea,*** isoenzymes, genetic variation 7948
- ***Amelanchier bartramiana***
  - random amplified polymorphic DNA 4407
  - sexual reproduction 4407
- ***Amelanchier laevis***
  - isoenzymes, genetic variation 7948
  - random amplified polymorphic DNA 4407
  - reproduction 4407
- **Amine oxidase (copper-containing)**
  - *Cicer arietinum*
    - gene expression 5291, 5412
    - nucleotide sequences 5412
  - *Glycine max,* gene expression 5291
- **Amines,** *Zea mays* 12112
- **Amino acids**
  - *Arabidopsis thaliana* 920
  - *Daucus carota* 2249
  - *Hippophae rhamnoides* 7995
  - *Hordeum vulgare* 5077
  - *Nicotiana tabacum* 2249
  - *Olea europaea* 1569
  - *Oryza sativa* 4079
  - *Pinus massoniana* 11500
  - Poaceae, phylogeny 7298
  - *Prunus dulcis* 1539, 6764
  - *Zea mays* 6216
- **1-Aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase**
  - *Cucumis melo,* genetic transformation 8898
  - *Dendrobium crumenatum,* nucleotide sequences 7123
  - *Torenia fournieri,* genetic transformation 9168
- **1-Aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase**
  - *Actinidia deliciosa,* gene expression 12681
  - *Brassica oleracea* (broccoli)
    - gene expression 7851, 9940
    - genetic transformation 7851, 9940
  - *Capsicum annuum,* gene expression 11153
  - *Cicer arietinum*
    - gene expression 4225
    - nucleotide sequences 4225
  - crops
    - gene expression 1921
    - genetic engineering 1921
  - *Cucumis melo*
    - gene expression 3256
    - genetic transformation 3256
  - *Cucumis sativus*
    - gene expression 512
    - nucleotide sequences 512
  - *Dianthus caryophyllus,* gene expression 12917
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 473, 4348
    - genetic engineering 7851
    - genetic transformation 473
  - *Malus pumila,* restriction fragment length polymorphism 6630
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 11374
    - genetic transformation 11374
  - *Prunus armeniaca*
    - gene expression 11190
    - nucleotide sequences 11190
  - *Prunus persica,* nucleotide sequences 4436
  - *Torenia fournieri*
    - gene expression 1733
    - genetic transformation 1733
  - *Trifolium repens*
    - gene expression 8756
    - nucleotide sequences 8756

1-Aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
  Actinidia deliciosa, gene expression 10058, 12681
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 927, 3753, 9337
    nucleotide sequences 927, 3753
  crops
    gene expression 1921
    genetic engineering 1921
  Cucumis melo, nucleotide sequences 12589
  Cucumis sativus
    gene expression 512, 10003
    nucleotide sequences 512
  Cucurbita maxima
    gene expression 2321
    nucleotide sequences 2321
  Dianthus caryophyllus, gene expression 10368
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 486, 4348
    genetic transformation 478
    nucleotide sequences 486
  Malus pumila
    gene mapping 6635
    restriction fragment length polymorphism 6630
  Musa, nucleotide sequences 9007
  Nicotiana tabacum
    gene expression 9875
    genetic transformation 9875
  Pisum sativum
    gene expression 3111
    nucleotide sequences 3111
  Vigna radiata
    nucleotide sequences 9875
    promoters 9875
1-Aminocyclopropane-1-carboxylic acid, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 7237
Aminophosphotransferase, *Zea mays,* DNA hybridization 11991
Ammonium, *Arabidopsis thaliana,* gene expression 9369
Ammonium transporter, *Arabidopsis thaliana,* gene expression 11772
Amorphophallus, pollen 1362
Amorphophallus albus, interspecific hybridization 3189
Amorphophallus corrugatus, interspecific hybridization 3189
Amorphophallus rivieri
  cultivars, Myougiyutaka 8856
  flowering 3189
  interspecific hybridization 3189
Amphicarpaea edgeworthii
  growth period 5452
  leaves 5451
  seed production 5451
  seeds 5452
Amphitetranychus viennensis, *Malus pumila* 4402
Amplified fragment length polymorphism 7213
  Alstroemeria 7111
  Asparagus officinalis 2290
  Azadirachta indica 12958
  Beta 9071
  Beta vulgaris (sugarbeet) 9071
    beet necrotic yellow vein furovirus 9075
  Caladium bicolor 12939
  Caladium schomburgkii 12939
  Carya illinoinensis, somatic embryogenesis 10097
  Castanea crenata 3394
  Castanea mollissima 3394
  Citrus aurantium 3360
  Citrus latipes 3360
  Citrus limon, variety classification 11231
  Cynodon, variety classification 8748
  Daucus carota, carotenes 1347
  Dioscorea tokoro 6508
  Eragrostis 12290
  Eragrostis pilosa 7667
  Eragrostis tef 7667, 12290
  Erianthus 6894
  Glycine max 4174
    Bradyrhizobium 5321
    Phialophora gregata 4197

Amplified fragment length polymorphism *cont.*
  Glycine soja 4174
  Helianthus annuus 6847
  Helianthus petiolaris 6847
  Hordeum vulgare 154, 8535, 8600, 9549
    Erysiphe graminis 175, 6178
    yield components 11942
  Ipomoea batatas, techniques 9914
  Lentinula edodes 5918
  Leymus arenarius, taxonomy 6332
  Leymus mollis, taxonomy 6332
  Limonium dufourii 8306
  Linum usitatissimum (linseed), *Fusarium oxysporum* 727
  Lycopersicon esculentum 12525
  Lycopersicon pennellii 12525
  Mangifera indica 11239
  Manihot esculenta 7825
    variety classification 9912
    Xanthomonas axonopodis 8847
  Moringa oleifera 6881
  Musa 7997
    somaclonal variation 5630
  Olea 11311
    taxonomy 6867
  Olea europaea 11311
    taxonomy 6867
  Orchidaceae 7122
  Oryza, phylogeny 9700
  Oryza rufipogon 10810
    domestication 4054
  Oryza sativa 252, 2963, 10810, 10819
    cytoplasmic male sterility 1142
    domestication 4054
  Pelargonium peltatum 10341
  Persoonia mollis 7061, 7063
  Phleum pratense 8732
  Pinus edulis 1686
  Pinus radiata 8228
  Pinus sylvestris 7018
  Pinus taeda 10318
  Populus deltoides 11470
  Prunus persica 6690
    Meloidogyne 12662
  Quercus petraea 739
  reviews 2731
  Rubus idaeus, recombination 3295
  Saccharum 6894
  Salix 9137
  Sorghum bicolor 3998
  Theobroma cacao, variety classification 4565, 8119
  Trifolium pratense 8732
  Triticum aestivum 112-113, 6085, 8535, 9436
    Erysiphe graminis 8588
    Gibberella zeae 9523
  Vigna angularis 6463
  Zea mays 8633, 11993
    gene mapping 12003
    techniques 11988
Amygdalin, *Prunus armeniaca* 1435
Amygdalus (*see Prunus*)
Amylases
  Avena byzantina, linkage 177
  Avena fatua
    DNA footprinting 2002
    gene expression 2002
    linkage 177
  Avena sativa, linkage 177
  Avena sterilis, linkage 177
  Festuca pratensis, polymorphism 7654
  Hordeum spontaneum 1997
  Hordeum vulgare 1040, 1997, 6103
  Ipomoea batatas 11056
  Lolium multiflorum, polymorphism 7654
  Lolium perenne, polymorphism 7654
  Medicago sativa, gene expression 3049
  Oryza sativa
    gene expression 2988, 7589
    mutations 4045
  Secale cereale 6103
  triticale 6103
  Triticum aestivum 6103
    genetics 983
  Vicia unijuga, genetics 7686
Amylopectin
  Hordeum vulgare 10666
  Triticum aestivum 6136

Amyloplasts, *Nicotiana tabacum,* gene expression 6939
Amylose
  Aegilops tauschii, techniques 1927
  Hordeum vulgare 10666
  Ipomoea batatas 8849
  Oryza sativa 4052
    gene expression 1168, 5211, 12186
    genetics 5213
    mutations 5211
    nucleotide sequences 12186
  Secale cereale, techniques 1927
  Triticum, techniques 1927
  Triticum aestivum 6136
    chromosome substitution 8571
    epistasis 11867
    genetics 135, 991, 996
    genotype environment interaction 991
    induced mutations 135
    microsatellites 9491
    pleiotropy 8571
    polymerase chain reaction 10604
    polymorphism 10604
  Zea mays 2045, 12096
    germplasm releases 10714
    induced mutations 9612
Anacardium occidentale
  breeding 3401-3402, 11251
    conferences 3657
  colour, genetics 3413
  crop density 12711
  cultivars, Amrutha 11252
  fruits 3414, 5661
    genetics 3413
  genetic resources 3400-3401
  Glomerella cingulata 2439
  habit, artificial selection 3408
  height, artificial selection 3408
  Helopeltis 3420
  irrigation 12711
  Oidium anacardii 3400, 3418
    techniques 3419
  outcrossing 3413
  random amplified polymorphic DNA 3404
  seeds 3414
  somatic embryogenesis 6775
  tissue culture 4500
  variety trials, statistics 3403
  yield components 5661
    multivariate analysis 12710
Ananas comosus
  breeding 5648, 6750
  Gibberella fujikuroi 8017
  tissue culture 8017
Anastrepha fraterculus, *Prunus persica* 8985
Anatomy
  Aegilops 3901
  Camellia sinensis 10207
  Casuarina 12881
  Deschampsia 7670
  Oryza sativa 5134
  Paspalum 2143
  Scilla 11558
  Triticum aestivum 6104
Ancymidol, *Cichorium intybus* 3233
Androcymbium, chromosome number 10390
Androecium
  Arabidopsis thaliana, mutations 4866
  Borago officinalis 5896
  Heliotropium europaeum 5896
  Hydrangeaceae 940
  Oryza sativa 6272
  Tradescantia, induced mutations 4918
Andrographis paniculata, random amplified polymorphic DNA 8356
Andropogon gerardii, cultivars, Sunnyview 7665
Androsace villosa, taxonomy 8319
Anemone biflora, taxonomy 1741
Anemone patens, pollination 5852
Anemone pseudoaltaica, taxonomy 12934
Anemone pulsatilla, pollination 5852
Aneuploidy 939
  Aegilops ovata 4968, 9448
  Cenchrus ciliaris 6336
  Datura stramonium 11587
  Elymus elongatus 4976
  Gossypium hirsutum 10247
  Lens culinaris 9850

- **Aneuploidy** *cont.*
  - *Manihot esculenta* 6499
  - *Medicago sativa* 8754
  - *Oryza sativa* 5176-5177
  - *Secale cereale* 7461
    - *Triticum aestivum*, yield components 9584
  - *Setaria italica* 6244
  - triticale 11976
  - *Triticum aestivum* 4968, 4970, 4976, 5928, 7461, 9448
    - flowering 4990
- ***Angelica acutiloba***
  - random amplified polymorphic DNA 8380
  - tissue culture 8380
- **Angiosperms**
  - adenosinetriphosphatase, nucleotide sequences 1909
  - alkaloids 4926
  - anthers 3779
  - chemotaxonomy 4926
  - chromosome number 9387
  - chromosomes 1899
  - cytochrome-*c* oxidase
    - evolution 2798
    - mitochondrial genetics 2798
  - cytology, evolution 3785
  - DNA 1899, 2700
    - evolution 1910
    - reviews 1900
  - evolution 85, 3779, 4923
    - genetics 4924
    - nucleotide sequences 1907, 1909
  - flowering 1744
  - flowers
    - evolution 7262
    - molecular genetics 7262
  - homeotic genes 11788
  - *in vitro* fertilization, reviews 7286
  - mitochondrial genetics 8451
  - morphology 1744
  - nectar 4920
  - phylogeny 1744, 11788, 11790
    - nucleotide sequences 3784
  - phytochrome, genetics 4924
  - reproduction, genetics 9390
  - ribulose-bisphosphate carboxylase, nucleotide sequences 1909
  - sex 7284
  - sexual reproduction, evolution 2790
  - taxonomy 3789
    - books 11658
- ***Angophora***
  - chemotaxonomy 11464
  - essential oils 11464
- ***Anguina tritici,*** *Triticum aestivum* 1986
- ***Anigozanthos rufus,*** cultivars, Kings Park Federation Flame 7089
- ***Anigozanthos viridis,*** cultivars, Green Dragon 4724
- ***Anisogramma anomala***
  - *Corylus* 2437
  - *Corylus avellana* 2437
- **Annexins**
  - *Arabidopsis thaliana*, nucleotide sequences 8457
  - *Gossypium hirsutum*
    - gene expression 6960
    - nucleotide sequences 6960
  - *Medicago truncatula*, molecular genetics 1235
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 4580
    - nucleotide sequences 4580
- ***Annona pygmaea,*** nomenclature 10087
- ***Annona warmingiana,*** nomenclature 10087
- **Annual habit,** *Carum carvi* 7151
- ***Anoectochilus***
  - random amplified polymorphic DNA 9203
  - toxic substances 9203
- ***Anoplophora chinensis,*** *Casuarina* 2585, 12881
- **Anoxia**
  - *Oryza sativa* 8714
  - *Zea mays* 218, 2014
- **Anther culture** 1906
  - *Arachis* 10171
  - *Asparagus officinalis* 7874, 7876, 12523
  - *Avena sativa* 2003, 5082, 6185
- **Anther culture** *cont.*
  - *Avena sterilis* 2003, 5082, 6185
  - *Brassica carinata* 6819
  - *Brassica napus* 6817
  - *Brassica napus* (rape) 6788
  - *Brassica oleracea* 6533
  - *Brassica oleracea* (broccoli) 12508
    - polyploidy 11071
  - *Brassica oleracea* (cabbages) 11070
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers) 12508
  - *Capsicum annuum* 2311, 9988, 12564
  - *Cyclamen persicum* 2650
  - *Cyclamen purpurascens* 2650
  - *Dactylis glomerata* 10879
  - *Dianthus caryophyllus* 10372, 11537
  - *Eragrostis tef* 10896
  - *Festuca arundinacea* 1217, 5233
  - *Fragaria ananassa* 12670
  - *Gossypium hirsutum*, genetics 10257
  - *Hevea brasiliensis* 10275
  - *Hordeum vulgare* 5058, 9567, 10664, 11948
  - *Linum usitatissimum* (flax) 1649
    - genetic markers 3554
    - random amplified polymorphic DNA 3554
  - *Linum usitatissimum* (linseed) 3436
  - *Lolium multiflorum* 1217, 5233
  - *Lolium perenne* 10879
  - *Lycopersicon esculentum* 482, 7896, 12533
  - *Malus pumila* 6644
  - *Musa* 2403
  - *Oryza* 1179
    - desiccation 3004
  - *Oryza sativa* 278, 1181, 2998, 3011, 4017, 5204, 5207-5209, 7598, 7600-7601, 7603, 8704, 9692, 10844, 10846, 12218
    - gene mapping 277
    - restriction fragment length polymorphism 277
  - *Secale cereale* 2900
  - *Solanum acaule* 3159, 6475
  - *Solanum tuberosum* 5471, 6475
  - *Sorghum bicolor* 2057
    - combining ability 12155
  - *Triticum aestivum* 122, 974, 2848, 5005, 7374, 9446, 9456, 9481, 10620, 11864
    - chromosome aberrations 990
    - combining ability 3854
  - *Triticum durum* 4972
  - *Vitis latifolia*
    - mixoploidy 6714
    - somatic embryogenesis 6714
  - *Zea mays* 209, 1077, 3975-3976, 6216, 9625, 12086, 12093
  - *Ziziphus jujuba* 6761
- ***Antheraea proylei,*** *Citrus maxima*, genetic transformation 12695
- **Anthers**
  - angiosperms 3779
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 9288
    - genetic transformation 9288
  - books 8421
  - *Brassica campestris*, molecular genetics 6790
  - *Brassica napus* (rape) 8042
  - *Brassica pekinensis*, gene expression 9942
  - *Crataegus nelsonii* 1430
  - *Crataegus pubescens* 1430
  - *Lilium longiflorum*
    - gene expression 10397
    - genetic engineering 10397
  - monocotyledons 3778
  - *Nicotiana benthamiana*
    - gene expression 3524
    - genetic transformation 3524
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 10397
    - genetic transformation 10397
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 4029
    - nucleotide sequences 4029
  - *Prunus armeniaca* 11188
  - *Prunus dulcis* 11188
  - *Prunus persica* 11188
  - *Vigna* 3134
- **Anthesis** (*see* Flowering)
- **Anthocyanidin synthase,** *Perilla frutescens*, nucleotide sequences 4545
- **Anthocyanins**
  - *Allium ascalonicum* 6520
  - *Allium wakegi* 6520
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 11760, 11765
    - mutations 11764
    - nucleotide sequences 11764-11765
  - *Eustoma grandiflorum*
    - gene expression 4684
    - genetic transformation 4684
    - genetics 4732
  - *Gentiana triflora*
    - gene expression 2632
    - nucleotide sequences 2632
  - *Hibiscus* 3590
  - *Ipomoea batatas* 6504
  - *Lilium* 11562
  - *Lilium longiflorum* 11562
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 5529
    - mutations 5529
  - *Malus pumila*
    - gene expression 523
    - genetics 7940
  - nucleotide sequences 11800
  - *Nymphaea marliacea* 1766
  - *Ocimum basilicum* 1781
  - *Pelargonium*
    - gene expression 4684
    - genetic transformation 4684
  - *Petunia* 8326
    - genetic transformation 4743
  - *Petunia hybrida*, gene expression 4744
  - *Raphanus sativus* 4319
  - *Rheum* 7880
  - *Rubus idaeus* 7973
  - *Saccharum officinarum* 671
  - *Sarracenia*, genetics 4759
  - *Solanum elaeagnifolium* 10432
  - *Solanum melongena* 11146
  - *Solanum tuberosum* 1331
  - *Triticum aestivum*
    - gene expression 10611
    - genetic transformation 10611
  - *Zea mays*
    - gene expression 203, 1065, 3969, 5092
    - genetics 12069
    - mutations 3969
    - transposable elements 5092
- ***Anthonomus grandis***
  - *Gossypium* 12855
  - *Gossypium hirsutum* 726, 11431, 12851
- ***Anthoxanthum maderense,*** taxonomy 5240
- ***Anthoxanthum odoratum***
  - chromosome morphology 5240
  - photosynthesis 1227
  - polyploidy 5240
  - shade 1227
- ***Anthurium***
  - chromosome number 12897
  - tissue culture 4734
  - *Xanthomonas campestris* 12925
- ***Anthurium andraeanum***
  - plant embryos 4730
  - *Ralstonia solanacearum* 2638
- ***Anthyllis,*** taxonomy 3067
- **Antibiotics**
  - *Brassica campestris* 6794
  - *Brassica napus* (rape) 6794
- **Antibodies**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - actin 10517
    - gene expression 4847
    - genetic transformation 4847
    - pollen 10517
  - crops, gene expression 9273
  - genetic transformation 3697
  - *Medicago sativa*, genetic transformation 9748
  - *Nicotiana benthamiana*
    - genetic engineering 3514
    - genetic transformation 3514, 12798
  - *Nicotiana tabacum*, genetic transformation 3522, 11387, 12826
  - *Petunia hybrida*, genetic transformation 10377

Antifreeze proteins
  Arabidopsis thaliana, genetic transformation 11049
  Daucus carota
    gene expression 413, 11049
    genetic engineering 413
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 413
Antifungal proteins
  Gastrodia elata, nucleotide sequences 10439
  genetic transformation 3699
  Musa
    gene expression 2408
    genetic transformation 2408
  Phytolacca americana, nucleotide sequences 1777
Antigens, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 12801
Antiprotozoal properties, *Sesbania sesban* 10943
Antirrhinum majus
  benzyladenine 8321
  development 8321
    gene expression 11546
    genetics 8530
    mutations 11546
  DNA binding proteins 4740
  flowering 8321
  flowers 8309
    evolution 1746
    gene expression 11546
    mutations 11546
  glycogen (starch) synthase, gene expression 10375
  growth regulators 8321
  guanosinetriphosphatase
    gene expression 1745
    nucleotide sequences 1745
  lodging, artificial selection 9186-9188
  morphology, genetics 8530
  nectar 8309
  plant embryos
    gene expression 1745
    nucleotide sequences 1745
  pollination 8309
  tissue culture 11547
  transcription factors, genetic engineering 11811
  transposable elements
    molecular genetics 793
    nucleotide sequences 4741
Antirrhinum microphyllum, cryopreservation, techniques 10376
Antisense DNA
  Arabidopsis thaliana, small nuclear RNA 2760
  Oryza sativa
    gene expression 2977
    genetic transformation 2977
Antisense RNA
  Lycopersicon esculentum, cryptochrome 9968
  Solanum tuberosum
    drought resistance 12454
    senescence, mannose-1-phosphate guanylyltransferase (GDP), nucleotide sequences 12445
    sucrose-phosphate synthase 12454
Antitrogus consanguineus, *Saccharum,* genetic transformation 8107
Antiviral proteins
  Phytolacca americana
    gene expression 1776
    genetic engineering 1776, 3535
Aphanomyces cochlioides
  Beta 9074
  Beta vulgaris (sugarbeet), germplasm releases 12785
Aphanomyces euteiches, *Pisum sativum* 5388, 12400
Aphidoidea
  Gossypium 10268
  Solanum tuberosum 8844
Aphis craccivora
  Phaseolus vulgaris 12391
  Vicia faba 10961
Aphis frangulae, *Solanum tuberosum* 8842
Aphis gossypii
  Gossypium arboreum 11438
  Gossypium hirsutum 11438
Apidae, *Helianthus annuus* 5691
Apiocarpella *(see also Ascochyta)*
Apios americana, nutritive value 3194
Apis mellifera, *Brassica napus* (rape), genetic transformation 8055
Apium graveolens
  boron 92
  breeding 5507
  genetic resources 5507
  heat resistance 3228
  nutrients 92
  variety trials 459
Apomixis 3786-3788, 7283
  artificial selection 2793
  Brachiaria decumbens 7669
  Cenchrus ciliaris
    genetic markers 12166
    restriction fragment length polymorphism 12166
  Coffea arabica 12789
  Coffea canephora 12789
  Dichanthium annulatum, somaclonal variation 8750
  genetics 9391
  Gossypium barbadense, gene expression 712
  Juglans regia 8032
  Limonium 4736
  Manihot esculenta 6499
  molecular genetics 2792
    reviews 7288
  Oryza sativa, artificial selection 10822
  Panicum maximum
    gene expression 8675
    nucleotide sequences 8675
  Paspalum rufum 4118
  Pennisetum 4014
  Pennisetum glaucum 10770
    artificial selection 1105
  Pennisetum squamulatum 10769
    genetic markers 12166
    restriction fragment length polymorphism 12166
  Pentaschistis 10895
  Poa pratensis 1946
    gene mapping 2136
    genetics 2136
  Poaceae 12276
  Sorghum bicolor 10743
  Sorghum subglabrescens 10743
  Tripsacum 7479, 12013
    gene expression 7476
  Tripsacum andersonii 224
  Triticum aestivum 1946
  Zea mays 7479, 12013
    gene expression 7476
Apoptosis
  Nicotiana tabacum
    gene expression 8156, 11373
    genetic transformation 11373
  Triticum aestivum, gene expression 7358
Apricot chlorotic leaf roll phytoplasma
  Prunus cerasifera 12651
  Prunus salicina 12651
Aprotinin
  Zea mays
    gene expression 12094
    genetic transformation 12094
APS reductase
  Brassica juncea
    gene expression 8045
    nucleotide sequences 8045
Apuleia leiocarpa, chromosome number 6373
Apyrase
  Mimosa pudica
    genetic engineering 10303
    nucleotide sequences 10303
  Pisum sativum
    genetic engineering 9847
    genetic transformation 9847
Aquaporin
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 2762, 10545
    nucleotide sequences 2762, 10545
    reviews 10542
  Brassica oleracea (cauliflowers), gene expression 12510
  Helianthus annuus
    gene expression 10153
    nucleotide sequences 10153
Aquaporin *cont.*
  Nicotiana tabacum
    gene expression 11378
    nucleotide sequences 11378
  Raphanus sativus
    gene expression 425
    nucleotide sequences 425
Aquilegia caerulea
  flowers 1729
  outcrossing 1729
Aquilegia canadensis, outcrossing 9172
Arabidopsis
  alcohol dehydrogenase, molecular genetics 11748
  cytoplasmic inheritance 8463
  development
    gene expression 8466
    mutations 8474
  flowering, mutations 8473
  light, mutations 4886
  photosynthesis, mutations 4886
  plant hairs
    development 8467
    gene expression 8467-8468
Arabidopsis lyrata
  flowering
    evolution 11771
    nucleotide sequences 11771
Arabidopsis suecica, ribosomal DNA, gene expression 2739
Arabidopsis thaliana
  abscisic acid 920, 2780
    gene expression 46, 54, 3758, 4880, 6021, 8487
    genetic engineering 46
    molecular genetics 913
    mutations 48, 54, 913, 920, 1846, 2776, 4880-4881
    nucleotide sequences 7223
  ACC, gene expression 68
  acid phosphatase
    gene location 1855
    mutations 1855
    nucleotide sequences 9298
  actin 1917
    antibodies 10517
    gene expression 10517
  acyl carrier protein, gene expression 18
  acyl-CoA binding proteins, nucleotide sequences 1840
  adenosine 5′-phosphosulfate reductase, gene expression 10549
  adenosinetriphosphatase
    gene expression 16, 6030, 9305, 10520
    nucleotide sequences 16, 9305, 9312, 10500, 10520, 11727
  adenosylhomocysteinase, nucleotide sequences 11746
  adenylsulfate kinase
    gene expression 6017
    nucleotide sequences 6017
  adenylylsulfate reductase, gene expression 7259
  Agrobacterium tumefaciens
    gene expression 11751
    genetic transformation 37, 893, 2743, 11751
    mutations 893
  air pollution, gene expression 11774
  albumins, genetic transformation 9287
  alcohol dehydrogenase
    molecular genetics 6012
    mutations 2765, 9334
  aldehyde oxidase
    gene expression 1836
    nucleotide sequences 1836
  allene oxide synthase, gene expression 10527
  Alternaria brassicicola
    gene expression 1875, 2783-2785, 3763, 11778
    genetic transformation 2784
    promoters 2784
  alternative oxidase
    gene expression 8133, 9378
    genetic engineering 8133
  alternative splicing
    computer programming 3735
    gene expression 7225, 7228
    genetic transformation 7225

Arabidopsis thaliana *cont.*
  alternative splicing *cont.*
    nucleotide sequences 3735, 7225, 7228
  aluminium
    gene expression 10553
    genetic engineering 8439, 10553
  amino acids 920
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
    gene expression 927, 3753, 9337
    nucleotide sequences 927, 3753
  1-aminocyclopropane-1-carboxylic acid, nucleotide sequences 7237
  ammonium, gene expression 9369
  ammonium transporter, gene expression 11772
  androecium, mutations 4866
  annexins, nucleotide sequences 8457
  anthers
    gene expression 9288
    genetic transformation 9288
  anthocyanins
    gene expression 11760, 11765
    mutations 11764
    nucleotide sequences 11764-11765
  antibodies
    gene expression 4847
    genetic transformation 4847
  antifreeze proteins, genetic transformation 11049
  aquaporin
    gene expression 2762, 10545
    nucleotide sequences 2762, 10545
    reviews 10542
  arabinose kinase
    gene expression 7233
    genetic transformation 7233
    nucleotide sequences 7233, 7236
  arcelins, genetic transformation 12377
  ascorbate peroxidase, gene expression 2747
  ascorbic acid 2767
    mutations 6009
  asparagine-tRNA ligase
    gene expression 1835
    nucleotide sequences 1835
  aspartate-ammonia ligase
    gene expression 1830
    nucleotide sequences 1830
  aspartic proteinases, gene expression 4893
  ATP sulfurylase, gene expression 8036
  ATP synthase, mutations 8491
  auxins
    gene expression 2766, 3741, 7261, 9351
    genetic engineering 91
    genetics 9359
    mutations 1866, 2528, 3741, 6015, 10541
    nucleotide sequences 2766, 11752
  Bacillus thuringiensis
    gene expression 683
    genetic transformation 683
  beet curly top hybrigeminivirus 8507
  betaine, genetic transformation 1872
  binding proteins
    gene expression 2766, 6042, 7246, 8458, 9291, 9351
    nucleotide sequences 889, 2766, 3724, 8458, 9291
  biotin-(propionyl-CoA-carboxylase (ATP-hydrolysing)) ligase, nucleotide sequences 9300
  Botrytis cinerea
    gene expression 2783-2784, 3763, 11778
    genetic transformation 2784
    promoters 2784
  Brassica napus (rape), protoplast fusion 4502
  Brassica oleracea (cabbages), protoplast fusion 11069
  brassinosteroids
    gene mapping 8483
    molecular genetics 1920, 4934
    mutations 903, 1920, 4884, 4934, 6018, 8483, 8498, 10532, 10534
    reviews 10534
  cadmium 9372

Arabidopsis thaliana *cont.*
  calcium
    gene expression 4898, 10552-10553
    genetic engineering 10553
    genetic transformation 10552
    molecular genetics 2779
  calcium binding proteins, gene expression 11258
  calmodulin, gene expression 1838
  camalexin, gene expression 11778
  carbohydrates, mutations 906
  carbon 898
  Cardaminopsis arenosa, intergeneric hybridization 2739
  catalase
    gene expression 2761
    nucleotide sequences 1834
  CDP-diacylglycerol-inositol 3-phosphatidyltransferase
    gene expression 11722
    gene mapping 11722
    nucleotide sequences 11722
  CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase
    gene expression 6092
    genetic transformation 6092
  cell division 36, 9381
    gene expression 911, 2769
    mutations 911-912, 4861
    nucleotide sequences 2769
  cell walls
    artificial selection 1918
    nucleotide sequences 7236
  cells, mutations 51
  cellulase
    gene expression 51
    mutations 51
    nucleotide sequences 51
  cellulose synthase
    gene mapping 9345
    mutations 9345
  centromeres 3723
  chalcone isomerase, mutations 9375
  chaperones
    mitochondrial genetics 8128
    nucleotide sequences 8128
  chaperonins
    gene expression 10506
    nucleotide sequences 10506
  chlorophyll *a/b* binding protein
    gene expression 2775
    molecular genetics 9325
    mutations 2775
  chloroplasts 35
    gene expression 8458, 8478, 11760
    gene mapping 10524
    genetic transformation 924
    mutations 43, 924, 3745, 3747, 6028
    nucleotide sequences 3724, 8458
  choline oxidase
    gene expression 9361
    genetic transformation 8500, 9361
  chromosome elimination 4502
  chromosome morphology, reviews 4851
  chromosome translocation 9290
  chromosomes, induced mutations 8464
  circadian rhythm
    mutations 9352
    nucleotide sequences 4856
    promoters 4856
    reviews 9355
  citrate synthase, genetic engineering 11046
  cold, gene expression 9374
  cold resistance 8501, 9376
    gene expression 1873, 3761, 9373, 10552
      reviews 11775
    gene mapping 4902
    genetic transformation 8500, 10552
    mutations 3761
    nucleotide sequences 1873, 4907, 9373
  colour
    induced mutations 898
    mutations 9339
  copper
    gene expression 20
    nucleotide sequences 20
  Cre recombinase
    Agrobacterium tumefaciens 17

Arabidopsis thaliana *cont.*
  Cre recombinase *cont.*
    gene expression 17
    genetic transformation 17
  cryptochrome
    gene expression 11768-11769
    genetics 6022
    molecular genetics 7249
    mutations 926
    protoplasts 34
  cucumber mosaic cucumovirus, mutations 1880
  cyclins, gene expression 10526
  cyclophilin
    gene expression 4892, 10505
    genetic transformation 10505
    nucleotide sequences 4892
  cytidine deaminase
    gene expression 11723
    gene mapping 11723
    nucleotide sequences 11723
  cytochrome-b_5 reductase
    gene expression 3729
    molecular genetics 5107
    nucleotide sequences 3729
  cytochrome P-450
    gene expression 4911, 11757
    genetic transformation 11721, 11757
    mutations 2745
    nucleotide sequences 11721
    polymerase chain reaction 2745
  cytochromes
    gene expression 11767
    mutations 7240
    nucleotide sequences 3441, 7240
  cytokinins
    gene expression 9328
    genetic transformation 9328
    mutations 1853, 4861
  cytosine deaminase
    genetic transformation 3731
    recombination 3731
  D-1-deoxyxylulose-5-phosphate synthase, mutations 8482
  defensins
    gene expression 1875, 2784, 4908
    genetic transformation 2784
    promoters 2784
  development 8499
    gene expression 47, 58, 66, 916, 1831, 1850, 1862, 1865, 2777, 3739, 3741, 3743, 4888, 6006, 6011, 6026, 9318, 9337, 9344, 9347, 10536, 10546-10548, 11757, 11761, 11774
      mutations 3748
    genetic markers 4865
    genetic transformation 894, 6011, 11757
    genetics 907, 2768, 4890, 8530, 9364
    induced mutations 4865
    molecular genetics 4889
    mutations 66, 894, 907-908, 925, 1848, 1862, 2757, 2774, 3741, 3743, 4888, 7219, 7242, 9318, 9344, 10546, 11762
    nucleotide sequences 47, 1831, 4889, 6006, 7219, 9292, 9347, 11761
    space flight 11759
  dihydrodipicolinate synthase
    gene expression 7227
    genetic engineering 7227
    nucleotide sequences 7227
    promoters 7227
  diphosphomevalonate decarboxylase
    genetic engineering 7232
    nucleotide sequences 7232
  diphtheria
    gene expression 44
    genetic transformation 44
  diseases
    genetics 4909
    molecular genetics 11777
    mutations 4909
    nucleotide sequences 7221
  DNA 4899
    genetics 4859
    mutations 4859
  DNA binding proteins
    gene expression 45, 1827, 1865, 2744, 9296, 9304, 10521

Arabidopsis thaliana* *cont.
DNA binding proteins *cont.*
  genetic engineering 10515
  genetic transformation 8459, 9296, 10521
  molecular genetics 11747
  nucleotide sequences 886, 1827, 1865, 1876-1877, 2744, 8459, 11750, 11752
  promoters 9304
DNA helicase
  gene expression 8454
  nucleotide sequences 8454
DNA methylation 7229, 10509
DNA methyltransferase, polymorphism 1833
DNA repair 2780, 4900
drought resistance 8501
  gene mapping 4905
ecotypes 3752
endo-1,3(4)-β-glucanase
  gene expression 3738
  nucleotide sequences 3738
endoplasmic reticulum, gene expression 2763
endosperm 7252
  gene expression 6006
  mutations 6007
  nucleotide sequences 6006
enoyl-(acyl-carrier protein) reductase (NADH)
  gene expression 9302
  genetic engineering 9302
  nucleotide sequences 9302
epidermis
  gene expression 911
  mutations 911, 11754
epoxy-carotenoid dioxygenase
  gene expression 2740
  nucleotide sequences 2740
Erysiphe cichoracearum 8506
Erysiphe orontii
  gene expression 1879
  mutations 1879
esters, gene expression 3751
ethyl methanesulfonate 909, 4864-4865, 4885, 7257, 7266, 9356, 10538
ethylene
  gene expression 52-53, 68, 1859, 8496, 9357, 10523
  genetic engineering 12917
  molecular genetics 2298
  mutations 50, 53, 1853, 1859, 2785, 6015, 9333
ethylene receptor, molecular genetics 9326
extensin, molecular genetics 7248
farnesyl-diphosphate farnesyltransferase, mutations 48
fatty acid desaturases, gene expression 8487
fatty acid hydroperoxide lyase
  gene expression 10502
  nucleotide sequences 10502
fatty acid hydroxylases
  gene expression 63
  nucleotide sequences 63
fatty acids
  gene expression 1867, 9346
  genetic transformation 921
  mutations 921
ferric-chelate reductase
  gene expression 6038
  genetic transformation 6038
  nucleotide sequences 6038
fertilization, mutations 6007
ferulate-5-hydroxylase, gene expression 3751
flagellin, genetics 8504
flavonoids
  gene expression 9353, 10508
  nucleotide sequences 10508
flowering
  epistasis 3750
  gene expression 60, 918, 3750, 3755, 6027, 9318, 9340, 9349
    mutations 3748
  genetic engineering 7999
  genetics 904, 917, 2768
  heritability 3746
  induced mutations 7266

Arabidopsis thaliana* *cont.
flowering *cont.*
  molecular genetics 4863
  mutations 1847, 9318, 9340, 10531, 11762
  population genetics 4863
  restriction fragment length polymorphism 3746
flowers
  gene expression 40-41, 44, 3738, 4876, 4882, 7220, 10536, 10547-10548
  genetic engineering 7220
  genetic transformation 40-41, 44
  genetics 9364
  molecular genetics 9330, 9350
  mutations 912, 10533
  nucleotide sequences 3738, 4876, 4882, 7231, 10533
  reviews 9350
fluorescence, mutations 1869
fluorescence *in situ* hybridization 890
formate-tetrahydrofolate ligase, nucleotide sequences 11741
β-fructofuranosidase, gene expression 3742
fucose, mutations 9335
fucosyltransferase
  gene expression 9324
  genetic engineering 9324
fungicides, mutations 1878
Fusarium oxysporum, gene expression 3763
fusicoccin, artificial selection 7268
G proteins
  gene expression 4217, 9303
    reviews 10535
  nucleotide sequences 4217, 9301, 9303
galactolipid diacylglycerol, mutations 8486
galactose kinase, nucleotide sequences 7233
galactosyltransferase, nucleotide sequences 9329
gamma radiation 8464
gastroenteritis coronavirus
  gene expression 2749
  genetic transformation 2749
gene expression 26, 7218, 7229, 8453, 9293, 9332, 10512, 11733, 11753, 11756
  genetics 4859
  induced mutations 32
  mutations 4859
gene mapping 27, 441, 890, 1829, 2443, 4852, 7238, 9270, 10503, 10511, 11724, 11731-11732
  databases 3728
  techniques 11736
genetic engineering 10513, 10814
genetic markers 888, 7218
genetic transformation 2753, 5173, 7234, 9293, 10512, 11756
  techniques 887
genetics
  Agrobacterium tumefaciens 2754
  genetic transformation 2754
genomes 26
germin-like proteins, nucleotide sequences 11742
germination
  gene expression 2772
  induced mutations 909
  molecular genetics 9315
  mutations 9334
germins, nucleotide sequences 2742
gibberellic acid, molecular genetics 2764
gibberellins
  development 1854
  gene expression 1854, 2772-2773, 4887, 9348, 11770
  genetic engineering 10587
  genetic transformation 1854, 2773, 4887, 9348
  genetics 9405
  molecular genetics 914
  mutations 914, 6031, 10521, 11770
  nucleotide sequences 10587
glucanases
  gene expression 4876

Arabidopsis thaliana* *cont.
glucanases *cont.*
  nucleotide sequences 4876
glucose, mutations 50, 57
glucose-1-phosphate adenylyltransferase
  gene expression 2741, 10507
  nucleotide sequences 6002, 10507
glucosinolates, mutations 9380
β-glucuronidase
  gene expression 1841
  genetic transformation 899, 1841
glutamate-cysteine ligase
  gene expression 64, 885
  genetic transformation 885
  nucleotide sequences 885
glutamate decarboxylase
  gene expression 23
  nucleotide sequences 23
glutamate dehydrogenase, polymorphism 3744
glutamate receptors, nucleotide sequences 895
glutamate synthase, mutations 1856
glutamate-tRNA ligase, nucleotide sequences 1837
glutamyl-tRNA reductase, gene expression 10555
glutathione, gene expression 65
glutathione γ-glutamylcysteinyltransferase
  gene expression 9372, 10551
  nucleotide sequences 9372, 10551
glutathione synthase, nucleotide sequences 11744
glutathione transferase
  gene expression 4898, 7241
  genetic transformation 7241
  induced mutations 7241
  nucleotide sequences 6003
glycans, mutations 9335
glycoproteins
  gene expression 33, 58
  genetic transformation 33
glycosyltransferases
  gene expression 33
  genetic transformation 33
green fluorescent protein
  gene expression 25, 1841, 2763, 5966, 9294, 10552-10553
  genetic engineering 10553
  genetic transformation 25, 1841, 5966, 9294, 10552
  techniques 25
growth regulators 2780
  gene expression 30, 2773, 3741, 3758, 4880, 4887, 7261, 9348, 9357, 11766
  genetic engineering 91
  genetic transformation 2773, 4887, 9348
  genetics 9359, 9405
  molecular genetics 913-914, 922-923, 4934
  mutations 50, 57, 913-914, 922-923, 1846, 1866, 2776, 2785, 3741, 4880-4881, 4934, 6015, 6031, 8498, 9333, 9380, 10541, 11766
  translocation 9338
gynoecium
  genetics 10518
  mutations 2757
haem oxygenase
  mutations 6024
  nucleotide sequences 9320
haloalkane dehalogenase
  gene expression 9307
  genetic markers 9307
  genetic transformation 9307
heat resistance
  gene expression 8502
  genetic transformation 1872, 8502
heat shock proteins
  gene expression 4901, 4903, 8502, 9328
  genetic transformation 8502, 9328
  nucleotide sequences 4903
heavy metals
  gene expression 65
  random amplified polymorphic DNA 8503
height
  genetic engineering 10587

***Arabidopsis thaliana* cont.**

- height *cont.*
  - genetic transformation 4586
  - genetics 4586
  - mutations 8498
  - nucleotide sequences 10587
- herbicides
  - gene expression 10555
  - mutations 3765
- *Heterodera schachtii* 9381
- hexokinase
  - gene expression 12532
  - genetic engineering 12532
- histidine, gene expression 3730
- histidine kinase, gene expression 8496
- histidinol dehydrogenase, gene expression 10540
- histones
  - gene expression 4217
  - nucleotide sequences 4217
- homeoboxes
  - gene expression 9328
  - genetic transformation 9328
- homeotic genes
  - gene expression 40-41, 3580, 7220
  - genetic engineering 7220
  - genetic transformation 40-41, 3580
  - molecular genetics 9330
- hydrolases, gene expression 6025
- hydroperoxide dehydratase, nucleotide sequences 11739
- hydroperoxide lyase
  - gene expression 22
  - genetic engineering 22
  - nucleotide sequences 22
- hydroxymethylglutaryl-CoA reductase, genetic engineering 1911
- 4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase
  - gene expression 21
  - gene mapping 21
  - genetic engineering 6004
  - genetic transformation 21
  - nucleotide sequences 21
- hydroxypyruvate reductase, genetic transformation 4383
- hygromycin-B kinase
  - genetic transformation 3731
  - recombination 3731
- IAA
  - gene expression 56, 59, 2758, 6025, 11766
  - mutations 56, 59, 9380, 11766
  - nucleotide sequences 2758
  - translocation 9338
- immunophilins, gene expression 45
- indoleacetamide hydrolase
  - gene expression 9338
  - genetic transformation 9338
- inflorescences
  - gene expression 4895, 7244, 8493
  - mutations 7244, 8493
  - nucleotide sequences 8493
- injuries
  - gene expression 22, 10502
  - genetic engineering 22
  - nucleotide sequences 22, 10502
- ion transport
  - gene expression 6013, 11758
  - nucleotide sequences 7247
- isoenzymes
  - gene expression 4854
  - genetic engineering 4854
  - polymorphism 3744
- isovaleryl-CoA dehydrogenase
  - genetic engineering 9365
  - nucleotide sequences 9365
- jasmonic acid
  - gene expression 68
  - molecular genetics 922-923
  - mutations 69, 922-923
- kaurene oxidase
  - gene expression 49
  - gene mapping 49
- 3-ketoacyl-CoA synthase, nucleotide sequences 3725
- kinase-associated protein phosphatase
  - gene expression 19
  - genetic transformation 19
- kinases
  - gene expression 3727, 3730
  - nucleotide sequences 3727

***Arabidopsis thaliana* cont.**

- leaves
  - gene expression 8493
  - genetics 10538
  - induced mutations 4885, 10538
  - mutations 8493
  - nucleotide sequences 8493
- lethals, mutations 1844
- light 8499
  - gene expression 38, 916, 1865, 3739, 6011, 6029, 8478-8479, 8481, 9310, 9327, 9347, 9361, 11768-11769
  - genetic transformation 6011, 8479, 9327, 9361, 10981
  - mutations 38, 925, 9310, 9331
  - nucleotide sequences 38, 6029, 9347
  - protoplasts 34
- lignin, mutations 7253
- lipid transfer proteins, gene expression 4860
- lipids 35
  - mutations 8486
- lipoic acid synthase, nucleotide sequences 2746
- lupeol synthase
  - gene expression 8470
  - nucleotide sequences 8470
- malate dehydrogenase
  - gene expression 3749
  - nucleotide sequences 3749
- male sterility
  - induced mutations 4864
  - mutations 7242, 9316
  - nucleotide sequences 4864
- manganese, nucleotide sequences 889
- meiosis
  - gene expression 6005
  - genetic transformation 901
  - nucleotide sequences 901, 6005
- *Meloidogyne incognita* 9381
  - gene expression 1881
  - nucleotide sequences 1881
- membrane proteins
  - gene expression 2758
  - nucleotide sequences 2758
- meristems
  - gene expression 10546
  - genetics 8494
  - mutations 10546
- metallothionein
  - gene expression 910, 1874
  - genetic transformation 1874
- metals, gene expression 9370
- methionine adenosyltransferase
  - gene expression 10425
  - genetic transformation 10425
- methionyl-tRNA synthetase
  - chloroplast genetics 4855
  - gene expression 4855
  - nucleotide sequences 4855
- methyl jasmonate
  - gene expression 2784
  - genetic transformation 2784
  - mutations 2785
  - promoters 2784
- methyltetrahydropteroyltriglutamate-homocysteine S-methyltransferase, nucleotide sequences 11730
- methyltransferases
  - gene expression 892
  - genetic engineering 892
- microsatellites 5997
- microtubules
  - genetic transformation 9314
  - nucleotide sequences 10504
- mitochondrial genetics 8461
- molecular genetics 27, 2750, 3734, 4850, 11734, 11753
- morphology
  - gene expression 1867
  - genetics 8530
- mutagens 898, 909, 4864-4865, 4885, 7257, 7266, 9356, 10538
- mutations 9290
- *Myzus persicae*, techniques 1882
- NAA
  - gene expression 3754
  - nucleotide sequences 3754
- NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase
  - gene expression 188, 4900

***Arabidopsis thaliana* cont.**

- NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase *cont.*
  - nucleotide sequences 188
- NADPH oxidoreductase
  - gene expression 1826
  - nucleotide sequences 1826
- naringenin-chalcone synthase
  - gene expression 2771
  - genetic transformation 3731
  - recombination 3731
- nicotianamine synthase, gene expression 9371
- nitrate reductase, gene expression 1856, 9321, 9367
- nitrate transporters
  - gene expression 2759
  - gene tagging 2759
  - nucleotide sequences 2759, 6000
- nitrates
  - gene expression 4878, 4896, 9368
  - nucleotide sequences 4896
- nitrilase
  - gene expression 1858
  - genetic transformation 1858
- nitrite reductase
  - gene expression 2524, 8143
  - genetic transformation 2524, 8143
- nitrogen
  - gene expression 1871, 9369
  - genetic transformation 1871
  - nucleotide sequences 1871
- nodulation
  - gene expression 4177
  - genetic transformation 4177
- norflurazon, gene expression 10555
- nucleotide diphosphate kinase
  - gene expression 10540
  - nucleotide sequences 10540
- nucleotide sequences 5998, 9295, 10511
  - databases 3728
  - reviews 4851
- nutrients 8475
  - gene expression 1871, 4896, 6039, 7259, 9368-9369, 10550
  - genetic transformation 1871
  - nucleotide sequences 1871, 4896, 6039
- organelles, gene expression 9313
- oryzacystatin
  - gene expression 11781
  - genetic transformation 11781
- ovules 10519
  - genetics 8465
  - mutations 3737
- oxidation, gene expression 4900
- oxidative stress, genetic engineering 10715
- oxidoreductases
  - mutations 11776
  - nucleotide sequences 3745, 3747
- oxophytodienoic acid reductase
  - gene expression 7222
  - nucleotide sequences 7222
- oxygenases
  - genetic transformation 921
  - mutations 921
- ozone
  - gene expression 927, 4898, 11774
  - nucleotide sequences 927
- paraquat, mutations 3765
- pathogenesis-related proteins
  - gene expression 1828, 2783, 2785, 3763, 4874, 4908, 9360, 9377, 11778
  - mutations 4908
  - nucleotide sequences 1877, 3634, 9360
- pectinesterase
  - gene expression 8472
  - gene mapping 8472
  - nucleotide sequences 8472
- *Peronospora parasitica*
  - gene expression 2783, 3763, 4874, 10554
  - gene mapping 11780
  - genetics 70
  - mutations 67, 1878, 10554
  - nucleotide sequences 67, 1876-1877, 10554
- peroxidases
  - gene expression 10501

Arabidopsis thaliana *cont.*
- peroxidases *cont.*
  - genetic transformation 6034
  - nucleotide sequences 10501
- peroxiredoxin
  - gene expression 8489
  - genetic transformation 8489
- peroxisomes, nucleotide sequences 6014, 9341
- phenotypic variation 3752
- phenylalanine ammonia-lyase, gene expression 2771
- phenylpropanoids
  - gene expression 905
  - induced mutations 905
- phosphate transporters, nucleotide sequences 10583
- phosphates 8475, 10529
- phosphatidylcholine desaturase
  - genetic transformation 921
  - mutations 921
- phosphatidylglycerol 10529
- phosphatidylinositol-transfer protein, nucleotide sequences 9299
- phosphoglycerate dehydrogenase
  - gene expression 4870
  - nucleotide sequences 4870
- phospholipase D
  - gene expression 6033
  - nucleotide sequences 9308
- phospholipid-hydroperoxide glutathione peroxidase
  - gene expression 24
  - nucleotide sequences 24
- phosphoprotein phosphatase
  - molecular genetics 6016, 8471
  - nucleotide sequences 1842
- phosphoproteins
  - gene expression 7225
  - genetic transformation 7225
  - nucleotide sequences 7225
- phosphoribosyl-AMP cyclohydrolase, nucleotide sequences 884
- phosphoribosyl-ATP pyrophosphatase, nucleotide sequences 884
- phosphoric monoester hydrolases, nucleotide sequences 4869
- phosphorus, gene expression 3759, 3792
- phosphorylation
  - gene expression 4879
  - nucleotide sequences 4879
- phosphoserine aminotransferase
  - gene expression 1832
  - nucleotide sequences 1832
- phosphoserine phosphatase
  - gene expression 8485
  - nucleotide sequences 8485
- phosphotransferases
  - gene expression 11725
  - nucleotide sequences 11725
- photoperiodism 6023
  - gene expression 918
- photoreceptors, genetic engineering 1860
- photorespiration, mutations 9336
- photosynthesis
  - gene expression 1851, 8479-8480, 8484, 9361, 9546, 12532
  - genetic transformation 4894, 8479, 8484, 9361
  - induced mutations 7257
  - molecular genetics 7249
  - mutations 10544
  - nucleotide sequences 39, 889
- phylogeny, microsatellites 28
- phytochrome
  - gene expression 29, 38, 55, 915, 5191, 6008, 6029, 7260, 8460, 8497, 8821, 9327, 9343, 11749, 11770
  - genetic engineering 8460
  - genetic transformation 5191, 9327
  - genetics 907
  - molecular genetics 1857
  - mutations 29, 38, 55, 907-908, 915, 926, 1852, 1857, 6008, 6019, 6024, 7260, 11770
  - nucleotide sequences 38, 6029, 9320
  - protoplasts 34
- phytosterols
  - gene expression 61
  - mutations 61

Arabidopsis thaliana *cont.*
- plant composition 919
- plant embryos
  - gene expression 3726, 5285, 9322, 9362, 10546
  - genetic engineering 3726
  - genetic transformation 894
  - genetics 2756, 8465
  - maternal effects 2755-2756
  - molecular genetics 9315
  - mutations 894, 10546
  - nucleotide sequences 3726, 5285, 9322, 9362
- plant hairs
  - gene expression 2770, 7251, 11765
  - genetic transformation 11811
  - induced mutations 898, 8469
  - mutations 2770
  - nucleotide sequences 11765
- *Plasmodiophora brassicae,* mutations 9380
- pleckstrin
  - gene expression 9311
  - nucleotide sequences 9311
- pollen 7243
  - antibodies 10517
  - gene expression 900, 3736, 10517
  - genetic markers 4865
  - genetic transformation 900
  - induced mutations 4865
  - mutations 37, 7242
  - nucleotide sequences 3736
- pollen germination 1917
  - gene expression 11755
- polyamines
  - gene expression 10425
  - genetic transformation 10425
- polygalacturonase, genetic engineering 6010
- polyhydroxyalkanoates, genetic transformation 896
- polymerase chain reaction 888
- polyploidy, gene expression 4862
- potassium
  - gene expression 11758
  - genetic engineering 7245
- proline
  - artificial selection 9356
  - induced mutations 9356
  - reviews 4906
- proline dehydrogenase
  - gene expression 3757
  - genetic transformation 3757
- promoters
  - gene expression 9404
  - genetic engineering 9404
- proteasomes, nucleotide sequences 7239
- protein kinase
  - evolution 8455
  - gene expression 3732, 6020, 6026, 6041, 7255, 8505, 9306, 10516, 10530
  - gene mapping 8455
  - genetic engineering 1860, 9306
  - genetic transformation 6020, 9289
  - nucleotide sequences 3732-3733, 4856, 8455, 9306, 10516, 10530
  - promoters 4856
  - restriction fragment length polymorphism 3733
- protein-tyrosine phosphatase
  - gene expression 5285
  - nucleotide sequences 5285
- proteinase inhibitors
  - gene expression 46, 3537
  - genetic engineering 46
  - genetic transformation 3537
- proteinases
  - gene expression 8462, 9319, 10520
  - nucleotide sequences 10520
- proteins
  - gene expression 2752, 4868, 6032, 7235, 9313, 9343, 10539
  - genetic transformation 924, 6034
  - mutations 924, 1849
  - nucleotide sequences 2752, 4853, 4868, 4871, 4875, 5999, 7235, 8456, 10510, 11729, 11738, 11740, 11745
- protochlorophyllide reductase, gene expression 8481

Arabidopsis thaliana *cont.*
- protoplasts 1869
  - gene expression 25
  - genetic transformation 25
  - techniques 25
- protoporphyrinogen oxidase
  - gene expression 4874
  - genetic engineering 4874
- *Pseudomonas,* genetics 70, 11779
- *Pseudomonas fluorescens,* gene expression 68
- *Pseudomonas syringae* 7266-7267
  - evolution 4912
  - gene expression 68, 4911, 8505, 9379
  - genetics 8052
  - mutations 67, 3762, 9379
  - nucleotide sequences 67
- pyrroline-5-carboxylate synthetase, genetic transformation 9317
- pyruvate dehydrogenase
  - gene expression 9363
  - nucleotide sequences 9363, 11743
- *Pythium irregulare,* mutations 69
- quantitative genetics 1843
- quantitative traits, statistics 7264
- radionuclides, genetic transformation 899
- receptor kinases
  - gene expression 19, 9323
  - nucleotide sequences 7226, 9323
- recombination 899, 5173
  - induced mutations 11735
- repetitive DNA, nucleotide sequences 3723
- reporter genes
  - gene expression 1841
  - genetic transformation 1841
- respiration
  - mutations 7240
  - nucleotide sequences 7240
- Retroviridae, nucleotide sequences 11801
- ribonucleases, gene expression 3759
- ribosomal DNA, gene expression 2739
- ribosomal proteins
  - gene expression 3756
  - nucleotide sequences 3756
- ribulose-bisphosphate carboxylase
  - genetic engineering 12816
  - promoters 12816
- RNA
  - gene expression 11726
  - genetic transformation 11726
- RNA helicase
  - gene expression 16, 2748
  - nucleotide sequences 16, 2748
- RNA polymerase
  - chloroplast genetics 14
  - gene expression 14, 4857-4858
  - genetic engineering 4857
  - genetic transformation 14, 4857
  - nucleotide sequences 4858
  - promoters 14
- rooting capacity 1864
- roots
  - gene expression 1881, 3754, 9321, 9404
  - genetic engineering 9404
  - genetic transformation 9404
  - molecular genetics 4891
  - mutations 1848, 2528, 6015
  - nucleotide sequences 1881, 3754
- salicylic acid
  - gene expression 68, 2784, 4908, 9377
  - genetic transformation 2784
  - promoters 2784
- salinity 2780
  - gene expression 4904, 6041, 7194
  - genetic transformation 7194, 8500, 11773
  - molecular genetics 2779, 3760
  - mutations 11776
- seed production, mutations 4881
- seedlings, gene expression 58, 9353
- seeds
  - gene expression 47, 1850, 2772, 4893, 9354, 10539
  - molecular genetics 4889
  - mutations 906, 1849, 9339
  - nucleotide sequences 47, 4889, 9354
- self incompatibility, nucleotide sequences 7231

- ***Arabidopsis thaliana*** *cont.*
  - senescence
    - gene expression 1874, 9360, 10520, 12532
    - genetic engineering 12917
    - genetic transformation 1874
    - nucleotide sequences 9360, 10520
  - serine acetyltransferase
    - gene expression 4854
    - genetic engineering 4854
  - serine proteinases
    - gene expression 3754
    - nucleotide sequences 3754
  - serine/threonine specific protein phosphatase, nucleotide sequences 11737
  - sexual reproduction, mutations 11754
  - shade, mutations 7254
  - signal recognition particle, gene expression 10525
  - small nuclear RNA
    - antisense DNA 2760
    - gene expression 31
  - somatic embryogenesis
    - mutations 1868
    - tissue culture 6037
  - source sink relations 6036
  - spermine, induced mutations 909
  - sphingolipid desaturase, nucleotide sequences 3441
  - splicing factors
    - gene expression 7228
    - nucleotide sequences 7228
  - *Spodoptera littoralis,* genetic engineering 3537
  - squalene monooxygenase
    - gene expression 8037
    - nucleotide sequences 8037
  - starch, mutations 62, 1847, 11759
  - sterility, mutations 1844, 1861
  - sterol-C5(6)-desaturase
    - genetic transformation 7230
    - nucleotide sequences 7230
  - sterol isomerase, nucleotide sequences 1839
  - sterols
    - gene expression 892
    - genetic engineering 892
  - stomata, mutations 1846
  - stress 920
    - gene expression 64-66, 2752, 2778, 3756, 3758, 4897, 4900, 6040, 8505
    - genetic transformation 4897
    - mutations 66
    - nucleotide sequences 2752, 3756, 7265
    - reviews 4906
  - succinate dehydrogenase, mitochondrial genetics 4883
  - *O*-succinylhomoserine (thiol)-lyase
    - gene expression 15
    - nucleotide sequences 15, 9309
  - sucrose
    - gene expression 8476
    - mutations 57, 2774
  - sucrose-phosphate synthase
    - gene expression 7258
    - genetic transformation 42, 7258
  - sucrose synthase 8501
  - sugar transport proteins
    - gene expression 3736
    - nucleotide sequences 3736
  - sugars, gene expression 7250, 7256, 8477
  - sulfate adenylyltransferase
    - gene expression 4510, 10549
    - genetic engineering 4510
  - sulfite reductase
    - gene expression 7224
    - genetic transformation 7224
  - superoxide dismutase
    - gene expression 928
    - genetic engineering 10715
    - nucleotide sequences 10514
  - surface proteins 7267
    - gene expression 1845, 11755
    - nucleotide sequences 1845
  - syntaxin
    - gene expression 10528
    - nucleotide sequences 10528
  - techniques
    - genetic transformation 9297
- ***Arabidopsis thaliana*** *cont.*
  - techniques *cont.*
    - molecular genetics 9297
  - temperature 8475
    - gene expression 40-41, 8487
    - genetic transformation 40-41
  - thioesterase
    - gene expression 4867
    - genetic transformation 4867
  - thionins
    - gene expression 4849
    - genetic transformation 4849
  - threonine synthase, nucleotide sequences 11728
  - thylakoids, gene expression 8462, 10525
  - tobacco etch potyvirus, mutations 4913
  - tocopherols
    - gene expression 1870, 9366
    - genetic transformation 1870, 9366
    - nucleotide sequences 1870
  - toxic substances 9372
    - gene expression 44
    - genetic transformation 44
    - random amplified polymorphic DNA 8503
  - toxins
    - gene expression 683
    - genetic transformation 683
  - transcription factors
    - gene expression 1865, 8476, 9304, 10522
    - genetic engineering 10587, 11811
    - genetic transformation 11811
    - molecular genetics 1825
    - nucleotide sequences 1865, 10587
    - promoters 9304
  - translocation
    - gene expression 3792
    - mutations 43
  - transposable elements 897
    - genetic transformation 905
    - nucleotide sequences 7221
    - polymerase chain reaction 891
  - trehalose, reviews 10543
  - trichomes
    - gene expression 10537
    - molecular genetics 9342
    - mutations 9342
  - tropisms
    - gene expression 1845, 1863, 2758, 4877, 6035
    - genetic engineering 1860
    - genetics 9358
    - mutations 1845, 1863, 3740, 4877, 6035, 8495, 9358, 11763
    - nucleotide sequences 1845, 2758
    - space flight 11759
  - tryptophan, mutations 1848
  - turnip crinkle carmovirus, mutations 1880
  - turnip vein-clearing virus, mutations 3764
  - ubiquitin, gene expression 4873
  - ultrastructure, genetic transformation 9314
  - ultraviolet radiation 4899, 9375
    - gene expression 10540
  - uracil phosphoribosyltransferase, nucleotide sequences 6001
  - urease, nucleotide sequences 4872
  - variegation, mutations 3745, 3747
  - vascular system, induced mutations 8492
  - vernalization
    - gene expression 6027, 9349
    - genetics 917
  - violaxanthin deepoxidase
    - gene expression 2513, 8490
    - mutations 8488, 8490
    - nucleotide sequences 2513
  - volatile compounds
    - gene expression 6040
    - mutations 2765
  - waxes 919
    - gene expression 9346
    - genetic transformation 902
  - *Xanthomonas campestris*
    - gene expression 4910
    - genetic transformation 2782
    - linkage 2782
    - nucleotide sequences 4910
- ***Arabidopsis thaliana*** *cont.*
  - *Xanthomonas campestris cont.*
    - restriction fragment length polymorphism 2782
  - zeaxanthin epoxidase
    - gene expression 8490
    - mutations 8490
  - zein, genetic transformation 1078
  - zinc
    - gene expression 6039
    - nucleotide sequences 6039
  - zinc finger, molecular genetics 4848
- **Arabinose kinase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 7233
    - genetic transformation 7233
    - nucleotide sequences 7233, 7236
- **Arabinoxylans**
  - *Triticum aestivum*
    - gene mapping 1964
    - heritability 11877
- ***Arabis,*** alcohol dehydrogenase, molecular genetics 11748
- **Araceae**
  - breeding, conferences 3656
  - pollen 3191
  - taxonomy, conferences 3656
- **Arachidonic acid**
  - *Capsicum annuum,* gene expression 11153
  - *Pennisetum glaucum* 8679
- **Arachins,** *Arachis hypogaea,* polymorphism 8081
- ***Arachis***
  - anther culture 10171
  - DNA hybridization, phylogeny 3471
  - evolution
    - fluorescence *in situ* hybridization 6871
    - ribosomal DNA 6871
  - interspecific hybridization 3462, 11333
  - *Meloidogyne* 12755
  - *Meloidogyne javanica* 12755
  - phylogeny
    - random amplified polymorphic DNA 1574
    - restriction fragment length polymorphism 1574
  - polyploidy 3462
  - tissue culture 11333
- ***Arachis cardenasii,*** interspecific hybridization 6868
- ***Arachis hypogaea***
  - allergens, nucleotide sequences 5709
  - aluminium 6872
  - arachins, polymorphism 8081
  - artificial selection 10167
  - *Botryodiplodia theobromae* 4541
  - breeding 8075
    - conferences 3660, 10469
  - *Caryedon serratus* 12756
  - chlorophyll, mutations 3466
  - colour, genetics 5711
  - *Corticium rolfsii* 4538, 9053
    - artificial selection 12754
  - cultivars
    - ALR2 4539
    - BRS151 Amendoim L7 3460
    - Daecheongtangkong 8077
    - Georgia Bold 2476
    - Jeokwangtangkong 644
    - Kadiri-4 3459
    - Lu Hua-15 8079
    - Palkwangttangkong 8078
    - R8808 3461
    - Shinkwangtangkong 8076
    - Tamrun-96 4538
    - VG9514 6868
    - Yu Hua-9 4537
  - development, heritability 2477
  - *Diabrotica undecimpunctata,* germplasm releases 4542
  - diseases 6873
  - DNA hybridization, phylogeny 3471
  - dormancy 9049
    - genetics 6869
  - drought resistance 9052
    - genetic markers 5713
    - *in vitro* selection 8082-8083
  - ethyl methanesulfonate 3470, 3474
  - fatty acids 3470

- ***Arachis hypogaea*** *cont.*
  - fatty acids *cont.*
    - epistasis 6870
    - genetic variance 6870
  - forage 9051
  - *Frankliniella schultzei,* induced mutations 3474
  - gamma radiation 10167, 11332
  - genetic resources 5707, 10173
  - genetic transformation 4540, 10168, 12752
  - germination 3464
  - *Glycine max,* intergeneric hybridization 6392
  - groundnut rosette assistor luteovirus, heritability 6875
  - groundnut rosette umbravirus, heritability 6875
  - growth period
    - germplasm releases 2479
    - heritability 2477
  - harvest index, heritability 8080
  - heritability 10169
  - induced mutations 3463, 11332
  - interspecific hybridization 6868
  - isoenzymes, polymorphism 5713
  - leaves, heritability 8080
  - morphology 3465
  - mutagens 3464, 3470, 3474
  - *Mycosphaerella arachidis* 10174
  - *Mycosphaerella berkeleyi* 3472, 6868, 8084
  - nutritive value 9051
  - oils, artificial selection 1573
  - peanut stripe potyvirus 6874
  - peroxidases 6874
  - phenolic compounds 10174
  - photoperiodism 3469
  - proteins 3465, 10174
    - artificial selection 1573
    - polymorphism 8081
  - *Puccinia arachidis* 6868
  - *Pythium myriotylum* 4538
  - quality 6873
    - epistasis 6870
    - genetic variance 6870
  - *Ralstonia solanacearum* 8084-8085
  - *Scirtothrips dorsali,* induced mutations 3474
  - seeds 3470, 9049
    - genetic variance 5710
    - genetics 3467, 5711, 6869
  - sodium azide 3464
  - somaclonal variation 646
  - somatic embryogenesis 647, 1572, 12753
  - *Spodoptera litura,* induced mutations 3474
  - stress 11334
  - superoxide dismutase 6874
  - *Thrips palmi,* induced mutations 3474
  - tissue culture 1571
  - tomato spotted wilt tospovirus 4538
  - toxic substances 6872
  - translocation, heritability 2477
  - *Tylenchorhynchus brevilineatus* 3473
  - variety trials 2478, 5708
  - water balance 11334
  - waterlogging 10173
  - yield components 2478, 6872, 10169
    - combining ability 3469
    - epistasis 10170
    - genotype environment interaction 1575
    - heritability 645, 9050
    - heterosis 5712
    - stability 10172
  - yield correlations 1570
  - yields 3468
- ***Arbutus unedo,*** genetic resources 87
- **Arcelins**
  - *Arabidopsis thaliana,* genetic transformation 12377
  - *Phaseolus acutifolius,* genetic transformation 12377
  - *Phaseolus vulgaris*
    - gene expression 12377
    - genetic engineering 12377
- **Archaeology**
  - *Cannabis sativa* 5795
  - *Helianthus annuus* 639
  - *Oryza,* seeds 268
- **Archaeology** *cont.*
  - *Oryza sativa* 3009, 4055, 6292
- **Arecaceae**
  - chromosome morphology 10344
  - chromosome number 10344
  - DNA fingerprinting 10161
  - genetic markers 10161
  - genetic resources 4659, 10301
  - isoenzymes, polymorphism 7010
  - phylogeny 8222
  - random amplified polymorphic DNA 7010
- ***Arecastrum romanzoffianum,*** pollen germination 10346
- **Arginine decarboxylase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - cell culture 3529
    - gene expression 3529
  - *Vitis vinifera*
    - gene expression 11216
    - nucleotide sequences 11216
- ***Armillaria mellea,*** *Gastrodia elata,* nucleotide sequences 10439
- ***Armillaria tabescens***
  - *Prunus persica* 4409, 4443
  - *Prunus* (plums) 4409, 4443
- ***Armoracia,*** phylogeny, chloroplast genetics 3793
- ***Armoracia rusticana***
  - cryopreservation 9221
  - phytochrome
    - gene expression 8460
    - genetic transformation 8460
  - tissue culture 9221
- ***Arnica montana,*** tissue culture 819
- **Aroma**
  - *Allium cepa* 1364
  - *Asparagus officinalis* 7877
  - *Camellia sinensis* 3503
  - *Lycopersicon esculentum* 9974
  - *Malus pumila* 5574
  - *Oryza sativa* 1182
    - artificial selection 281
    - genetics 6288
  - *Pisum sativum* 6439
  - *Psidium guajava* 6753
  - *Solanum tuberosum* 4282
  - *Vitis labruscana,* genetics 5622
  - *Vitis vinifera,* genetics 5622
- **Aromatic-L-amino-acid decarboxylase**
  - *Catharanthus roseus*
    - gene expression 4765, 7140
    - genetic engineering 3528, 4765
    - nucleotide sequences 4765
    - promoters 4765
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 3528, 4765
    - genetic transformation 3528, 4765
- **Aromatic compounds,** *Vitis vinifera* 3329
- ***Arrhenatherum elatius***
  - morphology, natural selection 309
  - phylogeny, nucleotide sequences 3044
- ***Artemisia,*** phylogeny, nucleotide sequences 3031
- ***Artemisia absinthium,*** essential oils 11619
- ***Artemisia annua***
  - *Agrobacterium rhizogenes,* genetic transformation 3633
  - *Agrobacterium tumefaciens,* genetic transformation 3635
  - artemisinin 11579, 12950
  - cadinene synthase, genetic transformation 11585
  - cultivars
    - Jeevanraksha 11579
    - Suraksha 11579
  - pollen, storage 816
  - pollen germination 816
  - random amplified polymorphic DNA 12950
- ***Artemisia mutellina,*** tissue culture 842
- ***Artemisia tridentata***
  - terpenoids, clines 2131
  - wide hybridization 2131
- ***Artemisia vulgaris,*** cystatin, nucleotide sequences 10417
- **Artemisinin,** *Artemisia annua* 11579, 12950
- ***Arthrostylidium,*** taxonomy 3648
- **Artificial selection** 3667, 3685, 5937, 11662
  - *Anacardium occidentale*
    - habit 3408
- **Artificial selection** *cont.*
  - *Anacardium occidentale cont.*
    - height 3408
  - *Antirrhinum majus,* lodging 9186-9188
  - apomixis 2793
  - *Arabidopsis thaliana*
    - cell walls 1918
    - fusicoccin 7268
    - proline 9356
  - *Arachis hypogaea* 10167
    - *Corticium rolfsii* 12754
    - oils 1573
    - proteins 1573
  - *Asparagus officinalis,* colour 7871
  - *Avena sativa*
    - quality 6186
    - seeds 6186
    - stress 1051
    - yield components 1048, 6183
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - *Cercospora beticola* 3493
    - mannose 10202
  - *Brassica chinensis,* diseases 5498
  - *Brassica juncea,* waxes 5676
  - *Brassica napus* (rape)
    - cytoplasmic male sterility 2455
    - erucic acid 10140
    - linolenic acid 614
    - yield components 6813
  - *Brassica napus* (swedes), *Leptosphaeria maculans* 419
  - *Bromus inermis*
    - forage 7671
    - nutritive value 7671
  - *Cajanus cajan,* yield components 7776, 11006
  - *Camellia sinensis,* quality 1602
  - *Capsicum annuum*
    - fruits 1397
    - tomato spotted wilt tospovirus 1401
  - *Carica papaya*
    - fruits 11243
    - yield components 5649, 11243
  - *Cicer arietinum*
    - nitrogen fixation 5425
    - proteins 5288
    - salinity 5425
    - trypsin inhibitors 5288
    - yield components 7770
  - *Cichorium intybus* 9957
  - *Cocos nucifera*
    - coconut lethal yellowing 3456
    - phytoplasmas 3456
  - crops, water balance 2806
  - *Cryptomeria japonica,* cold resistance 5834
  - *Cucumis sativus*
    - *Pseudomonas syringae* 3261
    - *Pseudoperonospora cubensis* 3261
    - yield components 7931
  - *Cunninghamia lanceolata*
    - wood properties 773
    - yield components 4680
  - *Curcuma longa,* yield components 12966
  - *Dactylis glomerata*
    - flowering 7652
    - polyploidy 7652
  - *Daucus carota,* nutrients 6498
  - *Dimorphotheca pluvialis,* oils 6888
  - *Elettaria cardamomum* 12959
  - *Elymus repens,* yield components 4111
  - *Eucalyptus* 10288
  - fodder plants, digestibility 6316
  - forest trees 10276, 10279
  - *Glycine*
    - colour 9797
    - seeds 9797
  - *Glycine max*
    - chlorosis 4160
    - cytoplasmic male sterility 9795
    - fatty acids 12349
    - growth period 12347
    - habit 1272-1273
    - *Heterodera glycines* 7727
    - palmitic acid 12349
    - proteins 4194, 5307
    - quality 4194, 7719
    - yield components 5293, 5307
  - *Glycine soja*
    - proteins 5307
    - yield components 5307

- **Artificial selection** *cont.*
  - *Gossypium,* quality 8179
  - *Gossypium hirsutum*
    - *Fusarium* 8182
    - quality 8180
    - somatic embryogenesis 3548
    - *Verticillium* 8182
  - *Helianthus annuus*
    - drought resistance 3443
    - fatty acids 6855
    - yield components 10152
  - *Helianthus argophyllus,* drought resistance 3443
  - *Hevea brasiliensis* 4626
  - *Hordeum vulgare*
    - cold resistance 3936
    - drought resistance 3936, 9542
    - photosynthesis 8536
    - polyphenols 9569
    - quality 1041
    - yield components 1021
    - yields 5076, 9541
  - *Humulus lupulus,* bitter acids 5912
  - *Juglans,* rootstocks 8031
  - *Lactuca sativa*
    - bolting 461
    - heat resistance 461
  - *Lathyrus sativus,* yield components 3066
  - *Lens culinaris,* yield components 3118
  - *Lentinula edodes* 10457
    - competitive ability 12979
    - *Trichoderma* 12979
  - *Linum usitatissimum* (flax), cell walls 1918
  - *Linum usitatissimum* (linseed)
    - growth period 11269
    - pollen competition 11269
  - *Lolium perenne, Puccinia coronata* 12280
  - *Lupinus albus,* mathematics 9763
  - *Lycopersicon esculentum*
    - cold resistance 6571
    - quality 2301
    - *Ralstonia solanacearum* 7901
    - salinity 6571
    - tomato chlorotic spot tospovirus 11133
  - *Malpighia emarginata,* germination 6760
  - mathematics 3683, 5944, 8425, 9233-9234
  - *Medicago sativa* 4121-4122, 4124
    - forage 6355
    - grazing 2148
    - persistence 2148
    - roots 6356
    - *Sclerotinia trifoliorum* 10906
    - yields 6356
  - *Nicotiana tabacum* 682
  - *Oryza sativa* 1114
    - apomixis 10822
    - aroma 281
    - cold resistance 10862
    - development 7587
    - drought resistance 1197, 6294
    - *Elasmopalpus lignosellus* 6302
    - lodging 7586
    - *Magnaporthe grisea* 12249
    - male sterility 7571
    - roots 1197
    - salinity 1193
    - yield components 5198, 9687, 10824
  - *Panax pseudoginseng*
    - roots 4770
    - yields 4770
  - *Panicum virgatum,* seedlings 10766
  - *Paulownia tomentosa,* yield components 4664
  - *Pennisetum glaucum*
    - aluminium 9653
    - apomixis 1105
    - drought resistance 9653
    - salinity 9653
    - toxic substances 9653
    - yield components 9651
  - *Petunia,* quality 5857
  - *Phaseolus vulgaris* 5356
    - chlorosis 4160
    - crop mixtures 3101
    - drought resistance 2199
    - habit 5354
    - insects 12392

- **Artificial selection** *cont.*
  - *Phaseolus vulgaris cont.*
    - nitrogen fixation 9823
    - *Pseudomonas syringae* 5360
    - quality 5360
    - seeds 2196, 5354
    - yield components 362
    - yields 7735, 9823
  - *Phleum pratense*
    - nitrogen 3046
    - nutrients 3046
  - *Picea* 10325
  - *Picea abies*
    - cold resistance 11504
    - height 3581
  - *Picea glauca* 11501
  - *Picea glehnii,* height 5822
  - *Pinus pinea* 10315
  - *Pisum sativum,* yields 9840
  - *Populus tomentosa* 11469
  - *Primula vulgaris,* seed production 4733
  - *Prunus domestica,* plum pox potyvirus 8953, 8970, 8973
  - *Prunus dulcis* 9018-9019
  - *Prunus persica,* quality 5599
  - *Pseudotsuga menziesii,* yield components 7036
  - *Pyrus communis,* rootstocks 8928
  - quantitative traits 5935-5936, 10562
  - *Ricinus communis*
    - agglutinins 8086
    - ricin 8086
    - yield components 11335
  - *Saccharum officinarum* 3484, 8100
    - stability 6902
    - yield components 655, 3489
  - *Salix viminalis,* yields 1671
  - *Secale cereale*
    - aluminium 6079
    - cold resistance 6189
    - *Puccinia* 6189
    - toxic substances 6079
  - *Secale montanum*
    - cold resistance 6189
    - *Puccinia* 6189
  - *Sesamum indicum*
    - fatty acids 8092
    - linoleic acid 8092
    - oleic acid 8092
    - yield components 648, 3477, 5719
    - yields 8092
  - *Sinapis alba*
    - erucic acid 6842, 10151
    - fatty acids 10151
    - glucosinolates 6842, 10151
  - small fruits, quality 10035
  - *Solanum muricatum* 10082
  - *Solanum tuberosum* 3150
    - drought resistance 3166, 7807
    - potato leaf roll luteovirus 3176
    - roots 7807
    - yield components 8811, 8814
  - *Sorghum bicolor*
    - salinity 2947
    - yield components 2944
  - statistics 2
  - *Stenocereus stellatus,* fruits 9016-9017
  - *Trifolium alexandrinum*
    - forage 3057
    - yield correlations 3057
  - *Trifolium pratense*
    - *Erysiphe polygoni* 4144-4145
    - oxalic acid 4143
    - *Sclerotinia trifoliorum* 4143
  - *Trifolium repens,* roots 1243
  - triticale, drought resistance 10597
  - *Triticum aestivum*
    - aluminium 6079
    - chlorophyll 9519
    - drought resistance 145, 7391, 9519, 10597
    - dry matter 9472
    - fungi 965
    - glutenins 7377
    - heat resistance 6137, 9519
    - microsatellites 9439
    - *Mycosphaerella graminicola* 1978
    - proteins 9483
    - quality 7377
    - toxic substances 6079
    - *Typhula ishikariensis* 7403

- **Artificial selection** *cont.*
  - *Triticum aestivum cont.*
    - water balance 9466
    - yield components 98, 965, 7333-7334, 9479
    - yields 9483, 11828
  - *Triticum durum*
    - photosynthesis 8536
    - yield components 6106
  - *Vicia faba*
    - proteins 5288
    - trypsin inhibitors 5288
    - yields 10958
  - *Vigna radiata*
    - nickel 3146
    - toxic substances 3146
  - *Vigna unguiculata* 2215
    - yields 7779
  - *Vitis vinifera* 554, 10049
    - viruses 1493
  - *Zea mays* 6196, 6198, 6200, 6202, 7466, 11982, 12021
    - *Aspergillus flavus* 2052
    - cold resistance 9631
    - crop density 12080
    - diseases 11983
    - germination 9631
    - *Gibberella zeae* 5128
    - habit 3971, 12080
    - lodging 6215
    - lysine 8655
    - mathematics 2907, 3950
    - oils 12097
    - photosynthesis 9616
    - polyembryony 8638
    - regenerative ability 10712
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 9616
    - somatic embryogenesis 10712
    - statistics 3954
    - vascular system 3971
    - yield components 1069, 3955, 5115, 8644, 11983
    - yields 197, 6199, 9624
  - *Zea mays* (sweetcorn), lysine 8653-8654
- ***Artocarpus,*** taxonomy 5627
- ***Arum,*** chromosome number 3613
- **Arundinoideae**
  - chloroplast genetics 10880
  - phylogeny 10880
- ***Asarum***
  - morphology 1738
  - phylogeny 1738
  - ribosomal RNA 1738
- ***Ascochyta*** *(see also Didymella; Mycosphaerella; Phoma)*
- ***Ascochyta fabae***
  - *Lens culinaris*
    - gene mapping 4224
    - random amplified polymorphic DNA 4224
    - techniques 5408
- ***Ascochyta rabiei***
  - *Cicer* 5429
  - *Cicer arietinum* 5427, 7773, 12415
    - gene mapping 5428
    - genetic markers 5426
    - nucleotide sequences 10995
  - *Pisum sativum,* techniques 5387
- **Ascorbate oxidase,** *Lycopersicon esculentum* 11140
- **Ascorbate peroxidase**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 2747
  - *Fragaria ananassa,* nucleotide sequences 553
  - *Lycopersicon esculentum* 4357
  - *Lycopersicon peruvianum* 4357
  - *Nicotiana tabacum,* gene expression 8156
  - *Raphanus sativus,* gene expression 7837
- **Ascorbic acid**
  - *Actinidia chinensis* 564
  - *Arabidopsis thaliana* 2767
    - mutations 6009
  - *Hippophae rhamnoides,* genetics 10064
  - *Rubus idaeus* 7973
- ***Asimina triloba,*** isoenzymes, genetic variation 4493
- **Asparaginase,** *Lupinus luteus,* nucleotide sequences 6369

- **Asparagine synthase**
  - *Phaseolus vulgaris*
    - gene expression 10962
    - nucleotide sequences 10962
- **Asparagine-tRNA ligase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1835
    - nucleotide sequences 1835
- **Asparaginyl endopeptidase**
  - *Vigna mungo*
    - gene expression 4235
    - nucleotide sequences 4235
- ***Asparagus***
  - breeding, conferences 7178
  - taxonomy, ribosomal RNA 7878
  - variety trials 7861
- ***Asparagus asparagoides***
  - geography 7132
  - taxonomy 7132
- ***Asparagus densiflorus,*** interspecific hybridization 6546
- ***Asparagus officinalis***
  - amplified fragment length polymorphism 2290
  - anther culture 7874, 7876, 12523
  - aroma 7877
  - breeding 6545, 7859-7860, 7866
  - chlorsulfuron, *in vitro* selection 7875
  - colour, artificial selection 7871
  - embryo culture, gene expression 463
  - flowering
    - gene expression 11086
    - nucleotide sequences 11086
  - galactosidases, gene expression 2292
  - gene mapping 2290
  - genetic transformation 7864-7865
  - harvesting, gene expression 2292
  - herbicides, *in vitro* selection 7875
  - hybrid varieties 3231
  - interspecific hybridization 6546
  - isoenzymes, polymorphism 7863, 7868
  - malate dehydrogenase, linkage 7863
  - photosynthesis 7867, 7869-7870
  - plant disorders 7879
  - pollen culture 11087
  - polyploidy 2291
  - random amplified polymorphic DNA 2290, 7863
  - restriction fragment length polymorphism 2290
  - sex 7866, 11085
    - linkage 7863
  - somaclonal variation 7872
  - somatic embryogenesis 6547, 8870
  - taxonomy, ribosomal RNA 7878
  - tissue culture 7873
  - variety classification
    - isoenzymes 7868
    - random amplified polymorphic DNA 7872
  - variety trials 3231, 7862, 11078-11084
  - yields, stability 9956
- **Aspartate aminotransferase**
  - *Citrus medica,* genetics 2420
  - *Phalaenopsis,* somaclonal variation 3621
  - *Prunus avium*
    - genetics 6684
    - linkage 6684
- **Aspartate-ammonia ligase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1830
    - nucleotide sequences 1830
- **Aspartate kinase**
  - *Glycine max*
    - gene expression 8766, 9793
    - nucleotide sequences 8766, 9793
- **Aspartic proteinases**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 4893
  - *Oryza sativa,* gene expression 5185
- ***Aspergillus, Medicago sativa*** 1237
- ***Aspergillus flavus***
  - *Zea mays* 221
    - artificial selection 2052
- ***Asphondylia gennadii, Capsicum annuum*** 12585
- ***Asplenium nidus,*** RNA, nucleotide sequences 2662
- ***Aster***
  - chromosome number 2626
- ***Aster*** *cont.*
  - phylogeny
    - nucleotide sequences 7100
    - ribosomal DNA 7100
- ***Aster asa-grayi***
  - isoenzymes, genetic variation 10364
  - population genetics 10364
- ***Astilbe***
  - development 1731
  - flowering 1731
  - photoperiodism 1731
- ***Astragalus***
  - chemotaxonomy 8764
  - organic nitrogen compounds 8764
  - taxonomy 6376-6378
  - tissue culture 1251
- ***Astragalus adsurgens,*** somatic embryogenesis 9775
- ***Astragalus ahmad-parsai,*** taxonomy 6376
- ***Astragalus concordius,*** taxonomy 2158
- ***Astragalus scapiger,*** taxonomy 6377
- ***Astragalus sinicus***
  - *Agrobacterium rhizogenes,* genetic transformation 1250
  - nodulins
    - gene expression 1254
    - nucleotide sequences 1254
- ***Atalantia***
  - DNA 5644
  - taxonomy 5644
- ***Atherigona naqvii, Zea mays*** 1094
- ***Atherigona soccata***
  - *Sorghum bicolor* 7516, 9648, 10764
    - genetic variance 2061
  - *Zea mays* 1094
- **Atmospheric pollution** (*see* Air pollution)
- **ATP sulfurylase**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 8036
  - *Brassica napus* (rape), gene expression 8036
- **ATP synthase**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 8491
  - *Spinacia oleracea,* chloroplast genetics 458
  - *Vicia faba,* gene expression 357
  - *Zea mays*
    - gene expression 199
    - induced mutations 199
- **ATP/ADP transporter**
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 7263
    - genetic transformation 6480, 7263
- ***Atriplex***
  - pollen 6319
  - taxonomy 6319
- ***Atriplex canescens***
  - palatability 4086
  - provenance trials 1210
  - salinity 1210
  - sex 4086
- ***Atriplex halimus***
  - drought resistance 7638
  - nutritive value 7638
  - salinity 7638
  - sexual reproduction 7638
  - tissue culture 7638
- ***Atropa baetica,*** tissue culture 1775
- ***Atropa belladonna***
  - alkaloids
    - gene expression 10427
    - nucleotide sequences 10427
  - hyoscyamine (6*S*)-dioxygenase
    - gene expression 10427
    - nucleotide sequences 10427
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 8137
  - putrescine *N*-methyltransferase
    - gene expression 10420
    - genetic transformation 10420
- ***Aulacorthum solani, Solanum tuberosum*** 8842
- ***Auricularia,*** restriction fragment length polymorphism 10458
- ***Auricularia auricula,*** sex, random amplified polymorphic DNA 10459
- **Autopolyploidy** (*see* Polyploidy)
- **Auxins**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 2766, 3741, 7261, 9351
- **Auxins** *cont.*
  - *Arabidopsis thaliana cont.*
    - genetic engineering 91
    - genetics 9359
    - mutations 1866, 2528, 3741, 6015, 10541
    - nucleotide sequences 2766, 11752
  - *Cucumis sativus*
    - gene expression 512
    - nucleotide sequences 512
  - gene expression 948, 4846
  - *Lycopersicon esculentum,* mutations 11105
  - molecular genetics 948
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 91, 1071, 2529, 12812
    - genetic transformation 1071
    - mutations 2528
  - *Oryza sativa,* mutations 4041
  - *Triticum aestivum* 952
  - *Zea mays*
    - gene expression 91, 1071
    - genetic transformation 1071
- ***Avena***
  - genetic resources 2890
  - phylogeny, nucleotide sequences 3044
  - RNA, molecular genetics 7454
  - seeds
    - gene expression 7454
    - nucleotide sequences 7454
- ***Avena byzantina,*** amylases, linkage 177
- ***Avena fatua***
  - amylases
    - DNA footprinting 2002
    - gene expression 2002
    - linkage 177
  - dormancy, genetics 2892
  - seeds, genetics 2892
- ***Avena nuda***
  - chromosome pairing 5080
  - forage 10680
  - interspecific hybridization 5080
- ***Avena sativa***
  - acetyl-CoA carboxylase
    - gene mapping 8622
    - restriction fragment length polymorphism 8622
  - amylases, linkage 177
  - anther culture 2003, 5082, 6185
  - *Avena sterilis,* interspecific hybridization 6185
  - barley yellow dwarf luteovirus 8624
  - binding proteins, gene expression 9409
  - breeding 7452
  - carbohydrates 8624
  - *Cochliobolus sativus* 10682
  - crop density 2005
  - cultivars 10658
    - Bay 11970
    - Belle 11971
    - Blaze 6180
    - Chaps 6182
    - Gem 11972
    - Gwydir 3942
    - Kanmuri 7453
    - Rodeo 6181
    - Secretariat LA495 11969
    - Warrego 3943
  - development, gene expression 178
  - DNA
    - genetic transformation 1049
    - molecular genetics 1049
  - dormancy 5081
  - drought resistance 1051
  - *Erysiphe graminis* 6187
  - fatty acids 2004
  - fibre 8621
  - flowering 3946
  - forage 179
  - genetic resources 2890, 6187
  - genetic transformation 3945
  - genomes 1050
  - genotype environment interaction 950
  - heat resistance 1051
  - height, genetics 9578
  - inflorescences, genetics 9578
  - interspecific hybridization 1053, 2003, 9578
  - methomyl 10682
  - microsatellites 1050

Avena sativa *cont.*
- *Monographella nivalis* 2005
- oils
  - gene mapping 8622
  - restriction fragment length polymorphism 8622
- phytochrome, genetic engineering 3944
- phytosterols 10679
- plant composition 10678
- *Puccinia coronata* 1053, 8623
  - genotype mixtures 1052
- *Puccinia graminis* 1053, 2006
  - genetics 5083
- quality 9580, 10681
  - artificial selection 6186
  - heritability 6186
- regenerative ability 8620
  - genetics 2003
- restriction fragment length polymorphism 6183
- seeds
  - artificial selection 6186
  - gene expression 178
  - heritability 6186
- sowing date 3946
- spikelets 6184
- stress, artificial selection 1051
- sugars 8621
- temperature 5082
- tissue culture 9579
- variety classification, random amplified polymorphic DNA 2894
- variety trials 950, 2891, 9576
- yield components 2893, 8619, 8623
  - artificial selection 1048, 6183
  - combining ability 1048, 9577
  - stability 2895
- yields 6184

Avena sterilis
- amylases, linkage 177
- anther culture 2003, 5082, 6185
- *Avena sativa*, interspecific hybridization 6185
- chromosome pairing 5080
- height, genetics 9578
- inflorescences, genetics 9578
- interspecific hybridization 1053, 2003, 5080, 9578
- *Puccinia coronata* 1053
- *Puccinia graminis* 1053
- regenerative ability, genetics 2003
- temperature 5082
- yield components 2893

Averrhoa carambola
- fruits 8027
- quality 8027

Avicennia
- evolution 7012
- isoenzymes 7012

Awns
- *Triticum aestivum*
  - gene mapping 9524
  - induced mutations 2840
  - linkage 9524

5-Azacytidine, *Linum usitatissimum* (flax) 6977

Azadirachta indica
- amplified fragment length polymorphism 12958
- biomass 9210
- cuttings 9209
- photosynthesis 9210
- provenance trials 7008
- quantitative traits, genotype environment interaction 8368
- random amplified polymorphic DNA 822
- rooting capacity 7008, 9209
- yield correlations 11599

Azorhizobium caulinodans
- *Brassica napus* (rape) 6826
- *Sesbania rostrata*, molecular genetics 1253

Azotobacter, *Triticum aestivum* 8557

Azoxystrobin, *Triticum aestivum* 11887

B chromosomes (*see* Accessory chromosomes)

Bacillus thuringiensis
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 683
  - genetic transformation 683
- *Glycine max*, genetic transformation 2169

Bacillus thuringiensis *cont.*
- *Gossypium*, genetic engineering 3552
- *Gossypium hirsutum*
  - gene expression 1648
  - genetic transformation 715-716, 1648, 6975, 8185
  - pleiotropy 8185
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 683-684, 705
  - genetic transformation 683-684, 705
- *Oryza sativa*, genetic transformation 3024
- *Solanum tuberosum*, genetic transformation 12469
- *Zea mays*
  - genetic transformation 3721, 6072, 6229, 10721, 12129
  - *Ostrinia furnacalis*, genetic engineering 1095
  - *Ostrinia nubilalis*, genetic engineering 1095
- *Zea mays* (sweetcorn), genetic transformation 10729

Back mutations, *Hordeum vulgare*, inflorescences 3916, 3924-3925

Backcrossing 7184
- *Allium fistulosum*, male sterility 12496
- *Allium galanthum*, male sterility 12496
- *Brassica campestris*, cytoplasmic male sterility 6796
- *Brassica napus* (rape), fatty acids 12720
- *Brassica oleracea* (broccoli), *Alternaria brassicicola* 9950
- *Capsicum annuum*
  - cucumber mosaic cucumovirus 6596
  - tobacco mosaic tobamovirus 6596
- *Eruca vesicaria*, cytoplasmic male sterility 6796
- *Glycine max* 3081
- *Glycine soja* 3081
- *Gossypium*, gossypol 9116
- *Juglans hindsii*, genetic markers 2435
- *Juglans regia*, genetic markers 2435
- *Malus pumila*, self incompatibility 8914
- *Oryza sativa*
  - cytoplasmic male sterility 1143
  - *Magnaporthe grisea* 5224
- quantitative traits 76
- *Sinapis alba*, *Alternaria brassicicola* 9950
- *Solanum commersonii*, cold resistance 12453
- *Solanum tuberosum*, cold resistance 12453
- *Sorghum bicolor*, cytoplasmic male sterility 228
- *Trifolium nigrescens*, yield components 1241
- *Trifolium repens*, yield components 1241
- triticale 183
- *Triticum*
  - *Erysiphe graminis* 9527
  - *Puccinia recondita* 9527
- *Triticum aestivum* 183, 11840
  - *Puccinia graminis* 11923
  - *Puccinia recondita* 5044, 11922-11923
- *Zea mays*, methionine 12099

Bacopa monnieri
- cultivars
  - Pragyashakti 11580
  - Subodhak 11580
- saponins 11580

Bacteria
- books 12996
- conferences 12992
- *Glycine max* 12352

Bacterial artificial chromosomes, *Glycine max* 7725

Bactris neomilitaris, taxonomy 8028

Bactrocera oleae, *Olea europaea* 2475, 11331

Bamboos
- breeding 10456
- genetic resources 10456
  - books 4802, 10478

Bambusa beecheyana, genetic transformation, techniques 5752

Bambusa glaucescens, random amplified polymorphic DNA 848

Bambusa multiplex, random amplified polymorphic DNA 848

Bambusa oldhamii, random amplified polymorphic DNA 848

Banksia
- cultivars, Waite Orange 7060
- interspecific hybridization 7065
- pollen germination 7065
- sexual reproduction 7066

Banksia coccinea
- cultivars
  - Waite Crimson 7060
  - Waite Flame 7060
- *Dryandra*, intergeneric hybridization 7065
- interspecific hybridization 7065
- pollen germination 7065
- random amplified polymorphic DNA 7064

Banksia menziesii, random amplified polymorphic DNA 7064

Barbarea
- fatty acids 9058
- oils 9058

Bark, *Picea abies* 1698

Barley mild mosaic bymovirus
- *Hordeum vulgare*
  - gene mapping 3940
  - genetic transformation 9419

Barley yellow dwarf luteovirus
- *Avena sativa* 8624
- *Secale cereale*, *Triticum aestivum* 3809
- *Triticum aestivum* 6141, 9510
  - chromosome substitution 11926
  - chromosome translocation 9532
  - genetic markers 11924
- *Zea mays* 12127

Barley yellow mosaic bymovirus
- *Hordeum vulgare* 3938, 5054, 7450, 11966
  - gene mapping 3940
  - genetic markers 11967
  - genetic transformation 9419

Barringtonia, genetic resources, books 12997

Bashania abietina, taxonomy 9218

Bauhinia purpurea
- leaves, molecular genetics 949
- senescence, molecular genetics 949

Bauhinia vahlii, tissue culture 11453

Bean common mosaic necrosis potyvirus, *Phaseolus vulgaris*, germplasm releases 4209

Bean common mosaic potyvirus, *Phaseolus vulgaris*, germplasm releases 2200, 2204, 4209, 4214

Bean curly top virus, *Phaseolus vulgaris*, germplasm releases 2204

Bean golden mosaic bigeminivirus
- *Glycine max* 7726
- *Phaseolus vulgaris* 12389
  - genetic transformation 3104

Bean yellow mosaic potyvirus
- *Gladiolus* 2655
- *Vigna aconitifolia* 9886

Beet curly top hybrigeminivirus, *Arabidopsis thaliana* 8507

Beet mild yellowing luteovirus, *Beta* 9074

Beet necrotic yellow vein furovirus
- *Beta maritima*, genetic transformation 3492
- *Beta vulgaris*, genetic transformation 3492
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 2500, 5737, 11352
  - amplified fragment length polymorphism 9075
  - genetic markers 3495
  - genetic transformation 2501, 6911
  - germplasm releases 2502
- *Nicotiana benthamiana*, genetic transformation 6944

Begonia, taxonomy 7118, 11556

Begonia gomantongensis, taxonomy 5874

Begonia lazat, taxonomy 2294

Begonia postarii, taxonomy 5874

Bemisia argentifolii
- *Cucurbita pepo* 12605
- *Gossypium* 11430, 12854
- *Gossypium hirsutum* 2549, 11432, 11439, 12848

- ***Bemisia tabaci,*** *Gossypium hirsutum* 1646, 12850
- ***Benincasa hispida,*** genetic resources 513
- **Bentazone**
  - *Capsicum annuum* 1402
  - *Oryza sativa,* genetics 9719
- **Benzodiazepines**
  - *Lycopersicon esculentum* 402
  - *Solanum tuberosum* 402
- **Benzothiadiazole,** *Petroselinum crispum,* gene expression 828
- **Benzoyltransferases**
  - *Dianthus caryophyllus*
    - gene expression 3598
    - genetic engineering 3598
    - nucleotide sequences 3598
  - *Petroselinum crispum*
    - gene expression 3598
    - genetic engineering 3598
- **Benzyladenine**
  - *Antirrhinum majus* 8321
  - *Phlox paniculata* 9406
  - *Pinus pinea* 9406
  - *Vaccinium pahalae* 5610
  - *Vicia faba* 5341
- ***Beta***
  - amplified fragment length polymorphism 9071
  - *Aphanomyces cochlioides* 9074
  - beet mild yellowing luteovirus 9074
  - *Beta vulgaris,* repetitive DNA 2497
  - diseases 3494
  - drought resistance 3494
  - *Erysiphe betae* 9074
  - genetic resources 9067
  - *Heterodera schachtii,* molecular genetics 1600
  - interspecific hybridization 9067
  - phylogeny, molecular genetics 1600
- ***Beta maritima***
  - beet necrotic yellow vein furovirus, genetic transformation 3492
  - biosafety 3492, 6046, 6906
  - competitive ability, heterosis 5741
  - gene expression 12778
  - gene flow 3492, 6046, 6906
  - genetic drift 676
  - genetic transformation 12778
  - interspecific hybridization 3492, 5741, 6046, 6906, 6911, 12786
  - *Meloidogyne* 12786
  - phosphinothricin acetyltransferase, genetic transformation 3492
  - population genetics 676
  - recombination 2491
  - restriction fragment length polymorphism 2491
- ***Beta procumbens,*** *Heterodera schachtii,* molecular genetics 2504
- ***Beta vulgaris***
  - beet necrotic yellow vein furovirus, genetic transformation 3492
  - *Beta,* repetitive DNA 2497
  - biosafety
    - microsatellites 10201
    - restriction fragment length polymorphism 10201
  - colour, genetics 12779
  - gene flow
    - microsatellites 10201
    - restriction fragment length polymorphism 10201
  - phosphinothricin acetyltransferase, genetic transformation 3492
  - roots, genetics 12779
  - taxonomy 9073
- ***Beta vulgaris* (beetroots)**
  - fasciation, genetics 4320
  - plant pigments 9924
- ***Beta vulgaris* (fodder beet)**
  - energy resources 12783
  - ethanol 12783
  - variety trials 10197
- ***Beta vulgaris* (spinach beets)**
  - cold resistance 6911
  - wide hybridization 6911
- ***Beta vulgaris* (sugarbeet)**
  - adenosinetriphosphatase
    - gene expression 5740
    - genetic transformation 5740
- ***Beta vulgaris* (sugarbeet)** *cont.*
  - *Agrobacterium rhizogenes*
    - gene expression 5739
    - genetic transformation 5739
  - *Agrobacterium tumefaciens*
    - gene expression 5739
    - genetic transformation 5739
  - amplified fragment length polymorphism 9071
  - *Aphanomyces cochlioides,* germplasm releases 12785
  - beet necrotic yellow vein furovirus 2500, 5737, 11352
    - amplified fragment length polymorphism 9075
    - genetic markers 3495
    - genetic transformation 2501, 6911
    - germplasm releases 2502
  - biosafety 2494, 2496, 2506-2507, 3492, 6046, 6072, 6906
  - breeding 1596, 2488, 2490, 5734, 9065
    - history 9066
  - cell culture 8109
  - *Cercospora beticola* 5737, 5742, 12784
    - artificial selection 3493
    - germplasm releases 6910, 12785
  - cold resistance 6911, 12777
  - colour, genetics 12779
  - competitive ability, heterosis 5741
  - conferences 12995
  - cultivars 675, 8108, 10582, 11348
    - Floden 4556, 12775
    - Iva 10199
    - Kaja 10199
    - Kuban' 5738
    - Megumi 4557, 12776
    - Puma 5738
    - Schwert 12774
  - cytokinins, genetic transformation 10200
  - cytoplasmic male sterility
    - genetic variance 9072
    - mitochondrial genetics 6907
    - polymerase chain reaction 6907
  - development
    - gene expression 5740
    - genetic transformation 5740
  - drought resistance
    - gene expression 10205
    - genetic engineering 10205
  - elongation factors
    - gene expression 4558
    - nucleotide sequences 4558
  - energy resources 12783
  - ethanol 12783
  - experimental design 2499
  - fructans
    - gene expression 10205
    - genetic engineering 10205
  - gene flow 2507, 3492, 6046, 6072, 6906, 12777
    - genetic transformation 6911
  - gene mapping 11349
  - genetic engineering 9070
  - genetic markers 2492
  - genetic transformation 2490, 2493-2494, 6906, 8109
  - germination
    - genetic variance 677
    - genetics 12781
    - heritability 677
  - germplasm releases 2489
  - glucose-6-phosphate isomerase, gene expression 8112
  - glufosinate 8115
    - genetic transformation 2505, 10107, 12777
  - glyphosate 8115
    - genetic transformation 2506, 5741, 9076
  - harvesting 8114
  - herbicides 8115, 12787
    - genetic transformation 5741, 6072, 9076, 10107, 10206, 12777
  - *Heterodera schachtii* 2503
    - gene expression 5739
    - genetic transformation 5739
    - molecular genetics 1600, 2504
  - heterozygosity 9066
  - interspecific hybridization 3492, 5741, 6046, 6906, 6911, 9067, 12786
  - irrigation 8114
- ***Beta vulgaris* (sugarbeet)** *cont.*
  - isoenzymes, linkage 8110
  - male sterility 4559, 9065
    - genetics 8111
    - linkage 8110
  - mannose
    - artificial selection 10202
    - genetic transformation 10202
  - *Meloidogyne* 12786
  - molecular genetics, conferences 2695
  - monogerm seeds, genetics 12780
  - nuclei 4559
  - nutrients 6909
    - tissue culture 10203
  - outcrossing 2487
  - ovule culture 678
  - parthenogenesis, linkage 8110
  - pathogenesis-related proteins, genetic transformation 10200
  - phylogeny, molecular genetics 1600
  - polyploidy 11350
    - techniques 1598
  - potassium, combining ability 11351
  - quality 1599
    - combining ability 4560
    - genetic variance 4560
  - random amplified polymorphic DNA 9066
  - repetitive DNA 1597
  - *Rhizoctonia solani,* germplasm releases 6910
  - roots, genetics 12779
  - salinity 11352
    - gene expression 5740
    - genetic transformation 5740
  - satellite DNA 1597
  - seed production 2494, 10204
  - seeds
    - genetic variance 677
    - heritability 677
  - sodium, combining ability 11351
  - somatic embryogenesis 12782
  - sucrose
    - genetic transformation 2495
    - germplasm releases 6908
  - sugars, combining ability 11351
  - tissue culture 11350, 12782
    - germplasm releases 2498
  - variety trials 674, 2499, 4555-4557, 5735-5737, 6905, 9068-9069, 10193-10198, 11348, 12773
  - vigour
    - genetic variance 677
    - heritability 677
  - wide hybridization 6911
  - yield components
    - combining ability 4560
    - genetic variance 4560
  - yield correlations 3493
- **Betaine**
  - *Arabidopsis thaliana,* genetic transformation 1872
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 2536
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 3015
    - genetic transformation 3015
  - *Spinacia oleracea,* genetic engineering 2536
- **Betaine-aldehyde dehydrogenase**
  - *Amaranthus hypochondriacus*
    - gene expression 7635
    - nucleotide sequences 7635
  - *Hordeum vulgare,* gene expression 8604
- ***Betula***
  - breeding 734
  - flavonoids, chemotaxonomy 5802
- ***Betula nana***
  - chromosome number 12867
  - interspecific hybridization 2568, 12867
  - leaves, heterosis 2568
- ***Betula occidentalis***
  - interspecific hybridization 12868
  - pollen competition 12868
- ***Betula papyrifera***
  - interspecific hybridization 12868
  - nitrogen 1661
  - nutrients 1661, 9125
  - physiology 9125
  - pollen competition 12868
  - soil water 1661, 9125

Betula pendula
  genetic transformation 8196
  interspecific hybridization 2568
  leaves, heterosis 2568
  phenolic compounds 11459
  pollen competition 736
  polyploidy 735
Betula pubescens
  chromosome number 12867
  habit 11460
  interspecific hybridization 2568, 12867
  leaves, heterosis 2568
Betula tortuosa
  nitrogen 1660
  nutrients 1660
Bhendi yellow vein mosaic bigeminivirus
  Abelmoschus esculentus 514, 12617
    genetics 3262
Bilanafos
  Agrostis stolonifera, genetic transformation 311, 5238
  Lactuca sativa, genetic transformation 11077
  Oryza sativa
    genetic transformation 2087, 2127, 12266
    genetics 2127, 12266
  Solanum tuberosum, genetic transformation 8817
  Triticum aestivum, genetic transformation 2870
Bilobata subsecivella, Glycine max 4199
Binding proteins
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 2766, 6042, 7246, 8458, 9291, 9351
    nucleotide sequences 889, 2766, 3724, 8458, 9291
  Avena sativa, gene expression 9409
  Daucus carota
    gene expression 2250
    nucleotide sequences 2250
  gene expression, reviews 4833
  Gossypium, nucleotide sequences 9113
  Lotus japonicus, gene expression 10936
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 6572
    nucleotide sequences 6572
  Nicotiana sylvestris
    gene expression 9088
    nucleotide sequences 9088
  Nicotiana tabacum
    gene expression 6933, 9085, 12812
    genetic transformation 1287, 6933, 9085
    nucleotide sequences 6923
  Oryza sativa
    gene expression 1126, 9409
    genetic transformation 1126
  Phaseolus vulgaris, genetic engineering 1287
  Pisum sativum, gene expression 9833
  Sambucus nigra, nucleotide sequences 6738
  Solanum tuberosum
    gene expression 5460
    nucleotide sequences 5460
  Spinacia oleracea
    gene expression 2285
    molecular genetics 6541
    nucleotide sequences 889, 2285
  Triticum aestivum
    gene expression 7417
    genetic engineering 7417
    nucleotide sequences 7417
  Triticum monococcum, genetic transformation 7417
Biomass
  Aegilops 3900
  Alnus glutinosa 7007
  Alnus rubra 7007
  Alnus subcordata 7007
  Amblyopyrum 3900
  Azadirachta indica 9210
  Fragaria chiloensis, clonal variation 12669
  Populus 11472
  Salix 7000
  Salix eriocephala 4652
Bioremediation
  genetic transformation 9264
Bioremediation *cont.*
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 8134
Biosafety 4832, 5986, 7206, 7209, 9281, 11694
  Aegilops cylindrica 6095, 6153
  Beta maritima 3492, 6046, 6906
  Beta vulgaris
    microsatellites 10201
    restriction fragment length polymorphism 10201
  Beta vulgaris (sugarbeet) 2494, 2496, 2506-2507, 3492, 6046, 6072, 6906
  Brassica 6786
    genetic transformation 6780
  Brassica campestris 6839
  Brassica campestris (turnip rape) 6837
  Brassica napus (rape) 6072, 6779, 6782-6784, 6786, 6789, 6836-6840, 8035, 8038
    herbicides 629, 6835, 6837
    insects 6833
    mathematics 6781
  Brassica oleracea (cabbages) 6046
  crops 946, 1915, 2733, 3713, 6047, 7203
    genetic engineering 2728, 8444, 10493
      conferences 12993
    glufosinate 5958
    glyphosate 5958
    herbicides 5958
  genetic engineering 880, 3712
    books 3661
  genetic transformation 4837, 5990, 5993-5994, 9260
  herbicides 11684
  insects 5955
  Linum usitatissimum (linseed), mathematics 6781
  mathematics 6044
  Oryza sativa 6264
  Solanum tuberosum 6474
  Triticum aestivum 115, 6095, 6153
  viruses 5954
  Zea mays 6072
    genetic transformation 1061, 12129
    Ostrinia nubilalis 3988
Biotechnology 1806, 7185
  Allium sativum 6069
  Brassica pekinensis 6069
  Capsicum annuum 6069
  Citrus 5637
  Coffea arabica 4562
  Coffea canephora 4562
  conferences 854, 1796, 4793
  crops 89, 1824, 9235, 11705
  Cucumis melo, reviews 12588
  Dioscorea 7834
  Elaeis 1564
  Fagopyrum esculentum 8728
  forest trees 3557, 4632, 10280
    conferences 10471
    reviews 730
  Gerbera 11530
  Gossypium hirsutum
    diseases 6970
    pests 6970
  grasses, reviews 783
  Helianthus annuus, conferences 11650
  information processing 12
  Malus pumila 4389
  medicinal plants, reviews 814
  Musa 1501, 7998
  Orchidaceae, reviews 4755
  Oryza sativa 1125, 2958-2959
  Phalaenopsis 2803
  Phoenix dactylifera 1529
  Prunus dulcis 3376, 10091
  Pyrus communis 4389
  Saccharum officinarum 2803, 4549
  Solanum tuberosum 4254
    books 5933
  Theobroma cacao 4566
  trees, books 4805
  Triticum durum 7331
  Vitis 7985
  Zea mays 5091
Biotin-(propionyl-CoA-carboxylase (ATP-hydrolysing)) ligase, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 9300
Bipolaris (*see Cochliobolus; Drechslera*)
Birds
  Sorghum bicolor 1098
    germplasm releases 10761
Biserrula pelecinus, morphology, multivariate analysis 6375
Bitter acids, *Humulus lupulus,* artificial selection 5912
Bixa orelanna, yield correlations 10454
Black currant reversion associated virus, *Ribes nigrum* 12665
Black speck, *Brassica pekinensis* 3224
Black spot
  Solanum tuberosum 11043
    combining ability 2248
Blackeye cowpea mosaic potyvirus, *Vigna unguiculata,* genetics 11012
Bletia reflexa, taxonomy 4757
Blossom-end rot, *Capsicum annuum* 9990
Blumeriella jaapii
  Prunus avium 12655
  Prunus cerasus 12655
Bolting
  Brassica pekinensis
    dominance 6532
    genetics 6530
  Lactuca sativa, artificial selection 461
  Spinacia oleracea 3226
Bomarea
  chromosome morphology 3612
  chromosome number 3612
Bombyx mori, Morus 11223
Books
  Against the grain 3661
  Agricultural values of plant genetic resources 2705-2706, 2708-2710, 2713-2715, 2815-2817, 2829, 2909, 2955-2959, 3664
  Agrobiodiversity: characterization, utilization and management 8427-8432, 9232
  angiosperms, taxonomy 11658
  anthers 8421
  bacteria 12996
  Bamboo and rattan genetic resources in certain Asian countries 4802
  bamboos, genetic resources 4802, 10478
  Barringtonia, genetic resources 12997
  biosafety, genetic engineering 3661
  breeding 4803, 8423, 10477, 11657
  Caesalpinia, taxonomy 1798
  Caesalpinia: a revision of the *Poincianella-Erythrostemon* group 1798
  Calamus, genetic resources 10478
  Canarium, genetic resources 12997
  canes and rattans, genetic resources 4802
  Chinese Agricultural Sciences 9783, 10477
  Coconut 861
  Cocos nucifera, breeding 861
  Comprehensive potato biotechnology 5933
  crops
    breeding 864
    genetic resources 8419
    genetics 864
  cytogenetics 11653
  diseases 11654
  Edible nut trees in Solomon Islands 12997
  Environmental stress in crop plants 11654
  essential oil plants, genetic resources 7182
  Essentials of genetic engineering 859
  evolution, genetics 863
  Evolutionary genetics 863
  Farmers, gene banks and crop breeding 3665
  forest trees, breeding 10476
  Fundamentals of plant breeding and hybrid seed production 4803
  gene banks 3665
  gene expression 4799, 5934
  Gene regulation 4799
  genetic engineering 859
  Genetic organization of polytene chromosomes 11653
  genetic resources 2702, 3665, 5931, 9232, 11659
    economics 3664
  genetic transformation 11660

Books *cont.*
- Genetics: a molecular approach 860
- *Gladiolus*
  - pollination 4801
  - taxonomy 4801
- *Gladiolus* in Southern Africa 4801
- Global plant genetic resources for insect-resistant crops 2701
- Glossary of plant genetics and breeding 11661
- Grass for dairy cattle 7648-7649
- hybrid seed production 4803
- Inducible gene expression in plants 4823, 4838-4846, 5757, 5934
- insects, genetic resources 2701
- Italian contribution to plant genetics and breeding 864
- Landscape disturbance and biodiversity in Mediterranean-type ecosystems 9237
- *Leucaena,* genetic resources 1797
- *Leucaena*: a genetic resources handbook 1797
- Lupins as crop plants 4149-4152, 4804
- *Lupinus,* breeding 4804
- Managing agrobiodiversity 7186-7189, 7302-7303, 7316, 7535, 7698, 7936, 8419, 10480-10485, 10592, 10785, 11601
- Molecular biology of rice 8424
- Molecular dissection of complex traits 4800
- molecular genetics 860
  - development 3662
- Molecular plant development 3662
- *Musa,* quality 3663
- *Olea europaea,* genetic resources 8420
- Olive germplasm: cultivars and world-wide collections 8420
- *Oryza sativa*
  - genetic resources 5929
  - genetic transformation 8424
  - molecular genetics 8424
- PCR in bioanalysis 858
- pests 11654
- photosynthesis, gene expression 862
- Photosynthesis: a comprehensive treatise 862
- Plant germplasm collecting: principles and procedures 11659
- Plant-microbe interactions, Volume 4 12996
- Plant Resources of South-East Asia 19. Essential-oil plants 7182
- Plants and protected areas: a guide to *in situ* management 2702
- pollen 8421
- polymerase chain reaction 858
- Principles of crop improvement 11657
- Priority species of bamboo and rattan 10478
- quantitative genetics 4798
- quantitative traits, gene mapping 4800
- *Solanum tuberosum,* biotechnology 5933
- stress 11654
- Sustainability of rice in the global food system 5155-5157, 5929
- *Terminalia,* genetic resources 12997
- The Bawden Memorial Lectures 4808, 4835-4836, 5930
- The genetical analysis of quantitative traits 4798
- The state of the world's plant genetic resources for food and agriculture 5931
- Transgenic plant research 11660
- Tree biotechnology 3781, 4389, 4392-4393, 4399-4400, 4405, 4416, 4418, 4420, 4463, 4494-4495, 4498-4499, 4565, 4567, 4586, 4630, 4633-4634, 4643, 4655, 4657, 4666, 4674, 4676, 4719, 4767, 4805
- Tree improvement: applied research and technology transfer 10276-10283, 10285, 10287-10288, 10300, 10302, 10313-10314, 10316, 10323-10325, 10330, 10476
- trees, biotechnology 4805
- Understanding options for agricultural production 3668
- weeds 11654

Borago officinalis
- androecium 5896
- fatty acid desaturases, gene expression 5900
- gynoecium 5896

Boron
- *Apium graveolens* 92
- *Brassica napus* (rape) 2462, 6825, 8050
- *Daucus carota* 10590
- *Hordeum vulgare,* restriction fragment length polymorphism 9573
- *Lens culinaris* 5405
- *Lycopersicon esculentum* 92, 10590
- *Malus pumila* 6639
- *Medicago sativa* 10590
- *Triticum aestivum* 92, 6129
  - genetics 9514
- *Zea mays* 10590

Boronia, taxonomy 8290, 8292

Boronia megastigma
- essential oils 11617
- flowering 7156
- volatile compounds 7156

Botryodiplodia theobromae, *Arachis hypogaea* 4541

Botryotinia *(see Sclerotinia)*

Botrytis *(see also Sclerotinia)*

Botrytis allii, *Allium cepa* 6523

Botrytis cinerea
- *Actinidia deliciosa,* genetic transformation 6720
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 2783-2784, 3763, 11778
  - genetic transformation 2784
  - promoters 2784
- *Cicer* 11005
- *Cicer bijugum* 11005
- *Lycopersicon chilense* 11126
- *Lycopersicon esculentum* 11126
- *Malus pumila,* gene expression 10017
- *Medicago sativa,* genetic transformation 5255
- *Pelargonium* 8294, 12909
  - gene expression 10357
  - genetic transformation 10357
- *Solanum lycopersicoides* 11126
- *Vaccinium* 6703

Botrytis fabae, *Vicia faba* 5346

Bougainvillea, cultivars, Solar Flare 7045

Bouteloua
- nucleotide sequences, ribosomal DNA 2144
- taxonomy, ribosomal DNA 2144

Brachiaria
- *Aeneolamia varia,* techniques 12301
- grazing 3047
- low input agriculture 3047
- nutrients 2145
- soil pH 2145

Brachiaria brizantha, *Aeneolamia varia* 12302

Brachiaria decumbens
- apomixis 7669
- polyploidy 7669
- sex 7669

Brachycome
- cultivars
  - Hot Candy 7086
  - Mauve Delight 7085
- phylogeny, chloroplast genetics 11541

Brachystegia, seed production 8218

Bracteantha bracteata, cultivars, Colourburst Pink 4725

Bradyrhizobium
- *Glycine max*
  - amplified fragment length polymorphism 5321
  - linkage 5321
  - molecular genetics 1267
- *Pachyrhizus erosus* 2276

Branching, *Hordeum vulgare,* genetics 5067

Brassica
- biosafety 6786
  - genetic transformation 6780
- breeding 588
- cytoplasmic male sterility 606
- domestication 624
- fluorescence *in situ* hybridization 592
- gene expression 593
- gene flow 6786

Brassica *cont.*
- gene mapping 2444
- genetic resources 437, 586
  - databases 587
- genetic transformation 593
- genetics, conferences 855
- interspecific hybridization 1556, 6785-6786, 12729
- isoenzymes, genetic variation 4333
- *Leptosphaeria maculans*
  - genetics 8053
  - restriction fragment length polymorphism 8053, 12729
- *Lipaphis erysimi* 4520, 9041, 10150
- nomenclature 3434
- phylogeny 4333
- plant composition 10150
- protein kinase, genetics 8043
- protoplast culture 3432
- quality 624, 4514
- random amplified polymorphic DNA 4331, 6785
- restriction fragment length polymorphism 6785
- seeds 4514
- self incompatibility, genetics 8043
- sinapine, genetic variation 617
- waxes 9036
- *Xanthomonas campestris* 12512
  - genetics 12722
- yield correlations 9037, 10127, 10136

Brassica alboglabra
- corolla 3219
- embryo culture 444
- gene mapping 3213
- glycoproteins
  - gene expression 5501
  - genetic transformation 5501
- interspecific hybridization 4334
- leaves 3219
- *Orychophragmus violaceus,* intergeneric hybridization 444
- pollen
  - gene expression 5501
  - genetic transformation 5501
- self incompatibility
  - gene expression 5501
  - genetic transformation 5501
- taxonomy 5504
- variety classification 3219

Brassica barrerieli
- chromosome morphology 600
- interspecific hybridization 600

Brassica campestris
- anthers, molecular genetics 6790
- antibiotics 6794
- biosafety 6839
- breeding 6527
- chromosome addition 12505
- chromosome number 10109
- chromosome pairing 10109
- colour 9035
- cytoplasmic male sterility 6795
  - backcrossing 6796
  - gene expression 1548
  - mitochondrial genetics 1548, 5672
  - restriction fragment length polymorphism 5672
- *Diplotaxis berthautii,* intergeneric hybridization 6795
- *Diplotaxis erucoides,* intergeneric hybridization 6795
- *Diplotaxis muralis,* intergeneric hybridization 1548
- dormancy 2459
- *Eruca vesicaria,* intergeneric hybridization 6796, 10109
- *Erwinia carotovora*
  - genetics 10147
  - heritability 10147
- flowering, lethals 6809
- gene flow 6782, 6839
- genetic resources 10116
- genetic transformation 2459
- genomes 12505
- germination 2459
  - lethals 6809
- glucosinolates 10139
- growth period 10111
- haploidy 3425
- herbicides 6841

Brassica campestris *cont.*
- interspecific hybridization 597, 612, 1546, 2459, 4503-4504, 6782-6783, 6839, 8047, 9035, 10111, 10139, 12505
- male sterility
  - genetics 10114
  - induced mutations 6794
- *Moricandia arvensis,* intergeneric hybridization 8039
- mutagens 6794
- natural selection 6841
- pollen 2454
  - molecular genetics 6790
- polyploidy 2454, 6527
- restriction fragment length polymorphism 8039
- Retroviridae, nucleotide sequences 11801
- seeds 9035
- self compatibility 10116
- self incompatibility
  - genetic engineering 3427
  - nucleotide sequences 3217, 3428-3429
  - recombination 10115
- sprouting 8047
- unreduced gametes 2454
- *Xanthomonas campestris* 10148
- yield components, genetics 12507
- yield correlations 12718

Brassica campestris **(toria)**
- yield components
  - combining ability 10129
  - genetic variance 10133
  - heritability 5679, 10128, 10133
  - heterosis 10129
  - multivariate analysis 5680
- yield correlations 10128

Brassica campestris **(turnip rape)**
- biosafety 6837
- colour 11266
- cytoplasmic male sterility 604
- decomposition 11261
- *Erucastrum gallicum,* intergeneric hybridization 6837
- ethametsulfuron 12714
- fatty acids
  - gene mapping 3433
  - nucleotide sequences 3433
- genetic transformation 9031
- haploidy 12714, 12716
- herbicides 12714
- hybrid seed production 601, 12714
- nutritive value 11266
- oleic acid
  - gene mapping 3433
  - nucleotide sequences 3433
- seed production 12716
- seeds 10119
- self incompatibility 12716
- size 10119

Brassica campestris **(turnips)**
- heterochromatin 9910
- interspecific hybridization 4316
- mitochondrial DNA, techniques 11050
- mutagens 9911
- plant extracts 9911
- *Plasmodiophora brassicae*
  - genetic markers 11074
  - genetics 4316
  - random amplified polymorphic DNA 11074
- seedlings 9911

Brassica carinata
- anther culture 6819
- chromosome morphology 12715
- cytoplasmic male sterility, restriction fragment length polymorphism 599
- ethyl methanesulfonate 6824
- genetic resources 4515
- glucosinolates, induced mutations 6824
- interspecific hybridization 612
- mutagens 6824
- quality 620, 4515
- salinity
  - *in vitro* selection 10145
  - somaclonal variation 10145
- seeds 4515
  - induced mutations 6824
- stearoyl-CoA desaturase, nucleotide sequences 9028

Brassica chinensis
- breeding 5494
- cultivars
  - Dwarf Resistant-5 5498
  - Dwarf Resistant-6 5498
  - Shanghong Green Big-Leafstalk 3212
- cytoplasmic male sterility 6531
- diseases, artificial selection 5498
- *Erwinia carotovora*
  - genetics 10147
  - heritability 10147
- glufosinate, genetic transformation 3225
- herbicides, genetic transformation 3225
- IAA oxidase 6531
- peroxidases 6531
- quality
  - combining ability 6536
  - heritability 6535
  - heterosis 6536
- temperature 6531
- turnip yellow mosaic tymovirus 6539
- yield components
  - combining ability 6536
  - heterosis 6536

Brassica **(Chinese cabbages)**
- cultivars 5513
  - Jinbai-56 7849
  - Shuangguan 5497
  - Yubaicai-7 5496
  - Yubaicai-11 5499
- glufosinate, genetic transformation 7854
- herbicides, genetic transformation 7854
- hybrid varieties 5496-5497
- pollen culture 5496
- *Raphanus sativus,* pollen germination 9923
- seed production 9946
- variety trials 5495

Brassica erucastrum, nomenclature 5683

Brassica hirta, mitochondrial DNA, techniques 11050

Brassica juncea
- adenylylsulfate reductase, gene expression 6802
- *Albugo candida* 10102, 11257
  - gene mapping 1555, 1557
  - genetic markers 1555
  - genetics 3435
  - random amplified polymorphic DNA 1557
- *Alternaria,* induced mutations 10149
- *Alternaria brassicae* 12728
- APS reductase
  - gene expression 8045
  - nucleotide sequences 8045
- breeding 1545
- cadmium
  - gene expression 4517, 6802, 8045
  - genetic transformation 4517
  - nucleotide sequences 8045
- chlorophyll, induced mutations 5677
- chromosome morphology 600
- chromosome number 11257
- chromosome pairing 11257
- colour 11266
- cultivars, NDM87-1 10102
- cytoplasmic male sterility 605, 4509, 6795, 6801
  - cytoplasmic inheritance 2456
  - genetics 4508
  - restriction fragment length polymorphism 599
- development 6801
- enzymes 4509
- *Eruca vesicaria,* intergeneric hybridization 10108
- *Erucastrum gallicum,* intergeneric hybridization 599
- ethyl methanesulfonate 5674, 5677, 10112
- fatty acids 11257
  - induced mutations 10141
  - nucleotide sequences 6778
- gamma radiation 5674, 5677, 5681, 10112-10113, 10141, 10149
- gene expression 12713
- genetic distance, random amplified polymorphic DNA 2442
- genetic resources 10124
- genetic transformation 12713
- germination, induced mutations 10112

Brassica juncea *cont.*
- glucosinolates 6820
- glutathione reductase, nucleotide sequences 11256
- glutathione synthase
  - gene expression 4517
  - genetic transformation 4517
- glyoxalase
  - gene expression 5685
  - genetic engineering 5685
  - nucleotide sequences 5685
- growth period
  - combining ability 10120
  - induced mutations 11262
- growth regulators 6801
- habit, induced mutations 11262
- heterosis 3424
- induced mutations 10113
- insects, stability 6834
- interspecific hybridization 597, 600, 6783, 8053, 10110
- *Leptosphaeria maculans* 12724
- *Lipaphis erysimi* 8054, 12731
- male sterility, induced mutations 10112
- *Moricandia arvensis,* protoplast fusion 2456
- mutagens 5674, 5677
- neutron radiation 10141
- nutritive value 11266
- oils
  - combining ability 3431, 10142
  - genetics 12719
- *Orychophragmus violaceus,* intergeneric hybridization 4505
- photoperiodism, genotype environment interaction 447
- pollen 2454
- polyploidy 2454
- proteins, genetics 12719
- protoplast fusion 8053
- quality
  - combining ability 10126
  - gene mapping 619
  - genetic variance 10126
- random amplified polymorphic DNA 594
- salinity 10144
  - gene expression 5685
- seedlings, induced mutations 5674
- seeds 611
  - combining ability 10126
  - gene mapping 619
  - genetic variance 10126
- self compatibility 6797
- sulfate adenylyltransferase
  - gene expression 4510, 6802, 8045
  - genetic transformation 4510
  - nucleotide sequences 8045
- sulfate transporter
  - gene expression 8045
  - nucleotide sequences 8045
- sulfur
  - gene expression 8045
  - nucleotide sequences 8045
- thioglucosidase
  - gene expression 8045
  - nucleotide sequences 8045
- tissue culture 10138
- toxic substances
  - gene expression 4517, 6802
  - genetic transformation 4517
- *Trachystoma ballii*
  - chloroplast genetics 2448
  - intergeneric hybridization 2448
  - protoplast fusion 2448
  - recombination 2448
- unreduced gametes 2454
- waxes
  - artificial selection 5676
  - induced mutations 11262
- yield components 10124
  - heritability 3430
  - induced mutations 5681, 10112
  - stability 6834
- yield correlations 10130-10131, 10134, 10136-10137, 11263-11264
- yields
  - combining ability 3431, 10132
  - heterosis 10132

Brassica maurorum
- interspecific hybridization 6785

***Brassica maurorum* cont.**
  random amplified polymorphic DNA 6785
  Raphanus sativus
    fertility 423
    intergeneric hybridization 423
    polyploidy 423
  restriction fragment length polymorphism 6785
Brassica napus
  abscisic acid, gene expression 6817
  anther culture 6817
  cadmium 9408
  calcium binding proteins, gene expression 11258
  cytochromes, nucleotide sequences 3441
  DNA methylation 4501
  fluorescence *in situ* hybridization 592
  glucosinolates 10139
  interspecific hybridization 5494, 8053
  jasmonic acid, gene expression 6817
  male sterility, genetics 607
  Moricandia arvensis, intergeneric hybridization 598, 8039
  morphology 598
  protein kinase
    gene expression 10516
    nucleotide sequences 10516
  protoplast fusion 8053
  Pseudomonas syringae, genetics 8052
  Raphanus sativus, intergeneric hybridization 592
  restriction fragment length polymorphism 8039
  Sinapis alba, intergeneric hybridization 10139
  sphingolipid desaturase, nucleotide sequences 3441
  thallium 9408
  toxic substances 9408
  transposable elements 4501
***Brassica napus* (rape)**
  acyl-acyl carrier protein thioesterase
    gene expression 10123
    genetic transformation 10123
  acylglycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase, molecular genetics 11259
  acyltransferases, gene expression 11265
  adenosinetriphosphatase, gene expression 5671
  anther culture 6788
  anthers 8042
  antibiotics 6794
  Apis mellifera, genetic transformation 8055
  Arabidopsis thaliana, protoplast fusion 4502
  ATP sulfurylase, gene expression 8036
  Azorhizobium caulinodans 6826
  biosafety 6072, 6779, 6782-6784, 6786, 6789, 6836-6840, 8035, 8038
    mathematics 6781
  boron 2462, 6825, 8050
  breeding 596, 1545, 2446
    history 2440
  calcium binding proteins
    gene expression 8042
    nucleotide sequences 8042
  canopy 2461
  chlorophyll 6807
    genetics 6808
    induced mutations 6808
  chlorophyll *a/b* binding protein, genetic transformation 609
  chromosome elimination 4502
  cold resistance 625, 6831, 8051, 9039
    combining ability 6814, 6830
    heterosis 6814
  colour 9035, 11266
    genetics 6804-6805, 8046
    genomes 612
  compatibility 9033
  corolla 2461
  cultivars
    High-Oil 605 10101
    Huxiuqing 613
    Huyou-12 613
    Kana 9583
    MillenniUM-01 10103
    Mystic 6777
    Sentry 3422

Brassica napus* (rape) *cont.
  cultivars *cont.*
    Tammiyuchae 590
    Xiangyou-13 589
    Yuyou-5 2441
  cytochromes, gene expression 5666
  cytoplasmic male sterility 604, 2450, 4507, 5668-5669, 6800, 6807
    artificial selection 2455
    gene expression 4506, 5671
    gene mapping 602
    genetics 608, 2452, 6793, 8044
    mitochondrial genetics 603, 4506, 6799, 9034
    nucleotide sequences 4506
    random amplified polymorphic DNA 6799
    restriction fragment length polymorphism 599
  decomposition 11261
  desiccation
    gene expression 1554
    nucleotide sequences 1554
  development 6811
    mitochondrial genetics 10121
  diacylglycerol *O*-acyltransferase, nucleotide sequences 12712
  digestibility, genetic transformation 622
  DNA, techniques 9032, 10107
  DNA hybridization 2449
  domestication 624
  dormancy 2459
  embryology 8521
  Erucastrum gallicum, intergeneric hybridization 6837
  erucic acid 589, 4507
    artificial selection 10140
    random amplified polymorphic DNA 5733
  esterases 6825
  ethyl methanesulfonate 6829
  experimental design 8034
  fatty acids 4513
    backcrossing 12720
    DNA hybridization 12720
    genetic engineering 10143
    genetic markers 8049
    genetic transformation 616, 9038
    mutations 6823
    random amplified polymorphic DNA 8049
    techniques 618
  flowering
    gene expression 8048
    genetics 4511
    nucleotide sequences 8048
  flowers 5669
    genetics 10122
  fruits 6806
    gene expression 5675
    nucleotide sequences 5675
    techniques 610
  Fulvia fulva
    gene expression 4518
    genetic transformation 4518
  gametocides 6791
  gamma radiation 6808, 8041
  gene flow 5667, 6072, 6782-6784, 6786, 6836, 6838-6840, 8035, 8038
    mathematics 6779, 6781
  gene mapping 11255
  genetic engineering 597, 2446
  genetic markers 11255
  genetic resources 4515
  genetic transformation 2459, 4513, 4930, 6782, 8035, 9029, 10105
    mathematics 6779
  germination 2459
  glucosinolates 589, 4507, 6800, 6820, 6826, 12717, 12725
    combining ability 6815
    heterosis 6815
    techniques 623
  glufosinate
    genetic engineering 4521
    genetic transformation 627-628, 3721, 5667, 6784, 6839-6840, 10107
    techniques 628
  glutamate-ammonia ligase
    gene expression 5678, 6803, 9030
    genetic transformation 9030

Brassica napus* (rape) *cont.
  glutamate-ammonia ligase *cont.*
    nucleotide sequences 5678
    restriction fragment length polymorphism 9030
  glyphosate, genetic transformation 5667
  growth period 10111
  growth regulators 2450
  gynoecium 8042
    gene expression 5670
    nucleotide sequences 5670
    promoters 5670
  haploidy 6787-6788, 6800
    pollen culture 4512
  heat shock proteins, gene expression 9980
  height, genetic markers 1550
  herbicides 6838
    biosafety 629, 6835, 6837
    genetic engineering 4521
    genetic transformation 628-629, 5667, 6072, 6784, 6835-6837, 6839-6840, 9042, 10107
    techniques 628
  heterosis 2447
  Hirschfeldia incana, intergeneric hybridization 6783-6784
  histidine
    gene expression 2460
    nucleotide sequences 2460
  hybrid seed production 5668-5669, 8040
  hybrid varieties 2446, 6776
  hybridization 2445
  hydroxyproline
    in vitro selection 6829
    induced mutations 6829
  ideotypes 2461
  insects
    biosafety 6833
    genetic transformation 4519, 6833, 8055
  interspecific hybridization 597, 612, 1556, 2452, 2459, 4503-4504, 6782-6783, 6786, 6839, 8047, 9035, 10104
  leaves, molecular genetics 595
  Leptosphaeria maculans 3422
    gene expression 12726
    gene mapping 1556
    genetics 626
    genomes 1556
    restriction fragment length polymorphism 1556
  Lesquerella fendleri, protoplast fusion 2449, 12720
  linolenic acid
    artificial selection 614
    genetic markers 614, 8049
    random amplified polymorphic DNA 5733, 8049
  male sterility 6791
    genetics 6792
    induced mutations 6794
  malonyltransferase
    gene expression 5106
    nucleotide sequences 5106
  metallothionein, gene expression 1874
  mutagens 6794, 6808, 6829
  myristic acid 616
  NADH dehydrogenase, gene expression 5666
  nitrates
    gene expression 2460
    nucleotide sequences 2460
  nitrogen 6828
  nutrients 2462, 6825, 6828, 8050
  nutritive value 11266
  oils 6822
  outcrossing 5667, 9042
  oxalic acid, pollen germination 5686
  phosphinothricin acetyltransferase, genetic transformation 627
  phosphoenolpyruvate carboxylase
    gene expression 10106
    genetic transformation 10106
  plant embryos
    gene expression 1554
    nucleotide sequences 1554
  Plutella xylostella 2464
    gene expression 11268
    genetic transformation 11268

***Brassica napus* (rape)** *cont.*
- pollen 2451
  - gene expression 5673
  - genetic transformation 6789
  - techniques 10107
- pollen culture 1552, 4513
  - gene expression 5673
- pollen germination 9033
- pollination 1547, 2453, 6789, 8035
- polygalacturonase, genetic transformation 6010
- protein kinase
  - gene expression 11254
  - nucleotide sequences 11254
- proteinase inhibitors, genetic transformation 8055
- proteins
  - gene expression 621
  - genetic transformation 621
- protoplast culture 1551
- protoplast fusion 2452, 6807
- *Pyrenopeziza brassicae* 12723
  - genetics 12727
- quality 616, 624, 4514-4515, 6822, 9038, 10100
- *Raphanus raphanistrum,* intergeneric hybridization 3423, 6783-6784, 6838
- *Raphanus sativus,* intergeneric hybridization 4506
- rhizosphere 8531
- ribosomes, gene expression 5666
- RNA polymerase, gene expression 10104
- salinity 10144
- *Sclerotinia sclerotiorum* 6832, 12725, 12730
  - pollen germination 5686
- seed aging 2458
- seeds 589, 4514-4515, 9035
  - genetic transformation 609
  - genetics 6804-6805, 8046
  - genomes 612
  - mitochondrial genetics 10121
  - storage 2458
- self incompatibility 2453
  - fluorescence *in situ* hybridization 3426
  - gene expression 3427
  - gene location 3426
  - genetic transformation 3427
  - restriction fragment length polymorphism 6798
- senescence, gene expression 1874
- shedding 2457
  - gene expression 5675
  - nucleotide sequences 5675
  - techniques 610
- *Sinapis arvensis,* intergeneric hybridization 6783-6784, 6840
- somatic embryogenesis 1553, 4513
- sowing date 5669
- sprouting 8047
- squalene monooxygenase
  - gene expression 8037
  - nucleotide sequences 8037
- stability 11267
- stems 6806
- stress
  - gene expression 12721
  - nucleotide sequences 12721
- synthetic varieties 2447
- thioesterase, genetic transformation 616, 6789
- tissue culture 6818, 8051
- triazines 6838
- tyrosine decarboxylase, genetic transformation 11260
- variegation, genetics 10118
- variety trials 5662-5665, 10100, 11253
- vernalization 625
  - genetics 4511
- yield components
  - artificial selection 6813
  - combining ability 6814-6815, 10125
  - heterosis 6814-6815, 10125, 10135
  - induced mutations 8041
  - stability 6827
- yield correlations 613, 6812, 6814-6816, 6831, 10135

***Brassica napus* (swedes),** *Leptosphaeria maculans,* artificial selection 419

Brassica nigra
- *Alternaria brassicicola* 9040
- chromosome addition 12505
- chromosome morphology 12715
- gene mapping 2443
- genomes 12505
- glucosinolates 10139
- interspecific hybridization 8053, 10139, 12505
- pollen 2454
- polyploidy 2454
- protoplast fusion 8053
- unreduced gametes 2454
- *Xanthomonas campestris* 9040

Brassica oleracea
- *Albugo candida,* genetics 453
- *Alternaria brassicicola* 4336
- anther culture 6533
- *Brevicoryne brassicae* 456
- cadmium 9408
- *Camelina sativa,* protoplast fusion 3221, 4336
- *Capsella bursa-pastoris*
  - intergeneric hybridization 5503
  - protoplast fusion 5503
- chromosome addition 12505
- flowering, genetic markers 4334
- gene mapping 441
- genetic resources 443
- genomes 12505
- glycoproteins
  - isoenzymes 9943
  - restriction fragment length polymorphism 9943
- interspecific hybridization 10104, 12505
- isoenzymes, genetic variation 4333, 12502
- microsatellites 12502
- *Peronospora parasitica* 452
  - genetics 453
- phylogeny 4333
- pollen 1366
- pollen culture 3220
- population genetics 4332
- proteins, nucleotide sequences 11067
- quality 4335
- random amplified polymorphic DNA 443, 4331, 8866
- ribosomes, nucleotide sequences 11067
- RNA polymerase, gene expression 10104
- self incompatibility 1366
  - genetics 446
  - isoenzymes 9943
  - molecular genetics 9944
  - nucleotide sequences 3217
  - recombination 10115
  - restriction fragment length polymorphism 9943
- thallium 9408
- toxic substances 9408
- *Xanthomonas campestris* 12512-12513

***Brassica oleracea* (broccoli)**
- *Alternaria brassicicola,* backcrossing 9950
- 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
  - gene expression 7851, 9940
  - genetic transformation 7851, 9940
- anther culture 12508
- breeding 428
- carotenoids 9949
- chlorophyll 9949
- cultivars, Ching-Long-45 4330
- *Erwinia carotovora* 10146
- genetic transformation 5500
- glucosinolates 9949
- growth period 8867
- hybrid varieties 4330
- interspecific hybridization 4334, 10146
- pathogenesis-related proteins, genetic transformation 9952
- *Plutella xylostella* 2464
  - gene expression 5505, 12516
  - genetic transformation 5505, 12516
- pollen culture 9948
- polyploidy, anther culture 11071
- protoplast fusion 10146
- self incompatibility, gene expression 6529
- *Sinapis alba*
  - intergeneric hybridization 9950

***Brassica oleracea* (broccoli)** *cont.*
- *Sinapis alba cont.*
  - protoplast fusion 9950
- toxins
  - gene expression 12516
  - genetic transformation 12516
- *Trichoderma harzianum,* genetic transformation 9952
- variety trials 439, 7848, 8867

***Brassica oleracea* (Brussels sprouts)**
- glucosinolates 11072
  - heritability 12509

***Brassica oleracea* (cabbages)**
- anther culture 11070
- *Arabidopsis thaliana,* protoplast fusion 11069
- biosafety 6046
- breeding 4329, 6524
- *Brevicoryne brassicae* 9953
- *Ceutorhynchus assimilis* 455
- cultivars, Shangganlan-9509 9938
- gene flow 6046
- genotype environment interaction 1365
- haploidy 11070
- heat resistance 6537
- heat shock proteins
  - gene expression 12511
  - nucleotide sequences 12511
- isoenzymes 9945
- male sterility
  - genetic markers 7850
  - random amplified polymorphic DNA 7850
- malondialdehyde 6537
- *Peronospora parasitica* 3223
- phospholipase D
  - gene expression 11068
  - nucleotide sequences 11068
- pollen 2282
- RNA 2282
- self incompatibility, techniques 2283
- variety trials 1365, 7847, 11061-11062
- yield components, genetics 7852
- yields, heterosis 12504

***Brassica oleracea* (cauliflowers)**
- *Agrobacterium tumefaciens,* genetic transformation 3214
- anther culture 12508
- aquaporin, gene expression 12510
- breeding 428, 4329
- chlorophyll, nucleotide sequences 3218
- development
  - gene expression 5502
  - nucleotide sequences 5502
- diseases 7853
- glucosinolates 12514
- growth period 10111
- interspecific hybridization 10111
- male sterility, gene mapping 445
- organelles, gene expression 9313
- *Peronospora parasitica* 12514
- proteins, gene expression 9313
- quality 449
- stress, gene expression 12510
- tissue culture 1367
- variety trials 438
- yields 12503

***Brassica oleracea* (kale)**
- *Brevicoryne brassicae* 456
- isoenzymes, genetic variation 4332
- *S*-methylcysteine sulfoxide 12506
- *Plasmodiophora brassicae,* genetics 9951
- *Plutella xylostella* 2464
- *Raphanus sativus,* intergeneric hybridization 424
- wide hybridization 12506

***Brassica oleracea* (kohlrabi)**
- heterosis 3234
- *S*-methylcysteine sulfoxide 12506
- variety trials 4343
- wide hybridization 12506

Brassica oxyrrhina
- development 6810
- fatty acids 6810
- interspecific hybridization 1546, 10110
- male sterility
  - chromosome addition 1546
  - random amplified polymorphic DNA 1546

Brassica parachinensis, *Colletotrichum higginsianum* 3222

- ***Brassica pekinensis***
  - anthers, gene expression 9942
  - biotechnology 6069
  - black speck 3224
  - bolting
    - dominance 6532
    - genetics 6530
  - breeding 4329
  - calcium 450
  - catechol oxidase 6538
  - cellulase 6538
  - colour, gene mapping 1368
  - cultivars
    - Beijing Xiaoza-61 11066
    - Qingyan 1 11063
    - Yubaicai-8 11064
    - Zaoshu-6 11065
  - dehydrins
    - gene expression 440
    - nucleotide sequences 440
  - *Diplotaxis virgata,* intergeneric hybridization 9941
  - *Erwinia carotovora* 6538, 10146
    - genetics 10147
    - heritability 10147
  - genetic transformation 442
  - heat resistance, genetic markers 451
  - *in vitro* culture 448
  - interspecific hybridization 4316, 5494, 10146
  - male sterility, genetics 3215
  - molecular genetics 2281
  - nutrients 450
  - phosphoglucomutase, genetic markers 451
  - photoperiodism, genotype environment interaction 447
  - plant embryos 3216
  - *Plasmodiophora brassicae*
    - gene mapping 1368, 1914
    - genetic markers 11074
    - genetics 12515
    - random amplified polymorphic DNA 11074
  - pollen 2282
  - polyploidy 3216
  - protoplast fusion 10146
  - quality 6069, 6534, 11073
  - RNA 2282
  - seeds, random amplified polymorphic DNA 9939
  - somaclonal variation 442
  - tissue culture 9947
  - turnip yellow mosaic tymovirus 6539
  - unreduced gametes 6526, 6528
  - variety classification, random amplified polymorphic DNA 6525
  - wide hybridization 3216
  - yields 11073
- ***Brassica procumbens***
  - chromosome number 3421
  - genetic resources 3421
- ***Brassica tournefortii***
  - development 6810, 10117
  - fatty acids 6810
  - fruits 10117
  - genetic resources 4515, 10117
  - interspecific hybridization 2452
  - protoplast fusion 2452
  - quality 4515
  - seeds 4515
- **Brassicaceae**
  - albumins
    - nucleotide sequences 5682
    - phylogeny 5682
  - *Alternaria brassicicola* 454, 9040
  - chemotaxonomy 5684
  - chromosome number 4516
  - evolution 4516
  - fatty acids 6821
  - genetic resources 436
  - genetic transformation 591
  - glucosinolates 615
  - interspecific hybridization 591, 1549
  - isoenzymes 4516
  - *Leptosphaeria maculans* 454
  - *Mycosphaerella brassicicola,* techniques 2463
  - nomenclature 3434
  - oils 6821
  - *Plasmodiophora brassicae* 454
- **Brassicaceae** *cont.*
  - pollination 1549
  - self incompatibility
    - gene expression 7292
    - genetic engineering 7292
  - thiocyanates 1767
  - tocopherols 5684
  - *Xanthomonas campestris* 9040
- **Brassinolide,** *Petunia hybrida* 795
- **Brassinosteroids**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene mapping 8483
    - molecular genetics 1920, 4934
    - mutations 903, 1920, 4884, 4934, 6018, 8483, 8498, 10532, 10534
    - reviews 10534
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 5532
    - molecular genetics 1920, 4934
    - mutations 1920, 4934, 5532
  - mutations 11809
  - *Pisum sativum*
    - molecular genetics 1920, 4934
    - mutations 1920, 4934, 6438
- **Breeders' rights** 1806, 2713-2716, 3689, 4815-4816, 5946, 7190, 8437, 9244, 9246-9247
  - *Dendranthema grandiflora* 9167
  - fruit crops 2326, 7935
  - Poaceae 12274
- **Breeding** 2704, 4806, 4808, 8430, 10479, 11663
  - *Agaricus* 7167
  - *Allium ascalonicum* 428
  - *Allium cepa* 1363, 6513
  - *Allium porrum* 4321
  - *Anacardium occidentale* 3401-3402, 11251
    - conferences 3657
  - *Ananas comosus* 5648, 6750
  - *Apium graveolens* 5507
  - Araceae, conferences 3656
  - *Arachis hypogaea* 8075
    - conferences 3660, 10469
  - *Asparagus,* conferences 7178
  - *Asparagus officinalis* 6545, 7859-7860, 7866
  - *Avena sativa* 7452
  - bamboos 10456
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 1596, 2488, 2490, 5734, 9065
    - history 9066
  - *Betula* 734
  - books 4803, 8423, 10477, 11657
  - *Brassica* 588
  - *Brassica campestris* 6527
  - *Brassica chinensis* 5494
  - *Brassica juncea* 1545
  - *Brassica napus* (rape) 596, 1545, 2446
    - history 2440
  - *Brassica oleracea* (broccoli) 428
  - *Brassica oleracea* (cabbages) 4329, 6524
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers) 428, 4329
  - *Brassica pekinensis* 4329
  - *Cajanus cajan* 4229
  - *Camellia japonica* 9154
  - *Capsicum* 8873
  - *Capsicum annuum* 3252, 12562
  - *Chamaecyparis obtusa* 1658
  - *Cichorium intybus* 3232
  - *Citrus* 2410, 5634, 12686
    - conferences 12986
  - *Citrus reticulata* 2412
  - climate, mathematics 4817
  - *Cocos nucifera* 3449, 12744
    - books 861
    - conferences 3657
    - history 3447
  - crops 1799, 3670, 5957, 9235, 10007, 10480
    - books 864
    - conferences 4797
    - heavy metals 7193
    - toxic substances 7193
  - *Cryptomeria japonica* 1658, 5832
  - *Cucumis sativus* 4385
  - *Cynara scolymus* 428
  - *Daucus carota* 4312
  - dictionaries 11661
  - *Diospyros kaki* 1532
- **Breeding** *cont.*
  - economics 2705-2706
  - *Elaeis,* reviews 4536
  - essential oil plants 8355
  - *Eucalyptus* 10287
  - *Fagopyrum esculentum* 8728
  - *Ficus carica* 6721, 6724, 6736
    - conferences 7175
  - fodder legumes 1212
  - fodder plants 1211, 6309
    - history 9727
  - forest trees 1658, 6986
    - books 10476
    - directories 5932
    - economics 4630
    - statistics 2566
  - *Fragaria ananassa* 550
    - history 5611
  - fruit crops, conferences 7181
  - *Gladiolus* 8328
  - *Glycine max* 336, 1912, 2164, 4162-4163, 7696
    - history 2163, 7697, 9783
  - *Gossypium,* conferences 853, 11648-11649
  - *Gossypium arboreum* 3539
  - *Gossypium barbadense,* history 11395
  - *Gossypium herbaceum* 3539
  - *Gossypium hirsutum* 708, 2539, 6945, 11421
    - history 5776
  - grain legumes
    - conferences 5924
    - habit 1256
  - grasses 299, 1212, 7648-7649
  - *Helianthus annuus,* history 10152
  - herbage crops 1213, 9726
  - history 8, 2703, 4807, 11686, 12006
  - *Hordeum chilense* 3912
  - *Hordeum vulgare* 1022, 1990, 5053, 5078, 11939
    - economics 4935
  - *Juglans regia* 6769
  - *Juncus effusus* 12974
  - *Lactuca sativa* 4339
  - *Leucaena* 5282, 9771
    - conferences 10468
  - *Lilium* 800
  - *Lilium longiflorum* 8338
  - *Lolium perenne* 4092
  - *Lupinus* 4150
    - books 4804
    - conferences 11647
  - *Lupinus albus* 9765
  - *Lupinus luteus* 3059
  - *Lupinus mutabilis* 10914
  - *Lycopersicon esculentum* 6552-6553, 8873
  - *Malus pumila* 1419, 2327, 4394, 6625-6627, 8908, 11177
  - mathematics 3668
  - *Medicago sativa* 4123
  - medicinal plants 8355
  - *Morus* 2384
  - *Musa* 1500, 2327, 2388, 4471, 7996
    - conferences 2693
    - reports 8409
  - *Nicotiana tabacum* 3507-3508
  - nut crops 10088
  - *Olea europaea,* conferences 11643
  - ornamental palms, conferences 10467
  - ornamental plants, conferences 2694, 10466
  - *Oryza* 4015
  - *Oryza sativa* 238, 1111-1113, 2065, 2067-2069, 2817, 2955-2957, 4015, 5155-5156, 5158, 6247, 7314, 7316, 7528-7529, 7532, 8680, 10592, 10785
    - databases 237
    - history 5153-5154, 5175, 7530-7531, 7534
    - techniques 1110
  - *Pachyrhizus ahipa* 2270
  - *Pachyrhizus erosus* 2270
  - *Pachyrhizus tuberosus* 2270
  - *Pennisetum glaucum* 4010-4011, 9652, 10767
  - *Phalaenopsis violacea* 1755
  - *Phaseolus vulgaris* 8781, 8789
  - *Picea abies* 2586, 10324

- **Breeding** *cont.*
  - *Picea glauca* 10324
  - *Picea mariana* 10324
    - techniques 10323
  - *Pinus banksiana* 8224
  - *Pinus contorta* 2591
  - *Pinus sylvestris* 2586, 12886
  - *Pinus taeda* 3569
  - *Pistacia vera* 3399
    - conferences 3655, 9229
  - *Pisum sativum* 3105
  - *Prosopis* 10300
  - *Prunus armeniaca* 2348
  - *Prunus avium* 1441-1442, 1444, 1447
    - economics 4416
    - history 1443
  - *Prunus cerasus* 1448
  - *Prunus* (cherries)
    - conferences 1794
    - history 2352
  - *Prunus domestica* 2348, 8944, 8947
  - *Prunus dulcis* 3371, 9020, 10090-10091
    - conferences 3655, 9229
  - *Prunus mume* 7950-7951
  - *Prunus persica* 2327, 2348, 4423
    - history 3289, 6688
  - *Prunus* (plums), conferences 9228
  - *Prunus salicina* 8945
  - *Pyrus*, conferences 9227
  - *Pyrus communis* 3272-3273, 6662, 8920
  - *Ribes nigrum* 548
  - root crops 2263
    - conferences 2696
  - *Rosa* 6737
  - *Saccharum*, conferences 856
  - *Saccharum officinarum* 654, 656, 5725, 6890
    - mathematics 3483
    - reviews 9059
  - *Santalum album* 831-832
  - *Sesamum indicum*, reviews 9054
  - *Sesbania sesban* 10313
  - *Solanum demissum* 3151
  - *Solanum melongena* 8873
  - *Solanum tuberosum* 3149, 3151, 4243-4244, 4247, 7794, 8813
    - conferences 4792
    - reviews 8812
  - *Sorghum bicolor* 6231, 10731-10732
  - *Spinacia oleracea* 4337
  - statistics 5945
  - *Tectona grandis* 9138
  - temperate fruits 3348
  - *Theobroma cacao* 8118, 10212
  - *Trifolium ambiguum*, reviews 321
  - triticale 1912
  - *Triticum* 2817
  - *Triticum aestivum* 1912, 1929, 2818, 3817, 4950-4952, 4954, 7314, 7316, 7326-7327, 7329, 7332, 7335, 7382, 9420-9421, 10592, 11829
    - conferences 1795, 8412, 10473
    - economics 4935
    - history 961-964, 6081, 7325, 7330, 8540
  - *Triticum durum* 2816, 7331
    - conferences 1795
    - history 961
  - vegetables 2689, 6061, 6070, 7313
  - *Viburnum opulus* 565
  - *Vicia faba* 5337, 9812
  - *Vicia sativa* 9758
  - *Vitis vinifera* 555, 3315-3316, 7981, 10047-10048
    - conferences 3658
  - *Zea mays* 1056-1057, 2013, 2905, 2909, 3948-3949, 5087-5088, 6197, 8626, 8662, 9590, 10686, 11663
    - history 3952, 5111, 11979
- ***Bremia***
  - *Lactuca* 462
  - *Lactuca sativa* 4342
- ***Bremia lactucae***
  - *Lactuca* 11076
  - *Lactuca sativa* 11076
    - gene mapping 2288
    - genetic markers 2288
    - genetic transformation 5508
- ***Brevicoryne brassicae***
  - *Brassica oleracea* 456
  - *Brassica oleracea* (cabbages) 9953
- ***Brevicoryne brassicae*** *cont.*
  - *Brassica oleracea* (kale) 456
- **Broadleaves,** development 10284
- ***Bromheadia finlaysoniana***
  - naringenin-chalcone synthase
    - gene expression 2658
    - nucleotide sequences 2658
- **Bromide,** *Medicago sativa* 3051
- **Bromoxynil**
  - *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 11442
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 8845
- ***Bromus,*** nomenclature 4120
- ***Bromus catharticus,*** phenotypic variation 5241
- ***Bromus inermis***
  - digestibility, heritability 9745
  - forage, artificial selection 7671
  - nutritive value, artificial selection 7671
- **Bronze wilt,** *Gossypium* 11428
- ***Bruchus rufimanus,*** *Vicia faba* 12375
- ***Bruguiera sexangula,*** salinity, gene expression 10312
- ***Buchloe dactyloides,*** water balance 5242
- ***Buddleja,*** *Tetranychus urticae* 10358
- **Buds,** *Prunus dulcis* 3392
- ***Bulbophyllum***
  - genetic resources 5878
  - pollination 5880, 11567
- ***Bulbophyllum involutum,*** taxonomy 1762
- **Bulbs,** *Allium cepa,* techniques 6519
- ***Bunium persicum,*** somatic embryogenesis 9215
- ***Burkholderia caryophylli,*** *Dianthus caryophyllus* 9185
- ***Burkholderia gladioli,*** *Allium cepa* 6523
- ***Bursaphelenchus xylophilus,*** *Pinus massoniana* 11500
- ***Busseola fusca,*** *Zea mays,* genetic transformation 6229
- ***Butea monosperma***
  - leaves, molecular genetics 949
  - senescence, molecular genetics 949
- ***Butia capitata,*** sexual reproduction 5809
- **Cadinene synthase**
  - *Artemisia annua,* genetic transformation 11585
  - *Gossypium,* genetic engineering 11585
- **Cadmium**
  - *Arabidopsis thaliana* 9372
  - *Brassica juncea*
    - gene expression 4517, 6802, 8045
    - genetic transformation 4517
    - nucleotide sequences 8045
  - *Brassica napus* 9408
  - *Brassica oleracea* 9408
  - *Hordeum vulgare* 4944
  - *Setaria italica* 4944
  - *Triticum aestivum*
    - gene expression 1008, 10632
    - nucleotide sequences 10632
  - *Zea mays* 9408
- ***Caesalpinia,*** taxonomy, books 1798
- ***Caesalpinia calycina,*** self incompatibility 9772
- ***Caesalpinia pluviosa,*** self incompatibility 9772
- ***Caesalpinia pulcherrima,*** pollination 11518
- **Caesalpinioideae**
  - pollen 330
  - taxonomy 330
- **Caffeate *O*-methyltransferase**
  - *Lolium perenne*
    - gene expression 4095
    - nucleotide sequences 4095
  - *Medicago sativa,* gene expression 3055
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 10446
  - *Ocimum basilicum,* nucleotide sequences 12972
  - *Petroselinum crispum,* gene expression 10446
  - *Pinus radiata,* nucleotide sequences 7016
  - *Populus canescens*
    - gene expression 4648
    - genetic transformation 4648
  - *Saccharum officinarum*
    - gene expression 11343
    - nucleotide sequences 11343
- **Caffeate *O*-methyltransferase** *cont.*
  - *Vanilla planifolia*
    - gene expression 4773
    - nucleotide sequences 4773
- **Caffeine**
  - *Coffea arabica*
    - mutations 2512
    - somaclonal variation 2512
- **Caffeoyl-CoA *O*-methyltransferase**
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 10446
  - *Petroselinum crispum,* gene expression 10446
  - *Populus,* nucleotide sequences 10296
  - *Zea mays,* nucleotide sequences 11989
- ***Cajanus acutifolius***
  - interspecific hybridization 9864
  - male sterility 9864
- ***Cajanus cajan***
  - abscission 384
  - breeding 4229
  - *Choanephora cucurbitarum* 12420
  - chromosome morphology 9782
  - chromosome pairing 3129
  - cultivars
    - ICPL85010 5434
    - Narendra Arhar-1 5433
  - *Fusarium udum* 2214
    - genetics 5443
  - genetic resources 5431
  - gibberellins 1313
  - *Glomerella cingulata* 12421
  - growth period 384
  - *Helicoverpa armigera* 7778
    - heterosis 5437
  - *Heterodera cajani* 4231
  - heterosis 12418
  - hybrid seed production 5435-5436
  - hybrid varieties 4229
  - inbreeding depression 12418
  - insects 11009, 12422
  - interspecific hybridization 5437, 9864
  - *Macrophomina phaseolina* 9870
  - male sterility 1313, 9864
  - *Meloidogyne javanica* 3069
  - nitrogen 384
  - plant hairs 7778
  - pollination 5438
  - polyploidy 9782
  - proteins, polymorphism 7774
  - quantitative traits, heritability 5439
  - random amplified polymorphic DNA 6456
  - somaclonal variation 6456
  - temperature 5438
  - tissue culture 5441, 11008
  - translocation 384
  - *Uredo cajani* 9869
  - variety trials 5432
  - *Vigna mungo,* intergeneric hybridization 3068, 3129
  - yield components
    - artificial selection 7776, 11006
    - combining ability 1314-1315, 3130, 5440
    - genetic variance 385, 1315
    - genetics 9865
    - genotype environment interaction 4230, 9868
    - heritability 385, 7775-7777, 9867
    - heterosis 3130, 5437, 12419
    - stability 386, 9868
  - yield correlations 3131, 7775-7777, 9866-9867, 11006-11007
  - yields, stability 5442
- ***Cajanus cajanifolia***
  - interspecific hybridization 9864
  - male sterility 9864
- ***Cajanus platycarpus***
  - *Helicoverpa armigera* 7778
  - plant hairs 7778
- ***Cajanus scarabaeoides***
  - *Helicoverpa armigera* 7778
    - heterosis 5437
  - interspecific hybridization 5437
  - plant hairs 7778
  - yield components, heterosis 5437
- ***Caladenia tentaculata,*** population genetics, multivariate analysis 9198
- ***Caladium bicolor,*** amplified fragment length polymorphism 12939

Caladium schomburgkii, amplified fragment length polymorphism 12939

Calamagrostis porteri
- genetic markers 6335
- polymerase chain reaction 6335
- repetitive DNA 6335

Calamus, genetic resources, books 10478

Calamus occidentalis, taxonomy 4783

Calanthe bicolor
- isoenzymes 11565
- random amplified polymorphic DNA 11565

Calanthe discolor
- isoenzymes 11565
- random amplified polymorphic DNA 11565

Calanthe sieboldii
- isoenzymes 11565
- random amplified polymorphic DNA 11565

Calathea singularis, taxonomy 8353

Calcineurin, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 6940

Calcium
- *Agapanthus africanus* 799
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 4898, 10552-10553
  - genetic engineering 10553
  - genetic transformation 10552
  - molecular genetics 2779
- *Brassica pekinensis* 450
- *Phaseolus vulgaris,* heritability 7743

Calcium binding proteins
- *Arabidopsis thaliana,* gene expression 11258
- *Brassica napus,* gene expression 11258
- *Brassica napus* (rape)
  - gene expression 8042
  - nucleotide sequences 8042

Calendula officinalis, *Sphaerotheca fuliginea* 12927

Callicarpa, taxonomy 3592

Callitriche heterophylla
- NADH dehydrogenase, nucleotide sequences 1744
- ribulose-bisphosphate carboxylase, nucleotide sequences 1744

Callitriche verna
- NADH dehydrogenase, nucleotide sequences 1744
- ribulose-bisphosphate carboxylase, nucleotide sequences 1744

Callophyllis, taxonomy, techniques 10462

Callosobruchus chinensis, *Vigna radiata* 7791

Callosobruchus maculatus
- *Pisum sativum* 12404
- *Vigna unguiculata* 12429

Calluna vulgaris
- inbreeding depression 10345
- isoenzymes
  - genetic variation 9159
  - polymorphism 11522
- pollen competition 10345
- pollination 8282
- population genetics 11522

Calmodulin
- *Arabidopsis thaliana,* gene expression 1838
- *Cicer arietinum*
  - gene expression 6452
  - nucleotide sequences 6452
- *Nicotiana benthamiana*
  - gene expression 7109
  - genetic transformation 7109
- *Nicotiana tabacum* 697
  - gene expression 2523
  - nucleotide sequences 2523
- *Oryza sativa,* gene mapping 7563
- *Petunia hybrida*
  - genetic engineering 7109
  - nucleotide sequences 7109

Calonectria *(see also Monographella; Nectria)*

Calonectria ilicicola, *Glycine max* 9809

Calpurnia, taxonomy 11526

Calreticulin
- *Nicotiana plumbaginifolia*
  - gene expression 2525
  - nucleotide sequences 2525

Calyx, *Vicia* 4148

Camalexin, *Arabidopsis thaliana,* gene expression 11778

Camelina sativa
- *Alternaria brassicicola* 4336, 9040
- *Brassica oleracea,* protoplast fusion 3221, 4336
- gamma radiation 6883
- habit, induced mutations 6883
- height, induced mutations 6883
- mutagens 6883
- somatic embryogenesis 6886
- tissue culture 6886
- *Xanthomonas campestris* 9040

Camellia
- chromosome morphology 1718
  - techniques 3499
- chromosome number 8281, 10348
- cultivars 5841
- evolution 10348
- genetic resources 5838
- light 6916
- phylogeny, random amplified polymorphic DNA 2615
- pollen
  - evolution 3500
  - ultrastructure 3500
- pollen germination 11520
- somatic embryogenesis 6916
- taxonomy 10353

Camellia japonica
- *Agrobacterium tumefaciens,* genetic transformation 5842
- breeding 9154
- microsatellites 7062

Camellia sasanqua
- cultivars
  - Paradise Joan 4691
  - Paradise Sayaka 4692

Camellia sinensis
- anatomy 10207
- aroma 3503
- chromosome morphology 3498
- chromosome number 3498
- cryopreservation 8116
- cuttings 5744
- DNA 2508
- dormancy 11355
- drought resistance 680, 11356
- embryo culture 8116
- gamma radiation 681
- genetic resources 3496
- genetic transformation 1601, 9077
- *Helopeltis theivora* 9078
- leaves 10207
- nutrients 10208
- pathogenesis-related proteins
  - gene expression 11354
  - nucleotide sequences 11354
- *Pestalotiopsis longiseta,* induced mutations 681
- *Pestalotiopsis theae* 1603
- phenolic compounds 1603
- phosphorus 10208
- photosynthesis, clonal variation 679
- plant composition 5745
- polyploidy 11353
  - somaclonal variation 3502
- quality, artificial selection 1602
- random amplified polymorphic DNA 3497
- rooting capacity 5744
- stress 10207
- tissue culture 3502
- variety trials 6914
- vegetative propagation 6915
- yield components, stability 3501
- yields 11353

Campanula, polymorphism 11543

Campanula pangea, taxonomy 4738

Campanula punctata
- cultivars, Mystic Bells 7084
- flowers, natural selection 12914
- pollen, natural selection 12914

Campanula rapunculoides
- flowers, genotype environment interaction 9171
- inbreeding depression 8311
- self incompatibility 2629, 8311

Campanula takesimana, isoenzymes, genetic variation 11810

Camptotheca acuminata, tryptophan synthase, gene expression 9202

Campylocentrum aromaticum, pollination 10402

Canarium, genetic resources, books 12997

Canavalia ensiformis
- concanavalin
  - gene expression 5454
  - genetic engineering 5454
- ecotypes 1324
- variety trials 1324

Canavalia gladiata
- ecotypes 1324
- proteins
  - gene expression 2222
  - nucleotide sequences 2222
- variety trials 1324

Canavalia lineata
- chaperonins
  - gene expression 7689
  - nucleotide sequences 7689

Canes and rattans, genetic resources, books 4802

Canna indica, nomenclature 8317

Cannabinoids
- *Cannabis sativa* 8189
  - genetics 8190

Cannabis
- gene banks 2561
- germination 2561
- *Ostrinia nubilalis* 5796
- variety trials 9121

Cannabis sativa
- archaeology 5795
- cannabinoids 8189
  - genetics 8190
- centres of origin 5795
- chromosome morphology 5794
- plant glands, genetics 6981
- plant hairs, genetics 6981, 8190
- sex 5794
  - genetics 6981
  - random amplified polymorphic DNA 4624
- variety trials 9122-9123
- yield correlations 12863

Canopy
- *Brassica napus* (rape) 2461
- *Festuca arundinacea* 4104
- *Glycine max,* gene mapping 3078
- *Lupinus albus* 5264
- *Oryza glaberrima* 9717
- *Oryza sativa* 9717
- *Pinus taeda* 760
- *Triticum aestivum* 3846

Cantharellus
- nucleotide sequences 8400
- phylogeny 8400

Cantharellus cibarius
- phylogeny
  - nucleotide sequences 5915
  - ribosomal DNA 5915

Capnodis tenebrionis, *Prunus dulcis* 10094

Capsanthin-capsorubin synthase
- *Capsicum annuum*
  - gene expression 3255
  - nucleotide sequences 3255

Capsella bursa-pastoris
- *Brassica oleracea*
  - intergeneric hybridization 5503
  - protoplast fusion 5503
- tissue culture 5503

Capsicum
- breeding 8873
- *Colletotrichum capsici* 11156
- colour 6592
- fruits 6592
- gene banks, catalogues 7904
- genetic resources 6585
- interspecific hybridization 6592
- taxonomy, random amplified polymorphic DNA 12566
- variety classification, random amplified polymorphic DNA 12566

Capsicum annuum
- 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase, gene expression 11153
- anther culture 2311, 9988, 12564
- arachidonic acid, gene expression 11153
- *Asphondylia gennadii* 12585

***Capsicum annuum* cont.**
- bentazone 1402
- biotechnology 6069
- blossom-end rot 9990
- breeding 3252, 12562
- capsanthin-capsorubin synthase
  - gene expression 3255
  - nucleotide sequences 3255
- carotenoid hydroxylases, nucleotide sequences 7907
- *Colletotrichum coccodes* 2314
- colour 1399, 6592
- cucumber mosaic cucumovirus, back-crossing 6596
- cultivars 5513
  - Biyu 5555
  - Fantasy Elixir 6586
  - Jayanti 5557
  - Ju Zao 85-1 4373
  - Kalocsai-90 6586
  - Mengjiao-3 9985
  - Numex Primavera 4372
  - Peppadew 4371
  - Steenkamp 4371
  - Xiangjiao 13 11150
  - Zhongjiao-8 7905
  - Zhongjiao-10 5556
- cytoplasmic male sterility 2312
- DNA 11152, 12569
- drought resistance 501, 9989, 11155
- ethyl methanesulfonate 1396
- flowering 11151
- fruits 6592
  - artificial selection 1397
  - genetics 1398
  - heritability 1397
- genetic distance 6589
- genetic markers 12565
- genetic resources 4370, 6585
- genetic transformation 6587
  - reviews 12563
- *Glomerella cingulata* 504, 7915
- graft hybridization 1398, 12567
- herbicides 1402
- hybrid seed production 2310, 12568
  - polymerase chain reaction 499
  - random amplified polymorphic DNA 499
- hybrid varieties 2295, 5555-5556
- induced mutations 1396
- interspecific hybridization 6592, 12565
- male sterility 2310
- *Meloidogyne arenaria* 12524
- *Meloidogyne incognita,* genetics 5558
- *Meloidogyne javanica* 12583-12584
- methanol 4374
- microsatellites 8896
- mitogen-activated protein kinase, gene expression 6516
- mutagens 1396
- nucleotide sequences 7906
- nutrients 7914
- oxidative stress
  - gene expression 3255
  - nucleotide sequences 3255
- parthenocarpy 12572
- pathogenesis-related proteins, gene expression 503
- pectins 4374
- pepper leaf curl geminivirus 12580
- pepper mottle potyvirus
  - gene mapping 2316
  - genetics 12578
- pepper veinal mottle potyvirus 12581-12582
- phosphorus 7914
- *Phytophthora capsici* 2315
  - genetics 7916
- plant disorders 9990
- plant pigments 1399
- pollination 11151
- polymerase chain reaction 12564
- *Polyphagotarsonemus latus* 9991
- polyploidy 12571
- potato Y potyvirus, genetics 12578-12579
- proteins 12571
- quality 1400, 6069, 7913, 9407
  - combining ability 6594
- *Ralstonia solanacearum* 2313, 12575-12576

***Capsicum annuum* cont.**
- random amplified polymorphic DNA 8896
- repetitive DNA 7906
- RNA, genetics 12570
- *Scirtothrips dorsalis* 9991
- seeds
  - gene expression 11152
  - storage 6590
- sesquiterpene cyclase
  - gene expression 502
  - nucleotide sequences 502
- storage 1400
- taxonomy, random amplified polymorphic DNA 12566
- tissue culture 501, 6587
  - reviews 12563
- tobacco mosaic tobamovirus, back-crossing 6596
- tomato spotted wilt tospovirus, artificial selection 1401
- transketolase
  - gene expression 498
  - nucleotide sequences 498
- tubulin 12569
  - gene expression 11152
- ultraviolet radiation
  - gene expression 502
  - nucleotide sequences 502
- variety classification 500, 3253
  - proteins 6591, 12573
  - random amplified polymorphic DNA 12566
  - seeds 12573
- variety trials 8894-8895, 9984, 11091
- vascular system 12575
- viruses 12577
  - combining ability 505
- *Xanthomonas vesicatoria* 2312, 4374
- xanthophyll, nucleotide sequences 7907
- yield components
  - combining ability 505, 6593-6594, 7911
  - genetics 7912
  - heritability 3254
  - heterosis 6593, 12574
  - statistics 7910
- yield correlations 6595, 7909, 8897, 11154
  - mathematics 9987

Capsicum chinense
- defensins, nucleotide sequences 9986
- genetic markers 12565
- interspecific hybridization 12565
- *Meloidogyne incognita,* genetics 5559
- pepper mild mottle tobamovirus, genetic transformation 4375
- pepper mottle potyvirus, gene mapping 2316
- polyploidy 12571
- proteins 12571

Capsicum flexosum, isoenzymes 7908

Capsicum frutescens
- random amplified polymorphic DNA 6588
- variety classification
  - proteins 6591, 12573
  - seeds 12573

Carbofuran, *Zea mays* 10725

Carbohydrates
- *Arabidopsis thaliana,* mutations 906
- *Avena sativa* 8624
- *Lolium perenne* 4101
- *Nicotiana tabacum,* gene expression 6937
- *Triticum aestivum* 1009

Carbon
- *Arabidopsis thaliana* 898
- *Populus* 11472
- *Solanum tuberosum,* genetic transformation 2238

Carbon dioxide
- *Cyclamen persicum* 10393
- *Fragaria ananassa* 11207
- *Glycine max* 6395
- *Populus* 11473
- *Solanum tuberosum,* genetic transformation 9902

Cardamine, phylogeny, chloroplast genetics 3793

Cardaminopsis arenosa, *Arabidopsis thaliana,* intergeneric hybridization 2739

Cardenolides, *Digitalis obscura* 10431

Carica cauliflora, interspecific hybridization 574

Carica papaya
- cysteine proteinases
  - gene expression 11242
  - nucleotide sequences 11242
- fruits, artificial selection 11243
- interspecific hybridization 574
- *Meloidogyne incognita* 12701
- papaya ringspot potyvirus, genetic transformation 4487, 12700
- somatic embryogenesis, techniques 1527
- yield components, artificial selection 5649, 11243
- yield correlations 5650, 8019, 11244

Carissa carandas
- fruits 1537
- seeds 1537

Carotene desaturase, *Zea mays,* nucleotide sequences 11990

Carotenes
- *Cucurbita* 6608
- *Daucus carota,* amplified fragment length polymorphism 1347
- *Hordeum chilense* 7322
- *Triticum durum* 7322

Carotenoid hydroxylases, *Capsicum annuum,* nucleotide sequences 7907

Carotenoids
- *Brassica oleracea* (broccoli) 9949
- *Citrus unshiu,* nucleotide sequences 11228
- gene expression, reviews 11699
- genetic transformation, reviews 11699
- *Hippophae rhamnoides* 7995
- *Prunus persica* 1472
- *Solanum tuberosum* 9906

Carpinus betulus, chimaeras, DNA fingerprinting 729

Carpobrotus chilensis
- flowering 4758
- sexual reproduction 4758

Carpobrotus edulis
- flowering 4758
- sexual reproduction 4758

Carthamus, genetic resources 10156

Carthamus tinctorius
- *Acanthiophilus helianthi* 12743
- fatty acids 8069
  - germplasm releases 6864
- germplasm releases 6862
- oils 8069
- oleic acid, germplasm releases 6864
- proteins 8069
- *Uroleucon compositae* 10158
- variety trials 4534, 6863
- yield components
  - combining ability 11297
  - genetic variance 3444
  - heritability 3445, 11298
  - heterosis 4535
  - somaclonal variation 10157
- yield correlations 3445, 11298

Carum, taxonomy 8378

Carum carvi
- annual habit 7151
- variety trials 2676

Carya illinoinensis
- colour 1540
- development 6770
- fruits 1540
- genetic resources 5660
- proteins
  - gene expression 2436
  - nucleotide sequences 2436
- rootstocks 6770
- somatic embryogenesis, amplified fragment length polymorphism 10097
- sugars, clonal variation 4497

Caryedon serratus, *Arachis hypogaea* 12756

Caryopsis (*see* Seeds)

Caryopteris, taxonomy 11529

Caspases, *Nicotiana tabacum* 702

Cassava African mosaic bigeminivirus
- *Manihot esculenta* 12479-12480
- reviews 12481

- **Cassava African mosaic bigeminivirus** *cont.*
  - *Nicotiana benthamiana*
    - gene expression 5775
    - genetic transformation 5775
- ***Cassia,*** taxonomy 10437
- ***Cassia obtusifolia***
  - cell culture 7143
  - *Glycine max,* intergeneric hybridization 6392
- ***Castanea***
  - cultivars, Ercijieshibanli 1541
  - everbearing habit 1541
- ***Castanea crenata,*** amplified fragment length polymorphism 3394
- ***Castanea henryi,*** variety classification 580
- ***Castanea mollissima,*** amplified fragment length polymorphism 3394
- ***Castanea sativa***
  - *Dermatophagoides farinae,* nucleotide sequences 3395
  - gene flow 11249
  - isoenzymes, genetic variation 11249
  - polyvinyl-pyrrolidone 581
  - proteinase inhibitors, nucleotide sequences 3395
  - tissue culture 581
  - *Tribolium castaneum,* nucleotide sequences 3395
- ***Casuarina***
  - anatomy 12881
  - *Anoplophora chinensis* 2585, 12881
  - *Pseudomonas* 2585
- ***Casuarina equisetifolia,*** habit, heritability 4663
- ***Casuarina glauca***
  - genetic transformation 8213
  - genomes 9140
  - haemoglobin, genetic transformation 11489
  - nodulation, genetic transformation 11489
- **Catalase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 2761
    - nucleotide sequences 1834
  - *Hordeum vulgare,* mutations 3920
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 5476
    - genetic engineering 5476
  - *Oryza*
    - nucleotide sequences 8712
    - phylogeny 8712
  - *Oryza sativa,* nucleotide sequences 1834
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 5476
  - *Zea mays,* gene expression 2017, 6212, 10707
- **Catalogues**
  - *Capsicum,* gene banks 7904
  - *Nicotiana,* gene banks 9084
  - *Nicotiana tabacum,* gene banks 9084
  - *Solanum tuberosum,* cultivars 8422
- **Catechin,** *Gossypium hirsutum* 9117
- **Catechol oxidase**
  - *Brassica pekinensis* 6538
  - *Prunus armeniaca*
    - gene expression 6673
    - nucleotide sequences 6673
  - *Solanum hjertingii,* dominance 5466
  - *Solanum* (tuberous species), dominance 5466
- ***Catharanthus roseus***
  - adenylylsulfate reductase
    - gene expression 11583
    - nucleotide sequences 11583
  - alkaloids
    - gene expression 10422
    - induced mutations 7141
  - aromatic-L-amino-acid decarboxylase
    - gene expression 4765, 7140
    - genetic engineering 3528, 4765
    - nucleotide sequences 4765
    - promoters 4765
  - cell culture 4769
  - desacetoxyvindoline 4-hydroxylase, gene expression 813
  - DNA binding proteins
    - gene expression 12947
    - nucleotide sequences 12947
  - enzymes, gene expression 4769
  - ethyl methanesulfonate 7141
- ***Catharanthus roseus*** *cont.*
  - *N*-ethyl-*N*-nitrosourea 7141
  - flavonoid 3′-monooxygenase
    - gene expression 12949
    - nucleotide sequences 12949
  - genetic transformation 4768
  - growth regulators, gene expression 7140
  - isochorismate hydroxymutase, molecular genetics 10418
  - jasmonic acid, gene expression 7140
  - leaves, induced mutations 7141
  - light, gene expression 813
  - mutagens 7141
  - naringenin-chalcone synthase
    - gene expression 12949
    - nucleotide sequences 12949
  - proteins, gene expression 4769
  - strictosidine synthase
    - gene expression 7140, 12947
    - genetic engineering 3528, 10424
    - genetic transformation 1768
    - nucleotide sequences 10424
    - promoters 10424
  - tryptophan decarboxylase, genetic transformation 1768
- ***Cattleya deckeri,*** taxonomy 5884
- **CDP-diacylglycerol-inositol 3-phosphatidyltransferase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 11722
    - gene mapping 11722
    - nucleotide sequences 11722
- **CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 6092
    - genetic transformation 6092
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 6092
    - genetic transformation 6092
  - *Triticum aestivum*
    - gene expression 6092
    - genetic engineering 6092
    - nucleotide sequences 6092
- ***Cecidophyopsis ribis,*** *Ribes nigrum* 12665
- **Cecropin**
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 7623
    - genetic transformation 5219, 7623
- ***Cedrela odorata,*** *Hypsipyla grandella* 12882
- ***Cedronella canariensis***
  - male sterility 2627
  - outcrossing 2627
- ***Cedrus libani,*** random amplified polymorphic DNA 5830
- **Cefotaxime,** *Gossypium* 1643
- ***Ceiba insignis***
  - morphology 753
  - pollen 753
- **Cell culture** 9394
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 8109
  - *Cassia obtusifolia* 7143
  - *Catharanthus roseus* 4769
  - *Cucumis sativus* 6615
  - *Cyclamen persicum* 10393
  - *Dactylis glomerata* 9734
  - *Dalbergia latifolia* 3563
  - *Daucus carota* 2249
  - *Dioscorea bulbifera* 8851
  - *Iris hollandica* 5870
  - *Lilium formolongi* 803
  - *Lycopersicon esculentum*
    - peroxidases 6569
    - salinity 6569
  - *Musa* 2392, 11226
  - *Nicotiana tabacum* 2232, 2249, 6939, 9098, 10233
    - adenosylmethionine decarboxylase 3529
    - arginine decarboxylase 3529
    - methionine adenosyltransferase 3529
    - methyl jasmonate 3529
    - ornithine decarboxylase 3529
    - putrescine *N*-methyltransferase 3529
    - sugars 11385
    - water balance 11385
  - *Oryza sativa* 3000-3001
    - nitrite reductase 6281
  - *Pisum sativum* 5379
  - *Prunus armeniaca* 536
  - *Solanum nigrum* 83
- **Cell culture** *cont.*
  - *Solanum tuberosum* 83, 2232
  - *Stevia rebaudiana* 5743
  - *Vetiveria zizanioides* 843
  - *Zea mays* 208, 12089
- **Cell division** 6048
  - *Allium cepa*
    - lead 11060
    - toxic substances 11060
  - *Arabidopsis thaliana* 36, 9381
    - gene expression 911, 2769
    - mutations 911-912, 4861
    - nucleotide sequences 2769
  - *Citrus* 11234
  - conferences 10472
  - *Convallaria majalis* 11552
  - *Cucumis sativus* 6614
  - *Cucurbita ficifolia* 6614
  - *Cucurbita moschata* 6614
  - *Cymbidium* 11569
  - gene expression 8520
    - reviews 7277
  - *Hordeum vulgare* 4944
    - gene expression 95
  - *Luzula luzuloides* 8749
  - *Medicago sativa*
    - gene expression 4127, 12304
    - nucleotide sequences 12304
  - molecular genetics 3774
    - reviews 7277
  - *Nicotiana tabacum* 1620, 5758, 10233
    - gene expression 4578, 5759
  - *Oryza sativa,* gene expression 4035, 4062
  - *Petunia hybrida* 795
  - *Picea abies* 11505
  - *Raphanus sativus* 9922
  - reviews 7275-7276, 11783
  - *Setaria italica* 4944
  - *Solanum tuberosum* 11025
  - *Triticum aestivum* 4973, 9453
    - gene expression 11847
    - nucleotide sequences 11847
  - *Vicia faba* 3091
  - *Vicia sativa* 6367
  - *Zea mays* 10699
    - gene expression 95, 12030
    - genetic transformation 95
    - mutations 2032, 2927
- **Cell walls**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - artificial selection 1918
    - nucleotide sequences 7236
  - *Linum usitatissimum* (flax), artificial selection 1918
- **Cells**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 51
  - fruit crops, molecular genetics 10008
  - *Gossypium hirsutum,* gene expression 4607
  - *Hordeum vulgare,* ultrastructure 9572
  - *Lilium,* ultrastructure 11561
  - molecular genetics 5984
  - *Solanum tuberosum* 4290
- **Cellulase**
  - *Agaricus bisporus,* gene expression 2687
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 51
    - mutations 51
    - nucleotide sequences 51
  - *Brassica pekinensis* 6538
  - *Fragaria ananassa*
    - gene expression 4453, 6705
    - nucleotide sequences 4453, 6705
  - *Medicago sativa*
    - gene expression 11802
    - genetic transformation 11802
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 11802
    - genetic transformation 11802
  - *Populus,* nucleotide sequences 10297
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 11802
    - genetic transformation 11802
- **Cellulose,** *Hordeum vulgare,* mutations 9560
- **Cellulose synthase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene mapping 9345
    - mutations 9345
  - gene expression, reviews 11688
- ***Cenchrus ciliaris***
  - aneuploidy 6336

- ***Cenchrus ciliaris*** *cont.*
  - apomixis
    - genetic markers 12166
    - restriction fragment length polymorphism 12166
  - cold resistance 236
  - plant composition 6338
- ***Cenchrus setigerus,*** cold resistance 236
- ***Centaurea paui,*** tissue culture 7098
- ***Centella asiatica***
  - cultivars
    - Kayakirti 11582
    - Majjaposhak 11582
- ***Centranthus amazonum,*** taxonomy 3607
- ***Centranthus trinervis,*** taxonomy 3607
- **Centres of diversity**
  - crops 6058, 11671
  - fodder legumes 7642
  - *Hordeum vulgare* 6174
  - *Oryza sativa* 9710
  - *Solanum* 6058
- **Centres of origin**
  - *Cannabis sativa* 5795
  - *Hordeum spontaneum* 8614
  - *Lycoris radiata* 12933
  - *Malus pumila* 6647
  - *Oryza sativa* 4055
  - *Phaseolus vulgaris* 3099
- **Centromeres**
  - *Arabidopsis thaliana* 3723
  - *Oryza sativa,* molecular genetics 10817
- ***Centrosema virginianum,*** outcrossing 326
- ***Cephalanthera***
  - chromosome banding 10406
  - cytotaxonomy 10406
- ***Cephalosporium*** (*see also Hymenula; Phialophora)*
- ***Cephalosporium maydis,*** *Zea mays,* combining ability 5116
- ***Cerasus*** (*see Prunus)*
- ***Ceratitis capitata,*** *Prunus persica* 8985
- ***Ceratocystis paradoxa***
  - *Cocos nucifera* 12748
  - *Phoenix dactylifera* 4492
- ***Ceratonia siliqua***
  - genetic resources 10081
  - hermaphroditism 10081
- ***Ceratopetalum gummiferum,*** cultivars, VIC90-1 10338
- ***Ceratopteris richardii***
  - development, molecular genetics 12941
  - DNA binding proteins
    - gene expression 12980
    - nucleotide sequences 12980
  - sex
    - gene expression 12980-12981
    - nucleotide sequences 12980
- ***Cercidium praecox,*** random amplified polymorphic DNA 2156
- ***Cercospora*** (*see also Mycosphaerella)*
  - *Vigna radiata,* induced mutations 3133
- ***Cercospora beticola***
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 5737, 5742, 12784
    - artificial selection 3493
    - germplasm releases 6910, 12785
- ***Cercospora canescens***
  - *Vigna angularis* 7790
  - *Vigna radiata* 12437
- ***Cercospora lythracearum***
  - *Lagerstroemia fauriei* 5846
  - *Lagerstroemia indica* 5846
- ***Cercospora sojina,*** *Glycine max* 2185, 9808, 12354
- ***Cercospora zeae-maydis,*** *Zea mays,* genetics 12120
- **Cercosporin,** *Oryza sativa* 12242
- **Cereals**
  - cold resistance 9418
    - mathematics 11824
  - cultivars 9402, 10593
  - development
    - evolution 11817
    - molecular genetics 11817
  - diseases 10599
    - genetic transformation 10598
  - DNA 6074
  - drought resistance 9417
  - endosperm 9415
  - experimental design 3684
  - flavonoids, genetic engineering 6075
- **Cereals** *cont.*
  - fungi 11826
  - genetic resources 2807
  - genetic transformation 4939
  - hybrid varieties, conferences 2699
  - ideotypes 3800
  - nematicides 11827
  - plant introduction 10591
  - *Pratylenchus neglectus* 11827
  - *Pratylenchus thornei* 11827
  - quality, genotype environment interaction 11819
  - secalins, genetics 9416
  - variety classification 6076
    - polymerase chain reaction 2811
  - variety trials 2690, 8533
    - mathematics 3684
- ***Ceutorhynchus assimilis, Brassica oleracea*** (cabbages) 455
- ***Chaenomeles,*** random amplified polymorphic DNA 3276
- **Chalcone isomerase**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 9375
  - *Glycine max*
    - gene expression 3089
    - nucleotide sequences 3089
  - *Petunia hybrida,* nucleotide sequences 794
- **Chalcone reductase**
  - *Sesbania rostrata*
    - gene expression 12342
    - nucleotide sequences 12342
- **Chalcone synthase** (*see* Naringenin-chalcone synthase)
- ***Chamaecrista rotundifolia,*** outcrossing 326
- ***Chamaecyparis obtusa***
  - breeding 1658
  - isoenzymes, genetic variation 4682-4683
- ***Chamelaucium,*** essential oils 1716
- ***Chamelaucium floriferum***
  - essential oils 1716
  - *Verticordia plumosa,* intergeneric hybridization 1716
- ***Chamelaucium uncinatum,*** essential oils, genetic variation 836
- ***Chamomilla recutita***
  - chemotaxonomy 9208
  - chromosome banding 8359
  - flavonoids 9208
  - inflorescences, mutations 11589
  - somatic embryogenesis, tissue culture 7144
  - tissue culture 820
- **Chaperones**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - mitochondrial genetics 8128
    - nucleotide sequences 8128
  - *Nicotiana tabacum*
    - mitochondrial genetics 8128
    - nucleotide sequences 8128
- **Chaperonins**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 10506
    - nucleotide sequences 10506
  - *Canavalia lineata*
    - gene expression 7689
    - nucleotide sequences 7689
- ***Chaptalia hintonii,*** nomenclature 3609
- **Chemicals** (*see* under individual chemical names; Fungicides; Gametocides; Growth regulators; Herbicides; Mutagens; Nutrients; Pesticides; Plant composition; Toxic substances)
- **Chemotaxonomy** 4925
  - *Achillea* 5904
  - *Achillea millefolium* 5904
  - *Aconitum* 4735
  - *Aegilops* 11937
  - angiosperms 4926
  - *Angophora* 11464
  - *Astragalus* 8764
  - *Betula,* flavonoids 5802
  - Brassicaceae 5684
  - *Chamomilla recutita* 9208
  - *Delphinium* 4735
  - *Eucalyptus* 1664, 6992, 11464
  - *Flaveria bidentis* 9183
  - *Genista* 9165
  - *Helleborus* 4735
  - *Hibiscus* 3590
  - *Juniperus* 1706
- **Chemotaxonomy** *cont.*
  - *Juniperus cont.*
    - essential oils 9153
  - *Juniperus oxycedrus* 11514
  - lipids 944
  - *Lupinus*
    - alkanes 5266
    - globulins 12334
    - waxes 5266
  - *Mentha* 11609
  - *Oenothera* 8099
  - *Origanum vulgare* 3644
  - *Petunia* 8326
  - *Pinus* 763
    - isoenzymes 5821
  - *Portulaca,* diterpenoids 5892
  - *Rosa* 782
    - multivariate analysis 5847
  - *Saxifraga,* diterpenoids 5861
  - *Trigonella* 825
  - *Tulipa* 1754
  - *Viburnum* 11525
  - *Vitis* 8999
- ***Chenopodium,*** random amplified polymorphic DNA 4082
- ***Chenopodium album***
  - herbicides 6841
  - natural selection 6841
  - RNA polymerase
    - gene expression 4857
    - genetic engineering 4857
- ***Chenopodium quinoa***
  - gene banks 9722
  - genetic resources 9722
- ***Chenopodium rubrum***
  - cyclins, nucleotide sequences 5227
  - enzyme inhibitors, nucleotide sequences 8730
  - retinoblastoma, nucleotide sequences 5228
- **Chiasmata** (*see* Crossing over)
- **Chilling requirement,** *Prunus persica* 4439
- ***Chilo infuscatellus,*** *Saccharum officinarum* 1595, 11346, 12772
- ***Chilo partellus***
  - *Sorghum bicolor,* combining ability 2060
  - *Zea mays,* genetic transformation 6229
- **Chimaeras**
  - *Carpinus betulus,* DNA fingerprinting 729
  - *Gladiolus* 7117
    - colour 7117
  - *Picea glauca,* DNA fingerprinting 729
  - *Quercus robur,* DNA fingerprinting 729
  - *Vitis vinifera* 6710
  - *Zea mays,* leaves 12063
- ***Chimonanthus praecox,*** random amplified polymorphic DNA 8277
- ***Chionachne koenigii,*** isoenzymes, polymorphism 2037
- **Chitinase**
  - *Allium cepa*
    - gene expression 8229
    - genetic transformation 8229
  - *Cicer arietinum* 11003
  - *Cucumis sativus,* genetic engineering 5772
  - *Fragaria ananassa,* nucleotide sequences 8995
  - genetic engineering 1811
  - *Glycine max* 5320
    - nucleotide sequences 7710
  - *Hordeum vulgare,* genetic engineering 8618
  - *Lycopersicon chilense,* gene expression 4356
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 4356
  - *Nicotiana sylvestris*
    - gene expression 6935
    - genetic transformation 6935
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 687, 5772, 8229
    - genetic transformation 5772, 8229
    - nucleotide sequences 687, 8130
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 6255, 7559
    - gene mapping 2967
    - genetic engineering 2870, 5135
    - genetic transformation 6255
    - nucleotide sequences 2967

Chitinase *cont.*
- *Persea americana*
  - gene expression 4488
  - nucleotide sequences 4488
- *Pinus*
  - gene expression 8229
  - genetic engineering 8229
- *Pisum sativum* 7765
- *Rosa hybrida,* genetic transformation 4719
- *Solanum tuberosum*
  - gene expression 9893
  - nucleotide sequences 9893
- *Sorghum bicolor*
  - gene expression 5135
  - genetic transformation 5135
- *Sphenostylis stenocarpa,* nucleotide sequences 9887
- *Triticum aestivum* 149
  - genetic transformation 2870, 8618
  - genetics 2869
- vegetables, gene expression 6068

Chloramphenicol *O*-acetyltransferase
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 1622
  - genetic transformation 1622

Chlorine, *Glycine max* 10957

Chlormequat, *Pisum sativum* 1300

Chlorogenic acid
- *Citrullus lanatus* 12600
- *Coffea pseudozanguebariae,* genetics 6917
- *Saccharum officinarum* 2485

Chlorophyll
- *Arachis hypogaea,* mutations 3466
- *Brassica juncea,* induced mutations 5677
- *Brassica napus* (rape) 6807
  - genetics 6808
  - induced mutations 6808
- *Brassica oleracea* (broccoli) 9949
- *Brassica oleracea* (cauliflowers), nucleotide sequences 3218
- *Cicer arietinum,* induced mutations 3119
- *Crossandra infundibuliformis,* induced mutations 11521
- *Curcuma longa,* induced mutations 10442
- *Glycine max*
  - linkage 5312
  - mutations 5311-5312
- *Gossypium hirsutum,* genetic markers 714
- *Helianthus annuus*
  - genetics 4527
  - induced mutations 10154
  - mutations 4527
- *Hordeum vulgare*
  - gene mapping 1995
  - induced mutations 1036, 3925, 5061
  - mutations 159, 164, 2880, 3922, 3929, 5064, 5069
- *Lens culinaris,* induced mutations 1307
- *Lycopersicon peruvianum,* mutations 12530
- *Nicotiana sylvestris*
  - gene expression 9088
  - nucleotide sequences 9088
- *Nigella sativa,* induced mutations 12962
- *Oryza sativa* 2999, 10845
  - mutations 5197
- *Pennisetum glaucum,* mutations 6245
- *Phaseolus vulgaris,* induced mutations 8782, 9820
- *Pistacia vera* 3412
- *Pisum sativum*
  - gene location 7759
  - genetics 7759
  - induced mutations 3110, 6437
- *Raphanus sativus*
  - genetics 12493
  - mutations 12493
- *Sorghum bicolor,* techniques 12161
- *Triticum aestivum* 980
  - artificial selection 9519
- *Vigna mungo,* induced mutations 11015, 12431
- *Vigna radiata,* induced mutations 6464
- *Vitis vinifera,* techniques 10054
- *Zea mays*
  - gene location 12068
  - genetics 12075-12077

Chlorophyll *cont.*
- *Zea mays cont.*
  - induced mutations 12058
  - mutations 12067-12068

Chlorophyll *a/b* binding protein
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 2775
  - molecular genetics 9325
  - mutations 2775
- *Brassica napus* (rape), genetic transformation 609
- *Pisum sativum,* gene expression 2208, 12395
- *Prunus persica*
  - gene expression 4434-4435
  - nucleotide sequences 4434-4435

Chlorophytum borivilianum, somatic embryogenesis 9205

Chlorophytum zingiberastrum, taxonomy 8349

Chloroplast genetics
- *Abies* 3583, 8258
- *Abies alba* 758
- *Acacia,* phylogeny 4658
- *Actinidia* 6064
- *Aegilops* 150
- *Aesculus,* evolution 4661
- *Allium*
  - evolution 8862
  - phylogeny 7845
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 9929
- *Allium ampeloprasum,* cytoplasmic male sterility 9933
- *Allium cepa,* ribulose-bisphosphate carboxylase 9929
- *Allium fistulosum,* ribulose-bisphosphate carboxylase 9929
- *Allium porrum,* cytoplasmic male sterility 9933
- *Arabidopsis thaliana*
  - methionyl-tRNA synthetase 4855
  - RNA polymerase 14
- *Armoracia,* phylogeny 3793
- Arundinoideae 10880
- *Brachycome,* phylogeny 11541
- *Brassica juncea, Trachystoma ballii* 2448
- *Cardamine,* phylogeny 3793
- *Cicer arietinum* 8802
- conferences 11646
- *Daucus,* phylogeny 5479
- *Daucus carota* 7822
  - phylogeny 5479
- evolution 2799
- *Faidherbia,* phylogeny 4658
- genetic transformation 11713
- *Gleditsia,* phylogeny 3565
- *Glycine max,* DNA binding proteins 7712
- *Glycine soja* 342
- *Gossypium,* evolution 12837
- *Hordeum* 6157
- *Hordeum vulgare,* photosynthesis 9557, 11943
- light 9268
- *Lupinus* 10932
- *Lycopersicon* 6064
- *Mangifera,* phylogeny 5647
- *Medicago,* phylogeny 1234
- *Medicago truncatula* 6350
- *Moraea,* taxonomy 3616
- *Nasturtium,* phylogeny 3793
- *Nicotiana* 6064
- *Nicotiana tabacum* 9087, 9098
  - gene mapping 11371
  - genetic transformation 11720
  - photosynthesis 9100
  - proteins 10585
  - RNA polymerase 14, 9086
    - genetic transformation 10225
    - mutations 10225
- *Nothofagus nervosa,* geography 752
- *Oenothera* 4727
- *Oenothera hookeri* 2622
- *Olea europaea,* male sterility 12750
- *Oryza sativa*
  - photosynthesis 271
  - proteins 10585
- *Pelargonium,* phylogeny 8287
- *Phaseolus*
  - phylogeny 4205
  - techniques 10963

Chloroplast genetics *cont.*
- *Phaseolus lunatus*
  - phylogeny 4205
  - techniques 10963
- photosynthesis 3705
- *Picea abies* 758
- *Picea glauca,* taxonomy 12895
- *Picea mariana,* taxonomy 12895
- *Picea rubens,* taxonomy 12895
- *Pinus*
  - evolution 3572
  - genetic markers 3572
- *Pinus caribaea* 8232
- *Pinus devoniana,* phylogeny 7014
- *Pinus halepensis* 758
- *Pinus sylvestris,* genetic variation 11492
- *Pinus thunbergii,* proteins 10585
- *Pistacia,* phylogeny 10099
- *Pisum sativum*
  - RNA 8794
  - ultraviolet radiation 8794
- *Populus deltoides* 4645
- *Populus nigra* 8205
- *Pyrus* 2344
- *Quercus,* phylogeny 12872
- *Quercus pubescens* 9130
- *Quercus robur* 12871
- reviews 7215
- *Ribes,* phylogeny 11200
- RNA 9268
- RNA polymerase 9267
- *Rorippa,* phylogeny 3793
- *Saxifraga,* phylogeny 12923
- *Sinapis alba,* transcription factors 630
- *Solanum brevidens,* cold resistance 8834
- *Solanum commersonii,* cold resistance 8834
- *Solanum tuberosum* 2231, 3155
  - cold resistance 8834
  - gene expression 12442
  - genetic transformation 12442
- *Sorghum,* phylogeny 12156
- *Sorghum bicolor* 6234
- *Spinacia oleracea* 7855
  - ATP synthase 458
  - RNA polymerase 14
- *Stylosanthes,* phylogeny 12339
- *Syringa,* phylogeny 780
- *Triticum aestivum* 8549
  - light 2826
  - photoperiodism 8559
- *Vicia,* phylogeny 2193, 6410
- *Vicia faba,* genetic transformation 11720
- *Zea mays* 7472, 12050
  - proteins 10585
  - RNA polymerase 7473
  - transcription factors 7473

Chloroplasts
- *Adiantum capillus-veneris,* mutations 10412
- *Arabidopsis thaliana* 35
  - gene expression 8458, 8478, 11760
  - gene mapping 10524
  - genetic transformation 924
  - mutations 43, 924, 3745, 3747, 6028
  - nucleotide sequences 3724, 8458
- *Cucurbita pepo,* gene expression 6606
- evolution 9396
- genetic transformation 11713
- *Hordeum vulgare*
  - gene expression 5071
  - mutations 8605
  - ultrastructure 9572
- molecular genetics 9396
- *Musa* 2395
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 12806
  - genetic transformation 11720, 12806
- *Oryza*
  - phylogeny 12227
  - restriction fragment length polymorphism 12227
- *Pisum sativum* 370
- *Solanum tuberosum*
  - gene expression 12442
  - genetic transformation 12442
- *Spinacia oleracea,* adenosinetriphosphatase 11075
- *Vicia faba*
  - gene expression 357
  - genetic transformation 11720

- **Chloroplasts** *cont.*
  - *Zea mays*
    - gene expression 199
    - induced mutations 199, 12058
    - mutations 5105
- ***Chloroscypha platycladus,*** *Thuja orientalis* 11516
- **Chlorosis**
  - *Glycine max,* artificial selection 4160
  - *Oryza sativa* 3011
  - *Phaseolus vulgaris*
    - artificial selection 4160
    - genetics 5363
  - *Rhododendron,* gene mapping 9158
- **Chlorsulfuron,** *Asparagus officinalis, in vitro* selection 7875
- ***Choanephora cucurbitarum,*** *Cajanus cajan* 12420
- **Choline monooxygenase**
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 2536
  - *Spinacia oleracea,* genetic engineering 2536
- **Choline oxidase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 9361
    - genetic transformation 8500, 9361
- **Chorismate pyruvate-lyase**
  - *Lithospermum erythrorhizon*
    - *Agrobacterium rhizogenes* 8266
    - genetic transformation 8266
    - tissue culture 8266
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 3519
    - genetic transformation 3519
- **Chromatids** (*see also* Sister chromatid exchange)
- **Chromatin**
  - *Hordeum vulgare* 10586
  - *Secale cereale* 10586
  - *Triticum durum* 973
  - *Vicia faba* 10586
- ***Chromatomyia horticola,*** *Solanum tuberosum* 12472
- **Chromosome aberrations**
  - *Allium ascalonicum* 8858
  - *Allium cepa* 6049, 12495
  - Fabaceae 9728
  - *Glycine max* 344
  - *Helianthus annuus* 11278
  - *Hordeum vulgare* 1994, 3914, 3916
    - induced mutations 3915
  - *Lathyrus sativus,* induced mutations 6372
  - *Manihot esculenta* 11051
  - *Phlox drummondii* 787
  - *Pisum sativum* 372
  - *Raphanus sativus* 9921
  - *Tradescantia pallida* 938
  - *Tradescantia paludosa* 938
  - *Trigonella foenum-graecum* 8370
  - *Triticum aestivum,* anther culture 990
  - *Triticum durum* 4972
  - *Vicia faba* 938, 5341
    - induced mutations 9814
  - *Zea mays* 210, 2918
- **Chromosome addition**
  - *Aegilops, Erysiphe graminis* 5031
  - *Aegilops geniculata* 10606
  - *Aegilops ovata* 9448
  - *Aegilops variabilis, Meloidogyne naasi* 5049
  - *Aegilops ventricosa* 5051
  - *Allium cepa* 5492, 6517
  - *Allium fistulosum* 5492, 6517
    - fertility 8859
  - *Brassica campestris* 12505
  - *Brassica nigra* 12505
  - *Brassica oleracea* 12505
  - *Brassica oxyrrhina,* male sterility 1546
  - *Elymus* 1940
  - *Festuca pratensis* 4097
  - *Glycine max* 4178
  - *Glycine tomentella* 4178
  - *Hordeum chilense* 7319
  - *Lolium perenne* 4097
  - *Lycopersicon esculentum,* fluorescence *in situ* hybridization 9967
  - *Oryza eichingeri* 6263, 6300
  - *Oryza punctata* 1139, 2094
  - *Oryza sativa* 1139, 2094, 6263, 6300
  - *Secale cereale* 1942, 1982
- **Chromosome addition** *cont.*
  - *Solanum tuberosum,* fluorescence *in situ* hybridization 9967
  - *Triticum aestivum* 1940, 1942, 1982, 5051, 7319, 9448, 10606
    - *Erysiphe graminis* 5031
    - *Meloidogyne naasi* 5049
    - *Puccinia recondita* 2865, 5041
    - salinity 1975
    - yield components 127
- **Chromosome banding**
  - *Aegilops,* genomes 9538
  - *Aegilops caudata* 5050
  - *Aegilops cylindrica* 10655
  - *Allium cepa* 4324
  - *Cephalanthera* 10406
  - *Chamomilla recutita* 8359
  - *Cucumis sativus* 1415
  - *Elymus elongatus* 2834
  - *Epipactis* 10406
  - *Gossypium barbadense* 1638
  - *Gossypium herbaceum* 1638
  - *Helianthus annuus* 6846
  - *Helianthus argophyllus* 6846
  - *Medicago sativa* 8754
  - *Prunus persica* 8983
  - *Secale cereale* 7462
  - *Triticum aestivum* 976, 2834, 6098, 7462
  - *Triticum durum* 11844
  - *Vicia* 5340
  - *Vicia faba* 3092
  - *Zea mays* 2917
  - *Zinnia elegans* 5850
- **Chromosome breakage**
  - *Hordeum vulgare,* polymerase chain reaction 1032
  - *Triticum aestivum* 9437
- **Chromosome disposition**
  - *Cypripedium californicum* 1756
  - *Hordeum* 8601
  - *Triticum aestivum* 6101
  - *Vicia faba* 3091
- **Chromosome elimination**
  - *Arabidopsis thaliana* 4502
  - *Brassica napus* (rape) 4502
  - *Hordeum* 8601
  - *Paspalum subciliatum* 3041
- **Chromosome fragments** (*see* Aneuploidy)
- **Chromosome maps** (*see* Gene mapping; Linkage)
- **Chromosome morphology**
  - *Adesmia* 3063
  - *Aiphanes acanthophylla* 10343
  - *Aiphanes caryotifolia* 10343
  - *Allium* 3201
  - *Allium nutans,* clonal variation 12494
  - *Allium sativum* 5491
  - *Alstroemeria* 3612
  - *Anthoxanthum odoratum* 5240
  - *Arabidopsis thaliana,* reviews 4851
  - Arecaceae 10344
  - *Bomarea* 3612
  - *Brassica barrerieli* 600
  - *Brassica carinata* 12715
  - *Brassica juncea* 600
  - *Brassica nigra* 12715
  - *Cajanus cajan* 9782
  - *Camellia* 1718
    - techniques 3499
  - *Camellia sinensis* 3498
  - *Cannabis sativa* 5794
  - *Chrysanthemum* 8308
  - *Cicer songaricum* 6451
  - *Citrus* 6745
  - *Clivia* 8331
  - *Crithopsis delileana* 7668
  - *Cymbopogon distans* 3647
  - *Dactylis glomerata* 10885
  - *Dendranthema indicum* 7096
  - *Elaeis guineensis* 3446
  - *Elaeis oleifera* 3446
  - *Elymus* 1940
  - *Eremurus altaicus* 8332
  - *Ferocactus* 10409
  - *Girardinia diversifolia* 8188
  - *Habenaria* 4756
  - *Hordeum* 1033
  - *Mammillaria* 9201, 10411
  - *Melocactus* 3629
  - *Momordica charantia* 4931
  - *Nicotiana tabacum,* tissue culture 3532
- **Chromosome morphology** *cont.*
  - *Ophiopogon japonicus* 7127
  - *Pachypodium lamerei* 10410
  - *Pachypodium namaquanum* 10410
  - *Pachypodium rosulatum* 10410
  - *Passiflora miersii* 4931
  - *Phaseolus lunatus* 4931
  - *Picea* 12894
  - *Pinus yunnanensis* 3573
  - *Piper* 8371
  - *Pisum sativum* 371
  - *Pseudotaxus chienii* 1703
  - *Saccharum officinarum*
    - fluorescence *in situ* hybridization 10189
    - techniques 10189
  - *Scheelea lauromuelleriana* 10343
  - *Scilla sinensis* 4747
  - *Silene latifolia* 9170
  - *Solanum* 10083
  - *Syagrus coronata* 10343
  - *Syagrus quinquifaria* 10343
  - *Taxus* 1703
  - techniques 867, 8332
  - *Thapsia garganica* 7155
  - *Tripsacum* 12026
  - *Triticum aestivum* 1940, 9455
  - *Triticum durum* 867
  - *Vernonia* 3479, 10183
  - *Vicia* 2152
  - *Vicia cordata* 9760
  - *Vicia sativa* 9760
  - *Vicia serratifolia* 9759
  - *Vigna* 12432
  - *Vigna unguiculata* 9782
  - *Zea mays* 12017, 12026
  - *Zingiber officinale* 823, 3641
- **Chromosome number**
  - *Acacia* 7005
  - *Adenium* 12940
  - *Adesmia* 3063
  - *Alstroemeria* 3612
  - *Androcymbium* 10390
  - angiosperms 9387
  - *Anthurium* 12897
  - *Apuleia leiocarpa* 6373
  - Arecaceae 10344
  - *Arum* 3613
  - *Aster* 2626
  - *Betula nana* 12867
  - *Betula pubescens* 12867
  - *Bomarea* 3612
  - *Brassica campestris* 10109
  - *Brassica juncea* 11257
  - *Brassica procumbens* 3421
  - Brassicaceae 4516
  - *Camellia* 8281, 10348
  - *Camellia sinensis* 3498
  - *Citrus* 6745
  - *Citrus sinensis* 6744
  - *Clausena lansium* 6744
  - *Colocasia esculenta* 9919
  - *Crocus* 7149
  - *Elaeis guineensis* 3446
  - *Elaeis oleifera* 3446
  - *Eruca vesicaria* 10109
  - *Fagopyrum homotropicum* 12271
  - forest trees 8195
  - *Fragaria ananassa* 7978
  - *Fragaria pentaphylla* 7978
  - *Genista* 4700
  - *Helictotrichon* 1225
  - *Hemarthria altissima* 4117
  - *Lathyrus odoratus* 3062
  - *Lathyrus pratensis* 3062
  - *Limonium* 9182
  - *Lolium multiflorum,* somaclonal variation 1218
  - *Lupinus* 9766
  - *Lycopersicon esculentum* 11112
  - *Malus pumila* 6624
  - *Medicago* 5253
  - *Medicago falcata* 5251
  - *Melocactus* 3629
  - *Mentha piperita* 10445
  - *Momordica charantia* 4931
  - *Musa* 4473
  - *Nicotiana tabacum* 2232
  - *Osmunda japonica,* fluorescence *in situ* hybridization 8347
  - *Oxytropis* 7690

Chromosome number *cont.*
  Passiflora miersii 4931
  Phaseolus lunatus 4931
  Philodendron 12897
  Pinaceae 8223
  Populus tremula 4647
  Prunus mume 7956
  Pyrus communis 6624
  Rosa 8195
  Rosa dumalis 7083
  Rosa rubiginosa 7083
  Rubus 3296, 4448
  Saccharum 9060
  Selaginella 7128
  Solanum commersonii 7802
  Solanum nigrum 4265
  Solanum tuberosum 2232, 4265, 7802
  Triticum aestivum 120, 2833
  Triticum durum 120
  Tuber aestivum 8396
  Ulmus 7004
  Vernonia 3479, 10183
  Vicia cordata 9760
  Vicia sativa 6367, 9760
  Zea mays 9604
  Zea perennis 9604
  Zingiberaceae 8372
Chromosome pairing 935, 1894, 3775, 8519
  Aegilops geniculata 10656
  Aegilops speltoides 3840
  Aegilops tauschii 10654
    fluorescence *in situ* hybridization 3798
  Aegilops triuncialis 6097
  Aegilops variabilis 7352
    genetics 6100
  Aegilops ventricosa 5051
  Agropyron cristatum 10654
    fluorescence *in situ* hybridization 3798
  Alstroemeria aurea, fluorescence *in situ* hybridization 4746
  Alstroemeria inodora, fluorescence *in situ* hybridization 4746
  Amaranthus cruentus 9723
  Amaranthus powellii 9723
  Amaranthus retroflexus 9723
  Avena nuda 5080
  Avena sterilis 5080
  Brassica campestris 10109
  Brassica juncea 11257
  Cajanus cajan 3129
  Elymus 10890
  Elymus canadensis 5056
  Elymus elongatus 10605
  Eragrostis curvula, somaclonal variation 12295
  Eruca vesicaria 10109
  Festuca 2132
  Festuca pratensis 4098, 8742
  Gossypium arboreum 5778
  Gossypium barbadense 5778
  Gossypium bickii 5778
  Gymnocalycium 2663
  Hordeum chilense, fluorescence *in situ* hybridization 3798
  Hordeum vulgare 5056, 7321
  Hystrix duthiei 12292
  Hystrix longearistata 12292
  Leymus 9738
  Leymus flavescens 9738
  Lilium longiflorum 4751
  Lolium 2132
  Lolium perenne 4098
  Lycopersicon esculentum 8818
  Magnolia hypoleuca 3589
  Magnolia liliiflora 3589
  Mammillaria 9200, 10411
  Manihot esculenta 12477
  Paspalum subciliatum 3041
  Phoenix dactylifera 4490
  Secale cereale
    genetics 7457
    mutations 7457
  Solanum 8819
  Solanum tuberosum 8818
  Trifolium pratense 5258
  Trigonella foenum-graecum 8370
  Tripsacum dactyloides 12011
Chromosome pairing *cont.*
  Triticum aestivum 3840, 4971, 4975, 5051, 6097, 7321, 7352, 7354-7355, 8554, 9449, 9457
    genetics 1943, 6100, 9451
    mutations 1944, 3839
    polymerase chain reaction 3839
  Triticum araraticum 8554
  Triticum durum 7355, 10605
  Triticum militinae 9457
  Triticum timopheevii 7355, 8554, 9457
  Vaccinium darrowii 6701
  Vigna mungo 3129
  Zea mays 9605, 12011
    mutations 1067, 2031
Chromosome substitution
  Aegilops, Erysiphe graminis 5031
  Aegilops geniculata 10606
  Aegilops ovata, copper 5017
  Dasypyrum villosum 1941
  Elymus elongatus
    colour 4976
    salinity 11884
    seeds 4976
  Elymus tsukushiensis 11842
  Festuca pratensis 7653
  Hordeum vulgare 2877
  Lolium perenne 7653
  Pisum sativum
    histones 8795
    leaves 8795
  Secale cereale 1942, 4942
    spring and winter habit 4945
    Triticum aestivum 7460
  triticale 7463
  Triticum aestivum 1941-1942, 4959, 5027, 9438, 10606, 11842-11843
    amylose 8571
    barley yellow dwarf luteovirus 11926
    cold resistance 1971
    colour 4976
    copper 5017
    Erysiphe graminis 5031
    Fusarium culmorum 7407
    growth period 6111
    nutrients 5013
    Oulema melanopus 11930
    plant hairs 11930
    quality 8572
    salinity 11884
    secalins 8572
    seedlings 4980
    seeds 4976
    spring and winter habit 4945
    zinc 5013
  Triticum dicoccoides 9438
  Triticum durum 4942
    nitrogen 9474
    nutrients 9474
    water balance 9474
  Triticum macha 5027
Chromosome translocation
  Agropyron cristatum, Triticum aestivum 3835
  Arabidopsis thaliana 9290
  Elymus, Puccinia recondita 6145
  Elymus elongatus 2834
    Aceria tosichella 8747
    wheat streak mosaic rymovirus 8747
  Elymus hispidus 7353
    Aceria tosichella 8747
    wheat streak mosaic rymovirus 8747
  Lens culinaris 9850
  Lycopersicon esculentum 8818
  Muscari comosum 7114
  Paeonia brownii 5849
  Paeonia californica 5849
  Pisum sativum 6434
  Plantago ovata 2665
  Rhoeo spathacea 8360
  Rubus (blackberries) 5602
  Rubus fruticosus 2361
  Rubus idaeus 2361
  Rubus (raspberries) 5602
  Secale cereale
    drought resistance 3804
    reviews 11841
  Solanum tuberosum 8818
  Triticum aestivum 976, 2834, 7353, 7355
    Aceria tosichella 8747
    barley yellow dwarf luteovirus 9532
Chromosome translocation *cont.*
  Triticum aestivum cont.
    drought resistance 3804
    Erysiphe graminis 7405
    fluorescence *in situ* hybridization 9454
    gliadin 4969, 9494
    glutenins 4969, 5009, 9492-9494
    nutrients 2857-2858
    Puccinia recondita 6145, 7405, 7415, 10649
    Puccinia striiformis 7405
    quality 1962, 7420, 8572, 11866, 11869, 11873
    reviews 11841
    Schizaphis graminum 7420
    secalins 8572
    techniques 4974
    wheat streak mosaic rymovirus 8747
    yield components 11846
  Triticum durum 2832, 7355, 11844
    glutenins 9492-9493
    quality 2850
    yields 2850
  Triticum timopheevii 7355
  Zea mays 12010
    digestibility 12102
    endosperm 12100-12101
Chromosome transmission
  Allium cepa 6517
  Allium fistulosum 6517
  Raphanus sativus 424
  Secale cereale 7461
  Triticum aestivum 4970, 7461
  Zea mays 5100, 12022
    accessory chromosomes 2029
Chromosomes
  angiosperms 1899
  Arabidopsis thaliana, induced mutations 8464
  gene expression 11784
  Glycine max, polymerase chain reaction 7715
  Hordeum vulgare 6162, 10586
  Saccharum 5728
  Secale cereale 10586
  Sorghum 5728
  techniques 7274
  Vaccinium macrocarpon 3305
  Vicia faba 10586
  Vigna 3134
Chrysanthemum (*see also Dendranthema)*
  chromosome morphology 8308
Chrysophtharta bimaculata, *Eucalyptus regnans* 4640
Chusquea, taxonomy 3648
Chymotrypsin inhibitors
  Glycine max 5319
  Psophocarpus tetragonolobus, molecular genetics 5455
Cicer
  Ascochyta rabiei 5429
  Botrytis cinerea 11005
  embryo culture 5411
  Fusarium oxysporum 5429
  interspecific hybridization 5411
  maackiain 11005
  ovule culture 5411
  proteins 1311
  seeds 1311
  taxonomy, random amplified polymorphic DNA 6454
Cicer arietinum
  amine oxidase (copper-containing)
    gene expression 5291, 5412
    nucleotide sequences 5412
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
    gene expression 4225
    nucleotide sequences 4225
  Ascochyta rabiei 5427, 7773, 12415
    gene mapping 5428
    genetic markers 5426
    nucleotide sequences 10995
  calmodulin
    gene expression 6452
    nucleotide sequences 6452
  chitinase 11003
  chlorophyll, induced mutations 3119
  chloroplast genetics 8802
  cold resistance 1312, 5423, 8803

***Cicer arietinum** cont.*
  crop density 5421
  cytochrome P-450, nucleotide sequences 10996
  drought resistance 3127, 5424, 11000
  embryo culture 5411
  enzymes 7773
  ethyl methanesulfonate 3119
  fruits 3121
  Fusarium oxysporum 3128, 5427, 5430, 11003-11004, 12414
    gene mapping 383
    genetic markers 383
    linkage 383
  gamma radiation 3119
  genetic markers 5410, 8801
  genetic transformation 5283
  germination 9860
  growth period, genetics 7769
  Helicoverpa armigera 12416-12417
  heterosis
    microsatellites 9858
    random amplified polymorphic DNA 9858
  histones, nucleotide sequences 6450
  interspecific hybridization 5411, 5423
  legumin, nucleotide sequences 4226
  Macrophomina phaseolina 5430
  malic acid 12415
  mechanical damage 10998
  Meloidogyne incognita 12414
  metallothionein, gene expression 3120
  N-methyl-*N*-nitrosourea 3119
  microsatellites 12411
  morphology 5413
    heterosis 7768
  mutagens 3119
  naringenin-chalcone synthase, nucleotide sequences 10995
  nitrogen fixation, artificial selection 5425
  nodulation 6455
    mutations 3125, 5420
  nutrients 382
  nutritive value 1257, 3126, 4228
  ovule culture 5411
  photoperiodism, genetics 7769
  proline-rich proteins
    gene expression 1309
    nucleotide sequences 1309
  proteinase inhibitors 11003
  proteinases 11003
  proteins 5414
    artificial selection 5288
    heritability 5415
  quality 1257, 3126, 9860, 12413
  random amplified polymorphic DNA 5409, 10997
  regenerative ability
    combining ability 11001
    heritability 11001
  restriction fragment length polymorphism 10997
  Rhizobium 5421, 6455
  Rhizoctonia solani 5292
  ribonucleases, nucleotide sequences 6449
  salinity, artificial selection 5425
  Sclerotinia sclerotiorum 5292
  seedlings, genotype environment interaction 4227
  seeds 5414, 10998
    stability 5416
  sowing date 5413, 9863
  tissue culture 3125, 5419
  trans-cinnamate 4-monooxygenase, nucleotide sequences 9859
  transposable elements
    gene mapping 7767
    nucleotide sequences 7767
  trypsin inhibitors, artificial selection 5288
  wide hybridization 9862
  yield components 12412
    artificial selection 7770
    dominance 9862
    epistasis 9862
    genetic variance 381, 5418, 7772
    heritability 378, 5415, 5418, 7771-7772, 9861, 11000
    multivariate analysis 380, 3122, 9863
    stability 3121
  yield correlations 379, 1310, 3123-3124, 5417, 6453, 7771, 10999

***Cicer arietinum** cont.*
  yields 5421, 9860
    stability 5416, 5422, 5424, 11002
  zinc 382
Cicer bijugum
  Botrytis cinerea 11005
  maackiain 11005
Cicer echinospermum
  microsatellites 12411
  random amplified polymorphic DNA 5409
Cicer reticulatum
  cold resistance 5423
  interspecific hybridization 5423
  microsatellites 12411
Cicer songaricum, chromosome morphology 6451
Cichorium
  haemoglobin
    gene expression 11088
    nucleotide sequences 11088
Cichorium endivia
  flowering, genetic transformation 1372
  interspecific hybridization 11088
  tipburn 466
  variety trials 465-466
Cichorium intybus
  ancymidol 3233
  artificial selection 9957
  breeding 3232
  cultivars
    Carmine 2293
    Endigia 2293
  DNA methylation 9958
  flowering 8871
  forcing 464
  in vitro culture 8871
  interspecific hybridization 11088
  tissue culture 3233, 6548
  variety trials 464
Cifuna locuples, Glycine max 7728
Cimicifuga nanchuanensis
  dormancy 8361
  germination 8361
  pollination 11532
Cimicifuga simplex, pollination 11532
Cinchona, taxonomy 4772
Cinnamomum camphora, essential oils 10450
Cinnamoyl-CoA reductase
  Saccharum officinarum
    gene expression 11343
    nucleotide sequences 11343
Cinnamyl-alcohol dehydrogenase
  Eucalyptus globulus
    gene expression 11461
    nucleotide sequences 11461
  Medicago sativa
    gene expression 5252
    genetic transformation 5252
  Nicotiana tabacum
    gene expression 699
    genetic transformation 699, 8135
  Picea abies, nucleotide sequences 765
  Populus canescens
    gene expression 4648
    genetic transformation 4648
  Saccharum officinarum
    gene expression 11343
    nucleotide sequences 11343
Circadian rhythm
  Arabidopsis thaliana
    mutations 9352
    nucleotide sequences 4856
    promoters 4856
    reviews 9355
  Ipomoea batatas, gene expression 12486
Cissus quadrangularis, taxonomy 10438
Cistella japonica, Thujopsis dolabrata 5836
Citrate synthase
  Arabidopsis thaliana, genetic engineering 11046
  Daucus carota
    gene expression 7821, 11046
    genetic transformation 11046
    nucleotide sequences 7821
Citrullus colocynthis
  fatty acids 11162
  oils 11162
Citrullus lanatus
  chlorogenic acid 12600

***Citrullus lanatus** cont.*
  cultivars 1408, 5513
    Hainong-6 9996
    Kustovoĭ-334 1409
  DNA, techniques 6597
  drought resistance 9992
  embryology 8900
  experimental design 9995
  ferulic acid 12600
  flowers 1407
  fruit cracking, genetics 6603
  fruits 508
    genetic transformation 6602
    genetics 6603
  Fusarium oxysporum 12600-12601
    genetic transformation 4376
  gene banks 5564
  genetic resources 1407, 9992
  height, genetics 1410
  male sterility, genetics 1410
  plant disorders 508
  polyploidy 8899-8900
  proteins, nucleotide sequences 2319
  quality 508
  random amplified polymorphic DNA 6597
  variety classification 3257
  viruses 4377
  wide hybridization 8899
Citrus
  biotechnology 5637
  breeding 2410, 5634, 12686
    conferences 12986
  cell division 11234
  chromosome morphology 6745
  chromosome number 6745
  citrus tristeza closterovirus, genetic markers 2417
  colchicine 8009
  cold resistance 11236
  cultivars
    Tacle 5636
    Tantian Juyou 1514
  Diaphorina citri 12697
  DNA 5644
  embryo culture 9011
  Fortunella, intergeneric hybridization 11230
  fruits 9013
  gene banks 2411, 3355, 9013
  gene mapping 2415, 6743
  genetic markers 2415, 12691
    reviews 10070
  genetic transformation 3359, 5638, 8005, 12688
  β-glucuronidase
    gene expression 6742
    genetic transformation 6742
  hybrid varieties 1514
  interspecific hybridization 9011
  iron 3364
  limonoids 5641
  Murraya paniculata, protoplast fusion 8007
  nutrients 3364
  Phaeoramularia angolensis 10077
  Phyllocnistis citrella 11238
  Phyllocoptruta oleivora 4484
  phylogeny
    microsatellites 2413
    nucleotide sequences 4479
  Phytophthora nicotianae 4483
  plant introduction 2410
  pollen 11229
  polyploidy 8009, 9011
  Poncirus, intergeneric hybridization 6743
  protoplast culture 11234
  protoplast fusion 2424, 4476-4477, 8014, 12693
  protoplasts 11236
  repetitive DNA 6743
  rootstocks 3364, 4477, 4483, 6747
    polymorphism 2428
  salinity, reviews 6747
  seedlessness, induced mutations 8011
  somatic embryogenesis 12694
  taxonomy 5644, 10076
  tissue culture 12694
  Tylenchulus semipenetrans 12696
  variety classification
    isoenzymes 5642

- ***Citrus*** *cont.*
  - variety classification *cont.*
    - random amplified polymorphic DNA 5642
  - variety trials 12687
  - vegetative propagation 5634
  - X radiation 11234
  - *Xylella fastidiosa* 2426-2427, 4482
- ***Citrus aurantiifolia,*** isoenzymes, genetics 8012
- ***Citrus aurantium***
  - amplified fragment length polymorphism 3360
  - gene mapping 3360
  - random amplified polymorphic DNA 3360
  - restriction fragment length polymorphism 3360
  - tissue culture 1518
  - variety classification 12692
- ***Citrus clementina***
  - essential oils 1519
  - interspecific hybridization 1519, 2418
  - polyploidy 2418
  - protoplast fusion 2418
- ***Citrus deliciosa***
  - *Poncirus trifoliata*
    - intergeneric hybridization 2423
    - protoplast fusion 2423
- ***Citrus ichangensis***
  - cuttings 3361
  - genetic resources 1508
  - interspecific hybridization 3361, 8008
  - protoplast fusion 3361
- ***Citrus jambhiri***
  - cuttings 3361
  - interspecific hybridization 3361, 8008
  - lipoxygenase, nucleotide sequences 9009
  - protoplast fusion 3361
- ***Citrus latifolia,*** isoenzymes, genetics 8012
- ***Citrus latipes***
  - amplified fragment length polymorphism 3360
  - gene mapping 3360
  - random amplified polymorphic DNA 3360
  - restriction fragment length polymorphism 3360
- ***Citrus limon***
  - essential oils 1519
    - heterosis 1520
  - genomes 1517
  - interspecific hybridization 1519-1520, 5640
  - isoenzymes, genetics 8012
  - limonoids 11230
  - protoplast fusion 5640, 11237
  - random amplified polymorphic DNA 1517, 2414
  - variety classification
    - amplified fragment length polymorphism 11231
    - random amplified polymorphic DNA 11231
  - wide hybridization 11237
- ***Citrus limonia***
  - protoplast culture 11235
  - seedlings, random amplified polymorphic DNA 2416
- ***Citrus macrophylla,*** tissue culture 1518
- ***Citrus maxima***
  - *Antheraea proylei,* genetic transformation 12695
  - Citrus tristeza closterovirus, genetics 8015
  - cold resistance 4480
  - cultivars, Shuitu Wuhehongxinyou 1513
  - interspecific hybridization 1514, 11234
  - *Poncirus trifoliata,* intergeneric hybridization 8015
  - proteins, genetic transformation 12695
- ***Citrus medica,*** aspartate aminotransferase, genetics 2420
- ***Citrus meyeri,*** isoenzymes, genetics 8012
- ***Citrus nobilis***
  - pollen 3362
  - taxonomy 3362
- ***Citrus paradisi***
  - *Poncirus trifoliata,* intergeneric hybridization 2421
  - tissue culture 1518
- ***Citrus paradisi*** *cont.*
  - variety classification, random amplified polymorphic DNA 2421
- ***Citrus reshni,*** protoplast culture 11235
- ***Citrus reticulata***
  - breeding 2412
  - cultivars
    - Leshan Yiyugan 1515
    - Qianyang Wuhe Ponkan 10072
    - Taitian 1516
    - Wuhexueganlinghao 1512
  - *Fortunella crassifolia,* intergeneric hybridization 11236
  - interspecific hybridization 1514, 5636, 11234, 11236
  - mechanical damage 4481
  - pollen 3362
  - pollination, xenia 6746
  - polyamines 4481
  - polyploidy 5636, 8010
  - quality, xenia 6746
  - somatic embryogenesis 8013
    - cryopreservation 11233
    - tissue culture 11233
  - taxonomy 3362
  - tissue culture 5643, 8013
- ***Citrus sinensis***
  - chromosome number 6744
  - *Clausena lansium,* protoplast fusion 6744
  - cold resistance
    - *in vitro* selection 5645
    - induced mutations 5645
  - cultivars, Yihongcheng 1511
  - cuttings 3361
  - essential oils, heterosis 1520
  - *Fortunella crassifolia,* protoplast fusion 3361
  - genetic transformation 3359, 5639, 8004
  - harvesting 10071
  - hydroxycinnamic acids 569
  - interspecific hybridization 1520, 3361, 5636, 5640, 8008, 11236
  - naringenin-chalcone synthase
    - gene expression 12690
    - nucleotide sequences 12690
  - ovule culture 2422
  - pectinesterase, nucleotide sequences 2419
  - polyploidy 5636
  - *Poncirus trifoliata,* intergeneric hybridization 2421, 5639, 8005
  - protein kinase
    - gene expression 3363
    - nucleotide sequences 3363
  - protoplast fusion 3361, 5640
  - quality 1521
  - random amplified polymorphic DNA 6744
  - regenerative ability 11232
  - somatic embryogenesis 11232
  - variety classification 569
    - random amplified polymorphic DNA 2421
  - variety trials 1509-1510, 10071
  - volatile compounds 1521
- ***Citrus sunki,*** ***Poncirus trifoliata,*** intergeneric hybridization 10074
- ***Citrus taiwanica,*** variety classification 12692
- **Citrus tristeza closterovirus**
  - *Citrus,* genetic markers 2417
  - *Citrus maxima,* genetics 8015
  - *Poncirus trifoliata* 1522
    - genetics 8015
- ***Citrus unshiu***
  - adenosinetriphosphatase
    - gene expression 10073
    - nucleotide sequences 10073
  - carotenoids, nucleotide sequences 11228
  - dehydrins
    - gene expression 8006
    - nucleotide sequences 8006
  - fruits
    - gene expression 4478, 9010
    - nucleotide sequences 9010
  - growth period 10075
  - metallothionein
    - gene expression 9010
    - nucleotide sequences 9010
  - seed production 10075
  - sucrose-phosphate synthase, gene expression 4478
- ***Citrus unshiu*** *cont.*
  - variety trials 5635
- ***Cladosporium*** (*see also Cercospora; Fulvia; Venturia*)
- ***Clarkia***
  - linalool synthase
    - evolution 12920
    - nucleotide sequences 12920
- ***Clarkia australis***
  - interspecific hybridization 7103
  - taxonomy 7103
- ***Clarkia springvillensis***
  - genetic markers 4728
  - population genetics 4728
- ***Clarkia unguiculata,*** clines 7102
- ***Clarkia virgata***
  - interspecific hybridization 7103
  - taxonomy 7103
- **Classification** (*see* Taxonomy; Variety classification)
- ***Clausena lansium***
  - chromosome number 6744
  - *Citrus sinensis,* protoplast fusion 6744
  - random amplified polymorphic DNA 6744
- ***Clavibacter michiganensis***
  - *Lycopersicon esculentum* 12540
  - *Lycopersicon parviflorum* 12540
  - *Solanum tuberosum* 3169, 4290-4291
- ***Claviceps purpurea,*** ***Poa pratensis,*** stability 12278
- **Cleistogamy**
  - *Festuca* 1220
  - *Gossypium hirsutum* 8168
  - *Hordeum spontaneum,* genetics 3917
- ***Clematis henryi,*** taxonomy 8291
- ***Clematis xinhuiensis,*** taxonomy 8291
- ***Clematis zhejiangensis,*** taxonomy 8291
- ***Clerodendrum,*** taxonomy, molecular genetics 5845
- **Climate**
  - breeding, mathematics 4817
  - *Pinus contorta,* genetics 12890
  - *Vicia faba* 355
- **Clines**
  - *Artemisia tridentata,* terpenoids 2131
  - *Clarkia unguiculata* 7102
  - *Ephedra gerardiana* 8365
  - *Ephedra pachyclada* 8365
  - *Picea abies* 8255
- ***Clivia,*** chromosome morphology 8331
- **Clonal variation** (*see also* Somaclonal variation)
  - *Allium nutans*
    - chromosome morphology 12494
    - polyploidy 12494
  - *Camellia sinensis,* photosynthesis 679
  - *Carya illinoinensis,* sugars 4497
  - *Fragaria chiloensis*
    - biomass 12669
    - translocation 12669
  - *Hevea brasiliensis* 4625
  - *Malus pumila* 522
  - *Musa* 2386
  - *Olea europaea* 11302
    - quality 11326
  - *Pelargonium,* essential oils 7157
  - *Picea sitchensis,* wood properties 7027
  - *Pinus massoniana,* cones 11494
  - *Prunus domestica* 8946, 8962
  - *Quercus havardii* 6994
  - *Vitis vinifera* 3317, 11209, 11219
    - quality 10057
- ***Cnaphalocrocis medinalis***
  - *Oryza sativa* 7630
    - genetic transformation 3024
- ***Cnidium officinale***
  - cryopreservation 8362
  - somatic embryogenesis 8362
- ***Cnidoscolus angustidens,*** genetic resources 3478
- ***Cochlearia*** (*see also Armoracia*)
- ***Cochliobolus heterostrophus***
  - *Sorghum bicolor,* gene expression 12157
  - *Zea mays* 3984, 7484
    - heterosis 2940
    - mutations 2051
- ***Cochliobolus lunatus,*** ***Zea mays*** 7504, 8664
- ***Cochliobolus miyabeanus,*** ***Oryza sativa,*** techniques 1204

- ***Cochliobolus sativus***
  - *Aegilops tauschii* 3884
  - *Avena sativa* 10682
  - *Festuca pratensis* 6330
  - *Hordeum vulgare* 8617, 10672-10673, 11953
  - Triticeae 8585
  - *Triticum aestivum* 8585, 11897, 11903
    - genetics 11900
  - *Triticum durum* 3884
- ***Cochliobolus spicifer***
  - *Cucumis sativus* 12611
  - *Oryza sativa* 12244
- **Coconut lethal yellowing**
  - *Cocos nucifera* 3457
    - artificial selection 3456
    - genetics 3456
- ***Cocos nucifera***
  - breeding 3449, 12744
    - books 861
    - conferences 3657
    - history 3447
  - *Ceratocystis paradoxa* 12748
  - coconut lethal yellowing 3457
    - artificial selection 3456
    - genetics 3456
  - cultivars 10160
  - DNA fingerprinting 10161
  - drought resistance 3454-3455, 12746
  - embryo culture 3452-3453, 10162
  - fruits 3450
  - gene banks 3448, 5696-5697, 5699
  - genetic markers 10161
  - genetic resources 5698, 5700-5701, 10162, 12745
  - germination 641
  - *in vitro* culture 8071
  - lethal yellowing 641
  - microsatellites, variety classification 6866
  - *Phyllachora torrendiella* 12747
  - physiology 12746
  - phytoplasmas 3457
    - artificial selection 3456
    - genetics 3456
  - plant composition 3450
  - *Radopholus similis* 12749
  - *Sphaerodothis acrocomiae* 12747
  - stomata 3455
  - tissue culture 642, 3451, 3455
  - variety classification, restriction fragment length polymorphism 1565
  - water balance 3454
- ***Codariocalyx gyroides,*** outcrossing 326
- **Codeinone reductase**
  - *Papaver somniferum*
    - gene expression 10428
    - genetic engineering 10428
    - nucleotide sequences 10428
- ***Codonopsis pilosula,*** geography, DNA fingerprinting 10419
- ***Coffea***
  - gene banks, multivariate analysis 11797
  - genetic resources 2509-2510, 8117
    - multivariate analysis 11797
  - interspecific hybridization 12790
  - male sterility 12790
  - *Meloidogyne javanica* 12793
  - molecular genetics 8117
- ***Coffea arabica***
  - apomixis 12789
  - biotechnology 4562
  - caffeine
    - mutations 2512
    - somaclonal variation 2512
  - embryo culture 11357
  - endosperm, nucleotide sequences 10210
  - evolution
    - DNA hybridization 3504, 12792
    - restriction fragment length polymorphism 12792
  - flavonoids, induced mutations 11358
  - genomes
    - DNA hybridization 12792
    - restriction fragment length polymorphism 12792
  - globulins
    - gene expression 10209
    - nucleotide sequences 10209
  - *Hemileia vastatrix* 12794
  - hydroxycinnamic acids 1604
- ***Coffea arabica*** *cont.*
  - interspecific hybridization 12789, 12794-12795
  - *Meloidogyne exigua* 12794-12795
  - methyltransferases, mutations 2512
  - polyploidy 12789
  - proteins, nucleotide sequences 10210
  - seeds
    - gene expression 10209
    - nucleotide sequences 10209
  - somatic embryogenesis 10211
  - spermidine synthase
    - gene expression 4563
    - nucleotide sequences 4563
  - sterols 2511
  - variety classification 2511
  - yield components
    - combining ability 1605
    - heritability 1605
  - yield correlations 11359
- ***Coffea bengalensis,*** embryo culture 12791
- ***Coffea canephora***
  - apomixis 12789
  - biotechnology 4562
  - endosperm, nucleotide sequences 10210
  - genetic transformation 12788
  - genomes 12792
  - *Hemileia vastatrix* 12794
  - hydroxycinnamic acids 1604
  - interspecific hybridization 12789, 12792, 12794-12795
  - *Meloidogyne exigua* 12794-12795
  - photosynthesis 3505
  - plant composition, heritability 3506
  - polyploidy 12789
  - proteins, nucleotide sequences 10210
  - quality, heritability 3506
  - sterols 2511
  - variety classification 2511
- ***Coffea eugenioides***
  - genomes 12792
  - interspecific hybridization 12792
- ***Coffea pseudozanguebariae***
  - chlorogenic acid, genetics 6917
  - interspecific hybridization 6917
- ***Coffea racemosa,*** *Perileucoptera coffeella,* genetics 4564
- ***Coix lacryma-jobi***
  - coixins
    - gene expression 4083
    - genetic engineering 4083
    - promoters 2021, 4083
  - cultivars
    - Daechungyulmu 7634
    - Milyangyulmu 295
  - isoenzymes, polymorphism 2037
  - shedding 9724
  - starch 8731
  - yield components, heterosis 6308
- **Coixins**
  - *Coix lacryma-jobi*
    - gene expression 4083
    - genetic engineering 4083
    - promoters 2021, 4083
  - *Zea mays*
    - gene expression 4083
    - genetic transformation 4083
- **Colchicine**
  - *Citrus* 8009
  - *Dendranthema morifolium* 2630
  - *Fragaria ananassa* 7978
  - *Fragaria pentaphylla* 7978
  - *Musa* 4472
  - *Oryza sativa* 10846
  - *Sorghum bicolor* 10738, 10743
  - *Sorghum subglabrescens* 10743
- ***Colchicum***
  - nomenclature 2651
  - taxonomy 10394
- **Cold**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 9374
  - *Hordeum vulgare,* gene expression 9571
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 4338
  - *Malus pumila* 1424
  - *Spinacia oleracea,* gene expression 4338
  - *Volvariella volvacea,* gene expression 10460
- **Cold resistance**
  - *Abies alba* 1699
- **Cold resistance** *cont.*
  - *Abies grandis* 1699
  - *Abies sachalinensis,* techniques 5824
  - *Actinidia arguta* 3340
  - *Actinidia kolomikta* 3340
  - *Arabidopsis thaliana* 8501, 9376
    - gene expression 1873, 3761, 9373, 10552
      - reviews 11775
    - gene mapping 4902
    - genetic transformation 8500, 10552
    - mutations 3761
    - nucleotide sequences 1873, 4907, 9373
  - *Beta vulgaris* (spinach beets) 6911
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 6911, 12777
  - *Brassica napus* (rape) 625, 6831, 8051, 9039
    - combining ability 6814, 6830
    - heterosis 6814
  - *Cenchrus ciliaris* 236
  - *Cenchrus setigerus* 236
  - cereals 9418
    - mathematics 11824
  - *Cicer arietinum* 1312, 5423, 8803
  - *Cicer reticulatum* 5423
  - *Citrus* 11236
  - *Citrus maxima* 4480
  - *Citrus sinensis*
    - *in vitro* selection 5645
    - induced mutations 5645
  - *Corchorus olitorius* 11450
  - crops, genetic transformation 1544
  - *Cryptomeria japonica* 5833
    - artificial selection 5834
  - *Cucurbita* 7925
  - *Eremochloa ophiuroides* 12289
  - *Fortunella* 11236
  - *Fragaria ananassa, in vitro* selection 4455
  - genetics 870
  - *Hibiscus cannabinus* 2564
  - *Hibiscus syriacus* 7070
  - *Hippophae rhamnoides* 3350
  - *Hordeum spontaneum*
    - gene expression 2886
    - nucleotide sequences 2886
  - *Hordeum vulgare* 1044, 8539
    - artificial selection 3936
    - gene expression 2886, 7447, 9570
    - nucleotide sequences 2886, 9570
  - *Lens*
    - gene mapping 5407
    - genetics 5407
  - *Lens culinaris*
    - genetic markers 12408
    - random amplified polymorphic DNA 12408
  - *Leucaena* 9780, 10944
  - *Lupinus* 10935
  - *Lupinus albus* 5267
  - *Lycopersicon* 6570, 9978
    - restriction fragment length polymorphism 3245
  - *Lycopersicon esculentum* 1387, 4357, 9977
    - artificial selection 6571
  - *Lycopersicon peruvianum* 4357
  - *Malus pumila* 6648, 8910
  - *Medicago sativa* 4135, 6359, 7679
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 12815
    - genetic transformation 12815
  - *Olea europaea* 8074
  - *Oryza sativa* 288, 5217, 7613, 7615, 7617, 9705, 9710, 10796, 12231
    - artificial selection 10862
    - gene expression 2781, 3015
    - gene mapping 3018, 12230
    - genetic markers 12230
    - genetic transformation 3015
    - genetic variance 5216
    - heritability 5216
  - *Pachyrhizus erosus* 427
  - *Panicum miliaceum* 12164
  - *Pennisetum flaccidum* 236
  - *Pennisetum mezianum* 236
  - *Pennisetum orientale* 236
  - *Picea abies* 11505
    - artificial selection 11504
  - *Picea glauca* 1697

- **Cold resistance** *cont.*
  - *Pisum sativum* 5385
  - *Prunus armeniaca* 7962
  - *Prunus avium* 1466-1467
  - *Prunus domestica* 8968
  - *Prunus insititia* 4414
  - *Prunus mume* 7963
  - *Prunus persica* 3293, 6696
  - *Prunus* (plums) 4415
  - *Pseudotsuga menziesii* 9148, 10329, 11512
  - *Rubus idaeus, in vitro* selection 1476
  - *Saccharum* 6903
  - *Saccharum officinarum* 671, 1586
  - *Secale cereale,* artificial selection 6189
  - *Secale montanum,* artificial selection 6189
  - *Solanum* 4289
  - *Solanum brevidens,* chloroplast genetics 8834
  - *Solanum commersonii* 409, 4288
    - backcrossing 12453
    - chloroplast genetics 8834
  - *Solanum melongena* 5554
  - *Solanum tuberosum* 409, 4288-4289
    - backcrossing 12453
    - chloroplast genetics 8834
    - combining ability 8833
    - *in vitro* selection 3165
  - *Solanum* (tuberous species), combining ability 8833
  - *Sorghum bicolor* 2948
  - *Trifolium pratense,* gene expression 5254
  - *Triticum aestivum* 1009, 6140, 7396, 8539
    - chromosome substitution 1971
    - gene expression 9505, 9513
    - gene location 5019, 9505
    - gene mapping 11882
    - linkage 11882
    - nucleotide sequences 9513
    - techniques 10634
  - *Vaccinium corymbosum* 1477
  - *Vicia faba* 8779
  - *Viola cornuta* 2618
  - *Vitis* 3334
  - *Vitis amurensis* 4466
  - *Vitis vinifera* 3330, 4466
  - *Zea mays* 219, 3981-3982, 9632, 10717-10718, 12112
    - artificial selection 9631
- ***Colletotrichum*** (*see also Glomerella*)
- ***Colletotrichum acutatum,*** *Fragaria* 12672
- ***Colletotrichum capsici,*** *Capsicum* 11156
- ***Colletotrichum coccodes***
  - *Capsicum annuum* 2314
  - *Lycopersicon esculentum* 3248
    - genetics 492
    - heritability 492
  - *Solanum tuberosum* 12460
- ***Colletotrichum gloeosporioides***
  - *Lupinus albus* 5268
  - *Lupinus angustifolius* 5268
- ***Colletotrichum gossypii,*** *Gossypium hirsutum* 5790
- ***Colletotrichum graminicola***
  - *Dactylis glomerata* 10886
  - *Sorghum bicolor* 2059, 4004-4006, 10759
    - genetic markers 4007
    - random amplified polymorphic DNA 4007
    - stability 12158
  - *Zea mays* 12118
- ***Colletotrichum higginsianum,*** *Brassica parachinensis* 3222
- ***Colletotrichum lindemuthianum***
  - *Phaseolus vulgaris* 2203, 12383, 12386
    - evolution 12387
    - gene mapping 8792
    - genetics 4211, 5361, 12387
    - nucleotide sequences 8792
- ***Colletotrichum sublineolum***
  - *Sorghum bicolor* 12159
    - gene expression 12157
- ***Colletotrichum truncatum,*** *Lens culinaris* 12409-12410
- ***Colocasia esculenta***
  - chromosome number 9919
  - isoenzymes
    - genetics 1356
    - polymorphism 1356
- ***Colocasia esculenta*** *cont.*
  - polyploidy 12492
  - somatic embryogenesis 3148
  - taxonomy 8853
  - tissue culture 3148
  - variety classification, random amplified polymorphic DNA 5486
  - variety trials 1355
  - yield components, multivariate analysis 1357
- **Colour**
  - *Agaricus bisporus,* recombination 3650
  - *Anacardium occidentale,* genetics 3413
  - *Arabidopsis thaliana*
    - induced mutations 898
    - mutations 9339
  - *Arachis hypogaea,* genetics 5711
  - *Asparagus officinalis,* artificial selection 7871
  - *Beta vulgaris,* genetics 12779
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), genetics 12779
  - *Brassica campestris* 9035
  - *Brassica campestris* (turnip rape) 11266
  - *Brassica juncea* 11266
  - *Brassica napus* (rape) 9035, 11266
    - genetics 6804-6805, 8046
    - genomes 612
  - *Brassica pekinensis,* gene mapping 1368
  - *Capsicum* 6592
  - *Capsicum annuum* 1399, 6592
  - *Carya illinoinensis* 1540
  - *Corchorus capsularis*
    - genetics 3555
    - mutations 3555
  - *Corchorus olitorius*
    - genetics 3555
    - mutations 3555
  - *Crocus* 4748
  - *Cucurbita moschata* 6607
  - *Cuphea congesta* 8098
  - *Cuphea splendida* 8098
  - *Cuphea xanthopetala* 8098
  - *Dictamnus albus* 7158
  - *Eleusine coracana,* genetics 2953
  - *Elymus elongatus,* chromosome substitution 4976
  - *Eustoma grandiflorum*
    - gene expression 4684
    - genetic transformation 4684
  - *Gladiolus*
    - chimaeras 7117
    - induced mutations 7117
    - somaclonal variation 7115
  - *Glycine,* artificial selection 9797
  - *Glycine max*
    - genetics 2172-2173, 5310
    - induced mutations 5300
    - linkage 2171, 5311
    - mutations 2171
  - *Gossypium hirsutum*
    - genetic markers 714
    - genetics 3544, 4613, 8181
    - pleiotropy 8181
  - *Gracilaria domingensis,* genetics 8406
  - *Hibiscus syriacus,* genetics 7071
  - *Hordeum vulgare* 6170
  - *Iris ensata,* genetics 798
  - *Iris laevigata,* genetics 798
  - *Lathyrus sativus,* genetics 5275
  - *Leucaena,* genetics 3065
  - *Lotus scoparius* 5269
  - *Lycopersicon esculentum* 6564
    - genetics 7891
  - *Malus pumila*
    - genetics 7940
    - mutations 4396
  - *Medicago polymorpha,* genetics 4130
  - ornamental plants 1709
    - genetic engineering 4685, 12898
      - reviews 3587
  - *Oryza sativa,* genetics 5193
  - *Pelargonium*
    - gene expression 4684
    - genetic transformation 4684
  - *Petunia*
    - gene expression 5864, 7108
    - genetic transformation 7108
    - nucleotide sequences 5864
  - *Pharbitis purpurea*
    - induced mutations 5848
    - nucleotide sequences 2631
- **Colour** *cont.*
  - *Phaseolus vulgaris* 361, 1289
    - genetics 5352, 7742
  - *Prunus avium,* genetics 1463
  - *Prunus persica* 1472
    - genetics 4437
  - *Pyrus communis* 8934
  - *Rhododendron* 7072
    - gene mapping 9158
  - *Rhododendron maximum* 1721
  - *Rosa multiflora,* genetics 7082
  - *Rubus idaeus* 7973
  - *Rubus spectabilis,* natural selection 5603
  - *Solanum melongena* 11146
  - *Solanum tuberosum* 8828, 11032
  - *Torenia fournieri,* genetic transformation 2623
  - *Triticum aestivum*
    - chromosome substitution 4976
    - genetics 3845, 11854
  - *Vicia faba,* genetics 356
  - *Xanthosoma sagittifolium* 3187
  - *Zea mays*
    - gene location 12065
    - genetics 197, 12051, 12070, 12079
    - induced mutations 11992
    - linkage 197, 12078
    - molecular genetics 11992
    - mutations 12051, 12065
  - *Zea mays* (sweetcorn) 12072
  - *Zelkova serrata* 11523
- **Combining ability**
  - *Amaranthus tricolor*
    - quality 11089
    - yield components 5510, 11089
  - *Arachis hypogaea,* yield components 3469
  - *Avena sativa,* yield components 1048, 9577
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - potassium 11351
    - quality 4560
    - sodium 11351
    - sugars 11351
    - yield components 4560
  - *Brassica campestris* (toria), yield components 10129
  - *Brassica chinensis*
    - quality 6536
    - yield components 6536
  - *Brassica juncea*
    - growth period 10120
    - oils 3431, 10142
    - quality 10126
    - seeds 10126
    - yields 3431, 10132
  - *Brassica napus* (rape)
    - cold resistance 6814, 6830
    - glucosinolates 6815
    - yield components 6814-6815, 10125
  - *Cajanus cajan,* yield components 1314-1315, 3130, 5440
  - *Capsicum annuum*
    - quality 6594
    - viruses 505
    - yield components 505, 6593-6594, 7911
  - *Carthamus tinctorius,* yield components 11297
  - *Cicer arietinum,* regenerative ability 11001
  - *Coffea arabica,* yield components 1605
  - *Cryptomeria japonica,* snow 5835
  - *Cucumis melo,* yield components 11159
  - *Cucumis sativus*
    - parthenocarpy 6613
    - yield components 6613
  - *Cyamopsis tetragonoloba,* yield components 3147, 8809
  - *Gladiolus,* yield components 2649
  - *Gossypium,* yield components 6962
  - *Gossypium arboreum,* yield components 11416
  - *Gossypium barbadense,* yield components 11419
  - *Gossypium herbaceum,* yield components 11416
  - *Gossypium hirsutum*
    - habit 8175
    - quality 8176, 10251

Combining ability *cont.*
- *Gossypium hirsutum cont.*
  - yield components 3546-3547, 4611, 5781, 5783, 8169, 8176, 11417
  - yields 10251
- *Helianthus annuus*
  - yield components 4529, 5694
  - yields 11288
- *Hibiscus cannabinus,* yield components 8192, 11452
- *Hordeum vulgare,* drought resistance 7448
- *Lathyrus sativus,* yield components 7692
- *Lilium,* quality 10398
- *Linum usitatissimum* (linseed), yield components 631
- *Lycopersicon esculentum*
  - fruits 6560
  - quality 5534-5535, 6561
  - tomato yellow leaf curl bigeminivirus 6577
  - yield components 5535, 6561
- mathematics 8517
- *Medicago sativa*
  - harvest index 9752
  - morphology 6354
- *Momordica charantia,* yield components 10005
- *Musa,* yield components 3357
- *Nicotiana tabacum,* yield components 5767, 8147
- *Olea europaea,* germination 11321
- *Oryza sativa* 5174
  - drought resistance 5218
  - quality 3008
  - yield components 1173, 2109, 4049, 9688, 12206, 12208-12210, 12231
- *Papaver somniferum,* fatty acids 5903
- *Pennisetum glaucum*
  - forage 7521
  - harvest index 12168
  - yield components 2951, 5148, 7523, 10778
  - yields 12168
- *Petunia,* quality 8325
- *Phaseolus vulgaris,* yield components 9822, 12379
- *Prunus avium,* quantitative traits 7970
- *Sesamum indicum*
  - fatty acids 8091
  - oils 8091
  - yield components 5718, 6879, 10178
- *Solanum tuberosum*
  - *Alternaria solani* 7816
  - black spot 2248
  - cold resistance 8833
  - plant disorders 2248
  - yield components 4268, 4271, 5469
- *Solanum* (tuberous species), cold resistance 8833
- *Sorghum bicolor*
  - anther culture 12155
  - *Chilo partellus* 2060
  - photoperiodism 6236
  - quality 2060
  - regenerative ability 12155
  - yield components 2055
- statistics 4811, 9242
- *Triticum aestivum*
  - anther culture 3854
  - drought resistance 5023, 6139, 9518
  - *Erysiphe graminis* 3887
  - *Gibberella zeae* 5028
  - growth period 6129, 9478
  - height 3843, 5002
  - *Leptosphaeria nodorum* 11904
  - *Mycosphaerella graminicola* 7401
  - *Puccinia recondita* 5040
  - *Puccinia striiformis* 3887
  - salinity 3875
  - sprouting 125
  - tillering 6129
  - water balance 1012
  - yield components 2844, 2847, 3887, 4994-4995, 4999, 5001-5002, 8564, 11860, 11863
  - yields 8562, 9478
- *Triticum durum,* haploidy 8555
- *Vicia faba*
  - proteins 5343

Combining ability *cont.*
- *Vicia faba cont.*
  - trypsin inhibitors 5343
- *Vigna mungo,* yield components 9881
- *Vitis, Plasmopara viticola* 7992
- *Zea mays* 10687
  - *Cephalosporium maydis* 5116
  - development 9613
  - *Diatraea grandiosella* 3993
  - growth period 12053
  - lodging 7489, 10708
  - mathematics 12007
  - nutrients 2938
  - *Ostrinia nubilalis* 223
  - phosphorus 2938
  - quality 2937
  - seeds 9613
  - *Sesamia nonagrioides* 12141
  - vigour 12053
  - yield components 206, 223, 2931-2932, 3974, 5097, 5113-5114, 5116, 8647, 8649-8650, 10711
  - yields 2937

Commiphora wightii, pollination 1771

Compatibility
- *Brassica napus* (rape) 9033
- *Hordeum,* gene mapping 158
- *Ipomoea* 7831
- *Ipomoea batatas* 7831
- *Oryza sativa* 262-263
  - genetics 5178
  - germplasm releases 7572
- *Prunus avium* 5585
- *Prunus cerasus* 5588
- *Prunus salicina* 6680
- *Pyrus pyrifolia* 10023
- *Solanum spegazzinii* 5464

Competitive ability
- *Amaranthus hybridus* 9959
- *Beta maritima,* heterosis 5741
- *Beta vulgaris* (sugarbeet), heterosis 5741
- crops 5956
- *Helianthus annuus* 1563
- ideotypes 5940
- *Ipomopsis aggregata* 10367
- *Lentinula edodes,* artificial selection 12979
- *Medicago sativa* 6358
- natural selection 5940
- *Oryza glaberrima* 9717
- *Oryza sativa* 9684, 9717
- *Phaseolus vulgaris* 2198
- *Pinus sylvestris* 8245
- *Populus deltoides* 9133
- *Saccharum,* mathematics 8104
- *Saccharum officinarum* 669
- *Triticum aestivum* 11931

Complementary genes (*see* Genetics)

Composite varieties (*see also* Genotype mixtures)
- *Zea mays* 8627

Computer programming
- *Arabidopsis thaliana,* alternative splicing 3735
- DNA binding proteins, gene expression 5982
- evolution 3782
- experimental design 1803
- forest trees
  - genetics 10281
  - quantitative traits 5800
- gene banks 8426
- gene expression 5976-5977, 5979, 5981
- gene mapping 4830
- genetic variance 1886
- linkage 1888
- molecular genetics 5971-5972
- nucleotide sequences 5967, 5973-5980
- *Olea europaea,* variety classification 2474
- phylogeny 3782
- quantitative genetics 931
- ribosomal RNA
  - molecular genetics 5968
  - nucleotide sequences 5969-5970
- *Triticum aestivum,* quality 7380
- *Zea mays*
  - alternative splicing 3735
  - experimental design 1803
  - variety trials 1803

Computer simulation, *Oryza sativa,* yield components 9686

Concanavalin
- *Canavalia ensiformis*
  - gene expression 5454
  - genetic engineering 5454
- *Solanum tuberosum,* genetic transformation 5454

Cones
- *Abies amabilis* 7030
- *Pinus massoniana*
  - clonal variation 11494
  - heritability 11494

Conferences
- 10th EWAC meeting 4938, 4940-4941, 4945-4946, 4949, 4959, 4962-4965, 4967-4968, 4970-4971, 4975-4976, 4979, 4982-4984, 4990, 4992, 5008, 5013, 5019, 5027, 5029, 5031-5034, 5051-5052, 5084, 5237, 5928
- 11th international workshop on plant membrane biology 10489
- 12th International Reinhardsbrunn Symposium 12310
- 13th Symposium on Morphology, Anatomy and Systematics 10938, 11458, 11559, 11623, 11644
- 14th International congress for plastics in agriculture 3313
- 16th Danish Plant Protection Conference. Crop protection in organic farming. Pests and diseases 11825-11826, 11954
- 17th International symposium on virus and virus-like diseases of temperate fruit crops, fruit tree diseases 12634, 12647-12650, 12656, 12985
- 1998 ASAE Annual International Meeting 867, 1281, 1582
- 5th symposium of the International Society of Root Research 4891, 5231, 5260
- 5th World Congress of the International Society of Citrus Nurserymen 12686-12687, 12691-12693, 12986
- 60th annual convention of the Sugar Technologists' Association of India 9061, 9064
- 7th international congress of plant pathology 11003, 11161, 11480
- 9th International Congress of Pesticide Chemistry$ 12829
- Advances in hybrid rice technology 4791
- Agri-Food Quality II 9407, 9906, 9924, 9949, 9974, 10035, 10044, 10064, 10465
- Agricultural biotechnology and environmental quality: gene escape and pest resistance 12993
- Agricultural biotechnology in international development 1061, 1095, 1125, 1342, 1351, 1412, 1501, 1529, 1564, 1796
- Agriculture in 21st Century 6769
- *Anacardium occidentale,* breeding 3657
- Angiosperm genome size 1897-1900, 1910, 1916, 2026, 2030, 2137, 2469, 2497, 2563, 2588, 2700
- Annual Meeting of Agricultural Scientists 2638
- Aphids in natural and managed ecosystems 11928
- Araceae
  - breeding 3656
  - taxonomy 3656
- *Arachis hypogaea,* breeding 3660, 10469
- *Asparagus,* breeding 7178
- Assessing joint research impacts 3806, 4010-4011, 4229, 4797
- Australian Society of Sugar Cane Technologists 654-656, 658, 667-669, 672-673, 856, 8104, 8107
- bacteria 12992
- Beltwide Cotton Conferences 711-712, 715-716, 719-723, 853, 2551-2553, 4619, 11394-11395, 11397-11401, 11405-11406, 11408, 11413-11414, 11419, 11421-11422, 11425-11429, 11431-11446, 11648-11649, 12841, 12847, 12854-12856
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 12995

Conferences *cont.*
  Beta vulgaris (sugarbeet) *cont.*
    molecular genetics 2695
  biotechnology 854, 1796, 4793
  Biotechnology in plant breeding 3669, 3696, 3744, 3794, 3797, 3913-3914, 3916, 3924-3925, 3931-3932, 4105, 4140, 4143, 4187-4188, 4260, 4276, 4293, 4419, 4455, 4717, 4793
  Brassica, genetics 855
  Breeding research on potatoes 3151, 3163, 4241-4247, 4249-4250, 4252, 4256, 4258-4259, 4261-4267, 4274-4275, 4279-4283, 4285-4289, 4292, 4294-4297, 4300-4303, 4305, 4311, 4792, 6475, 6490
  cell division 10472
  cereals, hybrid varieties 2699
  Characterization and documentation of genetic resources utilizing multimedia databases 8433-8435, 8989, 9048, 9167, 9230
  Chemicals via higher plant bioengineering 11651
  chloroplast genetics 11646
  Chromatin and DNA modification: plant gene expression and silencing 10464
  Citrus, breeding 12986
  Clonal plants and environmental heterogeneity 12877, 12901, 12994
  Cocos nucifera, breeding 3657
  COGENT regional coconut genebank planning workshop 4809, 5696-5701, 5925
  Cotton research meeting 6945, 6970
  Critical issues involving crop germplasm diversity and conservation 3675, 3686, 4204, 4728, 4794
  crops
    breeding 4797
    genetic engineering 10474
      biosafety 12993
      pests 12993
    genetic transformation 2698
    hybrid varieties 2699
    plant composition, genetic engineering 11651
  Cucurbitaceae 12987
  Current advances in Araceae studies 3189, 3191, 3613, 3656
  Current problems of Russian agriculture 10622, 10650
  Current status of hybrid breeding in Europe 1810, 1813, 1891-1893, 1925-1926, 1936-1937, 1939, 1946, 1990, 2007-2008, 2012, 2027, 2053, 2189, 2230-2231, 2295, 2445-2446, 2452-2453, 2467, 2699
  development, molecular genetics 857
  Developments in plantation crops research 12710, 12746, 12788-12791, 12864-12866, 12959, 12961, 12963-12970, 12988
  diseases 12990
    molecular genetics 12991
  Domestication of agroforestry trees in Southeast Asia 11645
  Dynamics and sustainability of Mediterranean pastoral systems 9726, 9735, 9737, 9757, 10470
  Ecological aspects of mechanized fertilizer application, mechanized pesticide application and soil tillage 6190
  Ecology society 5953, 6911
  Effect of production and processing on the quality of agricultural products 12116
  Eighth International Symposium on Plant Bioregulators in Fruit Production 3256, 3339, 3359, 3363, 3654
  Engineering crop plants for industrial end uses 9235, 9273-9280, 9798, 9845, 9904, 10143, 10223, 10262, 10273, 10474
  EUCARPIA symposium on fruit breeding and genetics 6624-6627, 6630-6634, 6638, 6641, 6643-6644, 6646-6647, 6649-6650, 6652-6662, 6671-6672,

Conferences *cont.*
  EUCARPIA symposium on fruit breeding and genetics *cont.*
    6683-6686, 6693, 6706, 6737, 6739, 6762, 6766, 7181
  European conference on grain legumes 5262-5265, 5267-5268, 5272-5274, 5283, 5287, 5289-5292, 5313, 5317, 5327, 5335-5337, 5339, 5344-5348, 5356-5358, 5360, 5365-5366, 5368, 5372-5376, 5379-5390, 5392-5396, 5398-5403, 5405, 5407-5408, 5410-5411, 5413, 5416, 5421-5430, 5445, 5447, 5449, 5924
  evolution, molecular genetics 4790
  Feed manufacturers conference, University of Nottingham 1824
  Ficus carica, breeding 7175
  Fifth Regional Groundnut Workshop for Western and Central Africa 3660, 10469
  First international symposium on banana in the subtropics 2327, 2386-2394, 2397-2399, 2401-2409, 2693, 4475, 11227
  First International Symposium on Cucurbits 12586-12588, 12590-12594, 12596-12597, 12599, 12601-12604, 12607-12610, 12612, 12987
  First International Symposium on Fig 6721-6736, 7175, 10060-10062, 11224-11225
  First national symposium on pest management in horticultural crops: environmental implications and thrusts 12696, 12749
  fodder legumes, genetic resources 7177
  Forest Biotechnology '99 10471
  forest trees
    biotechnology 10471
    domestication 11645
  Fourth European Conference on Sunflower Biotechnology 11271, 11273-11274, 11281-11283, 11290-11292, 11295, 11650
  Fourth International Herbage Seed Conference 12274, 12276, 12288, 12319, 12989
  Fourth international peach symposium 2359-2360, 4443, 4445-4446
  Frontiers in biology: the challenges of biodiversity, biotechnology and sustainable agriculture 3679, 3710, 3783, 4065, 4081, 4686, 4790
  Frontiers in biotechnology 2788, 3148, 3633
  fruit crops
    breeding 7181
    diseases 12985
    genetics 2697
    quality 10465
  Further development of horticulture in East Asia 1914, 1921-1922, 2084, 2282, 2328, 2413, 2444, 2526, 2611, 2623, 2639, 2642, 2694, 4589
  Future of photoperiodical cereals for sustainable production in the semiarid tropics of Africa 6073, 6231, 6236-6238
  Gelidium
    genetics 8410
    reproduction 8410
  Gene flow and agriculture 5954-5955, 5958, 5990-5994, 6044, 6046-6047, 6072, 6095, 6153, 6264, 6494, 6779-6781, 6783-6784, 6786, 6789, 6833, 6835-6840, 6906, 6998, 7176, 8035
  Genetic and environmental manipulation of horticultural crops 1820-1821, 1854, 1919, 2298, 2300, 2367-2368, 2396, 2528, 2697
  genetic resources 4794, 12984
    economics 3664
  Genetic resources of Mediterranean pasture and forage legumes 5943, 6062, 6310-6313, 6317, 6320, 6344-6345, 7177, 7639-7647
  Gossypium
    breeding 853, 11648-11649
    pests 11649

Conferences *cont.*
  Gossypium cont.
    quality 853
  grain legumes
    breeding 5924
    genetics 5924
  growth regulators 3654
    molecular genetics 4796
  Hawaii Macadamia Nut Association 10098
  Heat tolerance of crops 12426, 12511
  Hedysarum coronarium: possible roles in Mediterranean forage production 5271
  Helianthus annuus, biotechnology 11650
  herbage crops, genetic resources 10470
  Institut International de Recherches Betteravières 1806, 1913, 1915, 2492-2496, 2501, 2504-2507, 2695
  Integrated control in viticulture 1491-1492
  Interactions in entomology 8442
  International agricultural engineering conference 6291, 6505
  International Association of Agricultural Economists 4935
  International cashew and coconut conference 2439, 3400-3404, 3413-3414, 3418-3420, 3448-3449, 3451-3457, 3657
  International Lupin conference 9762-9765, 9767-9768, 10913-10935, 11647, 12323-12333, 12336
  International symposium on analysing pathogen and pest populations in poplar and willow 2577-2578, 2581
  International symposium on applications of modelling as an innovative technology in the agri-food-chain, Model-It 9973, 10455
  International symposium on brassicas 419, 428, 436, 441-443, 445-447, 449, 452-455, 586-588, 591-593, 596-597, 602-606, 609-610, 614-616, 619-621, 624-626, 628-629, 855, 1358, 4519
  International symposium on crop protection 4074, 4103, 4145, 4360, 4789, 11137
  International Symposium on Cut Flowers in the Tropics 10333-10334, 10361, 10365, 10371-10372, 10374, 10466, 12926
  International symposium on growing media and hydroponics 7313
  International symposium on the importance of varieties and clones in the production of quality wine 3315-3316, 3322-3324, 3330-3331, 3333-3336, 3658
  Israeli Phytopathological Society 12990
  Japanese Society of Sugar Beet Technologists 12774-12776, 12778-12781, 12783, 12995
  Leucaena, breeding 10468
  Leucaena — adaptation, quality and farming systems 9771, 9776-9781, 10468
  Lupinus, breeding 11647
  Lycopersicon esculentum 11642
  Méthodologies de gestion et de conservation des ressources génétiques 11797, 11849, 12273, 12306-12307, 12984
  Middle European meeting on plum pox 1998 12640, 12643, 12645-12646, 12821
  mitochondrial genetics 9231
  Modern fungicides and antifungal compounds II 12310
  Molecular and biotechnological aspects of sexual reproduction in higher plants 7242, 7281-7282, 7376, 7999, 8043
  Molecular and physiological aspects of the plant-pathogen interactions 12550
  Molecular basis of signal transduction in plants 29-30, 52-56, 66, 487, 490, 494, 857
  molecular genetics 8413

Conferences *cont.*
  Molecules and morphology in systematics 4923-4924, 5253, 5926
  Mountain vegetation and soils: diversity, function and evolution 1706
  Musa, breeding 2693
  New aspects of resistance research on cultivated plants 1219, 1344, 2339-2340, 2654
  New aspects of resistance research on cultivated plants: bacterial diseases 11124, 12399, 12512, 12540, 12622, 12632, 12677, 12722, 12908, 12992
  Ninth International Asparagus Symposium 7178, 7859-7860, 7862-7865, 7868-7872, 7874-7875, 7877-7879, 11078-11087
  Ninth International Wheat Genetics Symposium 9410-9411, 9418, 9420, 9430-9442, 9450-9453, 9466-9467, 9473, 9487-9496, 9498, 9501, 9510-9516, 9520-9525, 9528, 9530, 9533-9534, 9537-9538, 9581, 10473
  Nitrogen fixation with non-legumes 9659, 9761
  Novel approaches to study plant growth factors 4796
  Olea europaea, breeding 11643
  ornamental palms, breeding 10467
  ornamental plants, breeding 2694, 10466
  Oryza sativa, hybrid varieties 4791
  Oxygen, free radicals and environmental stress in plants 9105, 9134
  pathogens 4789
  Pest Management in Horticultural Crops: environmental implications and thrusts 12553, 12697
  photosynthesis 8414-8418
  Physiological and molecular aspects of the plant-pathogen interactions 12991
  Pistacia vera, breeding 3655, 9229
  PLACROSYM XII 12710, 12746, 12788-12791, 12864-12866, 12959, 12961, 12963-12970, 12988
  Plant biotechnology as a tool for the exploitation of mountain lands 87, 89, 328, 402, 501, 529, 559, 581, 583, 707, 732, 738, 743, 750, 756-758, 764, 775, 814, 816, 819-820, 824, 835, 842-843, 850, 854
  Plant mitochondrial genetics and molecular biology 8449-8451, 8461, 8636-8637, 8668, 8783, 9034, 9189, 9231
  population genetics 12994
  Proteaceae
    genetics 7180
    phylogeny 7179
    sexual reproduction 7180
    taxonomy 7179
  Proteaceae symposium 7063-7068, 7179-7180
  Protection and production of sugarbeet and potatoes 7803, 8114-8115, 8411, 8444, 8826-8827, 8832, 8836, 8841-8842, 9070, 9074-9076, 11682
  Prunus (cherries), breeding 1794
  Prunus dulcis, breeding 3655, 9229
  Prunus (plums)
    breeding 9228
    genetics 9228
  Pyrus, breeding 9227
  Quality of fresh and fermented vegetables 6069, 6548, 6550, 6587, 11058, 11165
  reproduction 12994
  Research and development of gladiolus, lilies and chrysanthemums 8328, 8338
  root crops
    breeding 2696
    genetic resources 2696
  Saccharum, breeding 856
  Second International Symposium on Ornamental Palms and other Monocots from the Tropics 10080, 10161, 10301, 10335-10336, 10343-10344, 10346, 10356, 10467
  Second international symposium on pistachios and almonds 3371-3389,

Conferences *cont.*
  Second international symposium on pistachios and almonds *cont.* 3391-3392, 3397-3399, 3405-3407, 3409-3412, 3415-3416, 3655, 6773-6774
  Second International Symposium on Tuberous Legumes 2218, 2261-2277, 2696, 3192-3198, 3478
  Second International Workshop on *Gelidium* 8403-8405, 8410
  sex
    genetics 11652
    molecular genetics 11652
  Sex determination in plants 11652
  Sixteenth International Seaweed Symposium 11639-11640
  Sixth International Aroid Conference 3189, 3191, 3613, 3656
  Sixth International ISHS Symposium on Processing Tomato 11092-11093, 11097, 11108-11111, 11113-11119, 11126-11127, 11133-11135, 11642
  small fruits, genetic resources 3659
  Solanum tuberosum, breeding 4792
  Solid biofuels of carbon dioxide mitigation 11472
  The chloroplast: from molecular biology to biotechnology 11646
  The wheats of Nazareno Strampelli 961-964, 972, 1795
  Third international cherry symposium 1431, 1440-1455, 1457, 1459-1465, 1467, 1794, 5583-5592
  Third international symposium on diversification of vegetable crops 2802, 2805, 3155, 3183, 3186, 3188, 3200, 3215-3216, 3224-3225, 3232, 3234, 3250, 3636, 3653
  Third international symposium on olive growing 11301-11324, 11326-11331, 11643
  tissue culture 5927
  Tobacco mosaic virus: pioneering research for a century 12545, 12822
  Transgenic horticultural varieties 1822, 2307, 2309, 2698
  Triticeae, genetic resources 4795
  Triticeae III 3795-3796, 3802, 3804-3805, 3807, 3810, 3812-3817, 3819-3820, 3831-3833, 3836-3838, 3847-3849, 3853, 3859-3862, 3867-3870, 3877-3878, 3884, 3896, 3899, 3901-3902, 3909-3910, 3912, 3928, 3935-3937, 3947, 4106, 4108-4110, 4112-4113, 4795
  Triticum aestivum
    breeding 1795, 8412, 10473
    genetics 10473
  Triticum durum, breeding 1795
  tropical crops 12988
  vegetables 3653
    quality 10465
  VIIth International Symposium on Pear Growing 8920-8924, 8926-8930, 8933-8938, 9227
  VIth International Symposium on Plum and Prune Genetics, Breeding and Pomology 8944-8955, 8957-8965, 8967-8976, 9228
  Vitis vinifera, breeding 3658
  Wheat: research needs beyond 2000 AD 7190, 7314, 7326-7330, 7335, 7344-7345, 7357, 7381, 7394-7395, 7414, 7532, 8412, 10629
  Wild berry culture 3286, 3294, 3298, 3300-3304, 3306-3308, 3340, 3347-3348, 3351, 3353-3354, 3659
  X GREMPA Seminar 9018-9027, 9229
  XIth International congress on photosynthesis 7257-7259, 7263, 7369-7370, 7490, 7591-7594, 7636, 7744, 7808, 7857, 7892, 7932, 8138-8145, 8235, 8414-8418, 8443, 8458, 8462, 8475-8482, 8486-8491, 8499-8502, 8527, 8536, 8549, 8559, 8603-8606, 8616, 8641-8642, 8694-8695, 8701, 8794, 8802, 8885, 9012, 9030, 9085-9091, 9094, 9099-9100, 9102-9104, 9146
  XXIII ISSCT Congress 6890

Conglutin, *Lupinus albus,* gene expression 5263
Conglycinin
  Glycine max
    gene expression 5295
    nucleotide sequences 9790
  Glycine soja, genetics 3085
Conifers
  genetic transformation, reviews 10314
  pollination 2589
Consolida
  flowers 8309
  nectar 8309
  pollination 8309
Controlling elements (*see* Transposable elements)
Convallaria majalis
  cell division 11552
  pollen germination 11552
Convolvulus prostratus, flowers, mutations 5854
Convolvulus sabatius, cultivars, White Gladys 7090
Copalyl diphosphate synthase, *Cucurbita maxima,* gene expression 4381
Copernicia
  genetic resources 10356
  taxonomy 10356
Copper
  Aegilops ovata, chromosome substitution 5017
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 20
    nucleotide sequences 20
  Nicotiana tabacum, in vitro selection 1629
  Triticum aestivum, chromosome substitution 5017
Coprinus cinereus
  development 1791
  light 1791
  ribosomal RNA, nucleotide sequences 11627
  self compatibility, mutations 8399
  sex 1791
Corchorus capsularis
  abscission 10270
  colour
    genetics 3555
    mutations 3555
  development 10270
  leaves 10270
  light 1651
  nitrate reductase 1651
  regenerative ability, tissue culture 6980
  seeds
    genetics 3555
    mutations 3555
  yield components, heritability 10271
  yields 1651
Corchorus olitorius
  abscission 10270
  cold resistance 11450
  colour
    genetics 3555
    mutations 3555
  development 10270
  leaves 10270
  light 1651
  nitrate reductase 1651
  plant composition 4622
  Polyphagotarsonemus latus 4622
  seeds
    genetics 3555
    mutations 3555
  yield components, heritability 12861
  yield correlations 12861
  yields 1651
Coreopsis crawfordii, taxonomy 11544
Coriandrum sativum
  acyl carrier protein
    gene expression 5908
    nucleotide sequences 5908
  fatty acids
    gene expression 5908
    nucleotide sequences 5908
  Pseudomonas syringae, genetics 4776
Cork, *Quercus suber* 6993
Corn stunt spiroplasma
  Zea mays
    gene expression 10724

Corn stunt spiroplasma *cont.*
  Zea mays cont.
    genetic transformation 10724
Cornus florida
  cultivars, Appalachian Spring 4689
  variety classification, variety classification 9162
Cornus mas
  genetic resources 8977
  quality 8977
Corolla
  Brassica alboglabra 3219
  Brassica napus (rape) 2461
  evolution 10580
  gene expression 10580
  Hemerocallis
    gene expression 10369
    nucleotide sequences 10369
  Petunia, gene expression 11549
Corticium *(see also Thanatephorus)*
Corticium rolfsii
  Arachis hypogaea 4538, 9053
    artificial selection 12754
  Glycine max 12357
  Opuntia ficus-indica 2432
  Triticum aestivum 11891
Corylus, *Anisogramma anomala* 2437
Corylus avellana
  Anisogramma anomala 2437
  fatty acids 6772
  flowering
    gene expression 3396
    nucleotide sequences 3396
  gynoecium
    gene expression 3396
    nucleotide sequences 3396
  homeotic genes
    gene expression 3396
    nucleotide sequences 3396
  minerals 11250
  plant composition 582
  Pseudomonas syringae 1542
  random amplified polymorphic DNA 6771
  transcription factors
    gene expression 3396
    nucleotide sequences 3396
  triacylglycerols 6772
  vitamins 11250
  yield correlations 8033
Costaceae
  flowers 10441
  pollination 10441
Costus speciosus, glucosidases, genetic engineering 11372
Cotoneaster melanocarpus, *Sorbus sibirica,* intergeneric hybridization 8214
Cotton leaf crumple bigeminivirus, *Gossypium hirsutum* 2549
Cotton leaf curl bigeminivirus
  Gossypium
    induced mutations 12844
    techniques 12845
  Gossypium hirsutum 4618
Cotyledons
  Acacia 1675
  Faidherbia albida 1675
***P*-coumaroyltriacetic acid synthase**
  Hydrangea macrophylla
    gene expression 12904
    nucleotide sequences 12904
Crambe, phylogeny, nucleotide sequences 11340
Crambe abyssinica
  ethyl methanesulfonate 6882
  genetic engineering 2483
  genetic transformation 2483
  germination, induced mutations 6882
  mutagens 6882
  variety trials 4544
Crataegus
  cultivars, Fu Hong Zi 4406
  nomenclature 7076
  pollen germination 8907
  taxonomy 11187
Crataegus nelsonii
  anthers 1430
  pollen germination 1430
Crataegus pubescens
  anthers 1430
  pollen germination 1430
Craterellus
  nucleotide sequences 8400
  phylogeny 8400
Craterostigma plantagineum
  abscisic acid, gene expression 3632
  drought resistance, gene expression 3632
  stress
    gene expression 12942
    nucleotide sequences 12942
  sucrose synthase
    gene expression 12942
    nucleotide sequences 12942
Cre recombinase
  Arabidopsis thaliana
    Agrobacterium tumefaciens 17
    gene expression 17
    genetic transformation 17
Crepidium, taxonomy 3624, 11573
Crepidium comberi, taxonomy 1760
Crepidium sundaicum, taxonomy 1760
Crepidium woodianum, taxonomy 1760
Criconemella xenoplax
  Prunus persica 4409
  Prunus (plums) 4409
Crithopsis delileana, chromosome morphology 7668
Crocus
  chromosome number 7149
  colour 4748
  pollen germination 4748
  temperature 4748
Crocus abantensis, interspecific hybridization 10388
Crocus ancyrensis, interspecific hybridization 10388
Crocus paulineae, taxonomy 10388
Cronartium ribicola
  Pinus lambertiana 12891
    gene mapping 3579
    random amplified polymorphic DNA 3579
Crop density
  Anacardium occidentale 12711
  Avena sativa 2005
  Cicer arietinum 5421
  Glycine max 4165, 4184, 5323
  Gossypium 11422, 12855
  Medicago sativa 6358
  Morus 3346
  Oryza sativa 12270
  Parthenium argentatum 3556
  Salix 1672
  Secale cereale 5085
  Sorghum bicolor 9640
  Triticum aestivum 5015, 9461
  Vicia faba 1284
  Zea mays 1087, 2926, 7502, 8639, 8659-8660, 9622
    artificial selection 12080
Crop mixtures
  Dactylis glomerata 10882
  Festuca arundinacea 10882
  Festuca rubra 9730
  Glycine max, Zea mays 2181
  Lolium perenne 298, 10882
  Phaseolus vulgaris, artificial selection 3101
  Phleum pratense 9730
  Trifolium repens 298
Crops
  acyltransferases, genetic transformation 1544
  Agrobacterium, genetic transformation 9261
  Agrobacterium tumefaciens, genetic transformation 878
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
    gene expression 1921
    genetic engineering 1921
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
    gene expression 1921
    genetic engineering 1921
  antibodies, gene expression 9273
  biosafety 946, 1915, 2733, 3713, 6047, 7203
    genetic engineering 8444, 10493
  biotechnology 89, 1824, 9235, 11705
  breeding 1799, 3670, 5957, 9235, 10007, 10480
Crops *cont.*
  breeding *cont.*
    books 864
    conferences 4797
  centres of diversity 6058, 11671
  cold resistance, genetic transformation 1544
  competitive ability 5956
  cultivars 7304
  diseases, genetics 5952
  DNA 9389
    techniques 1916
  domestication 6071, 8427, 11668
    molecular genetics 8523
  ethylene
    gene expression 3710
    molecular genetics 3710
  fatty acids 7312
  flavonoids
    molecular genetics 6067
    mutations 6067
  gene banks 3672, 3681, 11796
  gene expression 877
  gene flow 946, 6047
  genetic engineering
    biosafety 2728
      conferences 12993
    conferences 10474
    legislation 7207
    pests, conferences 12993
    reviews 90
  genetic resources 89, 1802, 2711, 3680, 4936, 6059-6060, 7186-7189, 7300-7303, 8428-8429, 11668, 11795
    books 8419
  genetic transformation 877, 1822, 1913, 2733, 3711, 3713, 3722, 6047, 6065, 7305, 11701
    conferences 2698
  genetics, books 864
  genotype environment interaction, reviews 8438
  germplasm releases 4928
  glufosinate
    biosafety 5958
    genetic transformation 5958
  glyphosate
    biosafety 5958
    genetic engineering 872
    genetic transformation 5958
  green fluorescent protein
    gene expression 5966
    genetic transformation 5966
  heavy metals, breeding 7193
  Helicoverpa armigera 8532
  herbicides
    biosafety 5958
    genetic transformation 5958, 11799
  hybrid varieties, conferences 2699
  insects
    genetic engineering 2724
    genetic transformation 7204, 11799
  interspecific hybridization 6047
  isoenzymes 4933
  microsatellites 11719
  mitosis, cytoplasmic inheritance 11803
  molecular genetics, reviews 11703
  Nematoda
    gene expression 8441
    genetic transformation 8441
  nucleotide sequences, patents 9243
  nutrients, molecular genetics 3720
  nutritive value, molecular genetics 10589
  pathogens, molecular genetics 7202
  pests, genetics 5952
  plant composition, genetic engineering, conferences 11651
  pollen 4933
    cytoplasmic inheritance 11803
  polygalacturonase, molecular genetics 947
  promoters
    mitochondrial genetics 9403
    nucleotide sequences 9403
  quality 3670
    gene mapping, reviews 3709
    genetic transformation 10588
  seeds, storage 2801, 3681
  source sink relations, molecular genetics 7205
  tocopherols 7312

- **Crops** *cont.*
  - toxic substances, breeding 7193
  - viruses, genetic transformation 2723, 7203
  - water balance
    - artificial selection 2806
    - genetics 4821
    - molecular genetics 4821
  - weeds 5956-5957
- ***Crossandra infundibuliformis***
  - chlorophyll, induced mutations 11521
  - ethyl methanesulfonate 11521
  - gamma radiation 11521
  - mutagens 11521
- **Crossing over**
  - *Helianthus annuus* 8062
  - *Lycopersicon* 5525
  - *Lycopersicon esculentum* 5524
  - *Lycopersicon hirsutum* 5524
  - *Solanum tuberosum,* yield components 9899
  - *Triticum aestivum* 7354
  - *Vicia* 6408
  - *Vicia faba* 6408
- ***Crotalaria***
  - *Cydia tricentra* 10272
  - cytotaxonomy 12862
  - evolution 12862
  - *Fusarium udum* 10272
- ***Crotalaria incana***
  - light 791
  - morphology 791
- ***Crotalaria juncea***
  - *Cydia tricentra* 10272
  - *Fusarium udum* 10272
- **Cruciferae** (*see* Brassicaceae)
- **Cryopreservation**
  - *Abies cephalonica* 8260
  - *Antirrhinum microphyllum,* techniques 10376
  - *Armoracia rusticana* 9221
  - *Camellia sinensis* 8116
  - *Citrus reticulata,* somatic embryogenesis 11233
  - *Cnidium officinale* 8362
  - *Daucus carota* 2249, 8846
  - *Dendrobium candidum* 8340
  - *Fragaria ananassa* 11205
  - genetic resources 9393, 9395
  - *Guazuma crinita,* tissue culture 1681
  - *in vitro* culture 3780
  - *Malus pumila* 10018
  - *Nicotiana tabacum* 2249
  - ornamental plants 775
  - *Oryza sativa* 6285, 7597
    - *in vitro* selection 6282
  - *Papaver somniferum* 3638
  - *Picea abies* 766
  - *Picea glauca* 5823, 12893
  - *Pinus* 3568
  - *Pinus sylvestris* 2592
  - *Pleurotus* 4787
  - *Polygonum aviculare* 10435
  - *Populus alba* 743
  - *Pyrus communis* 3274
  - *Solanum nigrum* 83
  - *Solanum tuberosum* 83, 4245, 6482
  - *Vaccinium pahalae* 10041
- **Cryptochrome**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 11768-11769
    - genetics 6022
    - molecular genetics 7249
    - mutations 926
  - *Lycopersicon esculentum*
    - antisense RNA 9968
    - gene expression 9968
    - genetic transformation 9968
  - protoplasts, *Arabidopsis thaliana* 34
- ***Cryptomeria japonica***
  - breeding 1658, 5832
  - cold resistance 5833
    - artificial selection 5834
  - genetic markers 7037
  - pollen, storage 5829
  - population genetics 7037
  - snow
    - combining ability 5835
    - heritability 5835
  - wood properties 11515
    - genetics 5832
- ***Cryptomeria japonica*** *cont.*
  - wood properties *cont.*
    - heritability 5832
- ***Cryptosporella*** (*see also Phomopsis)*
- ***Cryptosporiopsis abietina,*** *Thujopsis dolabrata* 5836
- **Cucumber mosaic cucumovirus**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 1880
  - *Capsicum annuum,* backcrossing 6596
  - *Cucumis figarei* 1406
  - *Cucumis melo,* genetic transformation 6599
  - *Cucumis sativus* 4387
  - *Cucurbita pepo* 7926
    - genetic transformation 6599
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 5546-5547, 11134, 12548
    - genetic transformation 495, 2307, 4363, 5546-5547, 11134, 12548
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 1626, 11390
    - genetic transformation 1626, 11390
  - *Solanum tuberosum* 1345
- **Cucumber vein yellowing virus,** *Cucumis sativus* 2325
- ***Cucumis,*** *Pseudoperonospora cubensis* 12587
- ***Cucumis callosus***
  - drought resistance 9992
  - genetic resources 9992
- ***Cucumis figarei***
  - cucumber mosaic cucumovirus 1406
  - temperature 1406
  - tissue culture 1405
- ***Cucumis melo***
  - acid phosphatase, polymorphism 1404
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase, genetic transformation 8898
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
    - gene expression 3256
    - genetic transformation 3256
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase, nucleotide sequences 12589
  - biotechnology, reviews 12588
  - cucumber mosaic cucumovirus, genetic transformation 6599
  - cucurbit yellow stunting disorder virus 12599
  - cultivars 1403
    - Lanmi 5561
  - *Didymella bryoniae* 11161
  - drought resistance 9992
    - genetic transformation 4820
  - embryo culture 12590
  - enzymes 11161, 12598
    - gene expression 11158
  - *Erysiphe cichoracearum,* genetics 12596
  - ethylene
    - gene expression 9994, 11158
    - nucleotide sequences 9994
  - fruits 5562, 6600
  - *Fusarium oxysporum* 12597
  - gamma radiation 12591
  - genetic resources 9992-9993
  - germination 12594
  - growth regulators, gene expression 11158
  - hybrid varieties 5561
  - interspecific hybridization 12590
  - isoenzymes
    - genetics 2318
    - linkage 2318
  - *Liriomyza trifolii,* genetics 4378
  - peroxidases, polymorphism 1404
  - *Phytophthora melonis* 12598
  - plant composition 5562
  - pollen, induced mutations 12591
  - *Pseudoperonospora cubensis* 12595
  - quality 5563, 6600
  - random amplified polymorphic DNA 7917, 11157, 11160
  - repetitive DNA 11160
  - restriction fragment length polymorphism 7917
  - ripening, gene expression 11158
  - salinity 6601, 12594
    - genetic transformation 4820
  - seeds, polymorphism 1404
  - *Sphaerotheca fuliginea,* genetics 12596
- ***Cucumis melo*** *cont.*
  - variety classification, random amplified polymorphic DNA 2317
  - variety trials 507
  - viruses
    - genetics 5560
    - heritability 5560
  - volatile compounds, genetic transformation 8898
  - yield components 12599
    - combining ability 11159
    - multivariate analysis 12592
  - yield correlations 12593
- ***Cucumis metuliferus,*** tissue culture 1405
- ***Cucumis sativus***
  - *Agrobacterium rhizogenes,* genetic transformation 7929
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
    - gene expression 512
    - nucleotide sequences 512
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
    - gene expression 512, 10003
    - nucleotide sequences 512
  - auxins
    - gene expression 512
    - nucleotide sequences 512
  - breeding 4385
  - cell culture 6615
  - cell division 6614
  - chitinase, genetic engineering 5772
  - chromosome banding 1415
  - *Cochliobolus spicifer* 12611
  - cucumber mosaic cucumovirus 4387
  - cucumber vein yellowing virus 2325
  - *Cucurbita ficifolia*
    - intergeneric hybridization 6614
    - protoplast fusion 6614
  - *Cucurbita moschata*
    - intergeneric hybridization 6614
    - protoplast fusion 6614
  - cultivars 1376, 3261, 5513, 8901
    - Hu-116 4929
    - Hu-119 4929
    - Jinyou 2 11167
    - Kit 1414
    - Shenqing-971 10000
    - Yuhuanggua-3 1413
  - development
    - gene expression 10002
    - nucleotide sequences 10002
  - DNA, techniques 6597
  - embryo culture 6618, 12590, 12607, 12610
  - *Erysiphe cichoracearum* 12612
  - fruits
    - gene expression 10002
    - nucleotide sequences 10002
  - *Fusarium oxysporum* 12611
    - techniques 1417
  - gamma radiation 12607, 12610
  - genetic resources 9999
  - genotype environment interaction 8902
  - germplasm releases 2323
  - glycine-rich proteins
    - gene expression 4386
    - nucleotide sequences 4386
  - haploidy 6618, 12607, 12610
  - hybrid varieties 1376, 3261, 8901
  - hydroxypyruvate reductase
    - cytokinins 2324
    - gene expression 2324
    - promoters 2324
  - injuries
    - gene expression 512
    - nucleotide sequences 512
  - interspecific hybridization 12590
  - isoenzymes, genetic variation 9999
  - lipids
    - gene expression 6611
    - nucleotide sequences 6611
  - lipoxygenase
    - gene expression 6612
    - nucleotide sequences 7930
  - *Meloidogyne javanica* 12613
    - genetics 4388
  - morphology, haploidy 12609
  - nitrates, molecular genetics 7932
  - nutrients, molecular genetics 7932
  - parthenocarpy, combining ability 6613

Cucumis sativus cont.
  phospholipase A2
    gene expression 6611
    nucleotide sequences 6611
  plant embryos, haploidy 11168
  pollen, gamma radiation 11168
  polymerase chain reaction 10001
  protein kinase
    gene expression 6610
    nucleotide sequences 6610
  protoplast culture 6616
  protoplast fusion 6616
  Pseudomonas syringae, artificial selection 3261
  Pseudoperonospora cubensis 2325
    artificial selection 3261
  random amplified polymorphic DNA 6597, 10001, 12606
  roots
    gene expression 4386
    nucleotide sequences 4386
  Sclerotinia sclerotiorum 1416
  sex
    gene expression 12608
    genetics 5567
    molecular genetics 12608
  Sphaerotheca fuliginea 2325, 12612
  stress, gene expression 10003
  variety trials 511
  viruses 4377
    genetics 5560
    heritability 5560
  yield components
    artificial selection 7931
    combining ability 6613
Cucurbit yellow stunting disorder virus, *Cucumis melo* 12599
Cucurbita
  acyl-CoA oxidase
    gene expression 1411
    nucleotide sequences 1411
  carotenes 6608
  cold resistance 7925
  cultivars 7918
    Weizao-1 11163
  DNA binding proteins
    gene expression 2322
    nucleotide sequences 2322
  drought resistance 4384
  Fusarium oxysporum, genetic engineering 4376
  heat resistance 4384
  hydroxypyruvate reductase, gene expression 4383
  isoenzymes 7925
  light, gene expression 4383
  quality 7922
  rootstocks 7921-7922
  viruses, genetic transformation 7928
  yield components, genetics 5566
Cucurbita ficifolia
  cell division 6614
  Cucumis sativus
    intergeneric hybridization 6614
    protoplast fusion 6614
  glycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase, nucleotide sequences 9997
Cucurbita maxima
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
    gene expression 2321
    nucleotide sequences 2321
  copalyl diphosphate synthase, gene expression 4381
  gibberellins
    gene expression 9348
    genetic engineering 9348
  growth regulators
    gene expression 9348
    genetic engineering 9348
  kaurene synthase, gene expression 4381
  morphology 7924
  movement proteins
    gene expression 3258
    nucleotide sequences 3258
  taxonomy 7924
  viruses
    genetics 5560
    heritability 5560
  vitamins, techniques 11165
Cucurbita moschata
  cell division 6614
  colour 6607
  Cucumis sativus
    intergeneric hybridization 6614
    protoplast fusion 6614
  genetic distance, random amplified polymorphic DNA 5565
  habit, genetics 6605
  interspecific hybridization 7923
  morphology 7924
  phosphoric monoester hydrolases, nucleotide sequences 2320
  plant composition 6604, 6607
  pollen 7920
  proteins 7920
  quality 6607
    germplasm releases 7923
  taxonomy 7924
  yield correlations 510
Cucurbita pepo
  abscisic acid, gene expression 6606
  Bemisia argentifolii 12605
  chloroplasts, gene expression 6606
  cucumber mosaic cucumovirus 7926
    genetic transformation 6599
  deltamethrin 11166
  Diaphania nitidalis 11166
  Erysiphe cichoracearum 6609, 7927
  fatty acids 12603
  genetic resources 4379
  growth period, heterosis 7919
  interspecific hybridization 7923
  isoenzymes, polymorphism 7927
  maternal effects, yield components 3260
  morphology 7924
  peroxidases, gene expression 11164
  pesticides 11166
  pollen competition 3259
  pollination 509
  protein kinase
    gene expression 4382
    nucleotide sequences 4382
  proteins, gene expression 1327
  quality 12602
  sexual reproduction, maternal effects 9998
  Sphaerotheca fuliginea 6609, 7926-7927
  sterols, genotype environment interaction 12604
  taxonomy 7924
  tocopherols 12603
  variety trials 4380
  viruses 4377
  watermelon mosaic 2 potyvirus, genetic transformation 1412
  yield components, heterosis 3259
  yields, heterosis 7919
  zucchini yellow mosaic potyvirus, genetic transformation 1412
Cucurbitaceae
  conferences 12987
  evolution, nucleotide sequences 6598
  flowering 506
  history 12586
  plant introduction 12586
  tissue culture 506
Cuminum cyminum, tissue culture 824
Cunninghamia lanceolata
  DNA, techniques 770
  genetic variation 771
  seed production 1702
  variety trials 4681
  wood properties, artificial selection 773
  yield components, artificial selection 4680
Cuphea congesta
  colour 8098
  taxonomy 8098
Cuphea splendida
  colour 8098
  taxonomy 8098
Cuphea viscosissima
  oils
    genetic engineering 1582
    induced mutations 3481
    mutations 1582
  quality, induced mutations 3481
Cuphea xanthopetala
  colour 8098
  taxonomy 8098
Cupressocyparis leylandii, essential oils 10347
Cupressus sempervirens
  genetic markers 10330
  genetic transformation 8264
  isoenzymes, polymorphism 11513
  nuclei 10331
  polyploidy 10331
  seeds 2607, 10331
Curculigo orchioides, tissue culture 7142
Curcuma, taxonomy 12971
Curcuma amada
  curcumin 3642
  essential oils 3642
Curcuma aromatica
  curcumin 3642
  essential oils 3642
Curcuma longa
  chlorophyll, induced mutations 10442
  curcumin 3642
  essential oils 3642
  gamma radiation 10442
  isoenzymes 2675
  mutagens 10442
  variety trials 1779
  yield components
    artificial selection 12966
    induced mutations 10442
  yield correlations 12965
Curcumin
  Curcuma amada 3642
  Curcuma aromatica 3642
  Curcuma longa 3642
Curly top virus, *Phaseolus vulgaris,* germplasm releases 4214
Curvularia (see also Cochliobolus)
Curvularia inaequalis, Zea mays 8664
Cuscuta trifolii, Medicago sativa, molecular genetics 12313
Cutting
  Medicago sativa 10901-10902
  Triticum aestivum 1005
Cuttings
  Azadirachta indica 9209
  Camellia sinensis 5744
  Citrus ichangensis 3361
  Citrus jambhiri 3361
  Citrus sinensis 3361
  Fortunella crassifolia 3361
  Leucaena leucocephala 10941
  Medicago sativa 3052
  Vochysia guatemalensis 9141
Cyamopsis tetragonoloba
  drought resistance 6468
  enzymes 6468
  inbreeding depression 9888
  UDPglucose 4-epimerase
    gene expression 7792
    nucleotide sequences 7792
  yield components
    combining ability 3147, 8809
    heterosis 4240, 9888
Cyanogenic glycosides
  Oryza sativa 5187
  Vicia sativa 12321
Cycas, taxonomy 1707, 2609, 8269
Cycas falcata, taxonomy 10350
Cycas pranburiensis, taxonomy 8268
Cycas revoluta
  embryo culture 12896
  tissue culture 12896
Cyclamen
  Fusarium oxysporum 2654
  inbreeding 2644
  quality
    genetic variance 2647
    heritability 2647
  regenerative ability 4750
  tissue culture 5871
  yield components
    genetic variance 2647
    heritability 2647
Cyclamen balearicum
  inbreeding 8327
  self pollination 8327
Cyclamen creticum
  inbreeding 8327
  self pollination 8327
Cyclamen hederifolium
  inbreeding 8327
  self pollination 8327

- ***Cyclamen persicum***
  - anther culture 2650
  - carbon dioxide 10393
  - cell culture 10393
  - flowering 9190
  - interspecific hybridization 2650
  - polyploidy 7112
  - protoplasts 11555
  - seeds 9190
  - somatic embryogenesis 10393
  - tissue culture 11555
  - wide hybridization 7112
- ***Cyclamen purpurascens***
  - anther culture 2650
  - interspecific hybridization 2650
- ***Cyclamen repandum***
  - inbreeding 8327
  - self pollination 8327
- **Cyclin-dependent kinase,** *Nicotiana tabacum,* gene expression 9101
- **Cyclins**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 10526
  - *Chenopodium rubrum,* nucleotide sequences 5227
  - *Nicotiana sylvestris*
    - gene expression 4579
    - genetic transformation 4579
  - *Nicotiana tabacum,* gene expression 3523, 4578
  - *Zea mays,* gene expression 2036
- **Cyclophilin**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4892, 10505
    - genetic transformation 10505
    - nucleotide sequences 4892
  - *Solanum commersonii*
    - gene expression 2240
    - nucleotide sequences 2240
- ***Cyclopogon diversifolius,*** pollination 10402
- ***Cycnoches barthiorum,*** taxonomy 10407
- ***Cydia tricentra***
  - *Crotalaria* 10272
  - *Crotalaria juncea* 10272
- ***Cydonia*** *(see also Chaenomeles)*
- ***Cydonia oblonga***
  - genetic transformation 4405
  - somatic embryogenesis 531
- ***Cylas formicarius,*** *Ipomoea batatas,* genetic transformation 3184
- ***Cylindrocarpon*** *(see Nectria)*
- ***Cylindrocladium*** *(see also Calonectria)*
- ***Cylindrosporium*** *(see also Blumeriella; Pyrenopeziza)*
- ***Cymbidium***
  - cell division 11569
  - DNA 11569
  - genetic resources 7120
  - interspecific hybridization 3618
  - ovule culture 2660
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 3618
  - tissue culture 11569
- ***Cymbidium goeringii***
  - *Dendrobium chrysotoxum,* intergeneric hybridization 3618
  - interspecific hybridization 3618
  - *Phalaenopsis,* intergeneric hybridization 3618
  - population genetics 5879
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 3618
- ***Cymbidium hybrida***
  - dihydrokaempferol 4-reductase
    - gene expression 11568
    - nucleotide sequences 11568
- ***Cymbopogon distans,*** chromosome morphology 3647
- ***Cymbopogon flexuosus***
  - essential oils 1786
  - morphology 1785
- ***Cymbopogon martinii***
  - essential oils 1786
    - induced mutations 1787
  - ethyl methanesulfonate 1787
  - ethyleneimine 1787
  - gamma radiation 1787
  - mutagens 1787
- ***Cymbopogon nardus,*** essential oils 1786
- ***Cymbopogon winterianus***
  - essential oils, induced mutations 2682
- ***Cymbopogon winterianus*** *cont.*
  - gamma radiation 2682
- ***Cynara cardunculus,*** salinity 5512
- ***Cynara scolymus,*** breeding 428
- ***Cynodon***
  - cultivars, Florakirk 7664
  - mutations, DNA fingerprinting 12287
  - phylogeny, molecular genetics 10891
  - variety classification, amplified fragment length polymorphism 8748
- ***Cynodon dactylon***
  - cultivars, Wirlga 4720
  - interspecific hybridization 8748
  - salinity 4114
- ***Cynodon magennisii,*** cultivars, MS-Supreme 6333
- ***Cynodon transvaalensis,*** interspecific hybridization 8748
- ***Cynoglossum officinale,*** sex 5895
- ***Cynorkis bardotiana,*** taxonomy 3625
- ***Cyphomandra betacea,*** *in vitro* culture 4494
- ***Cypripedium acaule,*** sexual reproduction 3620
- ***Cypripedium californicum***
  - chromosome disposition 1756
  - meiosis 1756
- ***Cypripedium kentuckiense***
  - gene flow 3622
  - isoenzymes, genetic variation 3622
  - taxonomy 3622
- ***Cypripedium parviflorum***
  - gene flow 3622
  - isoenzymes, genetic variation 3622
  - taxonomy 3622
- ***Cyrtanthus elatus,*** *Nerine,* intergeneric hybridization 12930
- ***Cyrtochloa,*** taxonomy 9219
- **Cystatin**
  - *Artemisia vulgaris,* nucleotide sequences 10417
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 1384
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 4309
    - genetic transformation 4309
- **Cysteine endopeptidases,** *Oryza sativa,* nucleotide sequences 9663
- **Cysteine proteinase inhibitors,** *Glycine max,* gene expression 6403
- **Cysteine proteinases**
  - *Carica papaya*
    - gene expression 11242
    - nucleotide sequences 11242
  - *Glycine max,* gene expression 6403
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 11945
    - promoters 11945
  - *Solanum melongena,* gene expression 4369
  - *Zea mays,* nucleotide sequences 9597
- **Cytidine deaminase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 11723
    - gene mapping 11723
    - nucleotide sequences 11723
- **Cytochrome-b_5 reductase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 3729
    - molecular genetics 5107
    - nucleotide sequences 3729
  - *Zea mays*
    - gene expression 5107
    - nucleotide sequences 5107
- **Cytochrome-*c* oxidase**
  - *Abies,* mitochondrial genetics 4678
  - *Acorus calamus*
    - mitochondrial genetics 1769
    - nucleotide sequences 1769
  - *Agrocybe aegerita*
    - mitochondrial genetics 9224
    - nucleotide sequences 9224
  - angiosperms
    - evolution 2798
    - mitochondrial genetics 2798
  - *Glycine soja,* mitochondrial genetics 5294
  - *Triticum aestivum* 1952
- **Cytochrome P-450**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4911, 11757
    - genetic transformation 11721, 11757
- **Cytochrome P-450** *cont.*
  - *Arabidopsis thaliana cont.*
    - mutations 2745
    - nucleotide sequences 11721
    - polymerase chain reaction 2745
  - *Cicer arietinum,* nucleotide sequences 10996
  - *Petunia*
    - gene expression 5864
    - nucleotide sequences 5864
- **Cytochromes**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 11767
    - mutations 7240
    - nucleotide sequences 3441, 7240
  - *Brassica napus,* nucleotide sequences 3441
  - *Brassica napus* (rape), gene expression 5666
  - *Helianthus annuus,* nucleotide sequences 3441
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 8144-8145
    - genetic transformation 8144-8145, 10223
  - *Olea europaea*
    - gene expression 10164
    - nucleotide sequences 10164
  - *Pisum sativum*
    - mitochondrial genetics 9830
    - nucleotide sequences 9830
- **Cytogenetics,** books 11653
- **Cytokinin oxidase,** *Zea mays,* nucleotide sequences 5104, 9602
- **Cytokinin-specific binding protein,** *Vigna radiata,* nucleotide sequences 9876
- **Cytokinins**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 9328
    - genetic transformation 9328
    - mutations 1853, 4861
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), genetic transformation 10200
  - *Cucumis sativus,* hydroxypyruvate reductase 2324
  - *Lactuca sativa,* genetic transformation 8869
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 1623, 6934, 8131
    - genetic transformation 6934, 8131
    - nucleotide sequences 1623
  - *Phaseolus lunatus*
    - gene expression 5353
    - nucleotide sequences 5353
  - *Triticum aestivum* 4977
- **Cytology**
  - angiosperms, evolution 3785
  - *Kochia prostrata* 5231
  - *Lupinus,* reviews 4151
  - *Lycopersicon esculentum* 4261
  - *Musa,* techniques 1502
  - nomenclature 9386
  - *Pennisetum glaucum,* reviews 234
  - sexual reproduction 10573
  - *Solanum etuberosum* 4261
  - *Solanum pinnatisectum* 4261
  - *Solanum tuberosum* 4261
  - techniques, reviews 10570
  - *Vicia* 4146
  - *Zea mays* 7481
- **Cytoplasm**
  - *Allium cepa*
    - genetic markers 9930
    - nucleotide sequences 9930
  - *Hordeum spontaneum,* mitochondrial genetics 6160
  - *Hordeum vulgare,* mitochondrial genetics 6160
- **Cytoplasmic inheritance**
  - *Abies* 3583
  - *Actinidia deliciosa,* polymerase chain reaction 12680
  - *Allium fistulosum,* male sterility 12496
  - *Allium galanthum,* male sterility 12496
  - *Arabidopsis* 8463
  - *Brassica juncea,* cytoplasmic male sterility 2456
  - crops
    - mitosis 11803
    - pollen 11803
  - *Daucus carota* 7822

Cytoplasmic inheritance *cont.*
- *Gossypium hirsutum* 11409
- *Lolium multiflorum, Puccinia coronata* 4103
- *Moricandia arvensis,* cytoplasmic male sterility 2456
- *Nicotiana alata,* cytoplasmic male sterility 1621, 9095
- *Nicotiana tabacum,* cytoplasmic male sterility 1621, 9095
- *Oenothera* 11586
- *Papaver somniferum, Peronospora arborescens* 2672
- *Picea abies,* NADH dehydrogenase 12892
- *Solanum tuberosum* 1329

Cytoplasmic male sterility
- *Allium ampeloprasum*
  - chloroplast genetics 9933
  - mitochondrial genetics 9933
- *Allium porrum*
  - chloroplast genetics 9933
  - mitochondrial genetics 9933
- *Beta vulgaris* (sugarbeet)
  - genetic variance 9072
  - mitochondrial genetics 6907
  - polymerase chain reaction 6907
- *Brassica* 606
- *Brassica campestris* 6795
  - backcrossing 6796
  - gene expression 1548
  - mitochondrial genetics 1548, 5672
  - restriction fragment length polymorphism 5672
- *Brassica campestris* (turnip rape) 604
- *Brassica carinata,* restriction fragment length polymorphism 599
- *Brassica chinensis* 6531
- *Brassica juncea* 605, 4509, 6795, 6801
  - cytoplasmic inheritance 2456
  - genetics 4508
  - restriction fragment length polymorphism 599
- *Brassica napus* (rape) 604, 2450, 4507, 5668-5669, 6800, 6807
  - artificial selection 2455
  - gene expression 4506, 5671
  - gene mapping 602
  - genetics 608, 2452, 6793, 8044
  - mitochondrial genetics 603, 4506, 6799, 9034
  - nucleotide sequences 4506
  - random amplified polymorphic DNA 6799
  - restriction fragment length polymorphism 599
- *Capsicum annuum* 2312
- *Daucus carota,* genetics 414
- *Diplotaxis* 6795
- *Eruca vesicaria,* backcrossing 6796
- *Glycine max* 345
  - artificial selection 9795
  - genetics 9795
  - microsatellites 9795
- *Gossypium* 11408
  - genetic markers 6955
  - random amplified polymorphic DNA 6955
- *Gossypium hirsutum* 1647, 3542, 8169
  - genetics 6956
- *Helianthus annuus,* mitochondrial genetics 4524, 11279
- *Lycopersicon esculentum,* mitochondrial genetics 7889
- *Lycopersicon pennellii,* mitochondrial genetics 7889
- *Lycopersicon peruvianum,* mitochondrial genetics 7889
- *Moricandia arvensis,* cytoplasmic inheritance 2456
- *Nicotiana alata*
  - cytoplasmic inheritance 1621, 9095
  - repetitive DNA 1621
- *Nicotiana sylvestris*
  - mitochondrial genetics 1615, 12809
  - mutations 12809
  - nucleotide sequences 1615
- *Nicotiana tabacum*
  - cytoplasmic inheritance 1621, 9095
  - protoplast fusion 11548
  - repetitive DNA 1621

Cytoplasmic male sterility *cont.*
- *Oryza* 1145
- *Oryza nivara* 1144
- *Oryza perennis* 9674
- *Oryza rufipogon* 1144
  - genetics 7575
- *Oryza sativa* 257, 261, 1140-1141, 1145, 1147, 1153, 2972, 2985, 4036-4038, 4075, 5180, 6299, 7570, 7576, 8715, 9673-9674, 10820, 10823, 10826, 12193, 12195-12196, 12205
  - amplified fragment length polymorphism 1142
  - backcrossing 1143
  - gene expression 2974
  - gene mapping 1142, 5183
  - genetics 1146, 1150, 2099, 6296, 7575
  - mitochondrial genetics 12197
  - polymerase chain reaction 2974
  - protoplast fusion 12197
  - reciprocal effects 1146
  - restriction fragment length polymorphism 1142
- *Pennisetum glaucum* 1106, 2064, 10771
  - germplasm releases 4012-4013
- *Petunia,* mitochondrial genetics 9189
- *Petunia hybrida,* protoplast fusion 11548
- *Phaseolus vulgaris*
  - mitochondrial genetics 8783
  - mutations 8783
- *Raphanus sativus*
  - gene expression 4506
  - genetic markers 11057
  - mitochondrial genetics 4506
  - nucleotide sequences 4506
  - random amplified polymorphic DNA 11057
- *Sesamum indicum* 5714
- *Sorghum bicolor* 3999
  - backcrossing 228
  - gene expression 7511
  - genetics 228
  - germplasm releases 6239, 7512, 10739-10740, 10745-10747
  - heterosis 6235
  - leaves 4001
  - mitochondrial genetics 4000, 5136, 7511
  - molecular genetics 8668
  - mutations 5136
  - random amplified polymorphic DNA 10741
  - RNA editing 7511
- *Triticum aestivum* 978, 1938, 1948, 2835, 6102, 10609
  - genetics 2836
  - kinases 2871
  - phosphoric monoester hydrolases 2871
- *Triticum timopheevii* 10609
- *Vicia faba* 2190
  - gene expression 3093
  - nucleotide sequences 3093
- *Zea mays* 7484, 9606
  - gene expression 10700
  - genetic transformation 1066
  - genetics 10701
  - mitochondrial genetics 5102, 8637

Cytosine deaminase
- *Arabidopsis thaliana*
  - genetic transformation 3731
  - recombination 3731
- *Lycopersicon esculentum,* genetic transformation 5523

Cytosol aminopeptidase, *Lycopersicon esculentum,* gene expression 12534

Cytospora (*see Valsa*)

Cytotaxonomy
- *Cephalanthera* 10406
- *Crotalaria* 12862
- *Epipactis* 10406
- *Hemerocallis dumortieri* 3605
- *Hemerocallis esculenta* 3605
- *Hemerocallis middendorffii* 3605
- *Lachenalia* 797
- *Mammillaria* 9201
- *Selaginella* 7128
- *Vicia amphicarpa* 3058
- *Vicia sativa* 3058

2,4-D
- *Dichanthium annulatum,* somaclonal variation 8750
- *Gossypium,* genetic transformation 2558
- *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 10269
- *Oryza sativa,* nodulation 2114

D-1-deoxyxylulose-5-phosphate synthase, *Arabidopsis thaliana,* mutations 8482

Dactylis glomerata
- altitude, DNA 2137
- anther culture 10879
- cell culture 9734
- chromosome morphology 10885
- *Colletotrichum graminicola* 10886
- crop mixtures 10882
- cultivars 5230
  - Albert 4089
  - Grasslands Vision 4090
- flowering, artificial selection 7652
- gene flow 3032
- genotype mixtures 10882
- isoenzymes 9733
  - genetic variation 3032
- palatability 301-302, 8737-8739
  - multivariate analysis 8736
- plant composition 8737-8738
- polyploidy 9733
  - artificial selection 7652
- quality 4091
- random amplified polymorphic DNA 8733
- somatic embryogenesis 9734
- tissue culture 3033, 5235
- variety trials 5230

Dactylorhiza, taxonomy 806

Dahlia
- evolution 12913
- polyploidy 12913

Dahlia pinnata
- quality
  - genotype environment interaction 9192
  - multivariate analysis 9192

Dalbergia latifolia
- cell culture 3563
- tissue culture 3563

Dalbergia sissoo
- fruits 11486
- provenance trials 7008
- rooting capacity 7008
- seeds 11486

Daphne mezereum
- ecology 9160
- morphology 9161

Dasypyrum villosum
- chromosome substitution 1941
- dormancy 2841
- *Elymus elongatus, Triticum durum,* intergeneric hybridization 9447
- gene mapping 1941
- germination 2841
- *Pseudocercosporella herpotrichoides,* gene location 310
- *Puccinia striiformis,* genetics 11916
- restriction fragment length polymorphism 1941
- seed aging 2841
- seeds, storage 2841
- *Triticum,* intergeneric hybridization 2830
- *Triticum aestivum*
  - intergeneric hybridization 121, 7405, 7410, 9470
  - protoplast fusion 121
- *Triticum durum,* intergeneric hybridization 2841, 5020, 10638

Databases
- *Aegilops,* nomenclature 11879
- algae, nomenclature 10463
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene mapping 3728
  - nucleotide sequences 3728
- *Brassica,* genetic resources 587
- DNA 1897
- *Fragaria* 8989
- genetic resources 8433-8435, 11669
- genetics 5963
  - nomenclature 4826
- genomes 5963-5964
- grasses, grazing 300
- mitochondrial genetics 3716, 5965

- **Databases** *cont.*
  - molecular genetics 3717-3718
  - nucleotide sequences 2736, 5961-5962
  - *Olea europaea* 9048
  - *Oryza sativa,* breeding 237
  - *Poa pratensis,* techniques 2135
  - *Prunus,* genetic resources 1431
  - *Prunus persica* 9048
  - taxonomy 9399
  - tissue culture 2712
  - *Triticum,* nomenclature 11879
  - variety trials 1
  - *Vitis,* genetic resources 557
  - *Zea mays*
    - genomes 12005
    - microsatellites 12005
- ***Datisca glomerata***
  - protein disulfide isomerase, nucleotide sequences 7094
  - ribulose-bisphosphate carboxylase, gene expression 10453
  - thiosulfate sulfurtransferase, nucleotide sequences 7161
  - transcription factors, nucleotide sequences 7162
- ***Datura fastuosa,*** genetic transformation 7135
- ***Datura stramonium***
  - aneuploidy 11587
  - endosperm 11587
  - polyploidy 11587
  - tissue culture 5902
- ***Datura wrightii***
  - plant hairs
    - genetics 7139
    - natural selection 12957
- ***Daucus***
  - phylogeny
    - chloroplast genetics 5479
    - mitochondrial genetics 5479
    - restriction fragment length polymorphism 5479-5480
- ***Daucus carota***
  - *Alternaria radicina, in vitro* selection 417
  - amino acids 2249
  - antifreeze proteins
    - gene expression 413, 11049
    - genetic engineering 413
  - binding proteins
    - gene expression 2250
    - nucleotide sequences 2250
  - boron 10590
  - breeding 4312
  - carotenes, amplified fragment length polymorphism 1347
  - cell culture 2249
  - chloroplast genetics 7822
  - citrate synthase
    - gene expression 7821, 11046
    - genetic transformation 11046
    - nucleotide sequences 7821
  - cryopreservation 2249, 8846
  - cultivars, Xin Huluobu 1 11045
  - cytoplasmic inheritance 7822
  - cytoplasmic male sterility, genetics 414
  - DNA fingerprinting 7820
  - embryo culture 8846
  - endosperm, gene expression 11047
  - *Erysiphe heraclei* 418
  - ethephon 9909
  - extensin
    - genetic engineering 8124
    - promoters 8124
  - flowering, genetic transformation 1372
  - β-fructofuranosidase
    - gene expression 5478
    - genetic transformation 5478
  - gene expression 9262
  - gene mapping 12475
  - genetic transformation, techniques 11048
  - globulins, gene expression 11047
  - growth regulators 9909
  - nitrates 6497
  - nutrients, artificial selection 6498
  - phosphates
    - gene expression 11046
    - genetic transformation 11046
  - phylogeny
    - chloroplast genetics 5479
    - mitochondrial genetics 5479
- ***Daucus carota*** *cont.*
  - phylogeny *cont.*
    - restriction fragment length polymorphism 5479-5480
  - plant embryos
    - gene expression 2250, 3178, 11047
    - nucleotide sequences 2250, 3178
  - protoplasts 9909
  - *Pythium violae* 2251
  - quality 3180, 6497
  - seeds
    - gene expression 3178
    - nucleotide sequences 3178
  - somatic embryogenesis 3179
    - gene expression 2250
    - nucleotide sequences 2250
    - techniques 415, 11048
    - tissue culture 6037, 6496
  - storage 3180
  - sucrose synthase
    - gene expression 4315
    - nucleotide sequences 4315
  - toxic substances 10590
  - translocation, gene expression 4314
  - variety trials 4313
  - volatile compounds, techniques 416
  - yield components, heritability 12476
- **Death**
  - *Glycine max,* gene expression 6403
  - *Hordeum vulgare* 5058
  - *Lobivia rauschii* 11574
  - *Malus pumila*
    - gene expression 3265
    - nucleotide sequences 3265
  - *Tillandsia albida* 11574
  - *Zea mays,* genetics 10702
- **Decline,** *Picea abies* 11506
- **Decomposition**
  - *Brassica campestris* (turnip rape) 11261
  - *Brassica napus* (rape) 11261
- **Defensins**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1875, 2784, 4908
    - genetic transformation 2784
    - promoters 2784
  - *Capsicum chinense,* nucleotide sequences 9986
  - gene expression 9251
  - molecular genetics 9251
  - *Nicotiana tabacum,* nucleotide sequences 10224
- **Defoliation**
  - *Alstroemeria aurea* 2645
  - *Zea mays* 3968
- **Dehydrins**
  - *Brassica pekinensis*
    - gene expression 440
    - nucleotide sequences 440
  - *Citrus unshiu*
    - gene expression 8006
    - nucleotide sequences 8006
  - *Helianthus annuus*
    - gene expression 8064
    - nucleotide sequences 8064
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 9570
    - nucleotide sequences 9570
- **Dehydroascorbate reductase,** *Ficus microcarpa,* mutations 12682
- **Deletions,** *Tradescantia* 10414
- ***Delonix regia***
  - leaves, molecular genetics 949
  - senescence, molecular genetics 949
- ***Delphinium***
  - chemotaxonomy 4735
  - fatty acids 4735
- **Deltamethrin,** *Cucurbita pepo* 11166
- ***Dendranthema***
  - cultivars, Noeulkukhwa 8303
  - flowering, mathematics 9175
  - gamma radiation 3600, 7099
  - *Macrosiphoniella sanborni* 12928
  - mutagens 7099
  - photoperiodism, induced mutations 3600
  - quality, induced mutations 7099
  - temperature, mathematics 9175
  - tissue culture 3600
- ***Dendranthema grandiflora***
  - breeders' rights 9167
  - leaves 9167
  - *Phoma* 12926
- ***Dendranthema indicum***
  - chromosome morphology 7096
  - ecotypes 7096
  - interspecific hybridization 786
  - phylogeny 786
- ***Dendranthema morifolium***
  - colchicine 2630
  - DNA fingerprinting 4726
  - flowers, induced mutations 2630
  - *Frankliniella occidentalis* 1743
  - gamma radiation 2630
  - genetic resources 3597
  - genetic transformation 1726, 2620-2621, 2624, 10361
  - interspecific hybridization 786, 2621
  - mutagens 2630
  - mutations 3597
  - phylogeny 786
  - pollen, induced mutations 2630
  - variety trials 784
  - yield components 784
- ***Dendranthema vestitum***
  - interspecific hybridization 786
  - phylogeny 786
- ***Dendranthema zawadskii***
  - genetic transformation 2621
  - interspecific hybridization 2621
- ***Dendrobium,*** polyploidy 1757
- ***Dendrobium candidum,*** cryopreservation 8340
- ***Dendrobium chrysotoxum,*** *Cymbidium goeringii,* intergeneric hybridization 3618
- ***Dendrobium crumenatum,*** 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase, nucleotide sequences 7123
- ***Dendrocalamus strictus,*** somatic embryogenesis 11624
- ***Dermatophagoides farinae,*** *Castanea sativa,* nucleotide sequences 3395
- **Desacetoxyvindoline 4-hydroxylase,** *Catharanthus roseus,* gene expression 813
- **Desaturase**
  - *Gossypium hirsutum*
    - gene expression 8171
    - nucleotide sequences 8171
- ***Deschampsia***
  - anatomy 7670
  - leaves 7670
- ***Descurainia sophia***
  - fatty acids 10180
  - genetic resources 10180
- **Desert plants,** seeds, storage 7311
- **Desiccation**
  - *Brassica napus* (rape)
    - gene expression 1554
    - nucleotide sequences 1554
  - *Oryza,* anther culture 3004
  - *Pisum sativum* 5373
  - *Quercus ilex* 10292
  - *Quercus suber* 10292
  - *Sporobolus pyramidalis*
    - gene expression 7672
    - nucleotide sequences 7672
  - *Sporobolus stapfianus,* gene expression 8753
- ***Desmanthus virgatus***
  - grazing 6379
  - persistence 6379
- ***Desmodium***
  - geography 7695
  - taxonomy 7694-7695
- ***Desmodium bolsteri,*** taxonomy 12341
- ***Desmodium heterocarpon,*** outcrossing 326
- ***Desmodium luteolum,*** taxonomy 4157
- **Determinate and indeterminate habit**
  - *Glycine max* 1271, 4184
  - *Lupinus albus* 12324-12325
  - *Lycopersicon esculentum* 6565
  - *Phaseolus vulgaris* 10966
- **Development**
  - *Actinidia deliciosa*
    - gene expression 2084
    - genetic transformation 2084
  - *Aegilops* 3900
    - nucleocytoplasmic interaction 1950
  - *Aegilops tauschii* 7424
  - *Agaricus bisporus*
    - molecular genetics 4788
    - recombination 3650
  - *Agastache rugosa* 10451

Development *cont.*
  Amblyopyrum 3900
  Antirrhinum majus 8321
    gene expression 11546
    genetics 8530
    mutations 11546
  Arabidopsis
    gene expression 8466
    mutations 8474
    plant hairs 8467
  Arabidopsis thaliana 8499
    gene expression 47, 58, 66, 916, 1831, 1850, 1862, 1865, 2777, 3739, 3741, 3743, 4888, 6006, 6011, 6026, 9318, 9337, 9344, 9347, 10536, 10546-10548, 11757, 11761, 11774
      mutations 3748
    genetic markers 4865
    genetic transformation 894, 6011, 11757
    genetics 907, 2768, 4890, 8530, 9364
    gibberellins 1854
    induced mutations 4865
    molecular genetics 4889
    mutations 66, 894, 907-908, 925, 1848, 1862, 2757, 2774, 3741, 3743, 4888, 7219, 7242, 9318, 9344, 10546, 11762
    nucleotide sequences 47, 1831, 4889, 6006, 7219, 9292, 9347, 11761
    space flight 11759
  Arachis hypogaea, heritability 2477
  Astilbe 1731
  Avena sativa, gene expression 178
  Beta vulgaris (sugarbeet)
    gene expression 5740
    genetic transformation 5740
  Brassica juncea 6801
  Brassica napus (rape) 6811
    mitochondrial genetics 10121
  Brassica oleracea (cauliflowers)
    gene expression 5502
    nucleotide sequences 5502
  Brassica oxyrrhina 6810
  Brassica tournefortii 6810, 10117
  broadleaves 10284
  Carya illinoinensis 6770
  Ceratopteris richardii, molecular genetics 12941
  cereals
    evolution 11817
    molecular genetics 11817
  Coprinus cinereus 1791
  Corchorus capsularis 10270
  Corchorus olitorius 10270
  Cucumis sativus
    gene expression 10002
    nucleotide sequences 10002
  Eleutherococcus senticosus 7136
  Eucalyptus camaldulensis 1665
  Fragaria ananassa 10042
  gene expression 1902, 8467, 8474
  genetics 1817
  Gerbera hybrida
    gene expression 3603
    nucleotide sequences 3603
  Gerbera jamesonii 1734
  Gladiolus, stability 1749
  Glycine max
    epistasis 4182-4183
    gene expression 1274
    genetics 4182-4183
    multivariate analysis 1278
  Gossypium barbadense, gene mapping 12836
  Gossypium hirsutum 10246
    gene expression 8173
    gene mapping 12836
    genetic transformation 716
  Helianthus annuus, genetics 4528
  Hevea brasiliensis, heritability 1654
  Hordeum vulgare
    gene expression 95, 1991
    genetics 6167, 7438
    genotype environment interaction 7440-7441
    heritability 7437
    nucleotide sequences 1991
  Hydrangeaceae 940
  Larix decidua, heterosis 5825

Development *cont.*
  Larix laricina, heterosis 5825
  Larix leptolepis, heterosis 5825
  Lentinula edodes, genetics 11633
  Leucaena 1249
  Lilium longiflorum 12936
  Lupinus albus 7687
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 4354, 11136
    mutations 5530-5531
    nucleotide sequences 5531, 11136
  Malus pumila, gene expression 7941, 12621
  molecular genetics 3774, 5983, 11702
    books 3662
    conferences 857
    reviews 13, 11807
  Morus, mutations 3346
  mutations 10578
  Nicotiana tabacum 1626
    gene expression 2084, 10234, 11366
    genetic transformation 2084, 11366
    nucleotide sequences 10234
  nucleotide sequences 11789, 11808
  Oryza sativa 272, 7577
    artificial selection 7587
    gene expression 2105, 9681, 12184
    genetic engineering 2084
    heterosis 1171, 1178
    in vitro selection 1163
    mutations 10828
    nucleotide sequences 9681, 12184
  Pachyrhizus ahipa 3192
  Pachyrhizus erosus 3192
  Pachyrhizus tuberosus 3192
  Pinus radiata
    inbreeding 3570
    inbreeding depression 3567
    nucleotide sequences 2594, 5817
  Pistacia 3411
  Pisum sativum 1299, 4219
    gene expression 4218, 7757
    mutations 3112, 5371
    nucleotide sequences 7757
  Poaceae 6337
  Populus 749
    gene expression 2574
    nucleotide sequences 2574
  Populus canadensis 3560
  Populus deltoides 3560
    genotype environment interaction 747
  Populus trichocarpa, genotype environment interaction 747
  Prunus armeniaca, heritability 3279
  Prunus persica, gene expression 4440
  Psidium guajava 1531
  Raphanus sativus
    gene expression 7835
    nucleotide sequences 7835
  Rosa hybrida, tissue culture 2616
  Saccharum officinarum 6895, 10191
    germplasm releases 6898
  Silene latifolia, molecular genetics 1728
  Solanum dulcamara, gibberellins 1854
  Solanum tuberosum
    gene expression 4251, 8816
    nucleotide sequences 4251, 8816
  Sorghum bicolor, genetics 2942-2943
  Taxodium 772
  Torreya grandis 779
  triticale 9586
  Triticum aestivum 2838
    gene expression 9473
    nucleocytoplasmic interaction 1950
  Vicia faba 355
  Vigna radiata
    gene expression 9879
    nucleotide sequences 9879
  Zea mays 3966, 3970, 6213, 7487
    combining ability 9613
    DNA amplification 12001
    gene expression 95, 2034, 5109, 6210-6211, 9617, 9619, 12081
    gene mapping 12048
    genetic transformation 95
    genetics 2928, 8530
    induced mutations 2033
    leaves 2923
    microsatellites 12048
    mutations 201, 2032, 2924, 2927, 7485, 12048, 12081

Development *cont.*
  Zea mays cont.
    nucleotide sequences 5109, 6210-6211, 9617, 9619
    somaclonal variation 12001
  Zizania aquatica 296
  Zizania palustris 296
α-Dextrin endo-1,6-α-glucosidase
  Hordeum vulgare, gene expression 6165
  Oryza sativa, nucleotide sequences 7554
Deyeuxia lacustris, taxonomy 10881
Diabetes
  Solanum tuberosum
    gene expression 2229
    genetic transformation 2229
Diabrotica undecimpunctata, *Arachis hypogaea,* germplasm releases 4542
Diabrotica virgifera
  Tripsacum dactyloides 12142-12143
  Zea diploperennis 12142-12143
  Zea mays 12135, 12142-12143
    genetics 12140
Diacylglycerol *O*-acyltransferase, *Brassica napus* (rape), nucleotide sequences 12712
Diallel analysis 8508, 8517
Dianthus
  genetic resources 12919
  morphology, multivariate analysis 12919
  taxonomy 12919
Dianthus caryophyllus
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase, gene expression 12917
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase, gene expression 10368
  anther culture 10372, 11537
  benzoyltransferases
    gene expression 3598
    genetic engineering 3598
    nucleotide sequences 3598
  Burkholderia caryophylli 9185
  cultivars
    Gypsy 4723
    Saetbyul 8304
    Statropur 4723
  ethylene
    gene expression 12917
    genetic transformation 12917
  female fertility 10365
  Fusarium oxysporum, in vitro selection 10374
  genetic transformation 10362, 12911
  male fertility 10365
  senescence
    gene expression 12917
    genetic transformation 12917
  somatic embryogenesis 3604
  tissue culture 1736, 3604, 10370
  vase life 11538
Dianthus chinensis, genetic transformation 10362
Dianthus stenocalyx, sex 8312
Diaphania nitidalis, *Cucurbita pepo* 11166
Diaphorina citri, *Citrus* 12697
Diaporthe helianthi
  Helianthus 11295
  Helianthus annuus 2470, 11295
    genetics 12741
Diaporthe phaseolorum, *Glycine max* 9808
Diaporthe toxica, *Lupinus angustifolius* 12335
Diatraea grandiosella
  Zea mays 3986, 3990, 10728
    combining ability 3993
Diatraea saccharalis, *Saccharum,* germplasm releases 4561
Dicamba, *Oryza sativa* 7603
Dichanthium annulatum
  apomixis, somaclonal variation 8750
  2,4-D, somaclonal variation 8750
  forage 9739
  morphology, multivariate analysis 12299
  variety trials 9739
Dichelachne lautumia, taxonomy 10881
Dicotyledons
  proteins, evolution 84
  seeds, evolution 84
Dictamnus albus
  colour 7158
  essential oils 7158

- **Dictionaries**
  - breeding 11661
  - genetics 11661
  - taxonomy 11656
- ***Didymella*** (*see also Mycosphaerella)*
- ***Didymella bryoniae,*** *Cucumis melo* 11161
- **Dienes,** *Persea americana* 11245
- **Diethyl sulfate**
  - *Lathyrus sativus* 6372
  - *Vigna radiata* 9877
- **Differentiation** (*see* Development)
- **Digestibility**
  - *Brassica napus* (rape), genetic transformation 622
  - *Bromus inermis,* heritability 9745
  - fodder plants, artificial selection 6316
  - *Hordeum vulgare* 168, 5077, 7442-7443
  - *Jatropha curcas* 1215
  - *Leucaena* 10944
  - *Lolium perenne* 7660
    - techniques 6324
  - *Pisum sativum* 6441
  - *Sorghum bicolor* 1098-1099
    - germplasm releases 10754
  - *Triticum aestivum* 992
  - *Zea mays* 1082, 2043, 2935-2936, 5118, 8651, 10713
    - chromosome translocation 12102
    - gene location 12102
    - heritability 3973
    - mutations 5122
    - restriction fragment length polymorphism 212
    - techniques 6217
- ***Digitalis obscura***
  - cardenolides 10431
  - random amplified polymorphic DNA 9204
- ***Digitaria decumbens***
  - ethyl methanesulfonate 9744
  - mutagens 9744
  - random amplified polymorphic DNA 9744
  - yield components
    - induced mutations 9744
    - somaclonal variation 9744
- ***Digitaria exilis,*** genetic resources 6334
- ***Digitaria sanguinalis,*** maize streak geminivirus, genetic transformation 1230
- **Dihydrodipicolinate synthase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 7227
    - genetic engineering 7227
    - nucleotide sequences 7227
    - promoters 7227
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 7227
- **Dihydrokaempferol 4-reductase**
  - *Cymbidium hybrida*
    - gene expression 11568
    - nucleotide sequences 11568
  - *Forsythia intermedia,* genetic transformation 3588
  - *Gerbera hybrida*
    - gene expression 1727
    - nucleotide sequences 1727
    - promoters 1727
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 9669
    - nucleotide sequences 9669
  - *Petunia hybrida*
    - gene expression 11568
    - genetic transformation 10377, 11568
  - *Torenia fournieri,* genetic transformation 9168
- **Dimethyl sulfoxide,** *Musa* 10069
- ***Dimorphotheca pluvialis***
  - growth period, heritability 6887
  - oils 650
    - artificial selection 6888
    - heritability 6888
  - pollination 650
  - quality, heritability 6887
  - yields 650
- **Dinitroaniline**
  - *Zea mays*
    - gene expression 10730
    - genetic transformation 10730
- ***Dinochloa acutiflora,*** taxonomy 9220
- ***Dioryctria sylvestrella,*** *Pinus pinaster,* heritability 8246
- ***Dioscorea***
  - biotechnology 7834
  - flowers 421
  - genetic resources 1353, 7834, 12490
  - morphology, multivariate analysis 9917
  - Nematoda 12491
  - polyploidy 6509
  - taxonomy 9917-9918
  - vegetative propagation 1354
- ***Dioscorea alata***
  - genetic transformation 422
  - isoenzymes, genetic variation 2257
  - polyploidy 6509
  - protoplast culture 422
  - protoplasts 422
- ***Dioscorea bulbifera***
  - cell culture 8851
  - genetic transformation 422
  - *Glomerella cingulata*
    - gene expression 8851
    - nucleotide sequences 8851
  - pathogenesis-related proteins
    - gene expression 8851
    - nucleotide sequences 8851
  - protoplast culture 422
  - protoplasts 422
- ***Dioscorea cayenensis***
  - genetic transformation 422
  - protoplast culture 422
  - protoplasts 422
  - variety classification 6507
- ***Dioscorea cayenensis-rotundata,*** polyploidy 6509
- ***Dioscorea japonica***
  - hybrid seed production 8852
  - interspecific hybridization 8852
- ***Dioscorea opposita***
  - cultivars, Hirokei-1 3185
  - hybrid seed production 8852
  - interspecific hybridization 8852
- ***Dioscorea quartiniana***
  - morphology, multivariate analysis 9917
  - taxonomy 9917
- ***Dioscorea rotundata***
  - genetic transformation 422
  - protoplast culture 422
  - protoplasts 422
  - variety classification 6507
- ***Dioscorea tokoro,*** amplified fragment length polymorphism 6508
- ***Diospyros***
  - cultivars, Xiandao Seedless 5652
  - ecotypes 6754
  - genetic resources 6754
- ***Diospyros glandulosa,*** protoplast fusion 5654
- ***Diospyros kaki***
  - breeding 1532
  - cultivars
    - Kinshuu 5653
    - Tanrei 5653
  - fruits 6756
  - genetic resources 2430
  - interspecific hybridization 6755
  - ornamental value 5653
  - pollination 6755
  - protoplast fusion 5654
  - quality 6756
  - random amplified polymorphic DNA 9015
- ***Diospyros lotus,*** interspecific hybridization 6755
- **Diphosphomevalonate decarboxylase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - genetic engineering 7232
    - nucleotide sequences 7232
- **Diphtheria**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 44
    - genetic transformation 44
- ***Diplocarpon rosae,*** *Rosa hybrida,* genetic transformation 4719
- ***Diplodia*** (*see also Botryodiplodia)*
- **Diploidy**
  - *Solanum phureja* 9899
  - *Solanum tuberosum* 9899
- ***Diplotaxis,*** cytoplasmic male sterility 6795
- ***Diplotaxis berthautii,*** *Brassica campestris,* intergeneric hybridization 6795
- ***Diplotaxis erucoides,*** *Brassica campestris,* intergeneric hybridization 6795
- ***Diplotaxis muralis,*** *Brassica campestris,* intergeneric hybridization 1548
- ***Diplotaxis virgata,*** *Brassica pekinensis,* intergeneric hybridization 9941
- **Directories**
  - forest trees
    - breeding 5932
    - genetics 5932
- ***Disa,*** pollination, phylogeny 1758
- ***Disa racemosa,*** pollination 805
- ***Disa venosa,*** pollination 805
- ***Disa virginalis,*** taxonomy 3627
- **Diseases** 6, 1810, 10486
  - *Arabidopsis thaliana*
    - genetics 4909
    - molecular genetics 11777
    - mutations 4909
    - nucleotide sequences 7221
  - *Arachis hypogaea* 6873
  - *Beta* 3494
  - books 11654
  - *Brassica chinensis,* artificial selection 5498
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers) 7853
  - cereals 10599
    - genetic transformation 10598
  - conferences 12990
  - crops, genetics 5952
  - fruit crops 7935
    - conferences 12985
  - gene expression 3693, 7198, 8440, 9251
    - reviews 7, 4822
  - gene mapping, reviews 11675
  - genetic transformation 3696, 7198, 9255
    - reviews 9254, 11678
  - genetics 11676
    - reviews 2722
  - *Gossypium hirsutum*
    - biotechnology 6970
    - genetic resources 6970
    - germplasm releases 4616-4617
  - *in vitro* selection 3696
  - *Malus* 2329, 10019
  - *Medicago sativa* 6360
  - molecular genetics 3692, 4824, 9251, 9257
    - conferences 12991
    - reviews 871, 2721, 11677-11678
  - natural selection, reviews 2722
  - *Nicotiana tabacum* 6921
  - *Oryza sativa*
    - gene mapping 2123
    - genetic markers 2123
    - genetic transformation 10866
    - mutations 12235
  - *Petroselinum crispum,* gene expression 828
  - *Populus* 749
    - genetics 2577
  - *Prunus* 2329
  - *Pyrus* 2329
  - *Solanum tuberosum* 2242, 11037
  - somaclonal variation 3696
  - *Triticum aestivum* 1979
    - molecular genetics 9522
  - *Vitis vinifera*
    - genetic engineering 10866
    - history 3332
  - *Zea mays*
    - artificial selection 11983
    - gene mapping 2050
    - genetic transformation 9634
    - tissue culture 9634
  - *Zea mays* (sweetcorn) 3983
- **Diterpenoids**
  - *Portulaca*
    - chemotaxonomy 5892
    - phylogeny 5892
  - *Saxifraga,* chemotaxonomy 5861
- ***Ditylenchus dipsaci***
  - *Ipomoea batatas* 7833
  - *Vicia faba* 5347-5348
- ***Diuraphis noxia***
  - *Hordeum vulgare* 3941
    - genetics 11968
    - germplasm releases 11968
  - *Triticum aestivum* 149, 9535, 10652
    - genetic markers 6150

- **Diuraphis noxia** *cont.*
  - *Triticum aestivum cont.*
    - genetics 1019, 2869, 7421, 9536-9537
  - *Triticum durum,* genetics 2868
- **DNA** 2026
  - *Acacia* 7005
  - *Acer pseudoplatanus,* techniques 11457
  - *Adenium* 12940
  - *Allium,* techniques 9931
  - *Allium cepa* 3202, 12495
  - Aloaceae 2563
  - angiosperms 1899, 2700
    - evolution 1910
    - reviews 1900
  - *Arabidopsis thaliana* 4899
    - genetics 4859
    - mutations 4859
  - *Atalantia* 5644
  - *Avena sativa*
    - genetic transformation 1049
    - molecular genetics 1049
  - *Brassica napus* (rape), techniques 9032, 10107
  - *Camellia sinensis* 2508
  - *Capsicum annuum* 11152, 12569
  - cereals 6074
  - *Citrullus lanatus,* techniques 6597
  - *Citrus* 5644
  - crops 9389
    - techniques 1916
  - *Cucumis sativus,* techniques 6597
  - *Cunninghamia lanceolata,* techniques 770
  - *Cymbidium* 11569
  - *Dactylis glomerata,* altitude 2137
  - databases 1897
  - *Ferocactus* 10409
  - *Festuca* 5232
  - *Fortunella* 5644
  - *Fragaria ananassa,* techniques 12668
  - *Fraxinus excelsior,* techniques 11457
  - *Glycine max* 12345
  - *Gossypium hirsutum* 10246
  - *Gymnocalycium* 2663
  - gymnosperms 2588
  - *Helianthus annuus*
    - genetics 10584
    - light 2469
    - polymerase chain reaction 10584
  - *Lesquerella,* techniques 3480
  - *Litchi chinensis* 8018
  - *Lolium* 5232
  - *Lupinus* 9766
  - *Mammillaria* 9200, 10411
  - *Melocactus* 3629
  - *Metasequoia glyptostroboides* 2588
  - *Musa* 10067
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 5751
    - genetic transformation 5751, 8137
  - Orchidaceae, techniques 9199
  - *Oryza sativa* 265
  - *Pachypodium lamerei* 10410
  - *Pachypodium namaquanum* 10410
  - *Pachypodium rosulatum* 10410
  - *Phoenix dactylifera,* techniques 11246
  - *Picea,* techniques 11502
  - *Pinus lambertiana* 2588
  - *Pinus radiata,* techniques 8233
  - *Pisum sativum* 370
  - Poaceae 12275
  - *Poncirus* 5644
  - *Prunus avium,* techniques 11457
  - *Quercus petraea,* techniques 4643, 11457
  - *Quercus robur,* techniques 4643, 11457
  - reviews 1895
  - *Salix* 1670
  - *Sesleria* 2141
  - *Setaria* 2062
  - *Severinia* 5644
  - *Solanum bulbocastanum* 3156
  - *Solanum circaeifolium* 3156
  - *Solanum nigrum* 6478
  - *Solanum tuberosum* 3156, 6478
  - *Sorghum bicolor,* techniques 10735
  - taxonomy 1898
  - techniques 7214, 7273
  - *Trifolium repens* 7683
  - *Triticum aestivum* 6089, 9506
  - *Vicia* 5340
  - *Vicia serratifolia* 9759
- **DNA** *cont.*
  - *Zea mays* 2026, 8634
    - altitude 2030
    - genetics 10584
    - polymerase chain reaction 10584
  - *Zingiber officinale* 3641
  - Zingiberaceae 8372
- **DNA amplification**
  - *Zea mays*
    - development 12001
    - peroxidases 12000
- **DNA binding proteins**
  - *Antirrhinum majus* 4740
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 45, 1827, 1865, 2744, 9296, 9304, 10521
    - genetic engineering 10515
    - genetic transformation 8459, 9296, 10521
    - molecular genetics 11747
    - nucleotide sequences 886, 1827, 1865, 1876-1877, 2744, 8459, 11750, 11752
    - promoters 9304
  - *Catharanthus roseus*
    - gene expression 12947
    - nucleotide sequences 12947
  - *Ceratopteris richardii*
    - gene expression 12980
    - nucleotide sequences 12980
  - *Cucurbita*
    - gene expression 2322
    - nucleotide sequences 2322
  - gene expression, computer programming 5982
  - *Glycine max,* chloroplast genetics 7712
  - *Helianthus annuus* 11275
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 156-157, 7431
    - genetic transformation 156
    - nucleotide sequences 156-157, 7431
    - promoters 156
  - *Lactuca sativa,* nucleotide sequences 2287
  - *Lentinula edodes,* nucleotide sequences 9223
  - *Medicago sativa,* nucleotide sequences 3053
  - molecular genetics 9265
  - *Nicotiana plumbaginifolia*
    - gene expression 4575
    - nucleotide sequences 4575
  - *Nicotiana tabacum* 11367
    - ethylene 3521
    - gene expression 2021, 2527, 2537, 3520, 6926, 10240, 10515
    - genetic transformation 6926, 10515
    - molecular genetics 2537
    - promoters 2527
  - *Oryza sativa*
    - molecular genetics 2085
    - nucleotide sequences 12179
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 9829, 10982
    - nucleotide sequences 5367, 9829, 10983
  - *Raphanus sativus,* gene expression 9920
  - *Triticum aestivum*
    - nucleotide sequences 156
    - promoters 156
  - *Zea mays*
    - gene expression 190, 10693-10694
    - genetic transformation 190
    - nucleotide sequences 3960, 10692
    - promoters 190, 10694
- **DNA fingerprinting**
  - *Acorus calamus*
    - essential oils 11596
    - phylogeny 11596
  - *Acorus gramineus*
    - essential oils 11596
    - phylogeny 11596
  - Arecaceae 10161
  - *Carpinus betulus,* chimaeras 729
  - *Cocos nucifera* 10161
  - *Codonopsis pilosula,* geography 10419
  - *Cynodon,* mutations 12287
  - *Daucus carota* 7820
  - *Dendranthema morifolium* 4726
  - edible fungi 11629
  - genetic markers 11
- **DNA fingerprinting** *cont.*
  - *Humulus lupulus* 8386
  - *Lentinula edodes* 11632
  - *Lupinus albus,* genetics 10918
  - *Lycopersicon esculentum,* variety classification 7890
  - *Oryza sativa* 10819
    - hybrid seed production 9671
  - *Picea glauca,* chimaeras 729
  - *Pleurotus* 11629
  - *Populus deltoides* 11470
  - *Quercus liaotungensis* 8201
  - *Quercus robur,* chimaeras 729
  - *Rubus idaeus* 11199
  - *Rubus nessensis* 545
  - *Solanum tuberosum,* variety classification 4255
  - *Tuber borchii* 850
  - *Vicia faba* 7732
  - *Vitis* 2372, 5618
  - *Zea mays* 2914
    - techniques 11988
- **DNA footprinting**
  - *Avena fatua,* amylases 2002
  - *Nicotiana tabacum,* 5-epi-aristolochene synthase 690
- **DNA helicase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 8454
    - nucleotide sequences 8454
- **DNA hybridization**
  - *Aegilops,* genomes 9538
  - *Aegilops cylindrica* 4941
  - *Allium* 2278
  - *Allium cepa* 5492
  - *Allium fistulosum* 5492
  - *Arachis,* phylogeny 3471
  - *Arachis hypogaea,* phylogeny 3471
  - *Brassica napus* (rape) 2449
    - fatty acids 12720
  - *Coffea arabica*
    - evolution 3504, 12792
    - genomes 12792
  - *Festuca pratensis* 4098, 7653
  - *Gossypium* 6953
  - *Gossypium hirsutum,* phylogeny 5788
  - *Hordeum*
    - genomes 11944
    - phylogeny 3908
  - *Hordeum vulgare* 2804, 2809, 4941
  - *Lathyrus sativus,* neurotoxins 6374
  - *Lesquerella fendleri* 2449
  - *Lolium perenne* 4098, 7653
  - *Lycopersicon esculentum* 9961
  - *Lycopersicon pennellii* 9961
  - *Medicago truncatula* 6350
  - *Oryza,* taxonomy 1186
  - *Oryza punctata* 2086
  - *Oryza sativa* 2086
    - *Xanthomonas oryzae* 9713
  - *Phaseolus vulgaris, Uromyces appendiculatus* 6431
  - *Pisum sativum,* lipoxygenase 7762
  - *Rubus* (blackberries) 5602
  - *Rubus* (raspberries) 5602
  - *Secale cereale* 2809
  - triticale, quality 6194
  - *Triticum aestivum* 2809, 4941
  - *Vicia faba* 2804, 8777
  - *Zea mays,* aminophosphotransferase 11991
- **DNA libraries,** *Aegilops tauschii* 11934
- **DNA methylation**
  - *Aegilops umbellulata,* gene expression 7342
  - *Arabidopsis thaliana* 7229, 10509
  - *Brassica napus* 4501
  - *Cichorium intybus* 9958
  - *Fragaria ananassa,* somaclonal variation 12671
  - *Linaria vulgaris,* flowers 12916
  - *Lotus corniculatus* 3962
  - *Nicotiana tabacum* 8126
    - gene expression 4572
    - promoters 4572
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 2964
    - genetic transformation 2964
  - *Petunia,* genetic transformation 12002
  - *Petunia hybrida* 8322
  - *Phaseolus coccineus* 5350

- **DNA methylation** *cont.*
  - *Triticum urartu,* gene expression 7342
- **DNA methyltransferase,** *Arabidopsis thaliana,* polymorphism 1833
- **DNA polymerase**
  - *Nicotiana tabacum,* organelles 4573
  - *Pisum sativum,* nucleotide sequences 10983
- **DNA repair** 9388
  - *Arabidopsis thaliana* 2780, 4900
  - *Hordeum vulgare* 3914
  - molecular genetics 11782
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 692
  - *Pinus sylvestris* 8235
  - reviews 1896
  - *Zea mays*
    - gene mapping 12025
    - molecular genetics 12025
- **DNA replication**
  - *Pisum sativum* 9831
  - *Salix gilgiana*
    - gene expression 11477
    - nucleotide sequences 11477
- ***Dolichos*** *(see Canavalia; Lablab; Vigna)*
- **Domestication**
  - *Aegilops tauschii*
    - nucleotide sequences 8578
    - polymerase chain reaction 8578
  - *Brassica* 624
  - *Brassica napus* (rape) 624
  - crops 6071, 8427, 11668
    - molecular genetics 8523
  - forest trees, conferences 11645
  - *Helianthus annuus* 639
  - *Hordeum vulgare* 172
  - *Malus pumila* 6647
  - medicinal plants 7134
  - *Merremia tuberosa* 7148
  - *Oryza barthii* 2112
  - *Oryza glaberrima* 2112
  - *Oryza rufipogon*
    - amplified fragment length polymorphism 4054
    - gene mapping 4054
    - restriction fragment length polymorphism 4054
  - *Oryza sativa*
    - amplified fragment length polymorphism 4054
    - gene mapping 4054
    - restriction fragment length polymorphism 4054
  - *Pennisetum glaucum* 2952
  - *Prunus domestica* 3284
  - *Prunus dulcis* 6767
  - *Prunus salicina* 3284
  - *Rosa* 6737
  - spice plants 7134
  - *Stenocereus stellatus* 9016-9017
  - *Triticum*
    - nucleotide sequences 8578
    - polymerase chain reaction 8578
  - *Triticum aestivum,* molecular genetics 8523
  - *Zea mays,* genetics 5124-5125
- **Dominance**
  - *Brassica pekinensis,* bolting 6532
  - *Cicer arietinum,* yield components 9862
  - *Eucalyptus nitens,* quantitative traits 8198
  - *Glycine max, Spodoptera littoralis* 7729
  - *Gossypium hirsutum*
    - oils 8178
    - seeds 8178
  - *Helianthus annuus,* palmitic acid 6849
  - *Pennisetum glaucum,* yield components 9650
  - *Secale cereale,* quantitative traits 8625
  - *Solanum hjertingii*
    - catechol oxidase 5466
    - melanins 5466
  - *Solanum* (tuberous species)
    - catechol oxidase 5466
    - melanins 5466
  - *Vigna unguiculata,* yield components 9872
  - *Zea mays*
    - forage 7491
    - quality 7491
    - yield components 2041
- **Dormancy**
  - *Allium grayi* 6518
  - *Arachis hypogaea* 9049
    - genetics 6869
  - *Avena fatua,* genetics 2892
  - *Avena sativa* 5081
  - *Brassica campestris* 2459
  - *Brassica napus* (rape) 2459
  - *Camellia sinensis* 11355
  - *Cimicifuga nanchuanensis* 8361
  - *Dasypyrum villosum* 2841
  - *Hordeum vulgare*
    - gene mapping 9563
    - genetics 6167
    - induced mutations 6169
  - *Nicotiana plumbaginifolia*
    - gene expression 10232
    - genetic engineering 10232
  - *Oryza sativa,* gene mapping 3801
  - *Pisum sativum,* gene expression 373, 2210
  - *Solanum tuberosum* 7804
  - *Triticum aestivum* 6110
    - gene mapping 3801, 9463
  - *Triticum durum* 2841
- ***Drechslera*** *(see also Cochliobolus; Pyrenophora; Setosphaeria)*
- ***Drechslera poae,*** *Poa pratensis,* genetics 10884
- ***Drechslera tritici-repentis,*** *Triticum aestivum* 11890
- ***Drosera***
  - ribulose-bisphosphate carboxylase
    - nucleotide sequences 1676
    - phylogeny 1676
- ***Drosophyllum lusitanicum,*** self pollination 8310
- **Drought resistance** 7191
  - (*see also* Heat resistance)
  - *Aegilops* 3902
  - *Agropyron cristatum,* heritability 1222
  - *Agropyron desertorum,* heritability 1222
  - *Arabidopsis thaliana* 8501
    - gene mapping 4905
  - *Arachis hypogaea* 9052
    - genetic markers 5713
    - *in vitro* selection 8082-8083
  - *Atriplex halimus* 7638
  - *Avena sativa* 1051
  - *Beta* 3494
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - gene expression 10205
    - genetic engineering 10205
  - *Camellia sinensis* 680, 11356
  - *Capsicum annuum* 501, 9989, 11155
  - cereals 9417
  - *Cicer arietinum* 3127, 5424, 11000
  - *Citrullus lanatus* 9992
  - *Cocos nucifera* 3454-3455, 12746
  - *Craterostigma plantagineum,* gene expression 3632
  - *Cucumis callosus* 9992
  - *Cucumis melo* 9992
    - genetic transformation 4820
  - *Cucurbita* 4384
  - *Cyamopsis tetragonoloba* 6468
  - *Eucalyptus microtheca* 4638
  - forest trees 733
  - gene expression 1820
  - *Glycine max* 6402
  - *Gossypium* 2548, 11425
  - *Gossypium hirsutum* 1644-1645, 3551, 5789, 6966-6969
    - genetic markers 723
  - *Helianthus annuus* 11292
    - artificial selection 3443
    - restriction fragment length polymorphism 11273
  - *Helianthus argophyllus,* artificial selection 3443
  - *Hevea brasiliensis* 1657, 4627
  - *Hordeum spontaneum* 10671
  - *Hordeum vulgare* 2885
    - artificial selection 3936, 9542
    - combining ability 7448
    - gene expression 9570
    - heritability 7448
    - nucleotide sequences 9570
  - *Ipomoea batatas* 4318
  - *Linum usitatissimum* (linseed) 1560
  - *Litchi chinensis* 8018
  - *Lolium rigidum* 4102
  - *Lupinus albus* 10934
  - *Lycopersicon chilense* 4356
  - *Lycopersicon esculentum* 4356
    - gene expression 12537
  - *Medicago sativa* 318, 1236
    - heritability 7680
    - somaclonal variation 4134
  - *Nicotiana tabacum* 6941
    - genetic transformation 4820
  - *Opuntia ficus-indica* 8029
  - *Oryza sativa* 2118-2119, 4048, 10864, 12234
    - artificial selection 1197, 6294
    - combining ability 5218
  - *Pachyrhizus ahipa* 2277
  - *Pachyrhizus erosus* 3198
  - *Pachyrhizus tuberosus* 3198
  - *Pennisetum glaucum,* artificial selection 9653
  - *Phaseolus vulgaris* 364, 6429, 8788
    - artificial selection 2199
  - *Picea engelmannii* 7029
  - *Picea glauca* 7029
  - *Pinus pinaster* 11498
  - *Pisum sativum* 6443, 10991
  - *Poa pratensis* 12277
  - *Populus* 749
  - *Prunus domestica* 8967
  - *Prunus dulcis* 3391, 10093
    - *in vitro* selection 544
  - *Prunus persica, in vitro* selection 544
  - *Quercus ilex* 9132
  - *Saccharum* 6903
  - *Secale cereale*
    - chromosome translocation 3804
    - gene location 3804
  - *Sesamum indicum,* stability 8093
  - *Simmondsia chinensis* 1584
  - *Solanum tuberosum* 4285, 6488-6489, 6491, 7812
    - antisense RNA 12454
    - artificial selection 3166, 7807
    - gene expression 2241, 4286, 12454
    - genetic transformation 12454
    - nucleotide sequences 2241
    - stability 4287
  - *Sorghum bicolor* 1102, 10757
  - *Trifolium repens* 8757
  - triticale, artificial selection 10597
  - *Triticum,* heritability 3877
  - *Triticum aestivum* 143, 146-147, 2859, 5018, 7390, 9509-9511, 9517
    - artificial selection 145, 7391, 9519, 10597
    - chromosome translocation 3804
    - combining ability 5023, 6139, 9518
    - gene location 3804, 5019
    - genetic variance 5023, 9518
    - linkage 11865
    - mutations 10633
    - somaclonal variation 8583
    - techniques 1973, 8584
  - *Triticum dicoccoides* 142
  - *Triticum durum* 142, 10628
    - heritability 3877
    - heterosis 9508
    - restriction fragment length polymorphism 9512
    - stability 6138
  - *Vigna unguiculata* 5444, 11011
    - gene expression 9873
  - *Vitis vinifera* 3330, 7990
  - *Zea mays* 1086, 1090, 3980, 8662, 9633, 12113
    - gene expression 2048
    - gene mapping 12108-12109
    - genetic markers 5127, 10719
    - ideotypes 6222
    - linkage 12109
    - mutations 6222
    - restriction fragment length polymorphism 10719
    - yield correlations 6223
- **Dry matter**
  - *Ipomoea* 11055
  - *Lupinus albus* 12324
  - *Oryza sativa* 9684
  - *Pisum sativum* 9834
  - *Triticum aestivum,* artificial selection 9472

- ***Dryandra,*** *Banksia coccinea,* intergeneric hybridization 7065
- ***Dryandra formosa,*** sexual reproduction 7067
- ***Dryandra quercifolia,*** sexual reproduction 7067
- ***Durio,*** phylogeny, restriction fragment length polymorphism 1533
- ***Durio zibethinus***
  - phylogeny, restriction fragment length polymorphism 1533
  - pollination 1534
  - self incompatibility 1534
- **Dwarf habit** (*see* Height)
- ***Echeveria gibbiflora***
  - female fertility 1763
  - pollination 1763
- ***Echinocactus smithii,*** nomenclature 5891
- ***Echinocereus mapimiensis,*** taxonomy 4761
- ***Echinochloa crus-galli***
  - alcohol dehydrogenase
    - genetics 1109
    - induced mutations 1109
  - altitude 5152
  - *Oryza sativa* 294, 6303, 12268
- ***Echinochloa frumentacea,*** altitude 5152
- ***Echinochloa oryzoides,*** *Oryza sativa* 294
- **Ecology**
  - *Daphne mezereum* 9160
  - polyploidy 10571
- **Economics**
  - breeding 2705-2706
  - forest trees, breeding 4630
  - genetic resources 2709, 3676
    - books 3664
    - conferences 3664
  - *Hordeum vulgare,* breeding 4935
  - *Prunus avium,* breeding 4416
  - *Saccharum officinarum* 3482
  - *Triticum aestivum*
    - breeding 4935
    - hybrid seed production 1937
  - *Zea mays*
    - *Ostrinia nubilalis* 1093
    - quality 9599
- **Ecotypes**
  - *Allium wallichii* 3211
  - *Arabidopsis thaliana* 3752
  - *Canavalia ensiformis* 1324
  - *Canavalia gladiata* 1324
  - *Dendranthema indicum* 7096
  - *Diospyros* 6754
  - *Lycopersicon esculentum* 11118
  - *Rosmarinus officinalis* 835
  - *Setaria italica* 1103
  - *Sorghum bicolor* 6073
- **Edible fungi**
  - DNA fingerprinting 11629
  - fructification 8398
  - gene banks 7168
  - genetic markers 11629
  - spores 8398
- ***Eichhornia crassipes,*** metallothionein, nucleotide sequences 12944-12945
- ***Elaeis***
  - biotechnology 1564
  - breeding, reviews 4536
- ***Elaeis guineensis***
  - chromosome morphology 3446
  - chromosome number 3446
  - genetic transformation 6865
  - pollen germination 11299
  - somatic embryogenesis 8070
    - tissue culture 10159
  - tissue culture 11300
- ***Elaeis oleifera***
  - chromosome morphology 3446
  - chromosome number 3446
- ***Elasmopalpus lignosellus,*** *Oryza sativa,* artificial selection 6302
- ***Eldana saccharin,*** *Saccharum officinarum* 2485
- **Electrical treatment**
  - *Hordeum vulgare* 3915
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 7892
- **Electron transfer**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 8141
    - genetic transformation 8141
- ***Eleocharis dulcis,*** variety classification, random amplified polymorphic DNA 9926
- ***Eleocharis tuberosa***
  - cultivars, Mengzhe Biqi 8855
  - quality 8855
- ***Elettaria cardamomum***
  - artificial selection 12959
  - genetic resources 11601
  - harvest index 4774
  - quality 12970
  - tissue culture 12968
  - translocation 4774
  - yield correlations 12964
- ***Eleusine coracana***
  - colour, genetics 2953
  - genetic resources 2949
  - hybridization, techniques 9654
  - plant embryos, gene expression 6078
  - salinity, gene expression 6078
  - seeds, genetics 10782
  - variety trials 6063
  - yield components, stability 7526-7527
  - yield correlations 2954, 5151
- ***Eleusine indica***
  - herbicides, nucleotide sequences 6230
  - *Magnaporthe grisea,* heritability 10784
  - nutritive value, genetics 10783
- ***Eleutherococcus senticosus***
  - development 7136
  - embryo sac 2667
  - fertilization 2667
  - plant embryos 7137
  - sex 7136
  - somatic embryogenesis 11592
- **Elicitors,** *Oryza sativa,* gene expression 2962
- **Elongation factors**
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - gene expression 4558
    - nucleotide sequences 4558
  - *Gladiolus*
    - gene expression 10387
    - genetic transformation 10387
    - promoters 10387
  - *Malus pumila,* gene expression 3268
  - *Nicotiana paniculata,* nucleotide sequences 5753
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 5166
    - nucleotide sequences 5166, 10805
  - *Triticum aestivum,* gene expression 979
- ***Elymus*** (*see also Agropyron; Leymus; Psathyrostachys)*
  - alkylresorcinols, heterosis 2011
  - chromosome addition 1940
  - chromosome morphology 1940
  - chromosome pairing 10890
  - evolution 4112
  - forage 307
  - interspecific hybridization 10890
  - isoenzymes
    - genetic variation 8746
    - polymorphism 4112
  - microsatellites 4106, 8746
  - polymorphism, isoenzymes 4108
  - *Puccinia recondita,* chromosome translocation 6145
  - random amplified polymorphic DNA 8746
  - triticale, *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 2011
  - *Triticum,* intergeneric hybridization 4967
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 1940, 6145
  - trypsin inhibitors, heterosis 2011
- ***Elymus alaskanus***
  - isoenzymes, genetic variation 12286
  - microsatellites 1223
- ***Elymus canadensis***
  - chromosome pairing 5056
  - *Hordeum vulgare,* intergeneric hybridization 5056
- ***Elymus caninus***
  - isoenzymes, genetic variation 10889
  - microsatellites 4106
  - proteins 4109
  - random amplified polymorphic DNA 10889
  - seeds 4109
- ***Elymus curvifolius***
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 3838
- ***Elymus curvifolius** cont.*
  - *Triticum durum,* intergeneric hybridization 3837
- ***Elymus elongatus***
  - *Aceria tosichella,* chromosome translocation 8747
  - aneuploidy 4976
  - chromosome banding 2834
  - chromosome pairing 10605
  - chromosome translocation 2834
  - colour, chromosome substitution 4976
  - *Dasypyrum villosum, Triticum durum,* intergeneric hybridization 9447
  - embryo culture 7351
  - genomes 1224, 5237
  - *Puccinia striiformis,* genetics 11916
  - random amplified polymorphic DNA 4961
  - salinity
    - chromosome substitution 11884
    - gene location 11884
  - seeds, chromosome substitution 4976
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 1975, 2834, 4961, 4976, 7351, 8747, 9447, 11839, 11884, 11923
  - *Triticum durum,* intergeneric hybridization 5029, 9447, 10605
  - wheat streak mosaic rymovirus, chromosome translocation 8747
- ***Elymus farctus***
  - genomes 5237
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 3838, 11839
  - *Triticum durum,* intergeneric hybridization 3837
- ***Elymus fibrosus,*** microsatellites, polymorphism 6331
- ***Elymus hispidus***
  - *Aceria tosichella,* chromosome translocation 8747
  - chromosome translocation 7353
  - fluorescence *in situ* hybridization 7353
  - genomes 1224, 5237
  - interspecific hybridization 307
  - taxonomy 2139
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 5237, 7353, 8747, 9532
  - *Triticum durum,* intergeneric hybridization 8545
  - wheat streak mosaic rymovirus, chromosome translocation 8747
- ***Elymus komarovii,*** taxonomy 4113
- ***Elymus repens***
  - interspecific hybridization 307
  - yield components, artificial selection 4111
- ***Elymus spicatus,*** interspecific hybridization 307
- ***Elymus stipifolius,*** interspecific hybridization 307
- ***Elymus trachycaulus***
  - proteins 4110
  - seeds 4110
- ***Elymus tsukushiensis***
  - chromosome substitution 11842
  - restriction fragment length polymorphism 11842
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 11842
- ***Elytrigia*** (*see also Elymus)*
- **Embryo culture**
  - *Albizia julibrissin* 4665
  - *Allium cepa* 3210
  - *Alstroemeria* 10371
  - *Asparagus officinalis,* gene expression 463
  - *Brassica alboglabra* 444
  - *Camellia sinensis* 8116
  - *Cicer* 5411
  - *Cicer arietinum* 5411
  - *Citrus* 9011
  - *Cocos nucifera* 3452-3453, 10162
  - *Coffea arabica* 11357
  - *Coffea bengalensis* 12791
  - *Cucumis melo* 12590
  - *Cucumis sativus* 6618, 12590, 12607, 12610
  - *Cycas revoluta* 12896
  - *Daucus carota* 8846
  - *Elymus elongatus* 7351
  - *Eutrema wasabi* 6550

- **Embryo culture** *cont.*
  - *Glycine max* 3083, 4188
  - *Gossypium* 1643
  - *Hordeum* 7430
  - *Hydrangea arborescens* 12902
  - *Hydrangea macrophylla* 12902
  - *Juniperus oxycedrus* 1705
  - *Lilium callosum* 9196
  - *Lilium longiflorum* 9196
  - *Manihot esculenta* 3181
  - *Orychophragmus violaceus* 444
  - *Oryza sativa* 10849-10851
    - genetics 7599
  - *Phaseolus polyanthus* 5357
  - *Phaseolus vulgaris* 5357
  - *Pinus banksiana* 1692
  - *Pinus merkusii* 5820
  - *Pinus taeda* 1690
  - *Pistacia vera* 4498
  - *Prunus* 7955
  - *Prunus avium* 1465, 12654
  - *Prunus cerasus* 1465
  - *Prunus* (cherries) 7967
  - *Prunus mume* 7955
  - *Prunus persica* 6693
  - *Taxus chinensis* 7038
  - *Trifolium pratense* 4140
  - *Triticum aestivum* 7351
  - *Triticum durum* 971
  - *Vitis labrusca* 2380
  - *Vitis vinifera* 2380, 6711
  - *Zea mays* 207, 971, 12090
- **Embryo sac**
  - *Eleutherococcus senticosus* 2667
  - *Panicum maximum*
    - gene expression 8675
    - nucleotide sequences 8675
  - *Plumbago zeylanica* 11588
- **Embryology**
  - *Brassica napus* (rape) 8521
  - *Citrullus lanatus* 8900
  - *Oryza sativa* 6272
  - *Pennisetum squamulatum* 10769
  - *Sternbergia lutea* 5868
  - *Taraxacum officinale* 8521
  - *Triticum aestivum* 4977
- **Embryos** (*see* Plant embryos)
- ***Empoasca fabae***
  - *Acer freemanii* 12883
  - *Acer rubrum* 12883
  - *Phaseolus vulgaris* 2205
- ***Empoasca kraemeri,*** *Phaseolus vulgaris* 2205, 10977
- **Endo-1,3(4)-β-glucanase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 3738
    - nucleotide sequences 3738
- ***Endocronartium harknessii***
  - *Pinus contorta*
    - genetic variance 2604
    - heritability 2604
- **Endoglucanase,** *Glycine max,* genetic transformation 12461
- **Endonucleases**
  - *Oryza australiensis*
    - gene mapping 10818
    - nucleotide sequences 10818
  - *Oryza sativa*
    - gene mapping 10818
    - nucleotide sequences 10818
- **Endophytes,** *Festuca,* techniques 12283
- **Endoplasmic reticulum,** *Arabidopsis thaliana,* gene expression 2763
- **Endosperm**
  - *Actinidia deliciosa* 11221
  - *Arabidopsis thaliana* 7252
    - gene expression 6006
    - mutations 6007
    - nucleotide sequences 6006
  - cereals 9415
  - *Coffea arabica,* nucleotide sequences 10210
  - *Coffea canephora,* nucleotide sequences 10210
  - *Datura stramonium* 11587
  - *Daucus carota,* gene expression 11047
  - *Fragaria ananassa* 10042
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 7431
    - nucleotide sequences 7431
  - *Solanum commersonii* 6479
- **Endosperm** *cont.*
  - *Solanum incanum* 6583
  - *Solanum tuberosum* 6479
  - *Triticum aestivum* 993
    - genetics 996, 2853
    - induced mutations 2853
    - mutations 6125
  - *Triticum durum* 11874
  - *Zea mays* 1080, 5118, 7488, 8651, 10713, 12095
    - chromosome translocation 12100-12101
    - gene expression 6206, 8635
    - genetics 12045, 12070, 12079
    - linkage 12100-12101, 12103
    - mutations 2924, 8635
    - nucleotide sequences 6206
- **Endotoxins**
  - genetic transformation 2726
  - *Zea mays*
    - genetic transformation 3075
    - polymerase chain reaction 3075
- **Endoxyloglucan transferase,** *Pisum sativum,* gene expression 10985
- **Energy resources**
  - *Beta vulgaris* (fodder beet) 12783
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 12783
- **Enoyl-(acyl-carrier protein) reductase (NADH)**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 9302
    - genetic engineering 9302
    - nucleotide sequences 9302
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 9302
- ***Ensete,*** tissue culture 1788
- ***Enteromorpha***
  - morphology, nucleotide sequences 12982
  - phylogeny, nucleotide sequences 12982
- **Enzyme inhibitors,** *Chenopodium rubrum,* nucleotide sequences 8730
- **Enzymes** (*see* under individual enzyme names)
  (*see also* Isoenzymes)
  - *Brassica juncea* 4509
  - *Catharanthus roseus,* gene expression 4769
  - *Cicer arietinum* 7773
  - *Cucumis melo* 11161, 12598
    - gene expression 11158
  - *Cyamopsis tetragonoloba* 6468
  - *Glycine max* 5331
  - *Gossypium hirsutum,* gene expression 4607
  - *Gracilaria gracilis,* nucleotide sequences 11639
  - *Hordeum spontaneum* 9568
  - *Hordeum vulgare,* gene mapping 1995
  - *Malus pumila,* genetics 7940
  - *Musa,* somaclonal variation 2398
  - *Oryza rufipogon* 4044
  - *Oryza sativa* 4044, 7612, 8716, 12238, 12242
    - gene expression 7594
    - genetic transformation 7594
  - *Prunus mume* 7960
  - *Pterostylis alveata* 7124
  - *Pterostylis ophioglossa* 7124
  - *Solanum tuberosum* 6489
  - *Spinacia oleracea* 1371
  - *Taxus,* taxonomy 7040
  - *Vicia faba* 3095
  - *Zea mays* 9626, 9631
    - gene expression 7594
    - genetic engineering 7594
    - genetic markers 10705
- ***Ephedra gerardiana***
  - clines 8365
  - stems 8365
- ***Ephedra pachyclada***
  - clines 8365
  - stems 8365
- **5-Epi-aristolochene synthase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - DNA footprinting 690
    - gene expression 690
    - genetic transformation 690
    - promoters 690
- ***Epicycas,*** taxonomy 1707
- **Epidermis**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 911
    - mutations 911, 11754
- ***Epilachna varivestis,*** *Glycine max,* germplasm releases 7731, 12374
- ***Epipactis***
  - chromosome banding 10406
  - cytotaxonomy 10406
- ***Epipactis futakii,*** taxonomy 3623
- ***Epipremnum pinnatum***
  - leaves, molecular genetics 949
  - senescence, molecular genetics 949
- **Epistasis**
  - *Arabidopsis thaliana,* flowering 3750
  - *Arachis hypogaea*
    - fatty acids 6870
    - quality 6870
    - yield components 10170
  - *Cicer arietinum,* yield components 9862
  - *Glycine max*
    - development 4182-4183
    - photoperiodism 4182-4183
  - *Iris* 4745
  - *Oryza sativa,* rice yellow mottle sobemovirus 2125
  - triticale, aluminium 11978
  - *Triticum aestivum,* amylose 11867
  - *Triticum durum,* yield components 4996
  - *Vigna unguiculata,* yield components 9872
  - *Zea mays*
    - forage 7491
    - quality 7491
    - yields 7492
- ***Epitrix cucumeris***
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 12473
    - genetic transformation 12473
- **Epoxy-carotenoid dioxygenase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 2740
    - nucleotide sequences 2740
- ***Eragrostis,*** amplified fragment length polymorphism 12290
- ***Eragrostis amabilis,*** taxonomy 1228
- ***Eragrostis curvula***
  - chromosome pairing, somaclonal variation 12295
  - germination, genotype environment interaction 1226
- ***Eragrostis pilosa***
  - amplified fragment length polymorphism 7667
  - morphology 7667
- ***Eragrostis tef***
  - amplified fragment length polymorphism 7667, 12290
  - anther culture 10896
  - morphology 7667
  - proteins 1209
  - somatic embryogenesis 3043
  - tissue culture 3043
  - variety trials 6306
  - yield correlations 9743
- ***Eragrostis tenella,*** nomenclature 1228
- ***Eragrostis vallsiana,*** taxonomy 10897
- ***Eragrostis vernix,*** taxonomy 10897
- ***Eremochloa ophiuroides***
  - cold resistance 12289
  - cultivars, TennTurf 12289
  - gamma radiation 5244
  - morphology, induced mutations 5244
  - mutagens 5244
- ***Eremopyrum*** (*see Agropyron)*
- ***Eremurus altaicus,*** chromosome morphology 8332
- ***Erianthus,*** amplified fragment length polymorphism 6894
- ***Erica,*** taxonomy 1724, 12906
- ***Erica cubitans,*** taxonomy 11528
- ***Erica feminarum,*** taxonomy 11527
- ***Erica garciae,*** taxonomy 11528
- ***Erica hanekomii,*** taxonomy 11524
- ***Erica hansfordii,*** taxonomy 11527
- ***Erica hebdomadalis,*** taxonomy 3595
- ***Erica sperata,*** taxonomy 11528
- ***Erica thomensis,*** nomenclature 10349
- ***Eriobotrya japonica***
  - cultivars
    - Maomu 6669

***Eriobotrya japonica** cont.*
  cultivars *cont.*
    Shenwei Zaosheng 6669
    Tianzhong 6669
  genetic resources 8942
  protoplast culture 12635
  variety trials 6669
Eruca sativa *(see Eruca vesicaria)*
Eruca vesicaria
  Brassica campestris, intergeneric hybridization 6796, 10109
  Brassica juncea, intergeneric hybridization 10108
  chromosome number 10109
  chromosome pairing 10109
  cytoplasmic male sterility, backcrossing 6796
  fatty acids 6880, 11339
  genetic resources 6880
  growth period, stability 10185
  oils 11339
  yields, stability 10185
Erucastrum, nomenclature 5683
Erucastrum gallicum
  Brassica campestris (turnip rape), intergeneric hybridization 6837
  Brassica juncea, intergeneric hybridization 599
  Brassica napus (rape), intergeneric hybridization 6837
Erucic acid
  Brassica napus (rape) 589, 4507
    artificial selection 10140
    random amplified polymorphic DNA 5733
  Limnanthes alba, genetics 4546
  Sinapis alba, artificial selection 6842, 10151
Erwinia amylovora
  Malus 12622
  Malus pumila 4401, 8918
    genetic transformation 6650
    somaclonal variation 3270
  Pyrus 11186
  Pyrus communis 6668, 12632
Erwinia carotovora
  Brassica campestris
    genetics 10147
    heritability 10147
  Brassica chinensis
    genetics 10147
    heritability 10147
  Brassica oleracea (broccoli) 10146
  Brassica pekinensis 6538, 10146
    genetics 10147
    heritability 10147
  Solanum 12457
  Solanum brevidens 12459
    somaclonal variation 5472
  Solanum commersonii 4288
  Solanum tuberosum 4288, 8838, 12458-12459
    gene expression 4292-4293, 8837
    genetic engineering 12456
    genetic transformation 4292, 8837
    nucleotide sequences 4293
    somaclonal variation 5472
  Zea mays
    gene expression 12456
    genetic transformation 12456
Erwinia chrysanthemi
  Solanum brevidens 12459
  Solanum tuberosum 12459
Erysimum linifolia, cultivars, Dawn Breaker 7092
Erysiphe, *Pisum sativum* 7765
Erysiphe betae, *Beta* 9074
Erysiphe cichoracearum
  Arabidopsis thaliana 8506
  Cucumis melo, genetics 12596
  Cucumis sativus 12612
  Cucurbita pepo 6609, 7927
Erysiphe graminis
  Aegilops
    chromosome addition 5031
    chromosome substitution 5031
    genetics 5034
    nucleocytoplasmic interaction 5035
  Aegilops longissima
    random amplified polymorphic DNA 6144
***Erysiphe graminis** cont.*
  Aegilops longissima cont.
    restriction fragment length polymorphism 6144
  Aegilops tauschii
    genetics 11909
    germplasm releases 11911
  Avena sativa 6187
  Hordeum spontaneum 10677
  Hordeum vulgare 11962, 11964
    amplified fragment length polymorphism 175, 6178
    gene expression 1046, 3939, 10676, 11961
    gene mapping 175-176, 1047, 6080, 6178, 11963
    genetic transformation 3939, 11961
    genetics 6179
    linkage 176
    mutations 3939, 11960
    restriction fragment length polymorphism 175, 6080
  Triticeae 3807
  Triticum
    backcrossing 9527
    genetics 5032
    restriction fragment length polymorphism 5032
  Triticum aestivum 1981, 2861, 5036, 6143, 7409-7410
    amplified fragment length polymorphism 8588
    chromosome addition 5031
    chromosome substitution 5031
    chromosome translocation 7405
    combining ability 3887
    gene expression 8587, 11908
    gene location 8586
    gene mapping 8590
    genetic markers 5033, 8588, 10643
    genetic transformation 8618, 11908
    genetics 1017, 1980, 1983, 5034, 6142, 7412, 8586, 9528-9529, 10641-10642, 11906
    germplasm releases 7411, 11910-11911
    heritability 8590
    molecular genetics 1982
    nucleocytoplasmic interaction 5035
    random amplified polymorphic DNA 6144
    restriction fragment length polymorphism 6144
    reviews 8589
    somaclonal variation 11896
  Triticum dicoccoides
    genetics 5032
    restriction fragment length polymorphism 5032
  Triticum dicoccum
    genetics 5032, 11907
    restriction fragment length polymorphism 5032
  Triticum durum 2861, 5029
    genetics 10642, 11909
  Triticum militinae
    gene location 8586
    genetics 8586
  Triticum spelta
    gene mapping 8590
    heritability 8590
  Triticum timopheevii
    gene location 8586
    genetics 8586
  Vigna radiata 2221
Erysiphe heraclei, *Daucus carota* 418
Erysiphe lagerstroemiae
  Lagerstroemia fauriei 5846
  Lagerstroemia indica 5846
Erysiphe orontii
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 1879
    mutations 1879
Erysiphe pisi
  Pisum sativum
    genetic markers 5393
    induced mutations 5392
    random amplified polymorphic DNA 1305
Erysiphe polygoni
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 11131
    genetic transformation 11131
  Phaseolus vulgaris, genetics 12388
  Pisum sativum 9848, 12403
    genetics 8799
  Trifolium pratense, artificial selection 4144-4145
  Vigna radiata, induced mutations 3133
Essential oil plants
  breeding 8355
  gene banks 4764
  genetic resources, books 7182
Essential oils
  Achillea crithmifolia 11616
  Acorus calamus, DNA fingerprinting 11596
  Acorus gramineus, DNA fingerprinting 11596
  Ajuga chamaepitys 11620
  Allium sativum 8860
  Angophora 11464
  Artemisia absinthium 11619
  Boronia megastigma 11617
  Chamelaucium 1716
  Chamelaucium floriferum 1716
  Chamelaucium uncinatum, genetic variation 836
  Cinnamomum camphora 10450
  Citrus clementina 1519
  Citrus limon 1519
    heterosis 1520
  Citrus sinensis, heterosis 1520
  Cupressocyparis leylandii 10347
  Curcuma amada 3642
  Curcuma aromatica 3642
  Curcuma longa 3642
  Cymbopogon flexuosus 1786
  Cymbopogon martinii 1786
    induced mutations 1787
  Cymbopogon nardus 1786
  Cymbopogon winterianus, induced mutations 2682
  Dictamnus albus 7158
  Eucalyptus 1664, 6992, 11464
  Foeniculum 10447
  Humulus lupulus 8388
  Juniperus, chemotaxonomy 9153
  Juniperus oxycedrus 11514
  Leptospermum scoparium 845
  Lippia multiflora 11618
  Mangifera indica 10078
  Mentha 11606
  Mentha arvensis 11612
    somaclonal variation 2678
  Mentha piperita 10445
  Ocimum basilicum 11607
  Origanum vulgare 3644
  Pelargonium 2681
    clonal variation 7157
  Perilla frutescens, genetics 12973
  Peumus boldus 9207
  Rosmarinus officinalis 10452
  Salvia fruticosa 8382
  Satureja hortensis 5910
  Satureja montana 5910
  Stachys officinalis 9213
  Thymus baeticus, multivariate analysis 5909
  Thymus longicaulis 1782
  Thymus piperella 1783
  Thymus serpyllum 7153
  Verticordia plumosa 1716
Esterases
  Brassica napus (rape) 6825
  Hordeum vulgare
    genetics 7432
    polymorphism 5070
  Lycopersicon esculentum, genetic markers 8884
  Oryza rufipogon 4044
  Oryza sativa 4044
  Panicum maximum 5143
  Pinus sibirica, polymorphism 8242
  Raphanus sativus, phylogeny 8854
  Sesamum indicum 8089
  Tulipa, polymorphism 1754
Esters, *Arabidopsis thaliana,* gene expression 3751

Ethametsulfuron, *Brassica campestris* (turnip rape) 12714

Ethanol

- *Beta vulgaris* (fodder beet) 12783
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 12783
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 1612
  - genetic transformation 1612
  - promoters 1612

Ethephon, *Daucus carota* 9909

Ethidium bromide

- *Glycine max* 3076
- *Plantago ovata* 11590
- *Vigna unguiculata* 11010

Ethionine, *Solanum tuberosum, in vitro* selection 407

Ethyl methanesulfonate

- *Arabidopsis thaliana* 909, 4864-4865, 4885, 7257, 7266, 9356, 10538
- *Arachis hypogaea* 3470, 3474
- *Brassica carinata* 6824
- *Brassica juncea* 5674, 5677, 10112
- *Brassica napus* (rape) 6829
- *Capsicum annuum* 1396
- *Catharanthus roseus* 7141
- *Cicer arietinum* 3119
- *Crambe abyssinica* 6882
- *Crossandra infundibuliformis* 11521
- *Cymbopogon martinii* 1787
- *Digitaria decumbens* 9744
- *Helianthus annuus* 8067
- *Lathyrus sativus* 6372
- *Musa* 10069
- *Nigella sativa* 5906, 12962
- *Pharbitis purpurea* 5848
- *Phaseolus vulgaris* 8782, 9820
- *Pisum sativum* 376, 5375
- *Solanum melongena* 5551
- *Tradescantia* 4918
- *Tripsacum dactyloides* 5131
- *Triticum aestivum* 2853, 8592
- *Vigna mungo* 3137, 11015, 12431
- *Vigna radiata* 3133, 5446, 6464, 9878, 11014
- *Vigna unguiculata* 6457
- *Zea mays* 211, 2033, 5120, 9612, 12064

***N*-ethyl-*N*-nitrosourea**

- *Catharanthus roseus* 7141
- *Pisum sativum* 3110, 5392
- triticale 6191
- *Triticum aestivum* 10624

Ethylene

- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 52-53, 68, 1859, 8496, 9357, 10523
  - genetic engineering 12917
  - molecular genetics 2298
  - mutations 50, 53, 1853, 1859, 2785, 6015, 9333
- crops
  - gene expression 3710
  - molecular genetics 3710
- *Cucumis melo*
  - gene expression 9994, 11158
  - nucleotide sequences 9994
- *Dianthus caryophyllus*
  - gene expression 12917
  - genetic transformation 12917
- *Glycine* 9794
- *Glycine max* 8773, 9794
  - induced mutations 6404
  - mutations 9806, 10956
- *Lycopersicon esculentum*
  - gene expression 4348, 8883, 11103
  - gene mapping 8886
  - genetic transformation 4347
  - molecular genetics 2298, 8883
  - mutations 11105, 12531
  - nucleotide sequences 11103
  - restriction fragment length polymorphism 8886
- *Lycopersicon pennellii*
  - gene mapping 8886
  - restriction fragment length polymorphism 8886
- molecular genetics 3734
- *Nicotiana tabacum*
  - DNA binding proteins 3521
  - gene expression 3520, 4591
  - promoters 3521
- *Oryza sativa* 7570

Ethylene *cont.*

- *Phalaenopsis*
  - gene expression 7121
  - nucleotide sequences 7121
- *Pisum sativum,* gene expression 6436
- *Prunus persica* 11197
- *Pyrus pyrifolia,* restriction fragment length polymorphism 11185
- *Sambucus nigra,* gene expression 10063
- *Sesbania rostrata,* molecular genetics 1253
- *Solanum tuberosum* 4294
  - nucleotide sequences 9894
- *Sorghum bicolor,* mutations 10748
- *Triticum aestivum,* gene expression 7358
- *Vigna radiata*
  - gene expression 11013
  - nucleotide sequences 11013

Ethylene dibromide, *Tradescantia* 937

Ethylene-forming enzyme, *Lycopersicon esculentum,* genetic transformation 11095

Ethylene receptor

- *Arabidopsis thaliana,* molecular genetics 9326
- *Musa,* nucleotide sequences 6740

Ethyleneimine, *Cymbopogon martinii* 1787

Etlingera, taxonomy 11542

Eucalyptus

- artificial selection 10288
- breeding 10287
- chemotaxonomy 1664, 6992, 11464
- essential oils 1664, 6992, 11464
- hybrid seed production 3558
- inbreeding depression 3559
- isoenzymes, polymorphism 3559
- *Mycosphaerella* 4639
- *Odontotermes* 9128
- outcrossing 3559
- phylogeny, nucleotide sequences 11465
- ribosomal DNA, nucleotide sequences 11465
- seed production 10287
- self incompatibility 3558
- tissue culture 10288

Eucalyptus camaldulensis

- development 1665
- pollination 2569
- salinity 1665

Eucalyptus canobolensis, taxonomy 6991

Eucalyptus dolorosa

- genetic resources 9126
- random amplified polymorphic DNA 9126

Eucalyptus globulus

- cinnamyl-alcohol dehydrogenase
  - gene expression 11461
  - nucleotide sequences 11461
- genetic distance, random amplified polymorphic DNA 6990
- height, genetics 10289
- mycorrhizas, gene expression 4637
- *Pisolithus tinctorius,* gene expression 4637
- rooting capacity, genetics 10290
- stems, genetics 10289
- taxonomy 11463
- tissue culture 4636

Eucalyptus grandis

- flowers
  - gene expression 1663
  - nucleotide sequences 1663
- gene mapping 1662
- interspecific hybridization 3558-3559, 8197
- microsatellites 1662
- quantitative traits, random amplified polymorphic DNA 8197

Eucalyptus horistes, phylogeny, restriction fragment length polymorphism 5803

Eucalyptus kochii, phylogeny, restriction fragment length polymorphism 5803

Eucalyptus microtheca

- drought resistance 4638
- isoenzymes, genetic variation 12869
- water balance 9127

Eucalyptus nitens

- inbreeding depression 8198
- quantitative traits, dominance 8198
- random amplified polymorphic DNA 4635

Eucalyptus nitens *cont.*

- tissue culture 4636
- wood properties
  - genotype environment interaction 11462
  - heritability 11462

Eucalyptus phylacis

- genetic resources 9126
- random amplified polymorphic DNA 9126

Eucalyptus rameliana

- outcrossing 737
- paternal effects 737

Eucalyptus regnans, *Chrysophtharta bimaculata* 4640

Eucalyptus splendens, taxonomy 8199

Eucalyptus urophylla

- gene mapping 1662
- interspecific hybridization 3558-3559, 8197
- microsatellites 1662
- quantitative traits
  - heritability 2570
  - random amplified polymorphic DNA 8197

Euchlaena *(see Zea)*

Eugenia *(see also Syzygium)*

Eulaliopsis binata

- yield components 5243
  - multivariate analysis 12298

Eulophia, taxonomy 5885

Eulophia hians, taxonomy 8342

Euonymus furfuraceus, taxonomy 10354

Euonymus leishanensis, taxonomy 10354

Euphorbia gamkensis, taxonomy 11576

Euphorbia lancasteriana, taxonomy 10413

Euphorbia leistneri, taxonomy 812

Euphorbia pulcherrima, variety trials 10408

Euphorbia suppressa, taxonomy 11576

Euryale ferox, pollen, meiosis 12946

Eustoma grandiflorum

- anthocyanins
  - gene expression 4684
  - genetic transformation 4684
  - genetics 4732
- colour
  - gene expression 4684
  - genetic transformation 4684
- cultivars
  - Florida Light Blue 8301
  - Florida Pink 8301
- flowers, genetics 4732
- morphology, somaclonal variation 12921
- random amplified polymorphic DNA 12921

Eutrema wasabi

- embryo culture 6550
- somatic embryogenesis 6550

Eutypa lata

- *Vitis vinifera* 1491
  - genetic transformation 2381

Euxesta eluta, *Zea mays* 12130

Everbearing habit, *Castanea* 1541

Evolution 8525, 9397

- *Acer* 3564
- *Aegilops*
  - nitrogen 7369
  - nutrients 7369
  - photosynthesis 7369
  - repetitive DNA 2827
- *Aegilops tauschii,* restriction fragment length polymorphism 151
- *Aesculus*
  - chloroplast genetics 4661
  - ribosomal DNA 4661
- *Allium*
  - chloroplast genetics 8862
  - restriction fragment length polymorphism 8862
- *Allium fistulosum*
  - random amplified polymorphic DNA 8863
  - restriction fragment length polymorphism 8863
- angiosperms 85, 3779, 4923
  - cytochrome-*c* oxidase 2798
  - cytology 3785
  - DNA 1910
  - flowers 7262
  - genetics 4924
  - nucleotide sequences 1907, 1909

Evolution *cont.*

- angiosperms *cont.*
  - sexual reproduction 2790
- *Antirrhinum majus,* flowers 1746
- *Arabidopsis lyrata,* flowering 11771
- *Arabidopsis thaliana*
  - protein kinase 8455
  - *Pseudomonas syringae* 4912
- *Arachis*
  - fluorescence *in situ* hybridization 6871
  - ribosomal DNA 6871
- *Avicennia* 7012
- Brassicaceae 4516
- *Camellia* 10348
  - pollen 3500
- cereals, development 11817
- chloroplast genetics 2799
- chloroplasts 9396
- *Clarkia,* linalool synthase 12920
- *Coffea arabica*
  - DNA hybridization 3504, 12792
  - restriction fragment length polymorphism 12792
- computer programming 3782
- corolla 10580
- *Crotalaria* 12862
- Cucurbitaceae, nucleotide sequences 6598
- *Dahlia* 12913
- dicotyledons
  - proteins 84
  - seeds 84
- *Elymus* 4112
- flowers 10581
- genetics 10564
  - books 863
- *Gilia achilleifolia*
  - isoenzymes 1740
  - morphology 1740
  - ribosomal RNA 1740
- *Ginkgo biloba,* ribosomal DNA 8267
- Gnetales 4923
- *Gossypium*
  - chloroplast genetics 12837
  - nucleotide sequences 12837
  - repetitive DNA 1636
  - ribosomal DNA 12837
- *Helianthus anomalus* 634
- *Hordeum* 4112
- *Hordeum depressum* 173
- Lamiales, flowers 1746
- *Leavenworthia,* alcohol dehydrogenase 12763
- lectins 1818
- *Lupinus* 4152
- mathematics 3782
- mitochondrial genetics 11792
- molecular genetics 3783, 11791
  - conferences 4790
- monocotyledons 3778
  - proteins 84
  - seeds 84
- *Nicotiana glauca, Agrobacterium rhizogenes* 10215
- nucleotide sequences 11789, 11792
- *Oenothera arizonica,* linalool synthase 12920
- *Oryza* 5214
- *Oryza sativa,* regenerative ability 12217
- *Paeonia,* ribosomal DNA 10363
- *Phaseolus lunatus,* restriction fragment length polymorphism 6421
- *Phaseolus vulgaris* 4204
  - *Colletotrichum lindemuthianum* 12387
- phosphoric monoester hydrolases 9398
- *Pinus,* chloroplast genetics 3572
- *Pinus attenuata*
  - mitochondrial genetics 5814
  - restriction fragment length polymorphism 5814
- *Pinus lambertiana,* transposable elements 5818
- *Pinus muricata*
  - mitochondrial genetics 5814
  - restriction fragment length polymorphism 5814
- *Pinus radiata*
  - mitochondrial genetics 5814
  - restriction fragment length polymorphism 5814

Evolution *cont.*

- *Pinus radiata cont.*
  - transposable elements 5818
- *Pinus sylvestris*
  - mitochondrial genetics 4673
  - restriction fragment length polymorphism 4673
- Poaceae, nucleotide sequences 11822
- polyploidy 7279, 10579
- population genetics 3770
- *Populus* 745
- *Prunus dulcis*
  - ribonucleases 2434
  - self incompatibility 2434
- *Raphanus sativus* 1359
- recombination 72
- *Saxifraga,* gynoecium 12923
- seeds 2797, 4927
- self incompatibility 7289, 10572
- sexual reproduction 9364
- *Sinapis alba,* glucosinolates 2465
- *Sorbus aucuparia* 532
- *Spartina alterniflora,* height 8752
- *Tripsacum,* restriction fragment length polymorphism 12104
- *Tripsacum dactyloides,* globulins 1085
- Triticeae, ribulose-bisphosphate carboxylase 4948
- *Triticum*
  - nitrogen 7369
  - nutrients 7369
  - photosynthesis 7369
  - repetitive DNA 2827
- *Triticum aestivum,* restriction fragment length polymorphism 151
- *Vitis* 1490
- *Zea*
  - globulins 1085
  - restriction fragment length polymorphism 12104
- *Zea mays*
  - flavonoids 198
  - morphology 1084
  - nucleotide sequences 11997
  - transposable elements 2025
- *Zea parviglumis,* flavonoids 198

Exo-α-1,4-glucan lyase

- *Morchella,* nucleotide sequences 11626
- *Peziza,* nucleotide sequences 11626

Exochorda

- pollen 10025
- taxonomy 10025

Expansins

- gene expression, reviews 4919
- *Gossypium hirsutum*
  - gene expression 2542
  - nucleotide sequences 2542
- *Lycopersicon esculentum*
  - gene expression 474, 4346
  - nucleotide sequences 474, 4346
- *Oryza sativa,* gene expression 269
- *Pinus taeda,* gene expression 11495

Experimental design 11662

- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 2499
- *Brassica napus* (rape) 8034
- cereals 3684
- *Citrullus lanatus* 9995
- computer programming 1803
- forest trees 6987
- *Glycine max* 9784
- grasses 4088, 9731
- mathematics 3682, 4812
- *Vicia faba,* statistics 5338
- *Zea mays,* computer programming 1803

Exserohilum hawaiiensis, *Triticum durum* 9526

Extensin

- *Adiantum capillus-veneris,* gene expression 808
- *Arabidopsis thaliana,* molecular genetics 7248
- *Daucus carota*
  - genetic engineering 8124
  - promoters 8124
- *Hordeum vulgare*
  - gene expression 1991
  - nucleotide sequences 1991
- *Lycopersicon esculentum,* gene expression 11121
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 5764

Extensin *cont.*

- *Nicotiana tabacum cont.*
  - genetic transformation 5764

Fabaceae

- chromosome aberrations 9728
- flowers 6052
- genetic resources 1255
- nomenclature 5279

Fagopyrum

- acetyl-CoA carboxylase
  - nucleotide sequences 1208
  - phylogeny 1208
- genetic resources 8727
- phylogeny, nucleotide sequences 3030
- ribulose-bisphosphate carboxylase
  - nucleotide sequences 1208
  - phylogeny 1208
- taxonomy 8727

Fagopyrum esculentum

- biotechnology 8728
- breeding 8728
- flowering 8729
- height, genetics 6304
- isoenzymes
  - genetics 7633
  - polymorphism 7633
- lodging 9721
- metallothionein, nucleotide sequences 9720
- nutritive value 3028
- pentoses 3029
- quality 3029
- spring and winter habit 5226, 8729
- tissue culture 6305
- viruses 2128

Fagopyrum homotropicum

- chromosome number 12271
- isoenzymes, population genetics 12271

Fagopyrum tataricum, genetic resources 2949

Fagus

- isoenzymes
  - genetic variation 8204
  - heterozygosity 8204

Fagus crenata

- microsatellites 12873
- population genetics 12873

Fagus japonica

- microsatellites 12873
- population genetics 12873

Fagus multinervis, isoenzymes, genetic variation 11810

Fagus sylvatica

- isoenzymes
  - genetic distance 4644
  - genetic variation 732, 8203
  - population genetics 8202
- late-embryogenesis-abundant proteins
  - gene expression 6997
  - nucleotide sequences 6997
- metallothionein, nucleotide sequences 10293
- pathogenesis-related proteins, nucleotide sequences 11468
- xyloglucan endotransglycosylase, nucleotide sequences 6996

Faidherbia

- genetic markers 4657
- phylogeny
  - chloroplast genetics 4658
  - restriction fragment length polymorphism 4658

Faidherbia albida

- cotyledons 1675
- taxonomy 1675, 8211

Fargesia murieliae, flowering 11623

Farmers' rights 2713-2715

Farnesyl-diphosphate farnesyltransferase, *Arabidopsis thaliana,* mutations 48

Farnesyl pyrophosphate synthase

- *Gossypium arboreum,* nucleotide sequences 11412
- *Gossypium hirsutum,* gene expression 11412

Farnesyltransferase, molecular genetics 7310

Fasciation

- *Beta vulgaris* (beetroots), genetics 4320
- *Lens culinaris,* induced mutations 6447
- *Zea mays,* genetics 12056

Fatty acid desaturases
- *Arabidopsis thaliana,* gene expression 8487
- *Borago officinalis,* gene expression 5900
- *Glycine max*
  - induced mutations 9801-9802
  - restriction fragment length polymorphism 9801-9802
- *Perilla frutescens*
  - gene expression 5723
  - nucleotide sequences 5723
- *Solanum tuberosum*
  - gene expression 12447
  - genetic transformation 12447

Fatty acid hydroperoxide lyase
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 10502
  - nucleotide sequences 10502

Fatty acid hydroxylases
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 63
  - nucleotide sequences 63

Fatty acids
- *Aconitum* 4735
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 1867, 9346
  - genetic transformation 921
  - mutations 921
- *Arachis hypogaea* 3470
  - epistasis 6870
  - genetic variance 6870
- *Avena sativa* 2004
- *Barbarea* 9058
- *Brassica campestris* (turnip rape)
  - gene mapping 3433
  - nucleotide sequences 3433
- *Brassica juncea* 11257
  - induced mutations 10141
  - nucleotide sequences 6778
- *Brassica napus* (rape) 4513
  - backcrossing 12720
  - DNA hybridization 12720
  - genetic engineering 10143
  - genetic markers 8049
  - genetic transformation 616, 9038
  - mutations 6823
  - random amplified polymorphic DNA 8049
  - techniques 618
- *Brassica oxyrrhina* 6810
- *Brassica tournefortii* 6810
- Brassicaceae 6821
- *Carthamus tinctorius* 8069
  - germplasm releases 6864
- *Citrullus colocynthis* 11162
- *Coriandrum sativum*
  - gene expression 5908
  - nucleotide sequences 5908
- *Corylus avellana* 6772
- crops 7312
- *Cucurbita pepo* 12603
- *Delphinium* 4735
- *Descurainia sophia* 10180
- *Eruca vesicaria* 6880, 11339
- genetic engineering 9279
- *Glycine max* 7720
  - artificial selection 12349
  - genetics 12349
  - genotype environment interaction 3077
  - induced mutations 9801-9803
  - restriction fragment length polymorphism 9801-9803
- *Helianthus* 6857
- *Helianthus annuus* 6857, 10155
  - artificial selection 6855
  - genetics 3442, 8067
  - germplasm releases 6856
  - induced mutations 6856, 8067
  - mutations 6854
  - restriction fragment length polymorphism 11273
- *Helianthus petiolaris* 6857
- *Helleborus* 4735
- *Lepidium* 9058
- *Limnanthes alba,* genetics 4546
- *Linum usitatissimum* (flax) 1559, 8186
- *Linum usitatissimum* (linseed) 1559, 11270
- *Lycopersicon pennellii,* gene mapping 12552

Fatty acids *cont.*
- *Nicotiana tabacum,* genetic engineering 3006
- *Oenothera* 8099
- *Olea europaea* 11327
- *Orychophragmus violaceus* 10179
- *Oryza sativa*
  - gene expression 3006
  - genetic transformation 3006
- *Papaver setigerum,* multivariate analysis 7145
- *Papaver somniferum*
  - combining ability 5903
  - multivariate analysis 7145
- *Pelargonium hortorum* 12910
- *Pistacia vera* 3415
- *Prunus dulcis* 5658
- *Sesamum indicum*
  - artificial selection 8092
  - combining ability 8091
- *Sinapis alba,* artificial selection 10151
- *Solanum tuberosum* 6493
- *Zea mays* 7499

Fatty oil plants
- acyltransferases, genetic engineering 1544
- cultivars 9402
- genetic resources 10181
- oils, genetic engineering 1544

Faucaria, taxonomy 11577

Female fertility
- *Dianthus caryophyllus* 10365
- *Echeveria gibbiflora* 1763
- *Kalmia latifolia* 2613
- natural selection 1904
- *Sophora mollis* 8215

Fenclorim, *Oryza sativa* 9718

Fermentation, reviews 10574

Ferocactus
- chromosome morphology 10409
- DNA 10409

Ferric-chelate reductase
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 6038
  - genetic transformation 6038
  - nucleotide sequences 6038
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 1609
  - genetic transformation 1609

Ferritin
- *Glycine max,* genetic engineering 3533, 5296
- *Medicago sativa*
  - gene expression 5255
  - genetic engineering 5255
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 3533
  - genetic transformation 3533
- *Oryza sativa,* genetic transformation 5296
- *Trifolium pratense,* gene expression 5258

Ferrochelatase
- *Hordeum vulgare*
  - gene mapping 1995
  - mutations 1995
  - nucleotide sequences 1995

Fertility
- *Allium fistulosum,* chromosome addition 8859
- *Brassica maurorum, Raphanus sativus* 423
- *Grevillea* 7068
- *Helianthus annuus*
  - gene mapping 4523
  - random amplified polymorphic DNA 4523
- *Hibiscus syriacus* 5844
- *Lycopersicon esculentum* 7897
- *Oryza sativa*
  - genetic variance 5216
  - genetics 5182
  - heritability 5216
- *Pinus densiflora,* mathematics 3575
- *Pinus koraiensis,* mathematics 3575
- *Pinus thunbergii,* mathematics 3575
- *Pisum sativum* 5366
- *Pyrus communis* 8930
- *Solanum commersonii* 4262, 5463
- *Solanum phureja* 3161
- *Solanum tuberosum* 4262, 5463
- triticale 11976

Fertility *cont.*
- triticale *cont.*
  - heritability 6192
- *Triticum aestivum* 10610, 11840
  - induced mutations 7356
- *Vaccinium arboreum* 5608
- *Vaccinium darrowii* 5608
- *Vaccinium elliottii* 8988
- *Vaccinium myrtilloides* 8988
- *Vaccinium tenellum* 8988

Fertilization 7281
- *Arabidopsis thaliana,* mutations 6007
- *Eleutherococcus senticosus* 2667
- *Hippeastrum hybridum* 10391
- *Lilium callosum* 9194
- *Lilium longiflorum* 9194
- *Narcissus triandrus* 10392
- *Pistacia vera* 584
- *Prunus domestica* 8958
- *Prunus dulcis* 579
- *Zea mays* 3970, 5101, 12018, 12035
  - gene expression 12028, 12030
  - gene location 12034
  - mutations 2921
  - nucleotide sequences 12028

Fertilizers (*see* Nutrients)

Ferula communis, taxonomy 7160

Ferulate-5-hydroxylase, *Arabidopsis thaliana,* gene expression 3751

Ferulic acid
- *Citrullus lanatus* 12600
- *Hordeum vulgare* 165

Festuca
- chromosome pairing 2132
- cleistogamy 1220
- DNA 5232
- endophytes, techniques 12283
- *Lolium,* intergeneric hybridization 2132, 9736
- *Neotyphodium,* techniques 12283
- stress, gene mapping 2134
- taxonomy 1221

Festuca arundinacea
- anther culture 1217, 5233
- canopy 4104
- crop mixtures 10882
- cultivars 5230
  - Coronado 6327
  - Matador 12281
  - Tomahawk 6328
  - Wolfpack 12282
- flutolanil 12285
- fungicides 12285
- genetic resources 9737
- genetic transformation 3036
- genotype mixtures 10882
- grazing, natural selection 6329
- haploidy 1217
- lawns and turf 5236
- *Lolium multiflorum,* intergeneric hybridization 1217, 5233, 8734
- *Magnaporthe grisea* 4104
- phylogeny, molecular genetics 3034
- *Rhizoctonia solani* 4104, 12282, 12285
- somaclonal variation 7662
- stress 8734
- variety trials 5230
- vegetative propagation 3036

Festuca austrouralensis, taxonomy 12284

Festuca gamisansii, taxonomy 8745

Festuca ovina, cultivars 9732

Festuca pratensis
- amylases, polymorphism 7654
- chromosome addition 4097
- chromosome pairing 4098, 8742
- chromosome substitution 7653
- *Cochliobolus sativus* 6330
- DNA hybridization 4098, 7653
- gene mapping 4097
- isoenzymes, genetic variation 7661
- *Lolium multiflorum,* intergeneric hybridization 7654, 12279
- *Lolium perenne,* intergeneric hybridization 4097-4098, 7653-7654
- *Lolium temulentum,* intergeneric hybridization 12279
- meiosis 8743
- nutrients 8742-8743
- outcrossing, mathematics 306
- peroxidases
  - polymorphism 7654

- ***Festuca pratensis*** *cont.*
  - peroxidases *cont.*
    - somaclonal variation 4105
  - phosphates 8742-8743
  - polyploidy 8742-8743
  - population genetics 7661
  - prolamins, polymorphism 7654
  - *Puccinia coronata,* somaclonal variation 4105
  - *Pyrenophora dictyoides* 6330
  - random amplified polymorphic DNA 3037, 8733
  - seed production 8744
  - senescence, mutations 12279
  - tissue culture 6330
- ***Festuca rubra***
  - crop mixtures 9730
  - cultivars 9732
  - variety trials 9730
- **Fibre**
  - *Avena sativa* 8621
  - *Saccharum officinarum,* techniques 5732
  - *Triticum dicoccum* 994
  - *Triticum durum* 994
  - *Triticum monococcum* 994
- **Fibres**
  - *Agave amaniensis* 9120
  - *Agave angustifolia* 9120
  - *Gossypium hirsutum* 6964
    - gene expression 713
    - mutations 10248
- ***Ficus,*** taxonomy 5627
- ***Ficus carica***
  - breeding 6721, 6724, 6736
    - conferences 7175
  - cultivars 5626
  - fruits 6727, 6734-6735, 11225
    - multivariate analysis 6731
    - variety classification 6731
  - genetic resources 6722-6723
  - phenolic compounds 6730
  - plant composition 11224
  - pollen germination 10061
  - pollination 10060
  - precocity 6727
  - quality 6732-6736
  - sex 10060, 10062
  - stomata 10062
  - storage 11225
  - sugars 11224
  - variety classification
    - isoenzymes 6728-6729
    - random amplified polymorphic DNA 6729
  - variety trials 6725-6726
- ***Ficus microcarpa,*** dehydroascorbate reductase, mutations 12682
- ***Fingardia yamapensis,*** taxonomy 1759
- **Finland,** reports, Foundation for Forest Tree Breeding 8408
- **Flagellin,** *Arabidopsis thaliana,* genetics 8504
- ***Flammulina velutipes,*** proteins, nucleotide sequences 12978
- **Flavanols,** *Malus pumila* 6661
- ***Flaveria bidentis***
  - chemotaxonomy 9183
  - photosynthesis, mutations 4084
  - thiophene 9183
- ***Flaveria pringlei,*** malate dehydrogenase, genetic engineering 12444
- **Flavone synthase,** *Gerbera,* genetics 9176
- **Flavones**
  - *Hibiscus syriacus,* genetics 7071
  - *Zea mays* 222
- **Flavonoid 3′-monooxygenase**
  - *Catharanthus roseus*
    - gene expression 12949
    - nucleotide sequences 12949
- **Flavonoids**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 9353, 10508
    - nucleotide sequences 10508
  - *Betula,* chemotaxonomy 5802
  - cereals, genetic engineering 6075
  - *Chamomilla recutita* 9208
  - *Coffea arabica,* induced mutations 11358
  - crops
    - molecular genetics 6067
    - mutations 6067
  - *Mentha* 11609
- **Flavonoids** *cont.*
  - ornamental plants, genetic engineering, reviews 3587
  - *Petunia,* genetic transformation 4743
  - *Petunia axillaris,* gene dosage 7110
  - *Petunia hybrida*
    - gene expression 8324
    - genetic transformation 8324
  - *Pinus halepensis* 761
  - *Saccharum officinarum* 2485
  - *Saintpaulia ionantha,* mutations 1737
  - *Solanum tuberosum* 1331
  - *Trifolium repens,* genetic transformation 4142
  - *Trifolium subterraneum* 8758, 12320
  - *Viburnum* 11525
  - *Vigna mungo*
    - gene expression 3136
    - nucleotide sequences 3136
  - *Zea mays*
    - evolution 198
    - gene expression 198, 2040, 3963, 8324
    - genetic engineering 3963, 8324
    - promoters 3963
  - *Zea parviglumis*
    - evolution 198
    - gene expression 198
- **Flavonols,** *Petunia hybrida,* genetic transformation 5862
- **Flooding**
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 486
    - nucleotide sequences 486
  - *Mangifera indica* 573
  - *Oryza sativa* 1195, 1200-1201, 2115, 3016, 4069, 5186, 8714, 12232-12233
    - gene expression 1192, 4062
    - genetic transformation 9708
    - genetic variance 3014
    - genetics 4066-4067
    - heritability 3017
    - reviews 9708
    - somaclonal variation 10863
  - *Solanum melongena* 11147
  - *Triticum aestivum* 1972
  - *Triticum macha* 1972
  - *Zea mays,* gene expression 220
- **Flours,** *Sorghum bicolor* 5142
- **Flowering**
  - *Amorphophallus rivieri* 3189
  - angiosperms 1744
  - *Antirrhinum majus* 8321
  - *Arabidopsis,* mutations 8473
  - *Arabidopsis lyrata*
    - evolution 11771
    - nucleotide sequences 11771
  - *Arabidopsis thaliana*
    - epistasis 3750
    - gene expression 60, 918, 3750, 3755, 6027, 9318, 9340, 9349
      - mutations 3748
    - genetic engineering 7999
    - genetics 904, 917, 2768
    - heritability 3746
    - induced mutations 7266
    - molecular genetics 4863
    - mutations 1847, 9318, 9340, 10531, 11762
    - population genetics 4863
    - restriction fragment length polymorphism 3746
  - *Asparagus officinalis*
    - gene expression 11086
    - nucleotide sequences 11086
  - *Astilbe* 1731
  - *Avena sativa* 3946
  - *Boronia megastigma* 7156
  - *Brassica campestris,* lethals 6809
  - *Brassica napus* (rape)
    - gene expression 8048
    - genetics 4511
    - nucleotide sequences 8048
  - *Brassica oleracea,* genetic markers 4334
  - *Capsicum annuum* 11151
  - *Carpobrotus chilensis* 4758
  - *Carpobrotus edulis* 4758
  - *Cichorium endivia,* genetic transformation 1372
  - *Cichorium intybus* 8871
- **Flowering** *cont.*
  - *Corylus avellana*
    - gene expression 3396
    - nucleotide sequences 3396
  - Cucurbitaceae 506
  - *Cyclamen persicum* 9190
  - *Dactylis glomerata,* artificial selection 7652
  - *Daucus carota,* genetic transformation 1372
  - *Dendranthema,* mathematics 9175
  - *Fagopyrum esculentum* 8729
  - *Fargesia murieliae* 11623
  - *Fragaria,* genetics 2368
  - *Fragaria vesca,* gene mapping 2368
  - *Gerbera jamesonii* 1734
  - *Glycine max* 1271
  - *Hatiora graeseri* 8348
  - *Helianthus annuus* 6852
  - *Hibiscus cannabinus* 8191
  - *Hibiscus syriacus* 7070
  - *Hordeum spontaneum,* genetics 3917
  - *Hordeum vulgare*
    - gene mapping 97
    - molecular genetics 97
  - *Lagenaria siceraria* 12615
  - *Lotus corniculatus,* natural selection 2154
  - *Lupinus mutabilis,* induced mutations 10920
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 4354
  - *Malus pumila,* gene expression 12621
  - *Musa,* genetic transformation 7999
  - *Olea europaea* 11322, 11324
  - *Oryza sativa* 272, 1136-1137, 2983, 4043, 12203
    - gene expression 9681
    - nucleotide sequences 9681
  - *Picea glauca* 7024
  - *Pinus radiata*
    - gene expression 2598
    - nucleotide sequences 2598
  - *Pisum sativum* 5447
    - genetics 12396
  - *Prunus avium* 5591
  - *Prunus dulcis* 3390
    - genetics 9024
  - *Prunus persica* 4439
  - *Pyrus communis* 8935
  - *Saccharum* 8103
  - *Sasa kurilensis* 5913
  - *Sorghum bicolor* 229, 10760
  - *Stachys sieboldii* 3186
  - triticale
    - genetics 7464
    - induced mutations 7464
  - *Triticum aestivum*
    - aneuploidy 4990
    - gene expression 9473
    - gene mapping 97
    - genetics 4990
    - molecular genetics 97
  - *Viola* 790
  - *Zea mays,* gene expression 2034
- **Flowers**
  - *Adonis amurensis* 9179
  - *Alcea rosea* 8309
  - angiosperms
    - evolution 7262
    - molecular genetics 7262
  - *Antirrhinum majus* 8309
    - evolution 1746
    - gene expression 11546
    - mutations 11546
  - *Aquilegia caerulea* 1729
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 40-41, 44, 3738, 4876, 4882, 7220, 10536, 10547-10548
    - genetic engineering 7220
    - genetic transformation 40-41, 44
    - genetics 9364
    - molecular genetics 9330, 9350
    - mutations 912, 10533
    - nucleotide sequences 3738, 4876, 4882, 7231, 10533
    - reviews 9350
  - *Brassica napus* (rape) 5669
    - genetics 10122
  - *Campanula punctata,* natural selection 12914

Flowers *cont.*
  Campanula rapunculoides, genotype environment interaction 9171
  Citrullus lanatus 1407
  Consolida 8309
  Convolvulus prostratus, mutations 5854
  Costaceae 10441
  Dendranthema morifolium, induced mutations 2630
  Dioscorea 421
  Eucalyptus grandis
    gene expression 1663
    nucleotide sequences 1663
  Eustoma grandiflorum, genetics 4732
  evolution 10581
  Fabaceae 6052
  Gerbera hybrida
    gene expression 3603, 11535
    nucleotide sequences 3603, 11535
  Gerbera jamesonii, heritability 11539
  Gladiolus 11553
  Glycine max
    genetics 2172, 5310
    linkage 5311
  Hemerocallis, gene expression 2634
  Hibiscus syriacus, genetics 7071
  Iris ensata, genetics 798
  Iris laevigata, genetics 798
  Lamiales, evolution 1746
  Lathyrus sativus, genetics 5275
  Leucaena, genetics 3065
  Linaria vulgaris
    DNA methylation 12916
    gene expression 12916
    nucleotide sequences 12916
  Liquidambar styraciflua
    gene expression 10306
    nucleotide sequences 10306
  Liriodendron chinense 2584
  Lotus scoparius 5269
  Lycopersicon esculentum 485
  Millettia atropurpurea 9222
  Mimulus cardinalis, gene mapping 2633
  Mimulus lewisii, gene mapping 2633
  natural selection 1904
  Nicotiana alata, mutations 4584
  ornamental plants, genetic engineering, reviews 3587
  Oryza sativa 6269
    gene expression 2977, 12184
    genetic transformation 2977
    induced mutations 5181
    nucleotide sequences 12184
  Pachyrhizus erosus 2274
  Panax pseudoginseng
    gene expression 1774
    nucleotide sequences 1774
  Phalaenopsis, somaclonal variation 3621
  Pharbitis purpurea
    induced mutations 5848
    nucleotide sequences 2631
  Polygalaceae 6052
  Prunus armeniaca 12639
  Prunus domestica 8960
  Prunus dulcis 3389
  Prunus mume 6675, 7961
  Prunus persica, heritability 4438
  Pyrus communis 8926, 8935
  Rhizophora mangle 1678
  Rhododendron 7072
  Rhus hirta 778
  Rosa multiflora, genetics 7082
  Solanum elaeagnifolium 10432
  Tagetes patula 8309
  Thunbergia 9177
  Torenia fournieri
    gene expression 1733
    genetic transformation 1733, 2623
  Triticum aestivum, pleiotropy 1951
  Tropaeolum majus 8309
  Viola wittrockiana 8309
  Zingiberaceae 10441
Flumetsulam, *Zea mays* (sweetcorn) 12151
Fluorescence
  Arabidopsis thaliana, mutations 1869
  Hordeum vulgare
    gene location 163
    induced mutations 163
Fluorescence *in situ* hybridization 5996, 9283
Fluorescence *in situ* hybridization *cont.*
  Aegilops tauschii, chromosome pairing 3798
  Aegilops ventricosa 11933
  Agropyron cristatum, chromosome pairing 3798
  Allium, taxonomy 9936
  Allium cepa 4324
  Allium cyaneum 7841
  Alstroemeria aurea, chromosome pairing 4746
  Alstroemeria inodora, chromosome pairing 4746
  Arabidopsis thaliana 890
  Arachis, evolution 6871
  Brassica 592
  Brassica napus 592
  Brassica napus (rape), self incompatibility 3426
  Elymus hispidus 7353
  Gossypium, repetitive DNA 1636
  Helianthus annuus 6846
  Helianthus argophyllus 6846
  Hevea brasiliensis, ribosomal DNA 1653
  Hordeum chilense, chromosome pairing 3798
  Hordeum vulgare 2804, 8597
  Lycopersicon esculentum 1378
    acid phosphatase 6579
    chromosome addition 9967
    Meloidogyne 6579
  Oryza eichingeri 6263
  Oryza sativa 2966, 6263
    Magnaporthe grisea 3027
    Orseolia oryzae 293
    Xanthomonas oryzae 3027
  Osmunda japonica, chromosome number 8347
  Paeonia brownii 5849
  Paeonia californica 5849
  Paris 12951
  Pennisetum glaucum, ribosomal RNA 5145
  Petunia hybrida 4742
  Raphanus sativus 592
  reviews 1805
  Rubus fruticosus 2361
  Rubus idaeus 2361
  Saccharum 5727
  Saccharum arundinacearum, phylogeny 1590
  Saccharum officinarum, chromosome morphology 10189
  Secale cereale 1942, 7462, 9410
  Solanum brevidens, ribosomal DNA 1326
  Solanum tuberosum
    chromosome addition 9967
    ribosomal DNA 1326
  Sorghum bicolor, transposable elements 5132
  Thapsia garganica 7155
  trees 4633
  Trigonella foenum-graecum, ribosomal RNA 4153
  Triticum aestivum 1942, 7353, 7462, 9410
    chromosome translocation 9454
  Vicia faba 2804, 7732
  Vigna unguiculata, ribosomal DNA 2217
  Zea mays, Setosphaeria turcica 3985
Flutolanil, *Festuca arundinacea* 12285
Fly ash, *Raphanus sativus* 9922
Fodder legumes
  breeding 1212
  centres of diversity 7642
  gene banks 4085, 6062, 6312
  genetic resources 6311, 6313, 7639-7646, 8759
    conferences 7177
  geography 7643
  germination 7647
  nutritive value 6317
  seeds, storage 6310
  sexual reproduction 7647
  stability 9729
  taxonomy 6320
Fodder plants
  breeding 1211, 6309
    history 9727
  cultivars 10582
  digestibility, artificial selection 6316
Fodder plants *cont.*
  gene banks 7637
  genetic resources 6315
  history 1211
  morphology 6315
  reclamation, genetics 4087
  variety trials 6314
Foeniculum, essential oils 10447
Foeniculum vulgare
  fruits 1780
  morphology 1780
  variety trials 4777
Forage
  Arachis hypogaea 9051
  Avena nuda 10680
  Avena sativa 179
  Bromus inermis, artificial selection 7671
  Dichanthium annulatum 9739
  Elymus 307
  Lathyrus sativus 2155
  Medicago sativa
    artificial selection 6355
    restriction fragment length polymorphism 6355
  Oryza sativa 284
  Pennisetum glaucum 9651, 10780
    combining ability 7521
    heterosis 7521
  Phacelia tanacetifolia 1214
  Pisum sativum 2206
  Secale cereale 181
  Sorghum 225
  Sorghum bicolor 954
  Trifolium alexandrinum, artificial selection 3057
  Zea mays 954, 1082, 5089, 5112, 7493, 8627, 12106
    dominance 7491
    epistasis 7491
    heritability 3973
    restriction fragment length polymorphism 212
Forage legumes (*see* Fodder legumes)
Forchlorfenuron, *Rubus idaeus* 547
Forcing
  Cichorium intybus 464
  Olea europaea 11324
Forest trees
  artificial selection 10276, 10279
  biotechnology 3557, 4632, 10280
    conferences 10471
    reviews 730
  breeding 1658, 6986
    books 10476
    directories 5932
    economics 4630
    statistics 2566
  chromosome number 8195
  domestication, conferences 11645
  drought resistance 733
  experimental design 6987
  gene banks 4629, 6988
  genetic markers 8194
  genetic resources 1658, 10277-10278, 11456
  genetic transformation 1659, 8194
  genetics
    computer programming 10281
    directories 5932
  in vitro culture 8194
  information processing 2567
  insects
    genetic engineering 5801
    genetics 5801
  lignin, genetic engineering 4631
  quantitative genetics 731
  quantitative traits
    computer programming 5800
    statistics 5800
  reproduction 10282
  roots, restriction fragment length polymorphism 6989
  seed production 10280
  tissue culture 10283, 10285
Formate-tetrahydrofolate ligase, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 11741
Formononetin, *Trifolium pratense* 7684
Forsythia intermedia, dihydrokaempferol 4-reductase, genetic transformation 3588

- ***Fortunella***
  - *Citrus,* intergeneric hybridization 11230
  - cold resistance 11236
  - DNA 5644
  - pollen 11229
  - protoplasts 11236
  - taxonomy 5644
- ***Fortunella crassifolia***
  - *Citrus reticulata,* intergeneric hybridization 11236
  - *Citrus sinensis,* protoplast fusion 3361
  - cuttings 3361
- ***Fortunella polyandra,*** limonoids 11230
- ***Fragaria***
  - *Colletotrichum acutatum* 12672
  - databases 8989
  - flowering, genetics 2368
  - genetic resources 2365, 8989
  - genetic transformation 2366
  - polyploidy 1478, 11203
  - *Pratylenchus penetrans* 12673
  - quality 10045
  - ripening
    - gene expression 2367
    - molecular genetics 2367
  - sugars, multivariate analysis 1481
  - tissue culture 2366
- ***Fragaria ananassa***
  - anther culture 12670
  - ascorbate peroxidase, nucleotide sequences 553
  - breeding 550
    - history 5611
  - carbon dioxide 11207
  - cellulase
    - gene expression 4453, 6705
    - nucleotide sequences 4453, 6705
  - chitinase, nucleotide sequences 8995
  - chromosome number 7978
  - colchicine 7978
  - cold resistance, *in vitro* selection 4455
  - cryopreservation 11205
  - cultivars
    - Bisalta 8991
    - Cigoulette 8994
    - Cijosée 8994
    - Cilady 8994
    - Cirano 8994
    - Civmad 8993
    - Guinugan 5612
    - Madeleine 8993
    - Maya 8992
    - Paros 5613
    - Pelican 4452
    - Shenxu 3312
    - Shenxu-1 4929
    - Shenxu-2 4929
  - development 10042
  - DNA, techniques 12668
  - endosperm 10042
  - fruits 1480
  - gamma radiation 4454
  - genetic transformation 6634
  - *Glomerella cingulata* 2369
  - glucanases
    - gene expression 10043
    - nucleotide sequences 10043
  - growth period 3313
  - interspecific hybridization 7978
  - *Otiorhynchus sulcatus,* genetic transformation, reviews 11208
  - photoperiodism 3313
  - *Phytophthora fragariae,* genetics 5616
  - plant embryos 10042
  - plant introduction 7977
  - protected cultivation 3314
  - quality 8997, 10044, 11206
  - ripening
    - gene expression 4453, 10043
    - nucleotide sequences 10043
  - somaclonal variation
    - DNA methylation 12671
    - random amplified polymorphic DNA 12671
  - storage 11207
  - sugars 1480
    - multivariate analysis 1481
  - temperature 2369
  - tissue culture 4454, 8996
  - variety trials 551-552, 3310-3311, 8990
- ***Fragaria chiloensis***
  - biomass, clonal variation 12669
  - random amplified polymorphic DNA 5614
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 10046
  - translocation, clonal variation 12669
- ***Fragaria moschata,*** interspecific hybridization 1478
- ***Fragaria pentaphylla***
  - chromosome number 7978
  - colchicine 7978
  - interspecific hybridization 7978
- ***Fragaria vesca***
  - flowering, gene mapping 2368
  - interspecific hybridization 1478
  - ripening
    - gene expression 5615
    - nucleotide sequences 5615
  - stolons, genetics 6704
  - vegetative propagation, genetics 7979
- ***Fragaria virginiana***
  - hermaphroditism 11204
  - *Phytophthora cactorum* 6706
  - pollination 1479
  - *Sphaerotheca macularis* 6706
- ***Fragaria viridis,*** interspecific hybridization 1478
- **France**
  - reports
    - Centre de Coopération Internationale en Recherche Agronomique pour le Développement 2692
    - Station d'Amélioration des Plantes Maraîchères 2689
- ***Frankliniella occidentalis,*** *Dendranthema morifolium* 1743
- ***Frankliniella schultzei,*** *Arachis hypogaea,* induced mutations 3474
- ***Fraxinus excelsior***
  - DNA, techniques 11457
  - microsatellites 4654
  - population genetics 4654
- ***Fraxinus lanuginosa,*** hermaphroditism 11478
- ***Fritillaria,*** taxonomy, polymerase chain reaction 9193
- **Fructans**
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - gene expression 10205
    - genetic engineering 10205
  - genetic transformation, reviews 11696
- **Fructification**
  - *Agaricus bisporus,* molecular genetics 4788
  - *Agrocybe aegerita*
    - gene expression 11634
    - nucleotide sequences 11634
  - edible fungi 8398
  - *Lentinula edodes* 11631
- **β-Fructofuranosidase**
  - *Allium cepa*
    - genetic engineering 430
    - nucleotide sequences 430
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 3742
  - *Daucus carota*
    - gene expression 5478
    - genetic transformation 5478
  - *Lolium temulentum*
    - gene expression 304
    - nucleotide sequences 304
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 1377
    - nucleotide sequences 1377
  - *Lycopersicon peruvianum,* gene expression 1377
  - *Nicotiana plumbaginifolia*
    - gene expression 430
    - genetic transformation 430
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 12813
    - genetic transformation 12813
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 5477, 7805, 11026
    - genetic transformation 5465, 5477, 7797, 7805
  - *Vicia narbonensis,* genetic transformation 2191
  - *Zea mays*
    - gene expression 3979
- **β-Fructofuranosidase** *cont.*
  - *Zea mays cont.*
    - gene mapping 3979
    - mutations 6213
- **β-Fructofuranosidase inhibitors**
  - *Nicotiana tabacum,* genetic engineering 12451
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 12451
- **Fructose-bisphosphatase**
  - *Glycine max*
    - gene expression 343
    - nucleotide sequences 343
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 7808, 12446
    - genetic transformation 7808, 12446
- **Fructose-bisphosphate aldolase,** *Oryza sativa,* variety classification 6276
- **Fructose-2,6-bisphosphate 2-phosphatase**
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 7801
    - nucleotide sequences 7801
- **Fruit cracking,** *Citrullus lanatus,* genetics 6603
- **Fruit crops**
  - breeders' rights 2326, 7935
  - breeding, conferences 7181
  - cells, molecular genetics 10008
  - diseases 7935
    - conferences 12985
  - genetic resources 1418, 7936, 7993
    - information processing 3263
  - genetic transformation, reviews 8904
  - genetics, conferences 2697
  - quality, conferences 10465
  - random amplified polymorphic DNA 8903
  - ripening
    - genetic engineering 1919
    - molecular genetics 1919, 10008
  - stress 8906
  - unreduced gametes 8905
- **Fruit vegetables,** rootstocks 6551
- **Fruits**
  - *Abelmoschus caillei,* multivariate analysis 11171
  - *Actinidia arguta* 1496-1497
  - *Actinidia chinensis,* nucleotide sequences 563
  - *Actinidia deliciosa* 1496, 1498
  - *Actinidia melanandra* 1497
  - *Actinidia rufa* 1496
  - *Adonis amurensis* 9179
  - *Aegle marmelos* 12706
  - *Anacardium occidentale* 3414, 5661
    - genetics 3413
  - *Averrhoa carambola* 8027
  - *Brassica napus* (rape) 6806
    - gene expression 5675
    - nucleotide sequences 5675
    - techniques 610
  - *Brassica tournefortii* 10117
  - *Capsicum* 6592
  - *Capsicum annuum* 6592
    - artificial selection 1397
    - genetics 1398
    - heritability 1397
  - *Carica papaya,* artificial selection 11243
  - *Carissa carandas* 1537
  - *Carya illinoinensis* 1540
  - *Cicer arietinum* 3121
  - *Citrullus lanatus* 508
    - genetic transformation 6602
    - genetics 6603
  - *Citrus* 9013
  - *Citrus unshiu*
    - gene expression 4478, 9010
    - nucleotide sequences 9010
  - *Cocos nucifera* 3450
  - *Cucumis melo* 5562, 6600
  - *Cucumis sativus*
    - gene expression 10002
    - nucleotide sequences 10002
  - *Dalbergia sissoo* 11486
  - *Diospyros kaki* 6756
  - *Ficus carica* 6727, 6734-6735, 11225
    - multivariate analysis 6731
    - variety classification 6731
  - *Foeniculum vulgare* 1780
  - *Fragaria ananassa* 1480
  - *Hippophae rhamnoides* 3353

- **Fruits** *cont.*
  - *Lupinus albus* 5264
    - genotype environment interaction 8761
    - heritability 8761
  - *Lycopersicon*
    - gene mapping 7898
    - genetic markers 7898
  - *Lycopersicon esculentum* 6564, 6578
    - combining ability 6560
    - genetic variance 6560
    - genetics 7891
    - storage 11113
  - *Malus pumila* 1427, 2338
    - gene expression 11179
    - mutations 4396
    - nucleotide sequences 11179
  - *Mangifera indica* 570, 1526
  - *Medicago sativa,* inbreeding 7673
  - *Olea europaea* 3458, 11322
  - *Persea americana* 3365
  - *Pisum sativum* 6383
  - *Pouteria sapota,* multivariate analysis 10085
  - *Prunus* (apricots) 3278
  - *Prunus armeniaca,* genetics 6672
  - *Prunus avium,* genetics 1463
  - *Prunus domestica* 5582
    - genetics 8959
    - heritability 8959
  - *Prunus dulcis,* heritability 10092
  - *Prunus persica* 1471, 6694, 11197
    - genetics 4437, 6692
    - heritability 4438, 4441
  - *Psidium guajava* 2429
  - *Pyrus communis* 8933
  - *Rubus idaeus* 546
  - *Stenocereus stellatus,* artificial selection 9016-9017
  - *Trapa* 6620
  - *Vaccinium macrocarpon* 12666
  - *Vicia faba* 6383
  - *Vigna radiata,* induced mutations 4236
  - *Vitis vinifera* 6715
  - *Zea mays* 3970
- **Fucose,** *Arabidopsis thaliana,* mutations 9335
- **Fucosyltransferase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 9324
    - genetic engineering 9324
- ***Fucus vesiculosus***
  - metallothionein
    - gene expression 5922
    - nucleotide sequences 5922
- ***Fulvia fulva***
  - *Brassica napus* (rape)
    - gene expression 4518
    - genetic transformation 4518
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 1390, 4359, 5542, 12543
    - gene mapping 7903, 12541
    - genetic engineering 4518, 5542
    - genetic transformation 4359
    - genetics 491, 4592, 11125
    - molecular genetics 1390
    - nucleotide sequences 494, 2305, 7903, 11128
    - reviews 11125
  - *Lycopersicon pimpinellifolium,* nucleotide sequences 2305
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 1390, 4592, 5542
- **Fumonisins,** *Zea mays,* genetic transformation 10721
- **Fungi**
  - *Aegilops* 3878
  - *Allium sativum* 8865
  - cereals 11826
  - genetic engineering 1811
  - genetic transformation, reviews 11679
  - genetics 1812
  - *Glycine max* 12358
  - *Gossypium* 12842
    - techniques 2550
  - *Hordeum vulgare* 11825, 11957
  - *Lycopersicon esculentum* 9977
  - *Morus* 9004
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 5770
- **Fungi** *cont.*
  - *Nicotiana tabacum cont.*
    - genetic transformation 2243
  - ornamental plants 11517
  - *Phaseolus coccineus* 10975
  - *Phaseolus vulgaris*
    - gene expression 7747
    - nucleotide sequences 7747
  - *Pisum sativum,* nucleotide sequences 5367
  - *Secale cereale* 11974
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 2243
  - *Sorghum bicolor* 9641-9643, 9646
  - triticale 958
  - *Triticum* 3878
  - *Triticum aestivum* 958, 4951, 10640, 11825, 11899
    - artificial selection 965
    - gene mapping 3885
- **Fungicides**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 1878
  - *Festuca arundinacea* 12285
  - *Triticum aestivum* 11887
- **Furanocoumarins**
  - *Heracleum* 11595
  - *Heracleum sibiricum* 11594-11595
- ***Furcraea niquivilensis,*** taxonomy 8193
- **Fusaric acid,** *Lycopersicon esculentum* 5543
- ***Fusarium*** *(see also Gibberella; Nectria)*
  - *Glycine max* 12353
  - *Gossypium hirsutum,* artificial selection 8182
  - *Medicago sativa* 3054
  - *Musa* 8002
  - *Phaseolus vulgaris* 12384
  - *Pisum sativum, in vitro* selection 5390
  - *Triticum aestivum* 3881, 7402, 11901
  - *Zea mays* 12116
- ***Fusarium culmorum***
  - *Hordeum vulgare* 11958
  - *Triticum, Triticum macha,* gene location 5027
  - *Triticum aestivum* 7408
    - chromosome substitution 7407
    - gene expression 3883
    - genetics 3882
  - *Triticum macha,* gene mapping 2860
- ***Fusarium oxysporum***
  - *Aechmea* 4763
  - *Allium cepa* 435, 6523
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 3763
  - *Cicer* 5429
  - *Cicer arietinum* 3128, 5427, 5430, 11003-11004, 12414
    - gene mapping 383
    - genetic markers 383
    - linkage 383
  - *Citrullus lanatus* 12600-12601
    - genetic transformation 4376
  - *Cucumis melo* 12597
  - *Cucumis sativus* 12611
    - techniques 1417
  - *Cucurbita,* genetic engineering 4376
  - *Cyclamen* 2654
  - *Dianthus caryophyllus, in vitro* selection 10374
  - *Gossypium* 12839
    - genetics 10265
  - *Gossypium hirsutum* 9117, 10264
  - *Lens*
    - gene mapping 5407
    - genetics 5407
  - *Lens culinaris*
    - genetics 1308
    - random amplified polymorphic DNA 1308
  - *Linum usitatissimum* (flax) 2559
    - genetics 5792
  - *Linum usitatissimum* (linseed)
    - amplified fragment length polymorphism 727
    - gene mapping 727
    - linkage 727
  - *Lycium barbarum, in vitro* selection 12956
  - *Lycopersicon esculentum* 3249, 4360, 5543, 7902
    - gene expression 493
    - gene mapping 5544
- ***Fusarium oxysporum*** *cont.*
  - *Lycopersicon esculentum cont.*
    - genetic transformation 493
    - genetics 3247
    - *in vitro* selection 5541
    - random amplified polymorphic DNA 5544
    - rootstocks 11129
    - techniques 5540
  - *Musa* 2407, 12684
    - *in vitro* selection 8003, 10069
    - induced mutations 568, 10069
  - *Ocimum basilicum* 7150
  - *Phaseolus vulgaris* 4212, 8790
    - germplasm releases 2200
  - *Pisum sativum* 7764
  - *Solanum tuberosum* 3167
- ***Fusarium solani***
  - *Glycine max,* germplasm releases 7723
  - *Opuntia ficus-indica* 2432
  - *Solanum tuberosum* 1343, 2244, 3168
  - *Vicia faba* 10960
- ***Fusarium subglutinans, Pinus radiata*** 11499
- ***Fusarium udum***
  - *Cajanus cajan* 2214
    - genetics 5443
  - *Crotalaria* 10272
  - *Crotalaria juncea* 10272
- ***Fusicladium*** *(see also Venturia)*
- **Fusicoccin,** *Arabidopsis thaliana,* artificial selection 7268
- **G proteins**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4217, 9303
      - reviews 10535
    - nucleotide sequences 4217, 9301, 9303
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 9097
    - genetic transformation 9097
    - nucleotide sequences 9097
  - *Oryza sativa*
    - genetic transformation 12200
    - mutations 12200
    - restriction fragment length polymorphism 12200
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 4217, 12398
    - nucleotide sequences 4217
  - *Sporobolus pyramidalis*
    - gene expression 7672
    - nucleotide sequences 7672
- ***Galactia striata,*** outcrossing 326
- **Galactolipid diacylglycerol,** *Arabidopsis thaliana,* mutations 8486
- **Galactonolactone dehydrogenase**
  - *Ipomoea batatas*
    - gene expression 8848
    - nucleotide sequences 8848
- **Galactose kinase,** *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 7233
- **Galactosidases**
  - *Asparagus officinalis,* gene expression 2292
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 478
- **Galactosyltransferase,** *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 9329
- ***Galanthus nivalis***
  - lectins
    - gene expression 3023
    - genetic engineering 3023, 3895, 4310, 8107
- ***Galega orientalis***
  - quality 328
  - tissue culture 328
- **Gametes**
  - *Plumbago zeylanica* 11588
  - *Zea mays,* mutations 7485
- **Gametocides**
  - *Brassica napus* (rape) 6791
  - *Oryza sativa* 6268, 12194
  - *Triticum aestivum* 978, 3841, 7357, 10607
    - genetics 983
- **Gamma radiation**
  - *Actinidia deliciosa* 4467, 11221
  - *Aegilops triuncialis* 6097
  - *Allium sativum* 5490
  - *Arabidopsis thaliana* 8464

- **Gamma radiation** *cont.*
  - *Arachis hypogaea* 10167, 11332
  - *Brassica juncea* 5674, 5677, 5681, 10112-10113, 10141, 10149
  - *Brassica napus* (rape) 6808, 8041
  - *Camelina sativa* 6883
  - *Camellia sinensis* 681
  - *Cicer arietinum* 3119
  - *Crossandra infundibuliformis* 11521
  - *Cucumis melo* 12591
  - *Cucumis sativus* 12607, 12610
    - pollen 11168
  - *Curcuma longa* 10442
  - *Cymbopogon martinii* 1787
  - *Cymbopogon winterianus* 2682
  - *Dendranthema* 3600, 7099
  - *Dendranthema morifolium* 2630
  - *Eremochloa ophiuroides* 5244
  - *Fragaria ananassa* 4454
  - *Gladiolus* 7117
  - *Glycine max* 3076, 3082, 5300, 5309
  - *Gossypium hirsutum* 2545, 6954
  - *Hordeum vulgare* 163, 1036, 3915, 9565
  - *Ipomoea batatas* 7829
  - *Jatropha curcas* 6889
  - *Lathyrus sativus* 6372
  - *Lens culinaris* 1307, 4223, 6447
  - *Lupinus albus* 9765
  - *Lupinus mutabilis* 10920
  - *Lycopersicon esculentum* 8881
  - *Medicago* 7681
  - *Musa* 4472
  - *Nicotiana alata* 12810
  - *Nigella sativa* 5906, 12962
  - *Oryza sativa* 2088, 2970, 5189, 7568, 7602, 8698, 10846-10847
  - *Phaseolus lunatus* 10969
  - *Phaseolus vulgaris* 360, 8782, 9820
  - *Phlox drummondii* 787
  - *Pinus kesiya* 3574
  - *Pinus sylvestris* 8235, 11493
  - *Pisum sativum* 3110
  - *Plantago ovata* 11590
  - *Prunus dulcis* 5659
  - *Pyrus communis* 8936
  - *Pyrus pyrifolia* 12633
  - *Saccharum officinarum* 11345
  - *Sesamum* 1576
  - *Sesamum indicum* 5715, 6877, 11337
  - *Solanum khasianum* 12954
  - *Trigonella foenum-graecum* 4154
  - *Triticum aestivum* 2840, 7356, 7359, 7362, 8592
  - *Vigna mungo* 3137, 3139, 11015, 12431
  - *Vigna radiata* 3133, 7785, 9877-9878, 11014
  - *Vigna unguiculata* 6457, 11010
  - *Zea mays* 12014-12016
- ***Ganoderma tsugae,*** protoplasts 5920
- ***Gasteria carinata,*** taxonomy 810
- ***Gasteria glauca,*** taxonomy 810
- ***Gastrodia elata***
  - antifungal proteins, nucleotide sequences 10439
  - *Armillaria mellea,* nucleotide sequences 10439
- **Gastroenteritis coronavirus**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 2749
    - genetic transformation 2749
- ***Gazania,*** cultivars, Sunabout 7087
- ***Gelidium***
  - genetics, conferences 8410
  - reproduction, conferences 8410
- ***Gelidium arbuscula***
  - genetic variation 8403
  - reproduction 8403
- ***Gelidium canariensis***
  - genetic variation 8403
  - reproduction 8403
- ***Gelidium pusillum,*** reproduction 8404
- ***Gelidium sesquipedale,*** reproduction 8405
- **Gene banks** 3671, 9240, 11670
  (*see also* Genetic resources)
  - *Allium sativum* 12498
  - books 3665
  - *Cannabis* 2561
  - *Capsicum,* catalogues 7904
  - *Chenopodium quinoa* 9722
  - *Citrullus lanatus* 5564
  - *Citrus* 2411, 3355, 9013
  - *Cocos nucifera* 3448, 5696-5697, 5699
  - *Coffea,* multivariate analysis 11797
  - computer programming 8426
  - crops 3672, 3681, 11796
  - edible fungi 7168
  - essential oil plants 4764
  - fodder legumes 4085, 6062, 6312
  - fodder plants 7637
  - forest trees 4629, 6988
  - grain legumes 10945
  - grasses 4085
  - *Hevea,* multivariate analysis 11797
  - *Hordeum vulgare* 153
  - *Humulus lupulus* 4785
  - *Ipomoea batatas* 7827, 9913
  - *Lolium perenne* 12273
  - *Lupinus* 3060, 9764
  - *Malus* 10019
  - *Mangifera indica* 3355
  - *Manihot esculenta* 7825
  - *Medicago* 6344
  - *Medicago truncatula* 12273
  - medicinal plants 4764
  - *Nicotiana,* catalogues 9084
  - *Nicotiana tabacum,* catalogues 9084
  - Orchidaceae 10399
  - ornamental palms 10335-10336
  - *Oryza sativa,* multivariate analysis 11797
  - *Pistacia* 3398
  - *Pouteria sapota* 10085
  - *Prunus persica* 2354
  - *Pyrus* 5578
  - *Pyrus communis* 8924
    - information processing 8921
  - small fruits 4447
  - *Sorghum bicolor,* multivariate analysis 11797
  - *Trifolium* 6344
  - *Triticum* 3814-3815
  - *Triticum durum* 3812
  - *Vicia faba* 5336
  - *Vitis* 557, 2370
  - *Vitis vinifera* 2370, 4456
  - *Zea mays* 9589, 11981
- **Gene conversion** 79
- **Gene dosage**
  - *Petunia axillaris,* flavonoids 7110
  - *Triticum durum*
    - proteins 985
    - seeds 985
  - *Zea mays,* glumes 12061
- **Gene expression** 874, 1819, 2727, 3714, 4838-4842, 9269, 9285, 10464, 10499, 11704, 11715, 11718
  - *Abies grandis*
    - humulene synthase 769
    - selinene synthase 769
  - abscisic acid 1820
    - reviews 9249
  - actin, reviews 10569
  - *Actinidia deliciosa* 1495
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 12681
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 10058, 12681
    - development 2084
    - ripening 12681
  - *Adiantum capillus-veneris*
    - extensin 808
    - light 808
  - *Aegilops tauschii*
    - glutenins 3866
    - quality 3866
  - *Aegilops umbellulata*
    - DNA methylation 7342
    - ribosomal DNA 7342
  - *Agaricus bisporus*
    - cellulase 2687
    - hydrophobins 8391
    - laccase 2687
    - mannitol dehydrogenase 8402
  - *Ageratum conyzoides,* β-glucuronidase 4834
  - *Agrobacterium tumefaciens,* genetic transformation 1823
  - *Agrocybe aegerita,* fructification 11634
  - *Allium cepa* 7218
    - alfalfa mosaic alfamovirus 12501
    - alliin lyase 11059
    - chitinase 8229
    - mitogen-activated protein kinase 6516
- **Gene expression** *cont.*
  - *Allium cepa cont.*
    - pathogenesis-related proteins 8229
  - *Allium tuberosum,* alliin lyase 9928
  - *Alnus sieboldiana,* allergens 9139
  - *Amaranthus hypochondriacus,* betaine-aldehyde dehydrogenase 7635
  - *Antirrhinum majus*
    - development 11546
    - flowers 11546
    - glycogen (starch) synthase 10375
    - guanosinetriphosphatase 1745
    - plant embryos 1745
  - *Arabidopsis*
    - development 8466
    - plant hairs 8467-8468
  - *Arabidopsis suecica,* ribosomal DNA 2739
  - *Arabidopsis thaliana* 26, 7218, 7229, 8453, 9293, 9332, 10512, 11733, 11753, 11756
    - abscisic acid 46, 54, 3758, 4880, 6021, 8487
    - ACC 68
    - actin 10517
    - acyl carrier protein 18
    - adenosine 5′-phosphosulfate reductase 10549
    - adenosinetriphosphatase 16, 6030, 9305, 10520
    - adenylsulfate kinase 6017
    - adenylylsulfate reductase 7259
    - *Agrobacterium tumefaciens* 11751
    - air pollution 11774
    - aldehyde oxidase 1836
    - allene oxide synthase 10527
    - *Alternaria brassicicola* 1875, 2783-2785, 3763, 11778
    - alternative oxidase 8133, 9378
    - alternative splicing 7225, 7228
    - aluminium 10553
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 927, 3753, 9337
    - ammonium 9369
    - ammonium transporter 11772
    - anthers 9288
    - anthocyanins 11760, 11765
    - antibodies 4847
    - aquaporin 2762, 10545
    - arabinose kinase 7233
    - ascorbate peroxidase 2747
    - asparagine-tRNA ligase 1835
    - aspartate-ammonia ligase 1830
    - aspartic proteinases 4893
    - ATP sulfurylase 8036
    - auxins 2766, 3741, 7261, 9351
    - *Bacillus thuringiensis* 683
    - binding proteins 2766, 6042, 7246, 8458, 9291, 9351
    - *Botrytis cinerea* 2783-2784, 3763, 11778
    - calcium 4898, 10552-10553
    - calcium binding proteins 11258
    - calmodulin 1838
    - camalexin 11778
    - catalase 2761
    - CDP-diacylglycerol-inositol 3-phosphatidyltransferase 11722
    - CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase 6092
    - cell division 911, 2769
    - cellulase 51
    - chaperonins 10506
    - chlorophyll *a/b* binding protein 2775
    - chloroplasts 8458, 8478, 11760
    - choline oxidase 9361
    - cold 9374
    - cold resistance 1873, 3761, 9373, 10552
      - reviews 11775
    - copper 20
    - Cre recombinase 17
    - cryptochrome 11768-11769
    - cyclins 10526
    - cyclophilin 4892, 10505
    - cytidine deaminase 11723
    - cytochrome-b_5 reductase 3729
    - cytochrome P-450 4911, 11757
    - cytochromes 11767
    - cytokinins 9328
    - defensins 1875, 2784, 4908

- **Gene expression** *cont.*
  - *Arabidopsis thaliana cont.*
    - development 47, 58, 66, 916, 1831, 1850, 1862, 1865, 2777, 3739, 3741, 3743, 4888, 6006, 6011, 6026, 9318, 9337, 9344, 9347, 10536, 10546-10548, 11757, 11761, 11774
      - mutations 3748
    - dihydrodipicolinate synthase 7227
    - diphtheria 44
    - DNA binding proteins 45, 1827, 1865, 2744, 9296, 9304, 10521
    - DNA helicase 8454
    - endo-1,3(4)-β-glucanase 3738
    - endoplasmic reticulum 2763
    - endosperm 6006
    - enoyl-(acyl-carrier protein) reductase (NADH) 9302
    - epidermis 911
    - epoxy-carotenoid dioxygenase 2740
    - *Erysiphe orontii* 1879
    - esters 3751
    - ethylene 52-53, 68, 1859, 8496, 9357, 10523
    - fatty acid desaturases 8487
    - fatty acid hydroperoxide lyase 10502
    - fatty acid hydroxylases 63
    - fatty acids 1867, 9346
    - ferric-chelate reductase 6038
    - ferulate-5-hydroxylase 3751
    - flavonoids 9353, 10508
    - flowering 60, 918, 3750, 3755, 6027, 9318, 9340, 9349
      - mutations 3748
    - flowers 40-41, 44, 3738, 4876, 4882, 7220, 10536, 10547-10548
    - β-fructofuranosidase 3742
    - fucosyltransferase 9324
    - *Fusarium oxysporum* 3763
    - G proteins 4217, 9303
      - reviews 10535
    - gastroenteritis coronavirus 2749
    - genetics 4859
    - germination 2772
    - gibberellins 1854, 2772-2773, 4887, 9348, 11770
    - glucanases 4876
    - glucose-1-phosphate adenylyltransferase 2741, 10507
    - β-glucuronidase 1841
    - glutamate-cysteine ligase 64, 885
    - glutamate decarboxylase 23
    - glutamyl-tRNA reductase 10555
    - glutathione 65
    - glutathione γ-glutamylcysteinyltransferase 9372, 10551
    - glutathione transferase 4898, 7241
    - glycoproteins 33, 58
    - glycosyltransferases 33
    - green fluorescent protein 25, 1841, 2763, 5966, 9294, 10552-10553
    - growth regulators 30, 2773, 3741, 3758, 4880, 4887, 7261, 9348, 9357, 11766
    - haloalkane dehalogenase 9307
    - heat resistance 8502
    - heat shock proteins 4901, 4903, 8502, 9328
    - heavy metals 65
    - herbicides 10555
    - hexokinase 12532
    - histidine 3730
    - histidine kinase 8496
    - histidinol dehydrogenase 10540
    - histones 4217
    - homeoboxes 9328
    - homeotic genes 40-41, 3580, 7220
    - hydrolases 6025
    - hydroperoxide lyase 22
    - 4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase 21
    - IAA 56, 59, 2758, 6025, 11766
    - immunophilins 45
    - indoleacetamide hydrolase 9338
    - induced mutations 32
    - inflorescences 4895, 7244, 8493
    - injuries 22, 10502
    - ion transport 6013, 11758
    - isoenzymes 4854
    - jasmonic acid 68
    - kaurene oxidase 49
    - kinase-associated protein phosphatase 19
    - kinases 3727, 3730
    - leaves 8493
    - light 38, 916, 1865, 3739, 6011, 6029, 8478-8479, 8481, 9310, 9327, 9347, 9361, 11768-11769
    - lipid transfer proteins 4860
    - lupeol synthase 8470
    - malate dehydrogenase 3749
    - meiosis 6005
    - *Meloidogyne incognita* 1881
    - membrane proteins 2758
    - meristems 10546
    - metallothionein 910, 1874
    - metals 9370
    - methionine adenosyltransferase 10425
    - methionyl-tRNA synthetase 4855
    - methyl jasmonate 2784
    - methyltransferases 892
    - morphology 1867
    - mutations 4859
    - NAA 3754
    - NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase 188, 4900
    - NADPH oxidoreductase 1826
    - naringenin-chalcone synthase 2771
    - nicotianamine synthase 9371
    - nitrate reductase 1856, 9321, 9367
    - nitrate transporters 2759
    - nitrates 4878, 4896, 9368
    - nitrilase 1858
    - nitrite reductase 2524, 8143
    - nitrogen 1871, 9369
    - nodulation 4177
    - norflurazon 10555
    - nucleotide diphosphate kinase 10540
    - nutrients 1871, 4896, 6039, 7259, 9368-9369, 10550
    - organelles 9313
    - oryzacystatin 11781
    - oxidation 4900
    - oxophytodienoic acid reductase 7222
    - ozone 927, 4898, 11774
    - pathogenesis-related proteins 1828, 2783, 2785, 3763, 4874, 4908, 9360, 9377, 11778
    - pectinesterase 8472
    - *Peronospora parasitica* 2783, 3763, 4874, 10554
    - peroxidases 10501
    - peroxiredoxin 8489
    - phenylalanine ammonia-lyase 2771
    - phenylpropanoids 905
    - phosphoglycerate dehydrogenase 4870
    - phospholipase D 6033
    - phospholipid-hydroperoxide glutathione peroxidase 24
    - phosphoproteins 7225
    - phosphorus 3759, 3792
    - phosphorylation 4879
    - phosphoserine aminotransferase 1832
    - phosphoserine phosphatase 8485
    - phosphotransferases 11725
    - photoperiodism 918
    - photosynthesis 1851, 8479-8480, 8484, 9361, 9546, 12532
    - phytochrome 29, 38, 55, 915, 5191, 6008, 6029, 7260, 8460, 8497, 8821, 9327, 9343, 11749, 11770
    - phytosterols 61
    - plant embryos 3726, 5285, 9322, 9362, 10546
    - plant hairs 2770, 7251, 11765
    - pleckstrin 9311
    - pollen 900, 3736, 10517
    - pollen germination 11755
    - polyamines 10425
    - polyploidy 4862
    - potassium 11758
    - proline dehydrogenase 3757
    - promoters 9404
    - protein kinase 3732, 6020, 6026, 6041, 7255, 8505, 9306, 10516, 10530
    - protein-tyrosine phosphatase 5285
    - proteinase inhibitors 46, 3537
    - proteinases 8462, 9319, 10520
    - proteins 2752, 4868, 6032, 7235, 9313, 9343, 10539
    - protochlorophyllide reductase 8481
    - protoplasts 25
    - protoporphyrinogen oxidase 4874
    - *Pseudomonas fluorescens* 68
    - *Pseudomonas syringae* 68, 4911, 8505, 9379
    - pyruvate dehydrogenase 9363
    - receptor kinases 19, 9323
    - reporter genes 1841
    - ribonucleases 3759
    - ribosomal DNA 2739
    - ribosomal proteins 3756
    - RNA 11726
    - RNA helicase 16, 2748
    - RNA polymerase 14, 4857-4858
    - roots 1881, 3754, 9321, 9404
    - salicylic acid 68, 2784, 4908, 9377
    - salinity 4904, 6041, 7194
    - seedlings 58, 9353
    - seeds 47, 1850, 2772, 4893, 9354, 10539
    - senescence 1874, 9360, 10520, 12532
    - serine acetyltransferase 4854
    - serine proteinases 3754
    - signal recognition particle 10525
    - small nuclear RNA 31
    - splicing factors 7228
    - squalene monooxygenase 8037
    - sterols 892
    - stress 64-66, 2752, 2778, 3756, 3758, 4897, 4900, 6040, 8505
    - *O*-succinylhomoserine (thiol)-lyase 15
    - sucrose 8476
    - sucrose-phosphate synthase 7258
    - sugar transport proteins 3736
    - sugars 7250, 7256, 8477
    - sulfate adenylyltransferase 4510, 10549
    - sulfite reductase 7224
    - superoxide dismutase 928
    - surface proteins 1845, 11755
    - syntaxin 10528
    - temperature 40-41, 8487
    - thioesterase 4867
    - thionins 4849
    - thylakoids 8462, 10525
    - tocopherols 1870, 9366
    - toxic substances 44
    - toxins 683
    - transcription factors 1865, 8476, 9304, 10522
    - translocation 3792
    - trichomes 10537
    - tropisms 1845, 1863, 2758, 4877, 6035
    - ubiquitin 4873
    - ultraviolet radiation 10540
    - vernalization 6027, 9349
    - violaxanthin deepoxidase 2513, 8490
    - volatile compounds 6040
    - waxes 9346
    - *Xanthomonas campestris* 4910
    - zeaxanthin epoxidase 8490
    - zinc 6039
  - *Armoracia rusticana,* phytochrome 8460
  - *Asparagus officinalis*
    - embryo culture 463
    - flowering 11086
    - galactosidases 2292
    - harvesting 2292
  - *Astragalus sinicus,* nodulins 1254
  - *Atropa belladonna*
    - alkaloids 10427
    - hyoscyamine (6*S*)-dioxygenase 10427
    - putrescine *N*-methyltransferase 10420
  - auxins 948, 4846
  - *Avena,* seeds 7454
  - *Avena fatua,* amylases 2002
  - *Avena sativa*
    - binding proteins 9409
    - development 178
    - seeds 178
  - *Beta maritima* 12778
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - adenosinetriphosphatase 5740
    - *Agrobacterium rhizogenes* 5739
    - *Agrobacterium tumefaciens* 5739

Gene expression *cont.*
  Beta vulgaris (sugarbeet) *cont.*
    development 5740
    drought resistance 10205
    elongation factors 4558
    fructans 10205
    glucose-6-phosphate isomerase 8112
    Heterodera schachtii 5739
    salinity 5740
  binding proteins, reviews 4833
  books 4799, 5934
  Borago officinalis, fatty acid desaturases 5900
  Brassica 593
  Brassica alboglabra
    glycoproteins 5501
    pollen 5501
    self incompatibility 5501
  Brassica campestris, cytoplasmic male sterility 1548
  Brassica juncea 12713
    adenylylsulfate reductase 6802
    APS reductase 8045
    cadmium 4517, 6802, 8045
    glutathione synthase 4517
    glyoxalase 5685
    salinity 5685
    sulfate adenylyltransferase 4510, 6802, 8045
    sulfate transporter 8045
    sulfur 8045
    thioglucosidase 8045
    toxic substances 4517, 6802
  Brassica napus
    abscisic acid 6817
    calcium binding proteins 11258
    jasmonic acid 6817
    protein kinase 10516
  Brassica napus (rape)
    acyl-acyl carrier protein thioesterase 10123
    acyltransferases 11265
    adenosinetriphosphatase 5671
    ATP sulfurylase 8036
    calcium binding proteins 8042
    cytochromes 5666
    cytoplasmic male sterility 4506, 5671
    desiccation 1554
    flowering 8048
    fruits 5675
    Fulvia fulva 4518
    glutamate-ammonia ligase 5678, 6803, 9030
    gynoecium 5670
    heat shock proteins 9980
    histidine 2460
    Leptosphaeria maculans 12726
    malonyltransferase 5106
    metallothionein 1874
    NADH dehydrogenase 5666
    nitrates 2460
    phosphoenolpyruvate carboxylase 10106
    plant embryos 1554
    Plutella xylostella 11268
    pollen 5673
    pollen culture 5673
    protein kinase 11254
    proteins 621
    ribosomes 5666
    RNA polymerase 10104
    self incompatibility 3427
    senescence 1874
    shedding 5675
    squalene monooxygenase 8037
    stress 12721
  Brassica oleracea, RNA polymerase 10104
  Brassica oleracea (broccoli)
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 7851, 9940
    Plutella xylostella 5505, 12516
    self incompatibility 6529
    toxins 12516
  Brassica oleracea (cabbages)
    heat shock proteins 12511
    phospholipase D 11068
  Brassica oleracea (cauliflowers)
    aquaporin 12510
    development 5502
    organelles 9313

Gene expression *cont.*
  Brassica oleracea (cauliflowers) *cont.*
    proteins 9313
    stress 12510
  Brassica pekinensis
    anthers 9942
    dehydrins 440
  Brassicaceae, self incompatibility 7292
  Bromheadia finlaysoniana, naringenin-chalcone synthase 2658
  Bruguiera sexangula, salinity 10312
  Camellia sinensis, pathogenesis-related proteins 11354
  Camptotheca acuminata, tryptophan synthase 9202
  Canavalia ensiformis, concanavalin 5454
  Canavalia gladiata, proteins 2222
  Canavalia lineata, chaperonins 7689
  Capsicum annuum
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 11153
    arachidonic acid 11153
    capsanthin-capsorubin synthase 3255
    mitogen-activated protein kinase 6516
    oxidative stress 3255
    pathogenesis-related proteins 503
    seeds 11152
    sesquiterpene cyclase 502
    transketolase 498
    tubulin 11152
    ultraviolet radiation 502
  Carica papaya, cysteine proteinases 11242
  carotenoids, reviews 11699
  Carya illinoinensis, proteins 2436
  Catharanthus roseus
    adenylylsulfate reductase 11583
    alkaloids 10422
    aromatic-L-amino-acid decarboxylase 4765, 7140
    desacetoxyvindoline 4-hydroxylase 813
    DNA binding proteins 12947
    enzymes 4769
    flavonoid 3′-monooxygenase 12949
    growth regulators 7140
    jasmonic acid 7140
    light 813
    naringenin-chalcone synthase 12949
    proteins 4769
    strictosidine synthase 7140, 12947
  cell division 8520
    reviews 7277
  cellulose synthase, reviews 11688
  Ceratopteris richardii
    DNA binding proteins 12980
    sex 12980-12981
  Chenopodium album, RNA polymerase 4857
  chromosomes 11784
  Cicer arietinum
    amine oxidase (copper-containing) 5291, 5412
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 4225
    calmodulin 6452
    metallothionein 3120
    proline-rich proteins 1309
  Cichorium, haemoglobin 11088
  Citrus, β-glucuronidase 6742
  Citrus sinensis
    naringenin-chalcone synthase 12690
    protein kinase 3363
  Citrus unshiu
    adenosinetriphosphatase 10073
    dehydrins 8006
    fruits 4478, 9010
    metallothionein 9010
    sucrose-phosphate synthase 4478
  Coffea arabica
    globulins 10209
    seeds 10209
    spermidine synthase 4563
  Coix lacryma-jobi, coixins 4083
  computer programming 5976-5977, 5979, 5981
  Coriandrum sativum
    acyl carrier protein 5908
    fatty acids 5908
  corolla 10580

Gene expression *cont.*
  Corylus avellana
    flowering 3396
    gynoecium 3396
    homeotic genes 3396
    transcription factors 3396
  Craterostigma plantagineum
    abscisic acid 3632
    drought resistance 3632
    stress 12942
    sucrose synthase 12942
  crops 877
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 1921
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 1921
    antibodies 9273
    ethylene 3710
    green fluorescent protein 5966
    Nematoda 8441
  Cucumis melo
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 3256
    enzymes 11158
    ethylene 9994, 11158
    growth regulators 11158
    ripening 11158
  Cucumis sativus
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 512
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 512, 10003
    auxins 512
    development 10002
    fruits 10002
    glycine-rich proteins 4386
    hydroxypyruvate reductase 2324
    injuries 512
    lipids 6611
    lipoxygenase 6612
    phospholipase A2 6611
    protein kinase 6610
    roots 4386
    sex 12608
    stress 10003
  Cucurbita
    acyl-CoA oxidase 1411
    DNA binding proteins 2322
    hydroxypyruvate reductase 4383
    light 4383
  Cucurbita maxima
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 2321
    copalyl diphosphate synthase 4381
    gibberellins 9348
    growth regulators 9348
    kaurene synthase 4381
    movement proteins 3258
  Cucurbita pepo
    abscisic acid 6606
    chloroplasts 6606
    peroxidases 11164
    protein kinase 4382
    proteins 1327
  Cyamopsis tetragonoloba, UDPglucose 4-epimerase 7792
  Cymbidium hybrida, dihydrokaempferol 4-reductase 11568
  Datisca glomerata, ribulose-bisphosphate carboxylase 10453
  Daucus carota 9262
    antifreeze proteins 413, 11049
    binding proteins 2250
    citrate synthase 7821, 11046
    endosperm 11047
    β-fructofuranosidase 5478
    globulins 11047
    phosphates 11046
    plant embryos 2250, 3178, 11047
    seeds 3178
    somatic embryogenesis 2250
    sucrose synthase 4315
    translocation 4314
  defensins 9251
  development 1902, 8467, 8474
  Dianthus caryophyllus
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 12917
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 10368
    benzoyltransferases 3598

- **Gene expression** *cont.*
  - *Dianthus caryophyllus cont.*
    - ethylene 12917
    - senescence 12917
  - *Dioscorea bulbifera*
    - *Glomerella cingulata* 8851
    - pathogenesis-related proteins 8851
  - diseases 3693, 7198, 8440, 9251
    - reviews 7, 4822
  - DNA binding proteins, computer programming 5982
  - drought resistance 1820
  - *Eleusine coracana*
    - plant embryos 6078
    - salinity 6078
  - *Eucalyptus globulus*
    - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 11461
    - mycorrhizas 4637
    - *Pisolithus tinctorius* 4637
  - *Eucalyptus grandis,* flowers 1663
  - *Eustoma grandiflorum*
    - anthocyanins 4684
    - colour 4684
  - expansins, reviews 4919
  - *Fagus sylvatica,* late-embryogenesis-abundant proteins 6997
  - *Fragaria,* ripening 2367
  - *Fragaria ananassa*
    - cellulase 4453, 6705
    - glucanases 10043
    - ripening 4453, 10043
  - *Fragaria vesca,* ripening 5615
  - *Fucus vesiculosus,* metallothionein 5922
  - *Galanthus nivalis,* lectins 3023
  - *Gentiana triflora*
    - acyltransferases 2632
    - anthocyanins 2632
  - *Gerbera hybrida*
    - development 3603
    - dihydrokaempferol 4-reductase 1727
    - flowers 3603, 11535
    - gibberellins 11535
  - gibberellins, reviews 876, 9259
  - *Gladiolus*
    - elongation factors 10387
    - mannopine synthase 10387
  - *Glycine max*
    - alternative oxidase 1274
    - amine oxidase (copper-containing) 5291
    - aspartate kinase 8766, 9793
    - chalcone isomerase 3089
    - conglycinin 5295
    - cysteine proteinase inhibitors 6403
    - cysteine proteinases 6403
    - death 6403
    - development 1274
    - fructose-bisphosphatase 343
    - glucose-6-phosphate 1-dehydrogenase 3089
    - glutamate-ammonia ligase 5305
    - glutamyl-tRNA reductase 9805
    - glycinin 12183
    - haemoglobin 11489
    - *Heterodera glycines* 12365
    - homoserine dehydrogenase 8766, 9793
    - isocitrate dehydrogenase 9791
    - lectins 348
    - light 694
    - naringenin-chalcone synthase 7711
    - nitrates 2167
    - nodulation 4177, 9805, 9807
    - nodulins 9804
    - nutrients 2167
    - phosphorus 3792
    - plant embryos 5285
    - polygalacturonase 12365
    - promoters 5305
    - protein-tyrosine phosphatase 5285
    - proteinase inhibitors 4201, 6396
    - proteins 347, 12348
    - *Pseudomonas syringae* 3089
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 694
    - seeds 12348
    - translocation 3792
    - trehalase 9789
    - ubiquitin 3089
    - ultraviolet radiation 7711
- **Gene expression** *cont.*
  - *Glycyrrhiza echinata,* isoflavone 2′-hydroxylase 10423
  - *Gossypium,* palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase 11410
  - *Gossypium barbadense,* apomixis 712
  - *Gossypium hirsutum*
    - adenylyl cyclase 4608
    - annexins 6960
    - *Bacillus thuringiensis* 1648
    - cells 4607
    - desaturase 8171
    - development 8173
    - enzymes 4607
    - expansins 2542
    - farnesyl pyrophosphate synthase 11412
    - fibres 713
    - glyphosate 11445-11446
    - *Helicoverpa armigera* 2555
    - herbicides 11445-11446
    - lipid transfer proteins 10243
    - seeds 1639
    - sucrose synthase 1639
    - *Verticillium dahliae* 10266
    - water balance 713
  - green fluorescent protein 5985
  - growth regulators 948
    - reviews 11805
  - heat shock 4844
  - *Helianthus annuus*
    - allergens 633
    - aquaporin 10153
    - dehydrins 8064
    - glutamate-ammonia ligase 11280
    - glutathione peroxidase 2468
    - plant embryos 5692
    - *Plasmopara halstedii* 2471
    - pollen 8063
    - proteinase inhibitors 3440
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 4576
    - stress 8064
  - *Helianthus tuberosus,* lectins 9925
  - *Hemerocallis*
    - corolla 10369
    - flowers 2634
    - senescence 2634, 10369
  - *Hevea brasiliensis*
    - heat shock proteins 5797
    - proteins 11454
    - rubber 11454
    - tumour proteins 5798
  - homeoboxes 93
  - *Hordeum* 7430
  - *Hordeum spontaneum,* cold resistance 2886
  - *Hordeum vulgare*
    - abscisic acid 9559, 11945
    - betaine-aldehyde dehydrogenase 8604
    - cell division 95
    - chloroplasts 5071
    - cold 9571
    - cold resistance 2886, 7447, 9570
    - cysteine proteinases 11945
    - dehydrins 9570
    - development 95, 1991
    - α-dextrin endo-1,6-α-glucosidase 6165
    - DNA binding proteins 156-157, 7431
    - drought resistance 9570
    - endosperm 7431
    - *Erysiphe graminis* 1046, 3939, 10676, 11961
    - extensin 1991
    - germination 5063
    - gibberellins 2875, 6171, 11945
    - glucan branching enzyme 1034
    - glucanases 6161
    - glucose-1-phosphate adenylyltransferase 7426
    - gynoecium 3918
    - homeoboxes 93
    - hordein 9547
    - isoamylase 10662
    - jasmonic acid 2874, 5063
    - light 2879, 5071, 10663
    - lipid transfer proteins 3918
    - lipoxygenase 9552
    - nicotianamine synthase 9556
    - oligo-1,6-glucosidase 10659
- **Gene expression** *cont.*
  - *Hordeum vulgare cont.*
    - oxalate oxidase 1046
    - peroxidases 9555
    - photosynthesis 8603, 9546, 10663, 11943
    - plant embryos 160, 9559
    - potassium 955
    - promoters 5071
    - protein kinase 5068
    - proteinases 3919
    - proteins 9571
    - *Pyrenophora graminea* 2001
    - ribonucleases 6171
    - salinity 8604, 8616
    - seeds 160, 162, 1991, 5068
    - transcription factors 156
  - *Hydrangea macrophylla*
    - *p*-coumaroyltriacetic acid synthase 12904
    - naringenin-chalcone synthase 12904
  - *Hyoscyamus niger,* roots 11584
  - injuries 4845
  - *Ipomoea batatas*
    - circadian rhythm 12486
    - galactonolactone dehydrogenase 8848
    - starch synthase 12486
  - isoprenoids 10490
  - *Lactuca sativa*
    - gibberellins 4341
    - growth regulators 4341
  - light 9268
  - *Lilium longiflorum*
    - anthers 10397
    - glycine-rich proteins 10397
    - histones 5877
    - pollen 5876-5877
  - *Linaria vulgaris,* flowers 12916
  - *Linum usitatissimum* (flax), hydroperoxide dehydratase 3553
  - *Liquidambar styraciflua,* flowers 10306
  - *Liriodendron tulipifera*
    - laccase 10304
    - mercury 2583
    - oxidoreductases 10304
  - *Lolium perenne,* caffeate *O*-methyltransferase 4095
  - *Lolium temulentum*
    - β-fructofuranosidase 304
    - gibberellins 6323
    - growth regulators 6323
  - *Lotus corniculatus* 12337
    - glutamate-ammonia ligase 5305
    - proanthocyanidins 7688
    - promoters 5305
  - *Lotus japonicus*
    - binding proteins 10936
    - β-glucuronidase 1841
    - green fluorescent protein 1841
    - nodulation 5270
    - reporter genes 1841
  - *Lupinus albus*
    - acid phosphatase 12322
    - conglutin 5263
  - *Lycopersicon chilense,* chitinase 4356
  - *Lycopersicon esculentum*
    - abscisic acid 4353, 9979, 12537
    - adenosinetriphosphatase 9965
    - alcohol dehydrogenase 11104
    - *Alternaria solani* 12542
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 473, 4348
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 486, 4348
    - anthocyanins 5529
    - binding proteins 6572
    - brassinosteroids 5532
    - chitinase 4356
    - cold 4338
    - cryptochrome 9968
    - cucumber mosaic cucumovirus 5546-5547, 11134, 12548
    - cystatin 1384
    - cytosol aminopeptidase 12534
    - development 4354, 11136
    - drought resistance 12537
    - electrical treatment 7892
    - *Erysiphe polygoni* 11131
    - ethylene 4348, 8883, 11103
    - expansins 474, 4346
    - extensin 11121

Gene expression *cont.*
- *Lycopersicon esculentum cont.*
  - flooding 486
  - flowering 4354
  - β-fructofuranosidase 1377
  - *Fulvia fulva* 1390, 4359, 5542, 12543
  - *Fusarium oxysporum* 493
  - galactosidases 478
  - gibberellic acid 3236
  - gibberellins 4354, 7887
  - glucose-1-phosphate adenylyltransferase 8879
  - glutathione reductase 4357
  - growth regulators 4348, 4353-4354
  - heat shock 4338
  - heat shock proteins 4338, 9980
  - height 5532
  - hexokinase 12532
  - histones 1381, 7887
  - hydroxymethylglutaryl-CoA reductase 4351, 9963
  - injuries 487, 5539
  - insects 11141
  - karyopherin 9981
  - lycopene 5527, 11110
  - *Meloidogyne javanica* 1391
  - Nematoda 11136
  - nitrite reductase 4349
  - ornithine decarboxylase 1382
  - pathogenesis-related proteins 493, 11123, 12542
  - peroxidases 6569, 11141
  - phosphorus 7888
  - photosynthesis 9971, 12532
  - phytochrome 11109
  - phytoene synthase 4351
  - pollen 6559
  - polygalacturonase 5539, 11116
  - potato X potexvirus 3246
  - proline 6559
  - promoters 4345, 9404
  - prosystemin 4345
  - protein kinase 5542
  - proteinase inhibitors 4353, 7892
  - proteinases 5521
  - *Pseudomonas syringae* 489-490, 3246, 4359, 11122-11123
  - pyrroline-5-carboxylate synthetase 1380
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 8527
  - ripening 478, 4348, 4351, 5527, 11103
  - roots 9404, 9979
  - salinity 1380, 6569, 9979
  - senescence 12532
  - serine proteinases 7886
  - source sink relations 9972
  - stearoyl-CoA desaturase 11131
  - stress 3244, 11121, 12534
  - sucrose-phosphate synthase 9971
  - sucrose synthase 9598, 9972
  - tomato yellow leaf curl bigeminivirus 9981
  - transposable elements 12543
  - water balance 1381
  - *Xanthomonas campestris* 4359
  - *Xanthomonas vesicatoria* 8890
- *Lycopersicon peruvianum*
  - adenosinetriphosphatase 5537
  - β-fructofuranosidase 1377
  - ribonucleases 8880, 11102
  - self incompatibility 8880, 11102
  - systemin 5537
- *Malus pumila* 8913
  - adventitious roots 5572
  - *Agrobacterium tumefaciens* 2333
  - alfalfa mosaic alfamovirus 5570
    - plastocyanins 5570
  - anthocyanins 523
  - *Botrytis cinerea* 10017
  - death 3265
  - development 7941, 12621
  - elongation factors 3268
  - flowering 12621
  - fruits 11179
  - growth regulators 1428
  - heat shock proteins 525
  - height 7942
  - homeoboxes 8912

Gene expression *cont.*
- *Malus pumila cont.*
  - human respiratory syncytial virus 5570
    - plastocyanins 5570
  - IBA 1428
  - iditol dehydrogenase 4397
  - injuries 10017
  - oxygenases 5572
  - *Penicillium expansum* 10017
  - pollination 3267
  - polygalacturonase inhibitor 10017
  - proteins 11179
  - roots 1428, 2333
  - rootstocks 7942
- *Manihot esculenta*, mandelonitrile lyase 7824
- mathematics 10497
- *Medicago sativa*
  - amylases 3049
  - caffeate *O*-methyltransferase 3055
  - cell division 4127, 12304
  - cellulase 11802
  - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 5252
  - ferritin 5255
  - glutamate synthase 6353
  - heat shock proteins 10900
  - isoflavone reductase 3055
  - naringenin-chalcone synthase 3055
  - nitrogen fixation 316
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 316
  - *Pratylenchus penetrans* 3055
  - protein kinase 4127
  - pyrroline-5-carboxylate synthetase 2146
  - salinity 2146, 3053, 9753
  - stress 7676
  - superoxide dismutase 6359
- *Medicago truncatula*
  - nodulation 10904
  - nutrients 7678
  - phosphates 7678
  - phosphorus 3792
  - roots 312
  - translocation 3792
- *Medicago varia*, nodulation 10904
- *Mesembryanthemum crystallinum*, phosphoprotein phosphatase 12943
- mitochondria, reviews 7210
- molecular genetics 3715
- *Musa*
  - antifungal proteins 2408
  - ripening 2396
  - sugarcane bacilliform badnavirus 10066
- *Nepenthes alata*
  - nitrogen 5889
  - translocation 5889
- *Nicotiana benthamiana* 1613
  - anthers 3524
  - calmodulin 7109
  - cassava African mosaic bigeminivirus 5775
  - grapevine A trichovirus 11389
  - grapevine B trichovirus 11389
  - immunology 8157
  - naringenin-chalcone synthase 3524
  - pepper mild mottle tobamovirus 12828
  - *Phytophthora nicotianae* 3524
  - proteins 11368
  - *Pseudomonas syringae* 11122
  - sweet potato feathery mottle potyvirus 12825
  - tobacco mosaic tobamovirus 11388
  - tomato spotted wilt tospovirus 8157
  - viruses 1633, 12827
- *Nicotiana glauca*, *Agrobacterium rhizogenes* 10215
- *Nicotiana glutinosa*, pathogenesis-related proteins 10238
- *Nicotiana occidentalis*
  - grapevine A trichovirus 11389
  - grapevine B trichovirus 11389
- *Nicotiana plumbaginifolia*
  - abscisic acid 3531
  - adenosinetriphosphatase 11376
  - aldehyde oxidase 4587
  - calreticulin 2525
  - DNA binding proteins 4575
  - dormancy 10232

Gene expression *cont.*
- *Nicotiana plumbaginifolia cont.*
  - β-fructofuranosidase 430
  - growth regulators 3531
  - sucrose 1F-fructosyltransferase 430
  - zeaxanthin epoxidase 3531, 10232
- *Nicotiana sylvestris*
  - adenosinetriphosphatase 2522
  - binding proteins 9088
  - chitinase 6935
  - chlorophyll 9088
  - cyclins 4579
  - glucanases 6935
  - promoters 4579
  - ribonucleases 6931
  - self incompatibility 6931
- *Nicotiana tabacum* 691, 1611, 2519, 3516, 5750, 9661, 10218, 10220, 11370
  - abscisic acid 700, 4591
  - acetate kinase 1622
  - activase 8138
  - adenosinetriphosphatase 5761
  - adenosylmethionine decarboxylase 3529
  - *Agrobacterium tumefaciens* 2520
  - air pollution 2535
  - alfalfa mosaic alfamovirus 12501
  - alternative oxidase 698, 704, 8133
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 11374
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 9875
  - amyloplasts 6939
  - annexins 4580
  - anthers 10397
  - apoptosis 8156, 11373
  - aquaporin 11378
  - arginine decarboxylase 3529
  - aromatic-L-amino-acid decarboxylase 3528, 4765
  - ascorbate peroxidase 8156
  - auxins 91, 1071, 2529, 12812
  - *Bacillus thuringiensis* 683-684, 705
  - binding proteins 6933, 9085, 12812
  - calmodulin 2523
  - carbohydrates 6937
  - catalase 5476
  - CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase 6092
  - cell division 4578, 5759
  - cellulase 11802
  - chitinase 687, 5772, 8229
  - chloramphenicol *O*-acetyltransferase 1622
  - chloroplasts 12806
  - chorismate pyruvate-lyase 3519
  - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 699
  - cold resistance 12815
  - cucumber mosaic cucumovirus 1626, 11390
  - cyclin-dependent kinase 9101
  - cyclins 3523, 4578
  - cytochromes 8144-8145
  - cytokinins 1623, 6934, 8131
  - development 2084, 10234, 11366
  - DNA 5751
  - DNA binding proteins 2021, 2527, 2537, 3520, 6926, 10240, 10515
  - DNA methylation 4572
  - electron transfer 8141
  - 5-epi-aristolochene synthase 690
  - ethanol 1612
  - ethylene 3520, 4591
  - extensin 5764
  - ferric-chelate reductase 1609
  - ferritin 3533
  - β-fructofuranosidase 12813
  - fungi 5770
  - G proteins 9097
  - geranylgeranyl reductase 11379
  - germin 5025
  - gibberellins 6171, 11365
  - globulins 10209
  - glucanases 2527, 5771
  - glucokinase 9099
  - glucose oxidase 8152
  - glucose-1-phosphate adenylyltransferase 9099
  - glucosidases 11372
  - glucosyltransferases 5763, 5773

Gene expression *cont.*
- *Nicotiana tabacum cont.*
  - β-glucuronidase 5756
  - glutamylcysteine synthetase 12814
  - glutathione 12814
  - glutathione peroxidase 2535
  - glutathione reductase 8136
  - glutelins 9695
  - glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase 8144-8145
  - glycine-rich proteins 10397
  - glycoproteins 3525
  - glyoxalase 5685
  - green fluorescent protein 5966
  - growth regulators 91, 700, 1071, 3520, 4591
  - gynoecium 5670, 11374
  - heat shock proteins 4903
  - *Helicoverpa armigera* 8159-8160, 12816
  - herbicides 3538
  - histones 11363
  - homeoboxes 2517
  - homeotic genes 3515, 11366, 11382
  - (*S*)-2-hydroxy-acid oxidase 2516
  - hydroxymethylglutaryl-CoA reductase 1911
  - 4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase 6004
  - injuries 700, 5773
  - ion channels 4581
  - isocitrate dehydrogenase 2515
  - lectins 348, 10239
  - leucine zipper 3534
  - levansucrase 6937
  - licheninase 8124
  - light 694, 8141, 9089
  - lignin 3530
  - lipoxygenase 12811
  - lysine 12350
  - male sterility 6932, 8133
  - matrix attachment regions 9092
  - methionine adenosyltransferase 3529
  - methyl jasmonate 3529, 4591
  - methyltransferases 892
  - NADPH-cytochrome P450 oxidoreductase 686
  - NAD(P)H dehydrogenase 9102
  - NAD(P)H-plastoquinone-oxidoreductase 9103
  - neomycin phosphotransferase 6927
  - nitric oxide 701
  - nitrite reductase 2524, 8143, 11383
  - nutrients 10233
  - organelles 6933, 9098
  - ornithine decarboxylase 3529
  - oxophytodienoic acid reductase 7222
  - oxygen 5759
  - oxygenases 688
  - ozone 2535
  - pathogenesis-related proteins 701, 704, 1607, 3520, 4593, 8156, 8229, 11391-11392
  - pathogens 10231
  - peroxidases 2260
  - phaseolin 9818, 11364
  - phenolic acids 2530
  - phenylalanine ammonia-lyase 1614, 8206
  - phosphates 10233
  - phosphofructokinase 8142
  - photosynthesis 9091
  - *Phthorimaea operculella* 705
  - phytochrome 3944, 5191
  - *Phytophthora cryptogea* 5770
  - *Phytophthora infestans* 5476
  - pollen 10227
  - pollen germination 696
  - pollution 2887
  - potassium cyanide 704
  - potato X potexvirus 9908
  - promoters 9404
  - proteasomes 4577
  - protein kinase 700, 1071, 2523, 5769, 8129, 10516
  - proteinase inhibitors 3537, 12816
  - proteinases 1622, 8123
  - proteins 12350
  - protoplasts 1623
  - protoporphyrinogen oxidase 3538
  - putrescine *N*-methyltransferase 3529
  - retinoblastoma 9101
  - ribonucleases 6171
  - ribonucleotide reductase 2521
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 693-694, 4576, 8138, 8140, 8527, 9090, 9094
  - RNA 9089, 11726
  - RNA polymerase 1608, 3518, 5755
  - roots 9404
  - rubber elongation factor 11369
  - salicylic acid hydroxylase 704
  - salinity 5685, 7194
  - seeds 348, 10209
  - senescence 5757, 10231, 11382, 11391
  - spectinomycin 12805
  - squalene synthase 1617
  - starch synthase 6939
  - sterols 892
  - streptomycin 12805
  - stress 2887, 3534, 4591, 6933, 6937, 10237
  - strictosidine synthase 3528
  - sugars 9099
  - sulfite reductase 1610
  - syntaxin 4581
  - tagetitoxin 1608
  - *Talaromyces flavus* 8152
  - techniques 11361-11362
  - tobacco etch potyvirus 8154
  - tobacco mosaic tobamovirus 704, 2537, 5773, 8155-8156, 10240, 12820
  - toxins 683-684, 705
  - transcription factors 1612
  - translation initiation factor 696, 10222
  - translocation 1624
  - transposable elements 10219
  - tryptophan synthase 9202
  - tyramine *N*-feruloyltransferase 12799
  - uroporphyrinogen decarboxylase 12820
  - uroporphyrinogen oxidase 12820
  - violaxanthin deepoxidase 2513
  - water balance 11378
- nitrate reductase 875, 4843
- nitrates 3704, 7306
- nitrite reductase 4843
- nitrogen fixation 7212
  - reviews 4
- nutrients 3704
- *Olea europaea*
  - allergens 12751
  - cytochromes 10164
  - stearoyl-CoA desaturase 5705
- oleosins 9274
- *Oryza sativa* 1632, 2083, 8693, 9262, 9660, 12182
  - abscisic acid 4064, 4071, 9676-9677
  - *N*-acetylchitooligosaccharide 7559
  - actin 1167
  - adenylate kinase 1192
  - alanine aminotransferase 4031
  - alcohol dehydrogenase 3016
  - aleurone layer 4032
  - allergens 10812
  - amylases 2988, 7589
  - amylose 1168, 5211, 12186
  - anthers 4029
  - antisense DNA 2977
  - aspartic proteinases 5185
  - betaine 3015
  - binding proteins 1126, 9409
  - cecropin 7623
  - cell division 4035, 4062
  - chitinase 6255, 7559
  - cold resistance 2781, 3015
  - cytoplasmic male sterility 2974
  - development 2105, 9681, 12184
  - dihydrokaempferol 4-reductase 9669
  - DNA methylation 2964
  - elicitors 2962
  - elongation factors 5166
  - enzymes 7594
  - expansins 269
  - fatty acids 3006
  - flooding 1192, 4062
  - flowering 9681

Gene expression *cont.*
- *Oryza sativa cont.*
  - flowers 2977, 12184
  - germination 7589
  - gibberellins 3339, 4064
  - glucanases 2962
  - glutamate synthase (NADH) 7553
  - glutathione reductase 4046
  - glutathione transferase 9718
  - glutelins 9695
  - glycinin 7610
  - growth regulators 4064
  - homeoboxes 10806
  - homeotic genes 2977
  - importins 260, 1129, 8689, 8694
  - inflorescences 4026
  - lectins 3023
  - light 8694
  - lipoxygenase 12248
  - *Magnaporthe grisea* 5221, 5223, 10870, 12248
  - male sterility 4029
  - matrix attachment regions 8692
  - metallothionein 7560
  - *myo*-inositol-1-phosphate synthase 4042
  - nodulins 10808
  - nuclei 260
  - oryzacystatin 1167
  - phenylalanine ammonia-lyase 2962
  - phloem 1167
  - phosphinothricin acetyltransferase 2964
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 2912
  - photosynthesis 271, 7591, 7594
  - phytochrome 5191
  - plant embryos 2988, 4040, 6078
  - pollen 10812
  - proline 2117
  - promoters 1127
  - protein kinase 2105, 2120, 4035, 7555, 9678, 10809
  - proteins 2965, 4063
  - puroindoline-b 9429
  - pyrroline-5-carboxylate synthetase 2117
  - pyruvate decarboxylase 7614
  - pyruvate,orthophosphate dikinase 8695
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 273, 1198, 7591, 12177
  - ribulose-phosphate 3-epimerase 7592
  - rice tungro bacilliform badnavirus 9667
  - rice tungro spherical waikavirus 5225
  - salinity 3015, 4063-4064, 4071, 6078
  - seeds 1127, 2105
  - serine/threonine specific protein phosphatase 4030
  - somatic embryogenesis 279
  - stress 4046, 9677
  - sucrose-phosphate synthase 7593
  - temperature 1168
  - thioredoxin 1167
  - transposable elements 2999
  - tryptophan synthase 2090
  - *Xanthomonas oryzae* 2120, 7623, 9713
- *Panax pseudoginseng*
  - flowers 1774
  - transcription factors 1774
- *Panicum maximum*
  - apomixis 8675
  - embryo sac 8675
- *Papaver somniferum*
  - alkaloids 10426
  - codeinone reductase 10428
  - methionine adenosyltransferase 10425
  - polyamines 10425
  - tyrosine decarboxylase 1770
- *Parasponia andersonii,* haemoglobin 11489
- *Passiflora edulis,* ripening 6759
- pathogenesis-related proteins 9251
- pathogens 7196-7197, 7201
- *Pelargonium*
  - anthocyanins 4684
  - *Botrytis cinerea* 10357
  - colour 4684

Gene expression *cont.*
- *Perilla frutescens*
  - fatty acid desaturases 5723
  - UDP-glucose:anthocyanin 5-*O*-glucosyltransferase 6884
- *Persea americana,* chitinase 4488
- pests, reviews 7
- *Petroselinum crispum*
  - benzothiadiazole 828
  - benzoyltransferases 3598
  - caffeate *O*-methyltransferase 10446
  - caffeoyl-CoA *O*-methyltransferase 10446
  - diseases 828
  - peroxidases 828
  - phenylalanine ammonia-lyase 828
  - phenylpropanoid enzyme 4-coumarate:coenzyme A ligase 8375
  - *trans*-cinnamate 4-monooxygenase 4778
- *Petunia*
  - colour 5864, 7108
  - corolla 11549
  - cytochrome P-450 5864
  - gibberellic acid 11549
  - growth regulators 11549
  - naringenin-chalcone synthase 1747
- *Petunia hybrida* 12929
  - ACC 10379
  - anthocyanins 4744
  - dihydrokaempferol 4-reductase 11568
  - flavonoids 8324
  - naringenin-chalcone synthase 8322
  - pollen 10379
  - protein kinase 10516
- *Phalaenopsis,* ethylene 7121
- *Pharbitis nil,* adenosylmethionine decarboxylase 5856
- *Phaseolus coccineus*
  - α-amanitin 10964
  - plant embryos 10964
  - RNA polymerase 10964
- *Phaseolus lunatus*
  - *Acanthoscelides obtectus* 12390
  - cytokinins 5353
  - lectins 10965
  - zeatin glucosyltransferase 5353
- *Phaseolus vulgaris*
  - actin 5351
  - arcelins 12377
  - asparagine synthase 10962
  - fungi 7747
  - heavy metals 3102
  - lipid transfer proteins 2195
  - nodulation 7747
  - pathogenesis-related proteins 7747
  - phaseolin 9818, 11364
  - protein kinase 7747
  - proteins 8787
  - seeds 5351
  - *trans*-cinnamate 4-monooxygenase 9819
  - zeatin O-β-D-xylosyltransferase 10968
- phenylpropanoids 7309
- *Phleum pratense*
  - allergens 8751
  - pollen 8751
- photosynthesis 3705
  - books 862
  - reviews 11804
- phytochrome 1821
- *Phytolacca americana,* antiviral proteins 1776
- *Picea abies*
  - air pollution 4677
  - ozone 4677
- *Picea glauca,* somatic embryogenesis 8254
- *Pimpinella brachycarpa,* phospholipase D 826
- *Pinus*
  - chitinase 8229
  - pathogenesis-related proteins 8229
- *Pinus caribaea*
  - germins 3571
  - somatic embryogenesis 3571
- *Pinus contorta*
  - glucosidases 10317
  - roots 9404
- *Pinus radiata,* flowering 2598

Gene expression *cont.*
- *Pinus sylvestris*
  - pinosylvin 4671
  - stilbene synthase 4671
- *Pinus taeda*
  - expansins 11495
  - IBA 11495
  - light 5819
  - protochlorophyllide reductase 1689, 5819
- *Pisum sativum*
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 3111
  - binding proteins 9833
  - chlorophyll *a/b* binding protein 2208, 12395
  - development 4218, 7757
  - DNA binding proteins 9829, 10982
  - dormancy 373, 2210
  - endoxyloglucan transferase 10985
  - ethylene 6436
  - G proteins 4217, 12398
  - gibberellic acid 374
  - gibberellins 9837, 10988
  - glutathione reductase 11426
  - growth regulators 10988
  - *Helicoverpa armigera* 12816
  - histones 4217, 8795
  - isoenzymes 10986
  - leaves 8795
  - light 4221, 9835, 10981
  - lipoxygenase 7756, 10986
  - mycorrhizas 12397
  - NADH dehydrogenase 9832
  - nutrients 9847
  - pea seed-borne mosaic potyvirus 10993
  - pectinesterase 10987
  - phosphorus 9847
  - photoperiodism 374
  - photosynthesis 9835
  - phytochrome
    - gene expression 9838
    - guanosinetriphosphatase 9838
  - plant embryos 5285
  - plastocyanins 5570
  - polyubiquitin 8793
  - protein kinase 4221
  - protein-tyrosine phosphatase 5285
  - proteinase inhibitors 12816
  - replicase 10993
  - ribosomes 10980
  - roots 4218, 10987
  - seeds 9833
  - spermidine synthase 7755
  - stress 10980
  - transcription factors 3108
  - tropisms 10985
  - trypsin inhibitors 5382
  - UDPglucose 4-epimerase 2207
- plant composition, reviews 11700
- *Pleurotus eryngii,* peroxidases 7173
- *Pleurotus ostreatus,* hydrophobins 5916, 7172
- pollen germination 8474
- *Polygonum tinctorium,* glucosidases 8358
- polymers 11698
- *Poncirus trifoliata,* photosynthesis 9012
- *Populus*
  - air pollution 6999
  - development 2574
  - injuries 10298
  - ozone 6999
  - phenylalanine ammonia-lyase 8206
  - techniques 12876
  - xylem 2574
- *Populus canadensis,* laccase 10294
- *Populus canescens*
  - caffeate *O*-methyltransferase 4648
  - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 4648
  - glutamate-cysteine ligase 1668
  - glutathione synthase 1668
  - superoxide dismutase 8136
- *Populus nigra,* homeoboxes 10295
- *Populus tremuloides,* superoxide dismutase 11475
- *Populus trichocarpa*
  - abscisic acid 1667
  - growth regulators 1667
- promoters 2732
- protein kinase 3703

Gene expression *cont.*
- *Prunus armeniaca*
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 11190
  - catechol oxidase 6673
- *Prunus domestica*
  - papaya ringspot potyvirus 12647-12648
  - plum pox potyvirus 12643, 12646-12648
- *Prunus persica*
  - chlorophyll *a/b* binding protein 4434-4435
  - development 4440
  - leaves 4440
  - metallothionein 12659
  - sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogenase 4440
- *Pseudotsuga menziesii,* seeds 2605
- *Pyrus pyrifolia*
  - ripening 10024
  - self compatibility 11184
  - self incompatibility 11184
  - senescence 10024
- *Quercus suber*
  - heat shock proteins 2573
  - stress 2573
- *Raphanus sativus*
  - aquaporin 425
  - ascorbate peroxidase 7837
  - cytoplasmic male sterility 4506
  - development 7835
  - DNA binding proteins 9920
  - peroxidases 2260
  - temperature 9920
- reviews 2730, 8446, 11693
- *Ribes nigrum*
  - proteins 2362
  - ripening 2362
- *Ricinus communis*
  - nitrogen 1871
  - nutrients 1871
  - permease 12757
- RNA 9268
- roots 8474
- Rosaceae, self incompatibility 7292
- *Rubus idaeus,* ripening 4449
- *Saccharum*
  - glufosinate 9064
  - herbicides 9064
- *Saccharum officinarum* 3487-3488
  - caffeate *O*-methyltransferase 11343
  - cinnamoyl-CoA reductase 11343
  - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 11343
  - sorghum mosaic potyvirus 6904
- salicylic acid, reviews 7
- *Salix gilgiana*
  - DNA replication 11477
  - heat shock proteins 11477
- *Sambucus nigra*
  - abscission 10063
  - ethylene 10063
- *Santalum album,* glycoproteins 837, 3646
- Scrophulariaceae, self incompatibility 7292
- *Secale cereale* 2899
- seeds 4927
- serine/threonine specific protein phosphatase 2729
- *Sesbania rostrata*
  - chalcone reductase 12342
  - nodulation 317
- *Setaria italica*
  - peroxidases 5144
  - salinity 5144
- *Silene latifolia*
  - pollen 1730
  - proline-rich proteins 1730
- *Sinapis alba*
  - protein kinase 8056
  - transcription factors 630
- Solanaceae, self incompatibility 7292
- *Solanum berthaultii,* protein kinase 5459
- *Solanum commersonii,* cyclophilin 2240
- *Solanum dulcamara,* gibberellins 1854
- *Solanum melongena*
  - cysteine proteinases 4369
  - *Leptinotarsa decemlineata* 12561
  - senescence 4369

Gene expression *cont.*
- *Solanum tuberosum*
  - abscisic acid 4286
  - adenosinetriphosphatase 11040
  - adenosylmethionine decarboxylase 12448
  - alcohol dehydrogenase 2234
  - aldehyde-lyases 5467
  - ATP/ADP transporter 7263
  - binding proteins 5460
  - cellulase 11802
  - chitinase 9893
  - chloroplast genetics 12442
  - chloroplasts 12442
  - cystatin 4309
  - development 4251, 8816
  - diabetes 2229
  - drought resistance 2241, 4286, 12454
  - *Epitrix cucumeris* 12473
  - *Erwinia carotovora* 4292-4293, 8837
  - fatty acid desaturases 12447
  - β-fructofuranosidase 5477, 7805, 11026
  - fructose-bisphosphatase 7808, 12446
  - fructose-2,6-bisphosphate 2-phosphatase 7801
  - gibberellins 9900
  - glucanases 5771
  - glucokinase 7805
  - glufosinate 6495
  - green fluorescent protein 12442
  - growth regulators 9900
  - gynoecium 2234
  - hydroxycinnamoyl-CoA:tyramine *N*-(hydroxycinnamoyl) transferase 6473
  - injuries 12447
  - insulin 2229
  - *Leptinotarsa decemlineata* 4309, 12470
  - linolenic acid 12447
  - lipoxygenase 399, 406
  - luciferase 4253
  - malate dehydrogenase 12444
  - metallocarboxypeptidase inhibitor 5458
  - osmotin 11036
  - pectate lyase 4292
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 11028, 12444
  - phosphofructokinase 7801
  - photosynthesis 5467, 11028, 12444
  - *Phthorimaea operculella* 7815
  - phytochrome 8821
  - *Phytophthora infestans* 11039-11040, 12463
  - potato leaf roll luteovirus 412
  - potato X potexvirus 7818, 9908
  - potato Y potyvirus 7815
  - protein kinase 5460
  - proteins 1327
  - pyrophosphatases 5468
  - ribosomal DNA 7798
  - salinity 11036
  - snakin-1 8835
  - starch 4277
  - starch synthase 5474, 11021, 11027
  - sucrose-phosphate synthase 1338, 12454
  - temperature 4253
  - tubers 4277, 8816
  - viruses 412
  - xylose isomerase 2738
- *Sorghum bicolor*
  - chitinase 5135
  - *Cochliobolus heterostrophus* 12157
  - *Colletotrichum sublineolum* 12157
  - cytoplasmic male sterility 7511
  - pathogenesis-related proteins 12157
  - protein kinase 9636
- *Spinacia oleracea* 7857
  - adenosinetriphosphatase 11075
  - binding proteins 2285
  - cold 4338
  - heat shock 4338
  - heat shock proteins 4338
  - isoenzymes 9954
  - NAD(P)H dehydrogenase 9102
  - nitrite reductase 2284
  - phosphoribosyl diphosphate synthase 9954

Gene expression *cont.*
- *Spinacia oleracea cont.*
  - ribulose-phosphate 3-epimerase 1369
- *Sporobolus pyramidalis*
  - desiccation 7672
  - G proteins 7672
- *Sporobolus stapfianus,* desiccation 8753
- stress 4823, 7192
- sucrose-phosphate synthase, reviews 9266
- sulfur 7307
- techniques 4828, 7216, 11710
- tetrapyrroles 7308
- *Thalictrum tuberosum,* methyltransferases 5897
- thionins 9251
- *Torenia fournieri*
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 1733
  - flowers 1733
- transcription factors, reviews 3707
- *Trema tomentosa,* haemoglobin 11489
- *Trifolium pratense*
  - cold resistance 5254
  - ferritin 5258
- *Trifolium repens* 3056
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 8756
  - mycorrhizas 12318
  - peroxidases 12318
  - *Pseudomonas syringae* 12318
- *Tripsacum* 12013
  - apomixis 7476
- *Triticum aestivum* 6091, 6094, 6101, 7317
  - anthocyanins 10611
  - apoptosis 7358
  - binding proteins 7417
  - cadmium 1008, 10632
  - CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase 6092
  - cell division 11847
  - cold resistance 9505, 9513
  - development 9473
  - elongation factors 979
  - *Erysiphe graminis* 8587, 11908
  - ethylene 7358
  - flowering 9473
  - *Fusarium culmorum* 3883
  - germin 5025
  - gibberellins 3842
  - gliadin 9488
  - glucan branching enzyme 9467
  - glutenins 9488
  - glycogen (starch) synthase 11856
  - growth regulators 3842
  - heat shock proteins 5024, 9504, 11881
  - lead 1008
  - light 2826, 9505, 10613
  - male sterility 10608
  - *Monographella nivalis* 11888
  - nucleases 7358
  - nutrients 2857-2858
  - pathogenesis-related proteins 3883, 8587
  - peptidylprolyl isomerase 2828, 9504
  - photoperiodism 6112
  - photosynthesis 9462, 10613
  - phytochelatins 10632
  - phytochrome 6112
  - potassium 955
  - proteinase inhibitors 3894
  - proteinases 3842
  - quality 9487
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 2825
  - RNA polymerase 1062, 9462
  - salinity 7397, 9515
  - secalins 4960
  - seeds 11837, 11881
  - *Sitotroga cerealella* 3894
  - starch synthase 9444
  - superoxide dismutase 10631
  - toxic substances 1008, 10632
  - transcription factors 11836
  - wheat dwarf monogeminivirus 6148, 7417
  - zinc 1008
- *Triticum boeoticum*
  - glutenins 3866
  - quality 3866

Gene expression *cont.*
- *Triticum durum,* glutenins 11878
- *Triticum urartu*
  - DNA methylation 7342
  - ribosomal DNA 7342
- *Tuber borchii,* proteins 9225
- *Umbellularia californica*
  - acyltransferases 11265
  - thioesterase 4867
- *Urochloa panicoides,* phosphoenolpyruvate carboxykinase 12296
- *Vanilla planifolia*
  - caffeate *O*-methyltransferase 4773
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 3640
- vegetables, chitinase 6068
- *Verbena hybrida,* UDP-glucose:anthocyanin 5-*O*-glucosyltransferase 6884
- *Vicia faba*
  - ATP synthase 357
  - chloroplasts 357
  - cytoplasmic male sterility 3093
  - microtubules 2192
  - peptidylprolyl isomerase 9815
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 9816
- *Vicia hirsuta,* nodulins 10911
- *Vicia narbonensis,* proteinase inhibitors 5262
- *Vigna mungo*
  - asparaginyl endopeptidase 4235
  - flavonoids 3136
- *Vigna radiata*
  - aldehyde reductase 2381
  - development 9879
  - ethylene 11013
  - growth regulators 11013
  - seeds 9879
- *Vigna unguiculata*
  - drought resistance 9873
  - phospholipase D 9873
  - ribosomal DNA 2217
- viruses 3700
- vitamin E, reviews 11699
- *Vitis vinifera*
  - arginine decarboxylase 11216
  - glucanases 2378
  - hexoses 12675
  - ripening 12675
- *Volvariella volvacea,* cold 10460
- xyloglucan endotransglycosylase 11691
- *Zea mays* 7317, 7471-7472, 10698, 12013
  - adenosinetriphosphatase 10694
  - alachlor 12148
  - alanine transaminase 2014
  - anthocyanins 203, 1065, 3969, 5092
  - apomixis 7476
  - aprotinin 12094
  - ATP synthase 199
  - auxins 91, 1071
  - catalase 2017, 6212, 10707
  - cell division 95, 12030
  - chloroplasts 199
  - coixins 4083
  - corn stunt spiroplasma 10724
  - cyclins 2036
  - cytochrome-b_5 reductase 5107
  - cytoplasmic male sterility 10700
  - development 95, 2034, 5109, 6210-6211, 9617, 9619, 12081
  - dinitroaniline 10730
  - DNA binding proteins 190, 10693-10694
  - drought resistance 2048
  - endosperm 6206, 8635
  - enzymes 7594
  - *Erwinia carotovora* 12456
  - fertilization 12028, 12030
  - flavonoids 198, 2040, 3963, 8324
  - flooding 220
  - flowering 2034
  - β-fructofuranosidase 3979
  - glucosidases 6208
  - glutathione transferase 10707, 12148
  - glycine-rich proteins 10703
  - growth regulators 91, 1071
  - heat resistance 2048
  - heat shock 12111
  - heat shock proteins 12107

Gene expression *cont.*
  Zea mays cont.
    herbicides 12148
    histone acetyltransferase 11996
    histones 9603
    homeoboxes 93
    homeotic genes 6210-6211
    inflorescences 9617
    iron 12105
    leaves 9611, 12081
    light 2922
    ligules 11994
    lithium 2922
    malonyltransferase 5106
    NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase 188
    naringenin-chalcone synthase 12049
    nitrate reductase 2922, 6214
    nitrogen 7490
    nucleolus 9596
    nutrients 12105
    oxidative stress 10715
    phosphoenolpyruvate carboxykinase 8641
    phosphoenolpyruvate carboxylase 1074, 7490, 9608, 11985
    phosphopyruvate hydratase 2939
    phosphorus 3792
    photosynthesis 7594, 9971
    phytase 5109
    plant embryos 9619
    prolamins 190
    proline-rich proteins 7486
    promoters 9404
    protein kinase 191, 1071, 6206, 9618
    proteinases 3919
    Puccinia sorghi 12126
    pyruvate dehydrogenase 9610
    ribosomal proteins 10695
    ribosome-inactivating protein 5096
    ribosomes 12030
    ribozymes 202
    ribulose-bisphosphate carboxylase 9594, 12050
    RNA polymerase 1062, 3518, 7473, 9595
    roots 220, 9404, 10704
    seeds 6224
    small nuclear RNA 9596
    Spodoptera frugiperda 12134
    starch branching enzyme 8632
    stearic acid 202
    stress 6224
    succinate dehydrogenase 10695
    sucrose-phosphate synthase 9971, 11108, 12449
    sucrose synthase 216, 218, 9598
    sulfate adenylyltransferase 5110
    sulfate permease 5110
    superoxide dismutase 10715
    transcription factors 7473, 12047, 12105
    transketolase 12060
    translation initiation factor 7482
    translocation 3792
    transposable elements 2915, 5098, 7474, 8553, 11995
    tubulin 10730
    vascular system 8641
    zein 213, 1078, 10693
  Zea mays (sweetcorn)
    Helicoverpa zea 12132
    Spodoptera frugiperda 12132
    tubulin 2035
  Zea parviglumis, flavonoids 198
Gene flow 929, 941
  Aegilops cylindrica 6095, 6153
  Beta maritima 3492, 6046, 6906
  Beta vulgaris
    microsatellites 10201
    restriction fragment length polymorphism 10201
  Beta vulgaris (sugarbeet) 2507, 3492, 6046, 6072, 6906, 12777
    genetic transformation 6911
  Brassica 6786
  Brassica campestris 6782, 6839
  Brassica napus (rape) 5667, 6072, 6782-6784, 6786, 6836, 6838-6840, 8035, 8038
    mathematics 6779, 6781
  Brassica oleracea (cabbages) 6046
Gene flow *cont.*
  Castanea sativa 11249
  crops 946, 6047
  Cypripedium kentuckiense 3622
  Cypripedium parviflorum 3622
  Dactylis glomerata 3032
  genetic transformation 5993
  Hemerocallis thunbergii 8334
  Iris fulva 2646
  Iris hexagona 2646
  Linum usitatissimum (linseed), mathematics 6781
  mathematics 3777, 6044, 6046
  Medicago polymorpha 12306
  Medicago sativa 9751, 12307
  Oryza sativa 6264
  Pinus devoniana 7014
  Pinus ponderosa 759, 12887
  Populus, mathematics 6998
  Silene acaulis 11531
  Solanum commersonii, genetic markers 4259
  Solanum tuberosum, genetic markers 4259
  statistics 4915
  Triticum aestivum 6095, 6153
  Zea mays 6072, 7475
Gene location (*see also* Gene mapping; Linkage)
  Arabidopsis thaliana, acid phosphatase 1855
  Brassica napus (rape), self incompatibility 3426
  Dasypyrum villosum, Pseudocercosporella herpotrichoides 310
  Elymus elongatus, salinity 11884
  Hordeum vulgare
    fluorescence 163
    height 9561
    internodes 9561
    phytic acid 11815
    roots 163
    siderophores 5060, 9414
    transposable elements 2873
    Ustilago segetum 7449
  Pisum sativum, chlorophyll 7759
  Secale cereale
    drought resistance 3804
    transposable elements 2873
  triticale
    Puccinia graminis 2903
    siderophores 9414
  Triticum
    Puccinia recondita 2867
    Triticum macha
      Fusarium culmorum 5027
      Gibberella zeae 5027
  Triticum aestivum
    cold resistance 5019, 9505
    drought resistance 3804, 5019
    Erysiphe graminis 8586
    gliadin 4969
    glutenins 4969
    growth period 6111
    hybrid chlorosis 9533
    hybrid necrosis 9533
    inflorescences 126, 4982
    light 9505
    nutrients 5013
    proteins 4979
    Puccinia recondita 5047, 8586
    Puccinia striiformis 11913
    salinity 1975, 11884
    seedlings 4980
    shedding 126
    siderophores 9414
    spikelets 3844
    transposable elements 2873
    zinc 5013
  Triticum dicoccoides, threshing 9465
  Triticum durum
    nitrogen 9474
    nutrients 9474
    threshing 9465
    water balance 9474
  Triticum militinae
    Erysiphe graminis 8586
    Puccinia recondita 8586
  Triticum spelta
    inflorescences 126
Gene location *cont.*
  Triticum spelta cont.
    shedding 126
  Triticum timopheevii
    Erysiphe graminis 8586
    Puccinia recondita 2867, 8586
  Vigna unguiculata, ribosomal DNA 2217
  Zea mays 12010
    abnormal development 12071
    accessory chromosomes 2029
    chlorophyll 12068
    colour 12065
    digestibility 12102
    fertilization 12034
    phytic acid 11815
    plant hairs 12062
    shoots 12071
Gene mapping 4827, 10556, 11706
  Aegilops speltoides
    Puccinia recondita 3880
    Schizaphis graminum 3880
  Aegilops tauschii 1988, 11932
    glucan branching enzyme 3898
  Arabidopsis thaliana 27, 441, 890, 1829, 2443, 4852, 7238, 9270, 10503, 10511, 11724, 11731-11732
    brassinosteroids 8483
    CDP-diacylglycerol-inositol 3-phosphatidyltransferase 11722
    cellulose synthase 9345
    chloroplasts 10524
    cold resistance 4902
    cytidine deaminase 11723
    databases 3728
    drought resistance 4905
    4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase 21
    kaurene oxidase 49
    pectinesterase 8472
    Peronospora parasitica 11780
    protein kinase 8455
    techniques 11736
  Asparagus officinalis 2290
  Avena sativa
    acetyl-CoA carboxylase 8622
    oils 8622
  Beta vulgaris (sugarbeet) 11349
  Brassica 2444
  Brassica alboglabra 3213
  Brassica campestris (turnip rape)
    fatty acids 3433
    oleic acid 3433
  Brassica juncea
    Albugo candida 1555, 1557
    quality 619
    seeds 619
  Brassica napus (rape) 11255
    cytoplasmic male sterility 602
    Leptosphaeria maculans 1556
  Brassica nigra 2443
  Brassica oleracea 441
  Brassica oleracea (cauliflowers), male sterility 445
  Brassica pekinensis
    colour 1368
    Plasmodiophora brassicae 1368, 1914
  Capsicum annuum, pepper mottle potyvirus 2316
  Capsicum chinense, pepper mottle potyvirus 2316
  Cicer arietinum
    Ascochyta rabiei 5428
    Fusarium oxysporum 383
    transposable elements 7767
  Citrus 2415, 6743
  Citrus aurantium 3360
  Citrus latipes 3360
  computer programming 4830
  crops, quality, reviews 3709
  Dasypyrum villosum 1941
  Daucus carota 12475
  diseases, reviews 11675
  Eucalyptus grandis 1662
  Eucalyptus urophylla 1662
  Festuca, stress 2134
  Festuca pratensis 4097
  Fragaria vesca, flowering 2368
  Glycine max 340
    canopy 3078
    height 3078

Gene mapping *cont.*
- *Glycine max cont.*
  - *Heterodera glycines* 2188, 8775
  - male sterility 4179
  - *Phialophora gregata* 4197
- *Gossypium barbadense*
  - development 12836
  - genomes 3541
  - pollen 12836
  - repetitive DNA 3541
- *Gossypium hirsutum* 1635, 11403
  - development 12836
  - plant hairs 6958
  - pollen 12836
  - quality 5785
- *Helianthus annuus* 12737
  - fertility 4523
  - habit 4523
- *Hordeum,* compatibility 158
- *Hordeum spontaneum, Puccinia hordei* 2889
- *Hordeum vulgare* 154, 3911, 8597-8599, 10661
  - barley mild mosaic bymovirus 3940
  - barley yellow mosaic bymovirus 3940
  - chlorophyll 1995
  - dormancy 9563
  - enzymes 1995
  - *Erysiphe graminis* 175-176, 1047, 6080, 6178, 11963
  - ferrochelatase 1995
  - flowering 97
  - gibberellic acid 7428
  - glutathione transferase 960
  - gynoecium 3918
  - haem 1995
  - height 6168, 9411
  - iron 9551
  - lipid transfer proteins 3918
  - lodging 6168
  - *myo*-inositol-1-phosphate synthase 11815
  - nicotianamine synthase 9551
  - pathogens 957
  - photoperiodism 1037
  - *Puccinia graminis* 1030
  - *Puccinia hordei* 6080
  - *Puccinia recondita* 959
  - *Pyrenophora graminea* 6177
  - *Pyrenophora teres* 2888, 11959
  - quality 1030
  - quantitative traits 7429
  - spikelets 8596
  - starch 8613
  - vernalization 9411
  - yield components 11942
  - yields 176, 6168
- *Hyoscyamus niger,* ribosomal RNA 815
- information processing 11708
- *Lactuca sativa, Bremia lactucae* 2288
- *Lens*
  - cold resistance 5407
  - *Fusarium oxysporum* 5407
- *Lens culinaris, Ascochyta fabae* 4224
- *Linum usitatissimum* (flax), *Melampsora lini* 6978
- *Linum usitatissimum* (linseed), *Fusarium oxysporum* 727
- *Lolium,* stress 2134
- *Lolium multiflorum* 1216
- *Lolium perenne* 1216, 4097
- *Lupinus albus* 10917
- *Lycopersicon*
  - fruits 7898
  - quality 7898, 11115
  - yields 11115
- *Lycopersicon esculentum* 1379, 6555, 11099, 12525
  - acid phosphatase 6579
  - *Alternaria alternata* 11130
  - ethylene 8886
  - *Fulvia fulva* 7903, 12541
  - *Fusarium oxysporum* 5544
  - heat resistance 4364
  - *Meloidogyne* 4364, 6579
  - *Pyrenochaeta lycopersici* 1389
  - quality 11115
  - *Ralstonia solanacearum* 1914, 6574
  - ripening 8886
  - salinity 2302, 12535
  - techniques 9966

Gene mapping *cont.*
- *Lycopersicon esculentum cont.*
  - *Verticillium dahliae* 4361
  - viruses 5548
  - yields 11115
- *Lycopersicon pennellii* 12525
  - ethylene 8886
  - fatty acids 12552
  - insects 12552
  - ripening 8886
- *Lycopersicon peruvianum*
  - heat resistance 4364
  - *Meloidogyne* 4364
- *Lycopersicon pimpinellifolium* 6555
  - salinity 2302, 12535
- *Malus pumila* 2334, 6632-6633
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 6635
  - isoenzymes 4398
  - *Podosphaera leucotricha* 6653-6654
  - *Venturia inaequalis* 6654
- mathematics 9
- *Mimulus cardinalis,* flowers 2633
- *Mimulus lewisii,* flowers 2633
- *Musa acuminata,* ribosomal RNA 5629
- *Musa balbisiana,* ribosomal RNA 5629
- *Nicotiana tabacum,* chloroplast genetics 11371
- *Olea europaea,* acyl-acyl-carrier-protein desaturase 11310
- *Oryza*
  - growth period 2989
  - male sterility 2989
- *Oryza australiensis*
  - endonucleases 10818
  - transposable elements 10818
- *Oryza glaberrima*
  - growth period 2989
  - male sterility 2989
- *Oryza rufipogon* 10810
  - domestication 4054
- *Oryza sativa* 252, 2089, 2808, 2963, 5167, 5170, 7564, 8691, 9270, 9662, 9668, 10810
  - adenosinetriphosphatase 7563
  - anther culture 277
  - calmodulin 7563
  - chitinase 2967
  - cold resistance 3018, 12230
  - cytoplasmic male sterility 1142, 5183
  - diseases 2123
  - domestication 4054
  - dormancy 3801
  - endonucleases 10818
  - habit 7581
  - height 2104, 2124, 2984
  - hybridization 4034
  - isoamylase 6271
  - *Magnaporthe grisea* 2123, 3027, 6080, 7625, 8720
  - morphology 7581
  - *Nephotettix cincticeps* 1207, 6301
  - *Nilaparvata lugens* 7631, 8725
  - nutrients 1189, 3012
  - *Orseolia oryzae* 293
  - pathogens 12236
  - phosphorus 1189, 3012
  - photoperiodism 1166, 7625, 8534
  - phytochrome 7556
  - plant composition 9697
  - *Puccinia recondita* 959
  - pyruvate decarboxylase 7614
  - quality 6289
  - quantitative traits 5171, 6289
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 7556
  - rice yellow mottle sobemovirus 2124-2125
  - shedding 2986
  - spikelets 10827
  - tillering 5194
  - transposable elements 9664, 10818
  - vascular system 10827
  - *Xanthomonas oryzae* 2121, 3027, 6080, 7624, 8717, 10867-10868
  - yield components 2984, 7596
- *Paeonia,* ribosomal DNA 10363
- *Papaver somniferum,* ribosomal RNA 815
- *Paris,* ribosomal DNA 12951

Gene mapping *cont.*
- *Petunia hybrida,* self incompatibility 3611
- *Phaseolus vulgaris* 1288
  - *Colletotrichum lindemuthianum* 8792
  - nodulation 10971
  - photosynthesis 7744
  - *Uromyces appendiculatus* 368, 6431
  - *Xanthomonas axonopodis* 1293, 10971
- *Picea abies* 8250
- *Pinus,* isoenzymes 8241
- *Pinus edulis* 1686
- *Pinus lambertiana, Cronartium ribicola* 3579
- *Pinus radiata* 8231
  - quantitative traits 2595-2596
- *Pinus sylvestris* 4668
- *Pinus taeda* 1687, 5813, 10318
  - quantitative traits 7020
- *Pisum,* transposable elements 1296
- *Pisum sativum* 369, 1297-1298
  - nodulation 8797
- *Poa pratensis*
  - apomixis 2136
  - parthenogenesis 2136
- *Poncirus* 6743
- *Poncirus trifoliata* 1522
- *Populus deltoides,* quantitative traits 2575
- *Populus trichocarpa,* quantitative traits 2575
- *Prunus cerasifera, Meloidogyne* 12652
- *Prunus cerasus* 3288
- *Prunus* (cherries), isoenzymes 540
- *Prunus dulcis* 2433, 6762
- *Prunus persica* 1470, 2433
  - quality 4442
  - quantitative traits 4442
  - RNA 6691
- *Pseudotsuga menziesii* 1701
  - repetitive DNA 2606
  - ribosomal DNA 2606
- quantitative traits 78, 80, 1885, 1889, 3769, 3771, 8510, 8512-8513, 10559, 10565, 11707
  - books 4800
  - statistics 10566
- *Quercus robur* 2571
- reviews 2734
- *Rhododendron*
  - chlorosis 9158
  - colour 9158
- *Saccharum* 5728
- *Saccharum officinarum* 8102
- *Saccharum robustum* 8102
- *Secale cereale* 1935, 2897, 5084, 9410
  - aluminium 2010
  - height 9411
  - *Heterodera avenae* 1055
  - quantitative traits 8625
  - vernalization 9411
- *Solanum,* quantitative traits 5462
- *Solanum berthaultii,* glycoalkaloids 405
- *Solanum chacoense,* leptine 4307
- *Solanum phureja* 7799
- *Solanum tuberosum*
  - glycoalkaloids 405
  - kinases 12467
  - potato Y potyvirus 12467
  - quality 1333
  - *Synchytrium endobioticum* 6492
  - tobacco mosaic tobamovirus 6492
  - yields 1333
- *Sorghum* 5728
- *Sorghum bicolor* 3998
  - photoperiodism 10750
  - *Puccinia purpurea* 233
  - quantitative traits 227
- temperate fruits 6623
- *Theobroma cacao* 8118
- *Trifolium,* ribosomal RNA 5257
- *Trifolium repens,* ribosomal RNA 5257
- triticale, quality 6194
- *Triticum,* proteins 7375
- *Triticum aestivum* 114, 969, 1935, 1941, 4959, 4963, 5928, 6152, 7345, 8551-8552, 9410, 9430, 9435, 9437
  - arabinoxylans 1964
  - awns 9524
  - cold resistance 11882

- **Gene mapping** *cont.*
  - *Triticum aestivum cont.*
    - dormancy 3801, 9463
    - *Erysiphe graminis* 8590
    - flowering 97
    - fungi 3885
    - *Gibberella zeae* 9523-9524
    - glutathione transferase 960
    - growth period 6108
    - height 4965, 6108, 9411
    - *Heterodera avenae* 9534
    - *Leptosphaeria nodorum* 4964
    - lodging 8561
    - pathogenesis-related proteins 3879
    - pathogens 957, 5026, 9520-9521
    - protein disulfide isomerase 6086
    - proteins 11868
    - *Puccinia recondita* 1985, 3880, 9530
    - quality 9496
    - quantitative traits 3885, 8571
    - *Schizaphis graminum* 3880
    - sprouting 11834
    - tissue culture 4965
    - vernalization 8534, 9411, 11882
    - vivipary 9463
  - *Triticum dicoccoides, Puccinia striiformis* 8593
  - *Triticum durum* 970, 7345
    - *Puccinia striiformis* 8593
    - quality 995, 5008
    - quantitative traits 5008
  - *Triticum macha*
    - *Fusarium culmorum* 2860
    - *Gibberella zeae* 2860
  - *Triticum monococcum* 7345
    - vernalization 986
  - *Triticum spelta* 8552
    - *Erysiphe graminis* 8590
    - lodging 8561
    - quality 9496
  - *Vicia faba* 5339, 7733
  - *Zea mays* 2016, 2808, 11984, 11993
    - abscisic acid 1070
    - acetyl-CoA carboxylase 12145
    - aluminium 10720
    - amplified fragment length polymorphism 12003
    - development 12048
    - diseases 2050
    - DNA repair 12025
    - drought resistance 12108-12109
    - β-fructofuranosidase 3979
    - haloxyfop 12145
    - herbicides 12145
    - leaves 12057
    - lodging 6273
    - maize streak geminivirus 6227
    - male sterility 12032
    - *myo*-inositol-1-phosphate synthase 11815
    - nitrogen 5126
    - nutrients 5126
    - *Puccinia sorghi* 10723
    - restriction fragment length polymorphism 12003
    - *Rhopalosiphum maidis* 12144
    - roots 6273, 12048
    - sethoxydim 12145
    - *Setosphaeria turcica* 3985, 8663, 8665, 12124
    - *Sphacelotheca reiliana* 12121
    - starch 7498
    - *Ustilago zeae* 2941
  - *Zea mays* (sweetcorn), sugars 11987
  - *Zoysia* 7666
- **Gene tagging**
  - *Arabidopsis thaliana,* nitrate transporters 2759
  - *Nicotiana tabacum*
    - meristems 1616
    - promoters 1616
  - *Oryza sativa*
    - height 5168
    - homeotic genes 5168
- **Genes** (*see* Genetics)
- **Genetic distance**
  - *Allium altaicum*
    - random amplified polymorphic DNA 8863
    - restriction fragment length polymorphism 8863
- **Genetic distance** *cont.*
  - *Allium cepa,* restriction fragment length polymorphism 5489
  - *Allium fistulosum*
    - random amplified polymorphic DNA 8863
    - restriction fragment length polymorphism 8863
  - *Brassica juncea,* random amplified polymorphic DNA 2442
  - *Capsicum annuum* 6589
  - *Cucurbita moschata,* random amplified polymorphic DNA 5565
  - *Eucalyptus globulus,* random amplified polymorphic DNA 6990
  - *Fagus sylvatica,* isoenzymes 4644
  - *Gossypium,* random amplified polymorphic DNA 10244
  - *Gossypium hirsutum* 8165
  - *Humulus lupulus* 8385
  - *Juglans hindsii,* leaves 2435
  - *Juglans regia,* leaves 2435
  - *Lolium rigidum,* isoenzymes 8741
  - *Medicago sativa*
    - proteins 6352
    - seeds 6352
  - nucleotide sequences 10488
  - *Oryza sativa,* isoenzymes 9666
  - *Pinus brutia,* isoenzymes 2601
  - *Pinus pityusa,* isoenzymes 2601
  - *Prunus domestica,* random amplified polymorphic DNA 8954
  - *Prunus salicina,* random amplified polymorphic DNA 8954
  - *Spartina alterniflora,* random amplified polymorphic DNA 10892
  - *Theobroma cacao,* yield components 5747
  - *Vicia,* isoenzymes 3094
  - *Vicia faba,* isoenzymes 3094
  - *Vitis* 5618
  - *Zea mays* 6197
    - proteins 12008
- **Genetic drift**
  - *Beta maritima* 676
  - *Phacelia dubia* 9169
  - *Triticum aestivum,* restriction fragment length polymorphism 4966
- **Genetic engineering** 3669, 4835, 7208, 8445, 8452
  - (*see also* Genetic transformation; Molecular genetics)
  - ADPglucose pyrophosphorylase 9275
  - *Allium cepa*
    - β-fructofuranosidase 430
    - sucrose 1F-fructosyltransferase 430
  - *Allium tuberosum,* alliin lyase 9928
  - aluminium 9252
  - *Antirrhinum majus,* transcription factors 11811
  - *Arabidopsis thaliana* 10513, 10814
    - abscisic acid 46
    - alternative oxidase 8133
    - aluminium 8439, 10553
    - auxins 91
    - calcium 10553
    - citrate synthase 11046
    - dihydrodipicolinate synthase 7227
    - diphosphomevalonate decarboxylase 7232
    - DNA binding proteins 10515
    - enoyl-(acyl-carrier protein) reductase (NADH) 9302
    - ethylene 12917
    - flowering 7999
    - flowers 7220
    - fucosyltransferase 9324
    - gibberellins 10587
    - green fluorescent protein 10553
    - growth regulators 91
    - height 10587
    - hexokinase 12532
    - homeotic genes 7220
    - hydroperoxide lyase 22
    - hydroxymethylglutaryl-CoA reductase 1911
    - 4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase 6004
    - injuries 22
    - isoenzymes 4854
    - isovaleryl-CoA dehydrogenase 9365
  - *Arabidopsis thaliana cont.*
    - methyltransferases 892
    - oxidative stress 10715
    - photoreceptors 1860
    - phytochrome 8460
    - plant embryos 3726
    - polygalacturonase 6010
    - potassium 7245
    - promoters 9404
    - protein kinase 1860, 9306
    - proteinase inhibitors 46
    - protoporphyrinogen oxidase 4874
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 12816
    - RNA polymerase 4857
    - roots 9404
    - senescence 12917
    - serine acetyltransferase 4854
    - *Spodoptera littoralis* 3537
    - sterols 892
    - sulfate adenylyltransferase 4510
    - superoxide dismutase 10715
    - transcription factors 10587, 11811
    - tropisms 1860
  - *Avena sativa,* phytochrome 3944
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 9070
    - drought resistance 10205
    - fructans 10205
  - biosafety 880, 3712
    - books 3661
  - books 859
  - *Brassica campestris,* self incompatibility 3427
  - *Brassica juncea,* glyoxalase 5685
  - *Brassica napus* (rape) 597, 2446
    - fatty acids 10143
    - glufosinate 4521
    - herbicides 4521
  - Brassicaceae, self incompatibility 7292
  - *Canavalia ensiformis,* concanavalin 5454
  - *Catharanthus roseus*
    - aromatic-L-amino-acid decarboxylase 3528, 4765
    - strictosidine synthase 3528, 10424
  - cereals, flavonoids 6075
  - *Chenopodium album,* RNA polymerase 4857
  - chitinase 1811
  - *Coix lacryma-jobi,* coixins 4083
  - *Costus speciosus,* glucosidases 11372
  - *Crambe abyssinica* 2483
  - crops
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 1921
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 1921
    - biosafety 2728, 8444, 10493
      - conferences 12993
    - conferences 10474
    - glyphosate 872
    - insects 2724
    - legislation 7207
    - pests, conferences 12993
    - plant composition, conferences 11651
    - reviews 90
  - *Cucumis sativus,* chitinase 5772
  - *Cucurbita, Fusarium oxysporum* 4376
  - *Cucurbita maxima*
    - gibberellins 9348
    - growth regulators 9348
  - *Cuphea viscosissima,* oils 1582
  - *Daucus carota*
    - antifreeze proteins 413
    - extensin 8124
  - *Dianthus caryophyllus,* benzoyltransferases 3598
  - fatty acids 9279
  - fatty oil plants
    - acyltransferases 1544
    - oils 1544
  - *Flaveria pringlei,* malate dehydrogenase 12444
  - forest trees
    - insects 5801
    - lignin 4631
  - fruit crops, ripening 1919
  - fungi 1811
  - *Galanthus nivalis,* lectins 3023, 3895, 4310, 8107
  - *Glycine max* 3790
    - ferritin 3533, 5296

- *Glycine max cont.*
  - glucan endo-1,3-β-D-glucosidase 6720
  - glycinin 7610, 12183
  - lectins 348
  - lysine 12350
  - nodulation 4177
  - proteinase inhibitors 4201
  - proteins 12350
  - quality 9800
  - techniques 11798, 12343
- *Gossypium*
  - *Bacillus thuringiensis* 3552
  - cadinene synthase 11585
  - insects 3552
- *Gossypium hirsutum* 11403
  - *Heliothis virescens* 4620
  - lipid transfer proteins 10243
  - transcription factors 11811
- heavy metals 9276
- *Helianthus annuus,* ribulose-bisphosphate carboxylase 4576
- *Helianthus tuberosus* 3790
- *Hevea brasiliensis*
  - proteins 10273
  - rubber elongation factor 11369
- *Hordeum vulgare*
  - chitinase 8618
  - glucose-1-phosphate adenylyltransferase 7426
  - levansucrase 6937
  - proteinase inhibitors 3894
  - stress 2887
- *Ipomoea batatas,* glucose-1-phosphate adenylyltransferase 10221
- *Lagenaria siceraria* 6602
- lignin 9278
  - reviews 11709
- *Lilium longiflorum*
  - anthers 10397
  - glycine-rich proteins 10397
- *Lycopersicon esculentum*
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 7851
  - *Fulvia fulva* 4518, 5542
  - promoters 4345, 9404
  - prosystemin 4345
  - protein kinase 5542
  - roots 9404
  - ubiquitin 8878
- *Lycopersicon peruvianum*
  - ribonucleases 8880
  - self incompatibility 8880
- *Malus pumila* 519
- *Medicago sativa,* ferritin 5255
- *Mimosa pudica,* apyrase 10303
- nematoda 1814
- *Nicotiana alata,* proteinase inhibitors 12816
- *Nicotiana benthamiana,* antibodies 3514
- *Nicotiana plumbaginifolia*
  - dormancy 10232
  - glucanases 5771
  - superoxide dismutase 8661
  - zeaxanthin epoxidase 10232
- *Nicotiana tabacum* 11370
  - aluminium 8439
  - catalase 5476
  - fatty acids 3006
  - β-fructofuranosidase inhibitors 12451
  - glutathione transferase 7241
  - insects 11141
  - leucine zipper 3534
  - light 9327
  - nitrite reductase 2524
  - osmotin 10200
  - peroxidases 11141, 12829
  - phytochrome 9327
  - *Phytophthora infestans* 5476
  - promoters 9404
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 12816
  - RNA polymerase 14
  - roots 9404
  - *Spodoptera littoralis* 3537
  - stress 3534
  - ubiquitin 10214
- ornamental plants
  - colour 4685, 12898
    - reviews 3587
  - flavonoids, reviews 3587
  - flowers, reviews 3587
- ornamental plants *cont.*
  - reviews 776
- *Oryza,* nodulins 9701
- *Oryza sativa* 9661, 10814
  - actin 6090
  - alanine aminotransferase 4031
  - allergens 10812
  - chitinase 2870, 5135
  - development 2084
  - gibberellins 3339
  - glutelins 9695
  - homeoboxes 10295
  - homeotic genes 3515
  - morphology 8688
  - phytochrome 5191
  - pollen 10812
- *Papaver somniferum*
  - codeinone reductase 10428
  - tyrosine decarboxylase 11260
- *Parasponia,* haemoglobin 9659
- *Petroselinum crispum*
  - benzoyltransferases 3598
  - phenylpropanoid enzyme 4-coumarate:coenzyme A ligase 8375
- *Petunia hybrida,* calmodulin 7109
- *Phaseolus vulgaris*
  - arcelins 12377
  - binding proteins 1287
  - phaseolin 9818
- phytochrome 1821
- *Phytolacca americana,* antiviral proteins 1776, 3535
- *Picea abies,* homeotic genes 3580
- *Pinus*
  - chitinase 8229
  - pathogenesis-related proteins 8229
- *Pisum sativum*
  - apyrase 9847
  - glutathione reductase 11426
- polymers 9277
- *Populus* 7716
  - lignin 4132
  - phenylalanine ammonia-lyase 8206
- proteins 10495
- *Raphanus sativus,* peroxidases 2260
- reviews 5992
- Rosaceae, self incompatibility 7292
- salinity 3691
- Scrophulariaceae, self incompatibility 7292
- *Sinapis alba,* transcription factors 630
- soil toxicity 9263
- Solanaceae, self incompatibility 7292
- *Solanum nigrum*
  - spectinomycin 12805
  - streptomycin 12805
- *Solanum tuberosum* 1342
  - aldehyde-lyases 5467
  - *Erwinia carotovora* 12456
  - *Leptinotarsa decemlineata* 8836
  - patatin 10200
  - photosynthesis 5467
  - phytochrome 3944
  - potato X potexvirus 9908
  - proteinase inhibitors 8107
  - starch 5473, 8826, 9904
  - starch branching enzyme 5473
  - sugars 8826
  - viruses 8836
- *Sorghum bicolor* 5133-5134, 6258
- *Spinacia oleracea*
  - betaine 2536
  - choline monooxygenase 2536
  - RNA polymerase 14
  - sucrose-phosphate synthase 5506
- stress, reviews 1809, 2720, 4819
- sustainability 3712
- terpenoids, reviews 9280
- *Tripsacum,* genetic resources 9241
- *Triticum aestivum*
  - aluminium 8439
  - binding proteins 7417
  - CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase 6092
  - genetic resources 9241
  - gibberellins 10587
  - height 10587
  - puroindoline-b 9429
  - transcription factors 10587
- *Umbellularia californica,* thioesterase 4867, 6789
- *Urtica dioica,* lectins 10239
- vegetables, ripening 1919
- *Vicia faba,* microtubules 2192
- *Vigna aconitifolia,* pyrroline-5-carboxylate synthetase 2117
- *Vitis vinifera*
  - diseases 10866
  - trihydroxystilbene synthase 10866
- *Zea mays* 3967, 10698
  - *Bacillus thuringiensis*
    - *Ostrinia furnacalis* 1095
    - *Ostrinia nubilalis* 1095
  - enzymes 7594
  - flavonoids 3963, 8324
  - genetic resources 9241
  - gibberellins 10587
  - glutamate-ammonia ligase 2020
  - height 10587
  - homeotic genes 11382
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 2912
  - photosynthesis 7594, 9971
  - proanthocyanidins 7688
  - promoters 9404
  - pyruvate,orthophosphate dikinase 2236
  - ribosome-inactivating protein 5096
  - roots 9404
  - senescence 11382
  - sucrose-phosphate synthase 9971, 11108, 12449
  - sucrose synthase 9598
  - techniques 11798
  - transcription factors 10587, 12047
  - transposable elements 8125, 8553, 11995, 12002
  - zein 213, 1078, 3962

Genetic load
- *Pinus patula* 9145
- *Zea mays* 10688

Genetic markers
- *Acacia* 4657
- *Allium cepa* 7218
  - cytoplasm 9930
  - reviews 12497
- *Arabidopsis thaliana* 888, 7218
  - development 4865
  - haloalkane dehalogenase 9307
  - pollen 4865
- *Arachis hypogaea,* drought resistance 5713
- Arecaceae 10161
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 2492
  - beet necrotic yellow vein furovirus 3495
- *Brassica campestris* (turnips), *Plasmodiophora brassicae* 11074
- *Brassica juncea, Albugo candida* 1555
- *Brassica napus* (rape) 11255
  - fatty acids 8049
  - height 1550
  - linolenic acid 614, 8049
- *Brassica oleracea,* flowering 4334
- *Brassica oleracea* (cabbages), male sterility 7850
- *Brassica pekinensis*
  - heat resistance 451
  - phosphoglucomutase 451
  - *Plasmodiophora brassicae* 11074
- *Calamagrostis porteri* 6335
- *Capsicum annuum* 12565
- *Capsicum chinense* 12565
- *Cenchrus ciliaris,* apomixis 12166
- *Cicer arietinum* 5410, 8801
  - *Ascochyta rabiei* 5426
  - *Fusarium oxysporum* 383
- *Citrus* 2415, 12691
  - citrus tristeza closterovirus 2417
  - reviews 10070
- *Clarkia springvillensis* 4728
- *Cocos nucifera* 10161
- *Cryptomeria japonica* 7037
- *Cupressus sempervirens* 10330
- DNA fingerprinting 11
- edible fungi 11629
- *Faidherbia* 4657
- forest trees 8194
- genetic resources 10575
- genetic transformation 3708

Genetic markers *cont.*
  genetic variance 6043
  Glycine max 4176, 7713, 12344
    Helicoverpa zea 7730
    Phomopsis longicolla 12359
  Gossypium
    cytoplasmic male sterility 6955
    Xanthomonas axonopodis 724
  Gossypium hirsutum 4599
    chlorophyll 714
    colour 714
    drought resistance 723
  Grevillea macleayana, microsatellites 8278
  Helianthus, interspecific hybridization 5690
  Helianthus annuus 11281
  Hordeum 3909
  Hordeum vulgare 5055, 8599, 9548
    barley yellow mosaic bymovirus 11967
    hordein 96
    inflorescences 1992
    proanthocyanidins 169
    quality 5079, 6173
    seeds 162
    yields 5076
  Irvingia gabonensis 3366
  Irvingia wombulu 3366
  Juglans hindsii
    backcrossing 2435
    interspecific hybridization 2435
  Juglans nigra, isoenzymes 10095
  Juglans regia
    backcrossing 2435
    interspecific hybridization 2435
    isoenzymes 10095
  Lactuca sativa, Bremia lactucae 2288
  Laminaria digitata 3651
  lawns and turf, reviews 4722
  Lens culinaris, cold resistance 12408
  Leucaena 4657
  Leymus 9738
  Leymus flavescens 9738
  linkage 8511
  Linum usitatissimum (flax)
    anther culture 3554
    Melampsora lini 12860
  Lolium multiflorum
    Puccinia coronata 4103
    variety classification 7659
  Lolium perenne, variety classification 7659
  Lycopersicon
    fruits 7898
    quality 7898
  Lycopersicon esculentum 11097
    esterases 8884
    isoenzymes 8884
    Ralstonia solanacearum 8891
  Lycopersicon hirsutum, Liriomyza trifolii 11142
  Lycopersicon pimpinellifolium, quality 11117
  Magnolia hypoleuca, microsatellites 8279
  Malus, Venturia inaequalis 7944
  Malus baccata 520
  Malus pumila 520, 6646
  mathematics 4831
  Medicago sativa, reviews 5250
  Musa 4471
  nucleotide sequences 10491
  Oryza sativa
    cold resistance 12230
    diseases 2123
    iron 4060
    Magnaporthe grisea 2123
    male sterility 1152, 7567
    Nilaparvata lugens 3026
    nutrients 4059
    potassium 4059
    regenerative ability 12217
    toxic substances 4060
    Xanthomonas oryzae 10868
    yield components 275
  Pennisetum squamulatum, apomixis 12166
  Persea americana, yield components 5651
  Phaseolus acutifolius, Xanthomonas campestris 366

Genetic markers *cont.*
  Phaseolus coccineus, Xanthomonas campestris 366
  Phaseolus vulgaris
    habit 5362
    Phaeoisariopsis griseola 8791
    Uromyces appendiculatus 5362
    Xanthomonas axonopodis 3103
    Xanthomonas campestris 366
  Picea, population genetics 11491
  Picea abies 764
  Picea glauca 1683
  Pinopsida 1683
  Pinus
    chloroplast genetics 3572
    population genetics 11491
  Pinus elliottii 8226
  Pinus palustris 8226
  Pinus pinaster 4669
  Pinus sylvestris 4669, 7018
  Pinus taeda 1687
  Pisum, transposable elements 1296
  Pisum sativum
    Erysiphe pisi 5393
    habit 1297
    nodulation 8797
    transposable elements 6432
  Pleurotus 11629
  Pleurotus ostreatus, incompatibility 8397
  Populus
    genotype environment interaction 4646
    quantitative traits 4646
  Prosopis, isoenzymes 10302
  Prunus cerasifera, Meloidogyne 8976
  Prunus persica, linkage 1470
  Pyrus communis 529
  quantitative traits 80, 8514, 10562, 11707
  Raphanus sativus, cytoplasmic male sterility 11057
  reviews 11714
  Rubus 10036
  Rubus idaeus 1474
  Saccharum officinarum, Puccinia melanocephala 3490
  Secale cereale 1054, 4940
    isoenzymes 7459
  Secale montanum 1054
    Puccinia 11975
    Tilletia 11975
  selection 77
  Shorea curtisii, microsatellites 4660
  Silene dioica, sex 788
  Solanum 4250
  Solanum bulbocastanum, Meloidogyne 7819
  Solanum chacoense, self incompatibility 401
  Solanum commersonii 8819
    gene flow 4259
    interspecific hybridization 4259
  Solanum tuberosum 1342, 3155, 4249
    gene flow 4259
    interspecific hybridization 4259
    Meloidogyne 7819
    starch 4281
  somaclonal variation 10575
  Sorghum bicolor
    Colletotrichum graminicola 4007
    Setosphaeria turcica 12160
  Stylosanthes
    taxonomy 8763
    variety classification 8763
  Stylosanthes guianensis 6371
  Triticum aestivum 4962, 7345, 9435, 9445
    barley yellow dwarf luteovirus 11924
    Diuraphis noxia 6150
    Erysiphe graminis 5033, 8588, 10643
    Gibberella zeae 11905
    gliadin 96
    glutenins 96, 6150
    pathogens 9520-9521
    Puccinia recondita 148
    Puccinia striiformis 5048
    Pyrenophora tritici-repentis 11895
    quality 136, 6120
    starch 136, 6120
  Triticum dicoccoides, threshing 9465
  Triticum durum 7345
    threshing 9465

Genetic markers *cont.*
  Triticum monococcum 7345
  Tuber borchii 11628
  vegetables 2802
  Vitis 11212
  Vitis vinifera 2373
    seedlessness 1488
    variety classification 3322
  Zea diploperennis 1060
  Zea mays 1060
    abscisic acid 10716
    drought resistance 5127, 10719
    enzymes 10705
    growth regulators 10716
    phosphoglycerate mutase 5127
    proteins 5127, 12008
    Setosphaeria turcica 7503
  Zea mexicana 1060
  Zea perennis 1060
Genetic resources 865, 2707-2708, 2710, 2717-2719, 3678-3679, 4809-4810, 5941, 5943, 7185, 8431-8432, 8436, 9236, 9238-9239, 9244, 9246, 10481-10484, 11667
  (*see also* Gene banks)
  Abies alba 757
  Agaricus bisporus 849
  Agropyron 3038
  Allium cepa 1363
  Allium porrum 6514
  Anacardium occidentale 3400-3401
  Apium graveolens 5507
  Arachis hypogaea 5707, 10173
  Arbutus unedo 87
  Arecaceae 4659, 10301
  Avena 2890
  Avena sativa 2890, 6187
  bamboos 10456
    books 4802, 10478
  Barringtonia, books 12997
  Benincasa hispida 513
  Beta 9067
  books 2702, 3665, 5931, 9232, 11659
  Brassica 437, 586
    databases 587
  Brassica campestris 10116
  Brassica carinata 4515
  Brassica juncea 10124
  Brassica napus (rape) 4515
  Brassica oleracea 443
  Brassica procumbens 3421
  Brassica tournefortii 4515, 10117
  Brassicaceae 436
  Bulbophyllum 5878
  Cajanus cajan 5431
  Calamus, books 10478
  Camellia 5838
  Camellia sinensis 3496
  Canarium, books 12997
  canes and rattans, books 4802
  Capsicum 6585
  Capsicum annuum 4370, 6585
  Carthamus 10156
  Carya illinoinensis 5660
  Ceratonia siliqua 10081
  cereals 2807
  Chenopodium quinoa 9722
  Citrullus lanatus 1407, 9992
  Citrus ichangensis 1508
  Cnidoscolus angustidens 3478
  Cocos nucifera 5698, 5700-5701, 10162, 12745
  Coffea 2509-2510, 8117
    multivariate analysis 11797
  conferences 4794, 12984
  Copernicia 10356
  Cornus mas 8977
  crops 89, 1802, 2711, 3680, 4936, 6059-6060, 7186-7189, 7300-7303, 8428-8429, 11668, 11795
    books 8419
  cryopreservation 9393, 9395
  Cucumis callosus 9992
  Cucumis melo 9992-9993
  Cucumis sativus 9999
  Cucurbita pepo 4379
  Cymbidium 7120
  databases 8433-8435, 11669
  Dendranthema morifolium 3597
  Descurainia sophia 10180
  Dianthus 12919

Digitaria exilis 6334
Dioscorea 1353, 7834, 12490
Diospyros 6754
Diospyros kaki 2430
economics 2709, 3676
  books 3664
  conferences 3664
Elettaria cardamomum 11601
Eleusine coracana 2949
Eriobotrya japonica 8942
Eruca vesicaria 6880
essential oil plants, books 7182
Eucalyptus dolorosa 9126
Eucalyptus phylacis 9126
Fabaceae 1255
Fagopyrum 8727
Fagopyrum tataricum 2949
fatty oil plants 10181
Festuca arundinacea 9737
Ficus carica 6722-6723
fodder legumes 6311, 6313, 7639-7646, 8759
  conferences 7177
fodder plants 6315
forest trees 1658, 10277-10278, 11456
Fragaria 2365, 8989
fruit crops 1418, 7936, 7993
  information processing 3263
genetic markers 10575
genetics 4914
Glycine max 335, 4161, 4164, 7698
Glycine soja 7698
Gossypium 6976
Gossypium hirsutum 11394
  diseases 6970
  pests 6970
grain legumes 5445
Hedysarum coronarium 5271
Helianthus annuus 4522, 8068, 11271
Helianthus argophyllus 8068
Helianthus tuberosus 8068
herbage crops 1213
  conferences 10470
Hevea, multivariate analysis 11797
Hippophae rhamnoides 3349-3350
Hordeum 2872
Hordeum spontaneum 9568
Hordeum vulgare 1045, 2872, 9540, 11938
information processing 8433
insects, books 2701
Ipomoea batatas 3183, 9913, 12482
Juglans regia 6768
legislation 3686-3687, 11672
Lens culinaris 5399, 12405
Lentinula edodes 11632
Leucaena, books 1797
Lolium rigidum 9735
Lonicera 3347
Lotus 9769
Lupinus 3060, 4149, 10915
  reviews 9762
Lupinus albus 6368, 8760, 10913
Lycopersicon 11124
Lycopersicon esculentum 468, 6553
Malus 6621
Malus pumila 5568
Manihot esculenta 3181
mathematics 3674, 3677
Medicago 6345
Medicago sativa 7675, 12303
medicinal plants 10415
Mentha 11606
molecular genetics 3675
Musa 2385, 2387, 10065
Myrtus communis 87
nut crops 1418
Oenanthe javanica 6549
Olea europaea 87, 2472, 9048, 11301, 11303-11305
  books 8420
Opuntia 11247
Origanum vulgare 3644
ornamental plants 774, 5837
Orychophragmus violaceus 2130, 10179
Oryza 1203, 12173
Oryza nivara 12212
Oryza rufipogon 12212
Oryza sativa 2066, 2715, 2958-2959, 4936, 5157, 7316, 7533, 7535-7536, 10592, 10785, 12212
Oryza sativa cont.
  books 5929
  multivariate analysis 11797
  stress 9712
Pachyrhizus 2261
Pachyrhizus ahipa 2262
Pachyrhizus tuberosus 2264
Panicum miliaceum 2949
Phaseolus coccineus 5349
Phaseolus vulgaris 3096, 5349, 6411, 7748
  Phaeoisariopsis griseola 367
Picea abies 757
Pistacia 3397
Pistacia lentiscus 87, 583
Pisum sativum 5365
Prunus 3372, 5568, 6060
  databases 1431
Prunus (almonds) 10089
Prunus armeniaca 535
Prunus avium 1445-1446, 6621
Prunus cerasifera 3282
Prunus cerasus 2351
Prunus domestica 2349, 7964, 8948
Prunus mume 10026
Prunus persica 9048
Prunus (plums) 4415
Pyrus 3271, 5568, 6621
Pyrus communis 8923
Quercus suber 738
random amplified polymorphic DNA 5942
Rhododendron 1711, 8270
Rhododendron uwaense 1710
Rhynchoryza subulata 12173
Ricinodendron heudelotii 12703
root crops, conferences 2696
Rosmarinus officinalis 87
Rubus 3297
Saccharum 6891
Saccharum officinarum 8101
Saccharum spontaneum 10187
Sagittaria trifolia 6511
Santalum album 830
Santalum austrocaledonicum 829
Santalum yasi 829
Sesamum indicum 8089, 10176
Setaria italica 2949
Sideritis 706
small fruits, conferences 3659
Solanum 11038, 11143
Solanum tuberosum 4241-4242, 4246
Solanum (tuberous species) 8810
Sorbocotoneaster pozdnjakovii 8214
Sorghum bicolor 3994, 6232, 8666, 9638
  multivariate analysis 11797
spice plants 12960
Stachys officinalis 9213
Stenocereus stellatus 9016-9017
Stylosanthes seabrana 10939
Taxus baccata 757
temperate fruits 3348, 6622, 7934
Terminalia, books 12997
Theobroma 6918
Theobroma cacao 5746, 9079
tissue culture 9393, 9395
Trifolium 12314
Trifolium pratense 12315
Trifolium subterraneum 9757
Tripsacum, genetic engineering 9241
Triticeae 7315
  conferences 4795
Triticum 2815, 3813, 3816
Triticum aestivum 4949, 7316, 7328, 10592
  genetic engineering 9241
Triticum boeoticum 1020
Triticum dicoccum 7328
Triticum durum 2832, 7328, 9485, 10623
Triticum monococcum 1020
Triticum urartu 1020
Vaccinium uliginosum 10038
Vaccinium vitis-idaea 10038
vegetables 88, 2800, 3673, 5349
Vicia faba 4202, 5335, 6407
Vigna 3135
Vigna angularis 6463
Vigna radiata 6462
Vitis 2370-2371
  databases 557
Vitis vinifera 554, 556, 2370-2371, 4457, 7980
Zea mays 185, 2906, 2908-2909, 4936, 6201
  genetic engineering 9241
  history 2904
Zea mays (sweetcorn) 12072
Genetic transformation 879, 881, 4836, 5986, 8447-8448, 9282, 11692, 11704, 11715
  Actinidia deliciosa 1495
    Botrytis cinerea 6720
    development 2084
    gibberellins 3339
    glucan endo-1,3-β-D-glucosidase 6720
    morphology 8688
  Aesculus glabra 12880
  Ageratum conyzoides, β-glucuronidase 4834
  Agrobacterium rhizogenes 3706
  Agrobacterium tumefaciens, gene expression 1823
  Agrostis stolonifera
    bilanafos 311, 5238
    herbicides 311
    phosphinothricin acetyltransferase 311
  allergens, reviews 10496
  Allium cepa
    alfalfa mosaic alfamovirus 12501
    chitinase 8229
    pathogenesis-related proteins 8229
  Allocasuarina verticillata 8213
    haemoglobin 11489
    nodulation 11489
  antibodies 3697
  antifungal proteins 3699
  Arabidopsis thaliana 2753, 5173, 7234, 9293, 10512, 11756
    Agrobacterium tumefaciens 37, 893, 2743, 11751
    albumins 9287
    Alternaria brassicicola 2784
    alternative splicing 7225
    anthers 9288
    antibodies 4847
    antifreeze proteins 11049
    arabinose kinase 7233
    arcelins 12377
    Bacillus thuringiensis 683
    betaine 1872
    Botrytis cinerea 2784
    calcium 10552
    CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase 6092
    chloroplasts 924
    choline oxidase 8500, 9361
    cold resistance 8500, 10552
    Cre recombinase 17
    cyclophilin 10505
    cytochrome P-450 11721, 11757
    cytokinins 9328
    cytosine deaminase 3731
    defensins 2784
    development 894, 6011, 11757
    diphtheria 44
    DNA binding proteins 8459, 9296, 10521
    fatty acids 921
    ferric-chelate reductase 6038
    flowers 40-41, 44
    gastroenteritis coronavirus 2749
    genetics 2754
    gibberellins 1854, 2773, 4887, 9348
    β-glucuronidase 899, 1841
    glutamate-cysteine ligase 885
    glutathione transferase 7241
    glycoproteins 33
    glycosyltransferases 33
    green fluorescent protein 25, 1841, 5966, 9294, 10552
    growth regulators 2773, 4887, 9348
    haloalkane dehalogenase 9307
    heat resistance 1872, 8502
    heat shock proteins 8502, 9328
    height 4586
    homeoboxes 9328
    homeotic genes 40-41, 3580
    4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase 21
    hydroxypyruvate reductase 4383
    hygromycin-B kinase 3731

- **Genetic transformation** *cont.*
  - *Arabidopsis thaliana cont.*
    - indoleacetamide hydrolase 9338
    - kinase-associated protein phosphatase 19
    - light 6011, 8479, 9327, 9361, 10981
    - meiosis 901
    - metallothionein 1874
    - methionine adenosyltransferase 10425
    - methyl jasmonate 2784
    - microtubules 9314
    - naringenin-chalcone synthase 3731
    - nitrilase 1858
    - nitrite reductase 2524, 8143
    - nitrogen 1871
    - nodulation 4177
    - nutrients 1871
    - oryzacystatin 11781
    - oxygenases 921
    - peroxidases 6034
    - peroxiredoxin 8489
    - phosphatidylcholine desaturase 921
    - phosphoproteins 7225
    - photosynthesis 4894, 8479, 8484, 9361
    - phytochrome 5191, 9327
    - plant embryos 894
    - plant hairs 11811
    - pollen 900
    - polyamines 10425
    - polyhydroxyalkanoates 896
    - proline dehydrogenase 3757
    - protein kinase 6020, 9289
    - proteinase inhibitors 3537
    - proteins 924, 6034
    - protoplasts 25
    - pyrroline-5-carboxylate synthetase 9317
    - radionuclides 899
    - reporter genes 1841
    - RNA 11726
    - RNA polymerase 14, 4857
    - roots 9404
    - salicylic acid 2784
    - salinity 7194, 8500, 11773
    - senescence 1874
    - sterol-C5(6)-desaturase 7230
    - stress 4897
    - sucrose-phosphate synthase 42, 7258
    - sulfite reductase 7224
    - techniques 887, 9297
    - temperature 40-41
    - thioesterase 4867
    - thionins 4849
    - tocopherols 1870, 9366
    - toxic substances 44
    - toxins 683
    - transcription factors 11811
    - transposable elements 905
    - ultrastructure 9314
    - waxes 902
    - *Xanthomonas campestris* 2782
    - zein 1078
  - *Arachis hypogaea* 4540, 10168, 12752
  - *Armoracia rusticana,* phytochrome 8460
  - *Artemisia annua*
    - *Agrobacterium rhizogenes* 3633
    - *Agrobacterium tumefaciens* 3635
    - cadinene synthase 11585
  - *Asparagus officinalis* 7864-7865
  - *Astragalus sinicus, Agrobacterium rhizogenes* 1250
  - *Atropa belladonna,* putrescine *N*-methyltransferase 10420
  - *Avena sativa* 3945
    - DNA 1049
  - *Bambusa beecheyana,* techniques 5752
  - *Beta maritima* 12778
    - beet necrotic yellow vein furovirus 3492
    - phosphinothricin acetyltransferase 3492
  - *Beta vulgaris*
    - beet necrotic yellow vein furovirus 3492
    - phosphinothricin acetyltransferase 3492
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 2490, 2493-2494, 6906, 8109
    - adenosinetriphosphatase 5740
    - *Agrobacterium rhizogenes* 5739

- **Genetic transformation** *cont.*
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) *cont.*
    - *Agrobacterium tumefaciens* 5739
    - beet necrotic yellow vein furovirus 2501, 6911
    - cytokinins 10200
    - development 5740
    - gene flow 6911
    - glufosinate 2505, 10107, 12777
    - glyphosate 2506, 5741, 9076
    - herbicides 5741, 6072, 9076, 10107, 10206, 12777
    - *Heterodera schachtii* 5739
    - mannose 10202
    - pathogenesis-related proteins 10200
    - salinity 5740
    - sucrose 2495
  - *Betula pendula* 8196
  - bioremediation 9264
  - biosafety 4837, 5990, 5993-5994, 9260
  - books 11660
  - *Brassica* 593
    - biosafety 6780
  - *Brassica alboglabra*
    - glycoproteins 5501
    - pollen 5501
    - self incompatibility 5501
  - *Brassica campestris* 2459
  - *Brassica campestris* (turnip rape) 9031
  - *Brassica chinensis*
    - glufosinate 3225
    - herbicides 3225
  - *Brassica* (Chinese cabbages)
    - glufosinate 7854
    - herbicides 7854
  - *Brassica juncea* 12713
    - cadmium 4517
    - glutathione synthase 4517
    - sulfate adenylyltransferase 4510
    - toxic substances 4517
  - *Brassica napus* (rape) 2459, 4513, 4930, 6782, 8035, 9029, 10105
    - acyl-acyl carrier protein thioesterase 10123
    - *Apis mellifera* 8055
    - chlorophyll *a/b* binding protein 609
    - digestibility 622
    - fatty acids 616, 9038
    - *Fulvia fulva* 4518
    - glufosinate 627-628, 3721, 5667, 6784, 6839-6840, 10107
    - glutamate-ammonia ligase 9030
    - glyphosate 5667
    - herbicides 628-629, 5667, 6072, 6784, 6835-6837, 6839-6840, 9042, 10107
    - insects 4519, 6833, 8055
    - mathematics 6779
    - phosphinothricin acetyltransferase 627
    - phosphoenolpyruvate carboxylase 10106
    - *Plutella xylostella* 11268
    - pollen 6789
    - polygalacturonase 6010
    - proteinase inhibitors 8055
    - proteins 621
    - seeds 609
    - self incompatibility 3427
    - thioesterase 616, 6789
    - tyrosine decarboxylase 11260
  - *Brassica oleracea* (broccoli) 5500
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 7851, 9940
    - pathogenesis-related proteins 9952
    - *Plutella xylostella* 5505, 12516
    - toxins 12516
    - *Trichoderma harzianum* 9952
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers), *Agrobacterium tumefaciens* 3214
  - *Brassica pekinensis* 442
  - Brassicaceae 591
  - *Camellia japonica, Agrobacterium tumefaciens* 5842
  - *Camellia sinensis* 1601, 9077
  - *Capsicum annuum* 6587
    - reviews 12563
  - *Capsicum chinense,* pepper mild mottle tobamovirus 4375
  - *Carica papaya,* papaya ringspot potyvirus 4487, 12700
  - carotenoids, reviews 11699

- **Genetic transformation** *cont.*
  - *Casuarina glauca* 8213
    - haemoglobin 11489
    - nodulation 11489
  - *Catharanthus roseus* 4768
    - strictosidine synthase 1768
    - tryptophan decarboxylase 1768
  - cereals 4939
    - diseases 10598
  - chloroplast genetics 11713
  - chloroplasts 11713
  - *Cicer arietinum* 5283
  - *Cichorium endivia,* flowering 1372
  - *Citrullus lanatus*
    - fruits 6602
    - *Fusarium oxysporum* 4376
  - *Citrus* 3359, 5638, 8005, 12688
    - β-glucuronidase 6742
  - *Citrus maxima*
    - *Antheraea proylei* 12695
    - proteins 12695
  - *Citrus sinensis* 3359, 5639, 8004
  - *Coffea canephora* 12788
  - conifers, reviews 10314
  - *Crambe abyssinica* 2483
  - crops 877, 1822, 1913, 2733, 3711, 3713, 3722, 6047, 6065, 7305, 11701
    - acyltransferases 1544
    - *Agrobacterium* 9261
    - *Agrobacterium tumefaciens* 878
    - cold resistance 1544
    - conferences 2698
    - glufosinate 5958
    - glyphosate 5958
    - green fluorescent protein 5966
    - herbicides 5958, 11799
    - insects 7204, 11799
    - Nematoda 8441
    - quality 10588
    - viruses 2723, 7203
  - *Cucumis melo*
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase 8898
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 3256
    - cucumber mosaic cucumovirus 6599
    - drought resistance 4820
    - salinity 4820
    - volatile compounds 8898
  - *Cucumis sativus, Agrobacterium rhizogenes* 7929
  - *Cucurbita,* viruses 7928
  - *Cucurbita pepo*
    - cucumber mosaic cucumovirus 6599
    - watermelon mosaic 2 potyvirus 1412
    - zucchini yellow mosaic potyvirus 1412
  - *Cupressus sempervirens* 8264
  - *Cydonia oblonga* 4405
  - *Datura fastuosa* 7135
  - *Daucus carota*
    - citrate synthase 11046
    - flowering 1372
    - β-fructofuranosidase 5478
    - phosphates 11046
    - techniques 11048
  - *Dendranthema morifolium* 1726, 2620-2621, 2624, 10361
  - *Dendranthema zawadskii* 2621
  - *Dianthus caryophyllus* 10362, 12911
    - ethylene 12917
    - senescence 12917
  - *Dianthus chinensis* 10362
  - *Digitaria sanguinalis,* maize streak geminivirus 1230
  - *Dioscorea alata* 422
  - *Dioscorea bulbifera* 422
  - *Dioscorea cayenensis* 422
  - *Dioscorea rotundata* 422
  - diseases 3696, 7198, 9255
    - reviews 9254, 11678
  - *Elaeis guineensis* 6865
  - endotoxins 2726
  - *Eustoma grandiflorum*
    - anthocyanins 4684
    - colour 4684
  - *Festuca arundinacea* 3036
  - forest trees 1659, 8194
  - *Forsythia intermedia,* dihydrokaempferol 4-reductase 3588

- **Genetic transformation** *cont.*
  - *Fragaria* 2366
  - *Fragaria ananassa* 6634
    - *Otiorhynchus sulcatus*, reviews 11208
  - fructans, reviews 11696
  - fruit crops, reviews 8904
  - fungi, reviews 11679
  - gene flow 5993
  - genetic markers 3708
  - *Gerbera hybrida*, 2-pyrone synthase 1735
  - *Gladiolus*
    - elongation factors 10387
    - mannopine synthase 10387
  - glufosinate 1815
  - *Glycine max* 2168, 6392, 7709, 7716
    - *Bacillus thuringiensis* 2169
    - endoglucanase 12461
    - glutamate-ammonia ligase 5305
    - glycinin 9798
    - glyphosate 1281, 3075, 10953, 12343
    - herbicides 1281, 3075, 10953, 12343
    - light 694
    - nodulins 9701
    - palmitic acid 10954
    - phospholipids 10953
    - *Phytophthora infestans* 12461
    - promoters 5305
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 694
    - stearic acid 10954
  - glycoproteins 4829
  - *Gossypium* 11413
    - 2,4-D 2558
    - glyphosate 11398, 11427, 11443-11444
    - growth regulators 2558
    - *Helicoverpa* 2556-2557
    - *Helicoverpa armigera* 9119, 10267, 12849, 12853
    - *Helicoverpa zea* 12856
    - herbicides 2558, 11398, 11427, 11443-11444
    - *in vitro* selection 6952
    - insects 11398, 11427, 11433, 11443
    - nitrogen 12856
    - nutrients 12856
    - techniques 4601, 11407
  - *Gossypium hirsutum* 4603, 8164
    - acetoacetyl-CoA reductase 10262
    - *Agrobacterium tumefaciens* 711, 11406
    - *Bacillus thuringiensis* 715-716, 1648, 6975, 8185
    - bromoxynil 11442
    - 2,4-D 10269
    - development 716
    - β-glucuronidase 11405
    - glutathione reductase 11426
    - glyphosate 11400, 11442, 11445-11446
    - *Helicoverpa armigera* 2555, 8184, 12857
    - *Helicoverpa zea* 2553-2554, 8183, 11435
    - *Heliothis virescens* 2553, 6974, 11435, 11440
    - herbicides 10269, 11400, 11442, 11445-11446, 12858
    - insects 2552, 11400, 11414, 11429, 11434, 11436, 11441
    - kanamycin 10269
    - lectins 6974
    - *Pectinophora gossypiella* 12852
    - polyhydroxyalkanoate synthase 10262
    - quality 10262
    - salinity 11426
    - *Spodoptera exigua* 4619
    - *Spodoptera frugiperda* 4619
    - trypsin inhibitors 8184
    - weeds 12858
  - grain legumes, albumins 2160
  - *Helianthus annuus* 8059
    - *Plasmopara halstedii* 3790
    - techniques 5689, 11274
  - herbicides 1815, 3694, 9258
  - *Hordeum* 7430
  - *Hordeum chilense* 2810
  - *Hordeum vulgare* 155, 9545
    - barley mild mosaic bymovirus 9419
    - barley yellow mosaic bymovirus 9419
    - DNA binding proteins 156

- **Genetic transformation** *cont.*
  - *Hordeum vulgare cont.*
    - *Erysiphe graminis* 3939, 11961
    - glucanases 6161
    - hordein 9547
    - photosynthesis 8603
    - protein kinase 5068
    - seeds 5068
    - transcription factors 156
  - *Humulus lupulus* 9217
  - hybrid seed production 9271
  - *Hyoscyamus muticus*
    - hyoscyamine (6*S*)-dioxygenase 11593
    - scopolamine 11593
  - *Hyoscyamus niger*, roots 11584
  - insects 2726, 3694, 3698, 5955, 8442
  - *Ipomoea batatas* 9915
    - *Cylas formicarius* 3184
    - sweet potato feathery mottle potyvirus 1351
  - isoprenoids 10490
  - *Lactuca sativa* 8868, 12519
    - bilanafos 11077
    - *Bremia lactucae* 5508
    - cytokinins 8869
    - glyphosate 7858
    - herbicides 7858, 11077
    - isopentenyltransferase 12520
    - nitrate reductase 12521
  - *Lavandula intermedia* 11614
  - lectins 3698
  - legislation 9245
  - *Lens culinaris* 5283
  - *Lentinula edodes* 5917
  - *Lilium orier*, techniques 5752
  - *Limonium* 9181
  - *Linum usitatissimum* (flax) 5791
    - *Melampsora lini* 6979
  - *Liquidambar styraciflua* 12879
    - insects 12829
    - peroxidases 12829
  - *Liriodendron tulipifera*, mercury 2583
  - *Lithospermum erythrorhizon*, chorismate pyruvate-lyase 8266
  - *Lobelia erinus* 8305
  - *Lolium* 8740
  - *Lolium perenne*, protoplasts 2138
  - *Lotus corniculatus* 12337
    - glutamate-ammonia ligase 5305
    - proanthocyanidins 7688
    - promoters 5305
    - zein 3962
  - *Lotus japonicus*
    - β-glucuronidase 1841
    - green fluorescent protein 1841
    - reporter genes 1841
  - *Lupinus* 5283
  - *Lupinus albus* 5265
  - *Lupinus angustifolius*, reviews 4151
  - *Lycopersicon esculentum* 2296, 4930, 9964, 11098
    - abscisic acid 46
    - acetyl-CoA carboxylase 4344
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 473
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 478
    - cryptochrome 9968
    - cucumber mosaic cucumovirus 495, 2307, 4363, 5546-5547, 11134, 12548
    - cytosine deaminase 5523
    - *Erysiphe polygoni* 11131
    - ethylene 4347
    - ethylene-forming enzyme 11095
    - *Fulvia fulva* 4359
    - *Fusarium oxysporum* 493
    - gibberellic acid 3236
    - glutathione reductase 4357
    - growth regulators 4347
    - hexokinase 12532
    - insects 11141, 12829
    - pathogenesis-related proteins 493
    - peroxidases 11141, 12829
    - photosynthesis 9971
    - phytochrome 11109
    - polygalacturonase 11116
    - proteinase inhibitors 46
    - proteinases 5521
    - *Pseudomonas syringae* 4359, 11122
    - ripening 478, 4347, 9962

- **Genetic transformation** *cont.*
  - *Lycopersicon esculentum cont.*
    - roots 9404
    - stearoyl-CoA desaturase 11131
    - sucrose-phosphate synthase 9971, 11108
    - sucrose synthase 9598
    - systemin 1384
    - tobacco mosaic tobamovirus 495-496, 12545
    - *Xanthomonas campestris* 4359
  - *Lycopersicon pennellii* 7883
  - *Lycopersicon peruvianum*
    - ribonucleases 11102
    - self incompatibility 11102
  - *Malus pumila* 4393, 6634, 8913, 11176
    - *Adoxophyes orana* 5577
    - *Agrobacterium tumefaciens* 2333, 3266
    - alfalfa mosaic alfamovirus 5570
      - plastocyanins 5570
    - *Erwinia amylovora* 6650
    - growth regulators 4395
    - height 7942
    - human respiratory syncytial virus 5570
      - plastocyanins 5570
    - proteins 6650
    - rooting capacity 7938
    - roots 2333
    - rootstocks 7942
    - techniques 4392
  - *Medicago sativa*
    - *Alternaria alternata* 5255
    - antibodies 9748
    - *Botrytis cinerea* 5255
    - cellulase 11802
    - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 5252
    - glutamate synthase 6353
    - iron 5255
    - lignin 4132
    - nitrogen fixation 316
    - oxidative stress 5255
    - phosphoenolpyruvate carboxylase 316
    - salinity 9753
    - superoxide dismutase 6359
    - tobacco necrosis necrovirus 5255
  - *Medicago varia*, nodulation 10904
  - mercury 1808
  - *Musa* 2386, 2392
    - *Agrobacterium tumefaciens* 2394
    - antifungal proteins 2408
    - flowering 7999
    - sugarcane bacilliform badnavirus 10066
  - Nematoda 3697-3698, 3701, 11683
    - proteinase inhibitors 11682
  - *Nicotiana alata*, allergens 10812
  - *Nicotiana benthamiana* 1613
    - abscisic acid 913
    - anthers 3524
    - antibodies 3514, 12798
    - beet necrotic yellow vein furovirus 6944
    - calmodulin 7109
    - cassava African mosaic bigeminivirus 5775
    - grapevine A trichovirus 11389
    - grapevine B trichovirus 11389
    - growth regulators 913
    - immunology 8157
    - naringenin-chalcone synthase 3524
    - peanut clump furovirus 6944
    - pepper mild mottle tobamovirus 12828
    - *Phytophthora nicotianae* 3524
    - plum pox potyvirus 12821, 12823
    - potato X potexvirus 11388
    - *Pseudomonas syringae* 11122
    - sweet potato feathery mottle potyvirus 12825
    - techniques 5752
    - tomato spotted wilt tospovirus 8157
  - *Nicotiana occidentalis*
    - grapevine A trichovirus 11389
    - grapevine B trichovirus 11389
  - *Nicotiana plumbaginifolia*
    - β-fructofuranosidase 430
    - sucrose 1F-fructosyltransferase 430
  - *Nicotiana sylvestris*
    - chitinase 6935

- **Genetic transformation** *cont.*
  - *Nicotiana sylvestris cont.*
    - cyclins 4579
    - glucanases 6935
    - phytochrome 2526
    - promoters 4579
  - *Nicotiana tabacum* 691, 2519, 2751, 5750, 6922, 8122, 8127, 9286, 9661, 10218, 10220, 10226, 12807
    - acetate kinase 1622
    - activase 8138
    - adenosinetriphosphatase 6932
    - *Agrobacterium rhizogenes* 2532, 10216
    - *Agrobacterium tumefaciens* 2520, 3517
    - albumins 4081
    - alfalfa mosaic alfamovirus 4595, 12501
    - allene oxide synthase 10527
    - allergens 10812
    - alternative oxidase 698, 8133, 11375
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 11374
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 9875
    - anthers 10397
    - antibodies 3522, 11387, 12826
    - antifreeze proteins 413
    - antigens 12801
    - apoptosis 11373
    - aromatic-L-amino-acid decarboxylase 3528, 4765
    - *Atropa belladonna* 8137
    - auxins 1071
    - *Bacillus thuringiensis* 683-684, 705
    - betaine 2536
    - binding proteins 1287, 6933, 9085
    - bioremediation 8134
    - caffeate *O*-methyltransferase 10446
    - caffeoyl-CoA *O*-methyltransferase 10446
    - calcineurin 6940
    - CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase 6092
    - cellulase 11802
    - chitinase 5772, 8229
    - chloramphenicol *O*-acetyltransferase 1622
    - chloroplast genetics 11720
    - chloroplasts 11720, 12806
    - choline monooxygenase 2536
    - chorismate pyruvate-lyase 3519
    - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 699, 8135
    - cold resistance 12815
    - cucumber mosaic cucumovirus 1626, 11390
    - cytochromes 8144-8145, 10223
    - cytokinins 6934, 8131
    - development 2084, 11366
    - dihydrodipicolinate synthase 7227
    - DNA 5751, 8137
    - DNA binding proteins 6926, 10515
    - DNA repair 692
    - drought resistance 4820
    - electron transfer 8141
    - enoyl-(acyl-carrier protein) reductase (NADH) 9302
    - 5-epi-aristolochene synthase 690
    - ethanol 1612
    - extensin 5764
    - ferric-chelate reductase 1609
    - ferritin 3533
    - β-fructofuranosidase 12813
    - *Fulvia fulva* 1390, 4592, 5542
    - fungi 2243
    - G proteins 9097
    - geranylgeranyl reductase 11379
    - germin 5025
    - gibberellins 4585, 11365
    - globulins 10209
    - glucanases 5771
    - glucokinase 9099
    - glucose oxidase 8152
    - glucose-1-phosphate adenylyltransferase 9099, 10221
    - glucosidases 11372
    - β-glucuronidase 5756
    - glutamate-cysteine ligase 9105
    - glutamylcysteine synthetase 12814
- **Genetic transformation** *cont.*
  - *Nicotiana tabacum cont.*
    - glutathione 12814
    - glutathione reductase 8136
    - glutathione synthase 9105
    - glutelins 9695
    - glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase 8144-8145
    - glycine-rich proteins 10397
    - glycoproteins 12801
    - glyoxalase 5685
    - green fluorescent protein 5966, 12804
    - growth regulators 1071, 1627, 4585, 5765
    - gynoecium 5670, 11374
    - heat shock proteins 4903
    - height 4586
    - *Helicoverpa armigera* 3536, 4596, 8159-8160, 12816
    - herbicides 4598, 9107
    - histones 11363
    - homeoboxes 2517
    - homeotic genes 3515, 11366, 11382
    - human cytomegalovirus 12801
    - (*S*)-2-hydroxy-acid oxidase 2516
    - hydroxymethylglutaryl-CoA reductase 1911
    - 4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase 6004
    - IAA 1627, 5765
    - immunoglobulins 4574
    - *in vitro* culture 2532
    - isopentenyltransferase 12520
    - lactoferrin 12817
    - lectins 10239
    - levansucrase 6937
    - licheninase 8124
    - light 8141
    - lignin 3530
    - linolenic acid 1625
    - lipid transfer proteins 10243
    - lysine 12350
    - male sterility 8133
    - matrix attachment regions 9092
    - meristems 1616
    - metallothionein 5762
    - methyltransferases 892
    - NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase 188
    - NADH dehydrogenase 1618-1619, 9104
    - neomycin phosphotransferase 6927
    - nitrite reductase 8143, 11383
    - organelles 6933
    - osmotin-like proteins 8121
    - oxalate decarboxylase 4081
    - oxidoreductases 9107
    - oxyfluorfen 9107
    - pathogenesis-related proteins 1607, 8229, 11392
    - pendochitinase 2243
    - peroxidases 2260
    - phaseolin 9818, 11364
    - phenolic acids 2530
    - phenylalanine ammonia-lyase 8206, 12818
    - phenylpropanoid enzyme 4-coumarate:coenzyme A ligase 8375
    - phosphofructokinase 8142
    - phosphoprotein phosphatase 6940
    - phosphoribulokinase 6938
    - photosynthesis 9091, 9096
    - *Phthorimaea operculella* 705
    - phytochrome 2526, 3944, 5191
    - *Phytophthora cryptogea* 5770
    - *Phytophthora nicotianae* 12818
    - plant hairs 11811
    - plastids 685, 12804
    - pokeweed antiviral protein 3535
    - pollen 2514, 6930
    - pollen germination 696
    - pollution 2887, 8134
    - polyesters 12803
    - potato X potexvirus 3535, 9908
    - potato Y potyvirus 703, 1632, 5774
    - promoters 1616, 4345
    - prosystemin 4345
    - protein kinase 1071, 5542, 5769
    - proteinase inhibitors 3537, 12816
    - proteinases 703, 1622, 8123
    - proteins 12350, 12621
- **Genetic transformation** *cont.*
  - *Nicotiana tabacum cont.*
    - *Pseudomonas syringae* 1630
    - pyruvate kinase 11380
    - *Ralstonia solanacearum* 12817
    - recombination 12797
    - reporter genes 12804
    - resolvase 12797
    - *Rhizoctonia solani* 3535
    - ribonucleases 8880
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 4576, 8139-8140
    - RNA 11726
    - RNA polymerase 14, 5755
      - chloroplast genetics 10225
    - roots 9404
    - rubber elongation factor 11369
    - salicylic acid hydroxylase 704
    - salinity 4820, 6940, 7194
    - *Salpiglossis sinuata* 8137
    - seeds 10209
    - self incompatibility 8880
    - senescence 5757, 11382
    - sorbitol 4590
    - spectinomycin 12805
    - squash mosaic comovirus 4594
    - stearoyl-CoA desaturase 1625
    - sterols 892
    - streptomycin 12805
    - stress 2887, 6933
    - strictosidine synthase 3528, 10424
    - sucrose-phosphate synthase 5506
    - sugars 9099
    - sweet potato feathery mottle potyvirus 1631
    - *Talaromyces flavus* 8152
    - techniques 5754, 11716
    - tissue culture 1627
    - tobacco etch potyvirus 703
    - tobacco mosaic tobamovirus 3535, 4593, 11387, 12820, 12826
    - tobacco vein mottling potyvirus 703, 2538, 8158
    - tomato spotted wilt tospovirus 8153
    - toxins 683-684, 705
    - transcription factors 1612, 11811
    - translation initiation factor 696
    - translocation 1624
    - transposable elements 8125
    - tyrosine decarboxylase 1770
    - ubiquitin 8878, 10214
    - ultraviolet radiation 5749
    - uroporphyrinogen decarboxylase 12820
    - uroporphyrinogen oxidase 12820
    - xylem 8135
    - yeast artificial chromosomes 695
  - nutrients, reviews 11666
  - oils, reviews 11697
  - *Olea europaea* 8073, 11309, 11314, 11316
  - oleosins 9274
  - ornamental plants 10333
    - viruses 4686
  - *Oryza*, rice yellow mottle sobemovirus 12257
  - *Oryza sativa* 254, 1128, 1632, 2088, 2961, 2968, 4025, 4027, 5133-5134, 5164, 5169, 5173, 6253-6254, 6256-6258, 6264, 6286, 8693, 9660, 9694, 10814, 12187
    - albumins 4081
    - aleurone layer 4032
    - antisense DNA 2977
    - *Bacillus thuringiensis* 3024
    - betaine 3015
    - bilanafos 2087, 2127, 12266
    - binding proteins 1126
    - books 8424
    - cecropin 5219, 7623
    - chitinase 6255
    - *Cnaphalocrocis medinalis* 3024
    - cold resistance 3015
    - diseases 10866
    - DNA methylation 2964
    - enzymes 7594
    - fatty acids 3006
    - ferritin 5296
    - flooding 9708
    - flowers 2977
    - G proteins 12200

Genetic transformation *cont.*
- *Oryza sativa cont.*
  - gibberellins 10587
  - glufosinate 4033, 5204, 7632, 9716, 12267
  - glutamate-ammonia ligase 7579
  - glycinin 7610, 12183
  - green fluorescent protein 2081, 12804
  - haemoglobin 9659
  - height 10587, 12200
  - herbicides 2127, 4033, 5204, 7632, 9716, 12266-12267
  - homeotic genes 2977
  - insects 4080, 12260, 12265
  - lectins 3023
  - male sterility 264
  - matrix attachment regions 8692
  - *Nilaparvata lugens* 4201, 10865
  - pathogenesis-related proteins 8718
  - phosphinothricin acetyltransferase 2964
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 2912
  - photosynthesis 7591, 7594
  - plant embryos 2082
  - plastids 12804
  - polymerase chain reaction 253
  - proline 2117
  - proteinase inhibitors 4201
  - puroindoline-b 9429
  - pyrroline-5-carboxylate synthetase 2117
  - pyruvate,orthophosphate dikinase 8695
  - reporter genes 12804
  - reviews 10813
  - *Rhizoctonia solani* 8718
  - ribosome-inactivating protein 5096
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 7591
  - rice tungro bacilliform badnavirus 9667
  - rice tungro spherical waikavirus 5225
  - salinity 3015
  - *Scirpophaga incertulas* 3024, 6299
  - stress 4065
  - sucrose-phosphate synthase 7593
  - transcription factors 10587
  - transposable elements 10802
  - trihydroxystilbene synthase 10866
  - tryptophan synthase 2090
  - *Xanthomonas oryzae* 3020, 5219, 7623, 10865
- *Osteospermum ecklonis, Agrobacterium rhizogenes* 12912
- *Panax pseudoginseng* 3636
- *Papaver somniferum* 3638
- *Passiflora edulis, Agrobacterium rhizogenes* 577
- pathogens 3694
- *Paulownia elongata*
  - *Agrobacterium rhizogenes* 11482
  - *Agrobacterium tumefaciens* 11482
- *Pelargonium*
  - anthocyanins 4684
  - *Botrytis cinerea* 10357
  - colour 4684
- *Pelargonium domesticum* 2612
- *Petunia* 2640
  - anthocyanins 4743
  - colour 7108
  - DNA methylation 12002
  - flavonoids 4743
  - naringenin-chalcone synthase 1747
  - transposable elements 12002
- *Petunia hybrida*
  - antibodies 10377
  - dihydrokaempferol 4-reductase 10377, 11568
  - flavonoids 8324
  - flavonols 5862
  - naringenin-chalcone synthase 8322
  - pollen germination 5862
  - transposable elements 4744
- *Petunia inflata*
  - kinases 2639
  - pollen 2639
- pharmaceutical proteins 9264
- *Phaseolus acutifolius,* arcelins 12377
- *Phaseolus vulgaris,* bean golden mosaic bigeminivirus 3104

Genetic transformation *cont.*
- *Picea abies* 1682, 5812
- *Picea sitchensis* 4674
- *Pinus contorta,* roots 9404
- *Pinus sylvestris* 1682, 2593
- *Pinus taeda* 5812
- *Pisum sativum* 5366
  - alfalfa mosaic alfamovirus 5394
  - apyrase 9847
  - *Helicoverpa armigera* 12816
  - isovaleryl-CoA dehydrogenase 9365
  - kanamycin kinase 3109
  - pea enation enamovirus 8800
  - pea seed-borne mosaic potyvirus 10993
  - pectinesterase 10987
  - proteinase inhibitors 12816
  - replicase 10993
  - roots 10987
- plant composition, reviews 11700
- polymers 11698
- *Poncirus trifoliata* 3358, 5639
  - photosynthesis 9012
  - rooting capacity 12689
- *Populus* 5805
  - glutathione 748
  - green fluorescent protein 4634
  - stress 748
- *Populus canescens*
  - caffeate *O*-methyltransferase 4648
  - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 4648
  - glutathione reductase 5806
  - glutathione synthase 5806
  - superoxide dismutase 8136
- *Populus maximowiczii* 746
- *Populus nigra* 746
  - homeoboxes 10295
- *Populus tremula, Agrobacterium rhizogenes* 744
- promoters 2732
- proteinase inhibitors 11683
- *Prunus avium* 1460, 4418
- *Prunus domestica*
  - papaya ringspot potyvirus 12647-12648
  - plum pox potyvirus 8971, 12643, 12646-12648
- *Prunus dulcis* 5657
- *Prunus padus* 4418
- *Prunus persica* 2357
- *Pyrus communis* 7947
- reviews 7211, 11695
- *Rhododendron* 1715
- *Rosa hybrida*
  - *Agrobacterium rhizogenes* 781
  - chitinase 4719
  - *Diplocarpon rosae* 4719
  - rootstocks 781
- *Saccharum*
  - *Antitrogus consanguineus* 8107
  - glufosinate 9064
  - green fluorescent protein 1588
  - herbicides 9064
  - lectins 8107
  - proteinase inhibitors 8107
- *Saccharum officinarum* 3486, 3488
  - glufosinate 2486, 3491
  - herbicides 2486
  - oxidative stress 8105
  - reviews 661
  - sorghum mosaic potyvirus 6904
  - sugarcane mosaic potyvirus 673
- salinity 11674
- sedoheptulose-bisphosphatase 8529
- *Sequoia sempervirens* 5831
- *Setaria italica,* pollen 9412
- *Solanum dulcamara* 4767
  - gibberellins 1854
- *Solanum melongena* 1393
  - *Leptinotarsa decemlineata* 2309, 4368, 12561
  - *Leucinodes orbonalis* 4368
  - parthenocarpy 2309, 4368
- *Solanum phureja,* potato leaf roll luteovirus 12466
- *Solanum tuberosum* 2228, 2751, 4252, 4930, 6474, 6494
  - acetoacetyl-CoA reductase 11022
  - adenosylmethionine decarboxylase 12448
  - albumins 4081

Genetic transformation *cont.*
- *Solanum tuberosum cont.*
  - ATP/ADP transporter 6480, 7263
  - *Bacillus thuringiensis* 12469
  - bilanafos 8817
  - bromoxynil 8845
  - carbon 2238
  - carbon dioxide 9902
  - catalase 5476
  - cellulase 11802
  - chloroplast genetics 12442
  - chloroplasts 12442
  - concanavalin 5454
  - cystatin 4309
  - diabetes 2229
  - drought resistance 12454
  - *Epitrix cucumeris* 12473
  - *Erwinia carotovora* 4292, 8837
  - fatty acid desaturases 12447
  - β-fructofuranosidase 5465, 5477, 7797, 7805
  - β-fructofuranosidase inhibitors 12451
  - fructose-bisphosphatase 7808, 12446
  - fungi 2243
  - *Globodera pallida* 6494
  - glucan branching enzyme 9892
  - glucanases 5771
  - glucokinase 7805
  - glucose-1-phosphate adenylyltransferase 5465
  - glufosinate 6495
  - green fluorescent protein 12442
  - herbicides 8817, 8845
  - insects 5454
  - insulin 2229
  - lectins 4310
  - *Leptinotarsa decemlineata* 4309, 12470, 12474
  - luciferase 4253
  - *Macrosiphum euphorbiae* 6494
  - malate dehydrogenase 6481, 12444
  - *myo*-inositol 2237
  - *Myzus persicae* 6494
  - nutritive value 3172, 8827
  - osmotin 11036
  - pectate lyase 4292
  - pendochitinase 2243
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 11028, 12444
  - photosynthesis 2236, 9902, 11028, 12444
  - *Phthorimaea operculella* 4308, 7815
  - phytochrome 8528, 8821
  - *Phytophthora infestans* 5476
  - poly-β-hydroxy-butyrate synthase 11022
  - potato leaf roll luteovirus 412, 2246
  - potato mop-top furovirus 2247
  - potato X potexvirus 3177
  - potato Y potyvirus 3172, 4301, 7815
  - proteinase inhibitors 6494
  - proteins 1327
  - pyruvate,orthophosphate dikinase 2236
  - quality 12451
  - salinity 11036
  - senescence, mannose-1-phosphate guanylyltransferase (GDP), nucleotide sequences 12445
  - source sink relations 2238, 9901-9902
  - starch 5465, 5473, 6480, 7811
  - starch branching enzyme 5473
  - starch synthase 4277, 5474, 11021
  - sucrose 2239, 2495
  - sucrose-phosphate synthase 1338, 12449, 12454
  - sugar transport proteins 9901
  - temperature 4253
  - translocation 2239
  - viruses 412, 3171
  - xylose isomerase 2738
- *Sorghum bicolor* 9419, 10736
  - chitinase 5135
  - growth period 3790
  - height 3790
  - lysine 3790
  - proteins 3790
- *Spinacia oleracea* 6540
- starch, reviews 11696
- sterility 5947, 9271
- stress 11673

Genetic transformation *cont.*
  stress *cont.*
    reviews 9250
  techniques 11711
  Torenia fournieri
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase 9168
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 1733
    colour 2623
    dihydrokaempferol 4-reductase 9168
    flowers 1733, 2623
    naringenin-chalcone synthase 9168
  toxic substances 1808
  translocation 11690
  Trifolium repens 3056
    flavonoids 4142
    nodulation 4142
    Rhizobium 4142
    zein 213
  Triticum aestivum 115, 952, 1933, 2810, 3830, 6091, 7343-7344, 7422, 9428, 9434, 9440-9441, 9446, 10603, 11835
    anthocyanins 10611
    bilanafos 2870
    chitinase 2870, 8618
    Erysiphe graminis 8618, 11908
    germin 5025
    glucan branching enzyme 9490
    glufosinate 2870, 7347
    glutenins 7376, 9442, 9489
    herbicides 2870
    lectins 3895
    luciferase 111
    phosphinothricin acetyltransferase 6090
    proteinase inhibitors 3894
    proteins 1934
    quality 7376, 9489
    secalins 4960
    seeds 11837
    Sitobion avenae 3895
    Sitotroga cerealella 3894
    techniques 6084
    transposable elements 8553
    wheat dwarf monogeminivirus 6148
  Triticum durum 2810
    glutenins 11878
  Triticum monococcum, binding proteins 7417
  Ulmus procera 4655
    green fluorescent protein 4634
  Ulmus pumila 12878
  Vaccinium 7975
  vegetables 2802, 3791, 5995
  Vicia faba 5283
    chloroplast genetics 11720
    chloroplasts 11720
  Vicia hirsuta, nodulins 10911
  Vicia narbonensis
    β-fructofuranosidase 2191
    proteinase inhibitors 5262
    source sink relations 2191
  Vigna angularis 8808
  Vigna unguiculata 12423
  viruses 3697, 5953-5954, 9256, 11680
  vitamin E, reviews 11699
  Vitis 4463
    viruses 12678
  Vitis vinifera 2374
    aldehyde reductase 2381
    Eutypa lata 2381
  weeds, reviews 11685
  Withania somnifera, Agrobacterium tumefaciens 12952
  Zea mays 5093
    aprotinin 12094
    auxins 1071
    Bacillus thuringiensis 3721, 6072, 6229, 10721, 12129
    biosafety 1061, 12129
    Busseola fusca 6229
    cell division 95
    Chilo partellus 6229
    coixins 4083
    corn stunt spiroplasma 10724
    cytoplasmic male sterility 1066
    development 95
    dinitroaniline 10730
    diseases 9634

Genetic transformation *cont.*
  Zea mays cont.
    DNA binding proteins 190
    endotoxins 3075
    Erwinia carotovora 12456
    fumonisins 10721
    glucosidases 6208
    glufosinate 10107
    growth regulators 1071
    herbicides 6072, 6230, 9634, 10107
    histones 9603
    hybrid seed production 1066
    insects 3721
    legislation 9600
    nutritive value 1079
    Ostrinia nubilalis 3988-3989, 12129
    oxidative stress 10715
    pests 6072
    pollen 9412
    prolamins 190
    protein kinase 1071
    quality 9599
    reviews 6207
    ribozymes 202
    Spodoptera frugiperda 12134
    stearic acid 202
    superoxide dismutase 8661, 10715
    techniques 11716
    tubulin 6230, 10730
  Zea mays (sweetcorn)
    Bacillus thuringiensis 10729
    Helicoverpa zea 12132
    Spodoptera frugiperda 12132
    tubulin 2035
Genetic variance
  Arachis hypogaea
    fatty acids 6870
    quality 6870
    seeds 5710
  Beta vulgaris (sugarbeet)
    cytoplasmic male sterility 9072
    germination 677
    quality 4560
    seeds 677
    vigour 677
    yield components 4560
  Brassica campestris (toria), yield components 10133
  Brassica juncea
    quality 10126
    seeds 10126
  Cajanus cajan, yield components 385, 1315
  Carthamus tinctorius, yield components 3444
  Cicer arietinum, yield components 381, 5418, 7772
  computer programming 1886
  Cyclamen
    quality 2647
    yield components 2647
  genetic markers 6043
  Glycine max
    linolenic acid 4193
    palmitic acid 4192
    quality 4192-4193
    yield components 3080
  Gossypium, yield components 1642
  Gossypium barbadense, yield components 11419
  Gossypium hirsutum
    habit 8175
    quality 10260
    seeds 4606
    yield components 2546, 5783, 10260
  Helianthus annuus, yield components 5694
  Hevea brasiliensis, size 6982
  Hippophae rhamnoides, random amplified polymorphic DNA 9005
  Hordeum vulgare, yield components 5075
  Lathyrus sativus, yield components 7692
  Linum usitatissimum (flax), yield components 1650
  Linum usitatissimum (linseed), yield components 1650, 9043
  Lycopersicon esculentum, fruits 6560
  Mangifera indica, yield components 1525
  mathematics 7271
  multivariate analysis 10560

Genetic variance *cont.*
  Nicotiana tabacum, yield components 5766
  Oryza sativa
    cold resistance 5216
    fertility 5216
    flooding 3014
    leaves 2978
    quality 7607
    seeds 2103
    yield components 2109, 10841, 12208-12210, 12231
  Papaver somniferum, papaverine 7147
  Pennisetum glaucum
    height 12167
    yield components 2951, 5148, 7522-7523
    yields 12167
  Phaseolus vulgaris, Xanthomonas axonopodis 2202
  Pinus contorta, Endocronartium harknessii 2604
  Pinus radiata, yield components 2602
  Pinus sylvestris, wood properties 10320
  Pisum sativum, yield components 5364
  Prosopis glandulosa 11483
  Prunus avium, quantitative traits 7970
  Salix viminalis, quantitative traits 7001
  Sesamum indicum, yield components 6879, 12760
  Solanum melongena, yield components 5553
  Solanum tuberosum, yield components 5469
  Sorghum bicolor
    Atherigona soccata 2061
    Macrophomina phaseolina 9647
    quality 8670
    sugars 2945
    yield components 8670
  statistics 1886
  Triticum aestivum
    drought resistance 5023, 9518
    Puccinia striiformis 5046, 6147
    yield components 1956, 2847, 10616-10617
  Vicia faba, yield components 6409
  Vigna radiata, yield components 3140
  Vigna unguiculata, yield components 8807
  Zea mays 6198
    oils 7496
    seeds 12082
    Ustilago zeae 2941
    yield components 1075, 2930, 9621
Genetic variation
  Abeliophyllum distichum, isoenzymes 8220
  Abies, isoenzymes 8259
  Acacia, proteins 8210
  Aconitum septentrionale, isoenzymes 12953
  Aegilops, gliadin 11937
  Agave angustifolia, isoenzymes 5793
  Agave fourcroydes, isoenzymes 5793
  Alnus rubra, isoenzymes 10307
  Amelanchier arborea, isoenzymes 7948
  Amelanchier laevis, isoenzymes 7948
  Asimina triloba, isoenzymes 4493
  Aster asa-grayi, isoenzymes 10364
  Brassica
    isoenzymes 4333
    sinapine 617
  Brassica oleracea, isoenzymes 4333, 12502
  Brassica oleracea (kale), isoenzymes 4332
  Calluna vulgaris, isoenzymes 9159
  Campanula takesimana, isoenzymes 11810
  Castanea sativa, isoenzymes 11249
  Chamaecyparis obtusa, isoenzymes 4682-4683
  Chamelaucium uncinatum, essential oils 836
  Cucumis sativus, isoenzymes 9999
  Cunninghamia lanceolata 771
  Cypripedium kentuckiense, isoenzymes 3622
  Cypripedium parviflorum, isoenzymes 3622

Genetic variation *cont.*
- *Dactylis glomerata*, isoenzymes 3032
- *Dioscorea alata*, isoenzymes 2257
- *Elymus*, isoenzymes 8746
- *Elymus alaskanus*, isoenzymes 12286
- *Elymus caninus*, isoenzymes 10889
- *Eucalyptus microtheca*, isoenzymes 12869
- *Fagus*, isoenzymes 8204
- *Fagus multinervis*, isoenzymes 11810
- *Fagus sylvatica*, isoenzymes 732, 8203
- *Festuca pratensis*, isoenzymes 7661
- *Gelidium arbuscula* 8403
- *Gelidium canariensis* 8403
- *Glycine soja*, isoenzymes 2174
- *Hemerocallis exaltata*, isoenzymes 5869
- *Hemerocallis middendorffii*, isoenzymes 5869
- *Hemerocallis taeanensis*, isoenzymes 9191
- *Hemerocallis thunbergii*, isoenzymes 5869
- *Hepatica maxima*, isoenzymes 11810
- *Hordeum chilense*, prolamins 11821
- *Hordeum vulgare*
  - hordein 5066
  - isoenzymes 9553
  - proteins 161
- *Hosta*, isoenzymes 2625
- *Juglans regia*, isoenzymes 10096
- *Larix*, isoenzymes 5826, 11507
- *Larix decidua*, isoenzymes 732
- *Larix sukaczewii*, isoenzymes 8261
- *Lathyrus sativus*, albumins 327
- *Leavenworthia*, isoenzymes 4543
- *Lens*, isoenzymes 2213
- *Lolium perenne*, isoenzymes 2133
- *Lycoris radiata*, isoenzymes 12933
- *Lycoris sanguinea*, isoenzymes 8333
- *Lysimachia minoricensis*, isoenzymes 9174
- *Macrozamia heteromera*, isoenzymes 2608
- *Macrozamia johnsonii*, isoenzymes 8354
- *Macrozamia moorei*, isoenzymes 8354
- *Muhlenbergia torreyi*, isoenzymes 3042
- *Nassella pulchra*
  - isoenzymes 308
  - quantitative traits 308
- *Oryza glumaepatula*, isoenzymes 255
- *Oryza rufipogon*, isoenzymes 12172
- *Oryza sativa*
  - isoenzymes 12193
  - morphology 266
- *Phaseolus lunatus*, isoenzymes 3100, 7745
- *Phaseolus vulgaris*, isoenzymes 3099
- *Picea abies*, isoenzymes 1695, 8253
- *Pinus*, isoenzymes 10316
- *Pinus albicaulis*, isoenzymes 12889
- *Pinus brutia*, isoenzymes 2599
- *Pinus koraiensis*, isoenzymes 3576
- *Pinus palustris*, isoenzymes 7019
- *Pinus parviflora*, isoenzymes 11810
- *Pinus sylvestris*
  - chloroplast genetics 11492
  - isoenzymes 2597, 7021
- *Pinus taeda*, isoenzymes 10319
- *Pinus yunnanensis*, isoenzymes 8237
- *Porteresia coarctata*, isoenzymes 6274
- *Posidonia australis*, isoenzymes 7166
- *Prosopis*, proteins 8210
- *Prunus sargentii*, isoenzymes 4422
- *Pseudotsuga menziesii*, isoenzymes 4679, 8263
- *Quercus havardii*, isoenzymes 6994
- *Quercus suber*, isoenzymes 740
- *Saccharum officinarum*
  - isoenzymes 11344
  - peroxidases 5729
- *Santalum album*, isoenzymes 841
- *Saxifraga cernua* 3599
- *Secale cereale*, isoenzymes 3947
- *Silene acaulis*, phosphogluconate dehydrogenase 11531
- *Sinapis alba*, sinapine 617
- *Sorbus aucuparia*, isoenzymes 2347
- statistics 934
- *Theobroma cacao* 9081
- *Thymus quinquecostatus*, isoenzymes 11810

Genetic variation *cont.*
- *Tiarella polyphylla*, isoenzymes 11810
- *Triticum*, glutenins 3858
- *Triticum aestivum* 2829
  - gliadin 4991
- *Triticum durum*
  - isoenzymes 3849
  - prolamins 11821
- *Vicia sativa*
  - proteins 10912
  - seeds 10912
- *Vigna subterranea*
  - proteins 391
  - seeds 391
- *Vigna unguiculata*, isoenzymes 8804
- *Zea mays*, isoenzymes 2908

Genetics 932, 10557
- *Abelmoschus esculentus*, bhendi yellow vein mosaic bigeminivirus 3262
- *Abies procera*, habit 3584
- *Aegilops*, *Erysiphe graminis* 5034
- *Aegilops tauschii* 1988
  - *Erysiphe graminis* 11909
  - plant hairs 11851
- *Aegilops variabilis*, chromosome pairing 6100
- *Agaricus bisporus*
  - sexual reproduction 851
  - spores 851
- *Agastache foeniculum*, isoenzymes 838
- *Anacardium occidentale*
  - colour 3413
  - fruits 3413
- angiosperms
  - evolution 4924
  - phytochrome 4924
  - reproduction 9390
- *Antirrhinum majus*
  - development 8530
  - morphology 8530
- apomixis 9391
- *Arabidopsis thaliana*
  - *Agrobacterium tumefaciens* 2754
  - auxins 9359
  - cryptochrome 6022
  - development 907, 2768, 4890, 8530, 9364
  - diseases 4909
  - DNA 4859
  - flagellin 8504
  - flowering 904, 917, 2768
  - flowers 9364
  - gene expression 4859
  - genetic transformation 2754
  - gibberellins 9405
  - growth regulators 9359, 9405
  - gynoecium 10518
  - height 4586
  - leaves 10538
  - meristems 8494
  - morphology 8530
  - ovules 8465
  - *Peronospora parasitica* 70
  - phytochrome 907
  - plant embryos 2756, 8465
  - *Pseudomonas* 70, 11779
  - *Pseudomonas syringae* 8052
  - tropisms 9358
  - vernalization 917
- *Arachis hypogaea*
  - colour 5711
  - dormancy 6869
  - seeds 3467, 5711, 6869
- *Avena fatua*
  - dormancy 2892
  - seeds 2892
- *Avena sativa*
  - height 9578
  - inflorescences 9578
  - *Puccinia graminis* 5083
  - regenerative ability 2003
- *Avena sterilis*
  - height 9578
  - inflorescences 9578
  - regenerative ability 2003
- *Beta vulgaris*
  - colour 12779
  - roots 12779
- *Beta vulgaris* (beetroots), fasciation 4320
- *Beta vulgaris* (sugarbeet)
  - colour 12779

Genetics *cont.*
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) *cont.*
  - germination 12781
  - male sterility 8111
  - monogerm seeds 12780
  - roots 12779
- *Brassica*
  - conferences 855
  - *Leptosphaeria maculans* 8053
  - protein kinase 8043
  - self incompatibility 8043
  - *Xanthomonas campestris* 12722
- *Brassica campestris*
  - *Erwinia carotovora* 10147
  - male sterility 10114
  - yield components 12507
- *Brassica campestris* (turnips), *Plasmodiophora brassicae* 4316
- *Brassica chinensis*, *Erwinia carotovora* 10147
- *Brassica juncea*
  - *Albugo candida* 3435
  - cytoplasmic male sterility 4508
  - oils 12719
  - proteins 12719
- *Brassica napus*
  - male sterility 607
  - *Pseudomonas syringae* 8052
- *Brassica napus* (rape)
  - chlorophyll 6808
  - colour 6804-6805, 8046
  - cytoplasmic male sterility 608, 2452, 6793, 8044
  - flowering 4511
  - flowers 10122
  - *Leptosphaeria maculans* 626
  - male sterility 6792
  - *Pyrenopeziza brassicae* 12727
  - seeds 6804-6805, 8046
  - variegation 10118
  - vernalization 4511
- *Brassica oleracea*
  - *Albugo candida* 453
  - *Peronospora parasitica* 453
  - self incompatibility 446
- *Brassica oleracea* (cabbages), yield components 7852
- *Brassica oleracea* (kale), *Plasmodiophora brassicae* 9951
- *Brassica pekinensis*
  - bolting 6530
  - *Erwinia carotovora* 10147
  - male sterility 3215
  - *Plasmodiophora brassicae* 12515
- *Cajanus cajan*
  - *Fusarium udum* 5443
  - yield components 9865
- *Cannabis sativa*
  - cannabinoids 8190
  - plant glands 6981
  - plant hairs 6981, 8190
  - sex 6981
- *Capsicum annuum*
  - fruits 1398
  - *Meloidogyne incognita* 5558
  - pepper mottle potyvirus 12578
  - *Phytophthora capsici* 7916
  - potato Y potyvirus 12578-12579
  - RNA 12570
  - yield components 7912
- *Capsicum chinense*, *Meloidogyne incognita* 5559
- cereals, secalins 9416
- *Cicer arietinum*
  - growth period 7769
  - photoperiodism 7769
- *Citrullus lanatus*
  - fruit cracking 6603
  - fruits 6603
  - height 1410
  - male sterility 1410
- *Citrus aurantiifolia*, isoenzymes 8012
- *Citrus latifolia*, isoenzymes 8012
- *Citrus limon*, isoenzymes 8012
- *Citrus maxima*, Citrus tristeza closterovirus 8015
- *Citrus medica*, aspartate aminotransferase 2420
- *Citrus meyeri*, isoenzymes 8012
- *Cocos nucifera*
  - coconut lethal yellowing 3456

Genetics *cont.*
  Cocos nucifera cont.
    phytoplasmas 3456
  Coffea pseudozanguebariae, chlorogenic acid 6917
  Coffea racemosa, Perileucoptera coffeella 4564
  cold resistance 870
  Colocasia esculenta, isoenzymes 1356
  Corchorus capsularis
    colour 3555
    seeds 3555
  Corchorus olitorius
    colour 3555
    seeds 3555
  Coriandrum sativum, Pseudomonas syringae 4776
  crops
    books 864
    diseases 5952
    pests 5952
    water balance 4821
  Cryptomeria japonica, wood properties 5832
  Cucumis melo
    Erysiphe cichoracearum 12596
    isoenzymes 2318
    Liriomyza trifolii 4378
    Sphaerotheca fuliginea 12596
    viruses 5560
  Cucumis sativus
    Meloidogyne javanica 4388
    sex 5567
    viruses 5560
  Cucurbita, yield components 5566
  Cucurbita maxima, viruses 5560
  Cucurbita moschata, habit 6605
  Dasypyrum villosum, Puccinia striiformis 11916
  databases 5963
  Datura wrightii, plant hairs 7139
  Daucus carota, cytoplasmic male sterility 414
  development 1817
  dictionaries 11661
  diseases 11676
    reviews 2722
  Echinochloa crus-galli, alcohol dehydrogenase 1109
  Eleusine coracana
    colour 2953
    seeds 10782
  Eleusine indica, nutritive value 10783
  Elymus elongatus, Puccinia striiformis 11916
  Eucalyptus globulus
    height 10289
    rooting capacity 10290
    stems 10289
  Eustoma grandiflorum
    anthocyanins 4732
    flowers 4732
  evolution 10564
    books 863
  Fagopyrum esculentum
    height 6304
    isoenzymes 7633
  fodder plants, reclamation 4087
  forest trees
    computer programming 10281
    directories 5932
    insects 5801
  Fragaria, flowering 2368
  Fragaria ananassa, Phytophthora fragariae 5616
  Fragaria vesca
    stolons 6704
    vegetative propagation 7979
  fruit crops, conferences 2697
  fungi 1812
  Gelidium, conferences 8410
  genetic resources 4914
  Gerbera, flavone synthase 9176
  Glycine max
    colour 2172-2173, 5310
    cytoplasmic male sterility 9795
    development 4182-4183
    fatty acids 12349
    flowers 2172, 5310
    growth period 10951, 12346
    habit 5303

Genetics *cont.*
  Glycine max cont.
    Heterodera glycines 5333, 12362
    isoflavones 2175
    leaves 2173, 5299
    linolenic acid 4193
    lipoxygenase 8770
    malate dehydrogenase 2173
    male sterility 6393
    Melanagromyza sojae 5334
    nutrients 10955
    palmitic acid 3084, 4192, 12349
      mutations 8771
    photoperiodism 4182-4183
    Phytophthora sojae 1280, 5329-5330
    proteins 8770
    quality 4192-4193
    Sclerotinia sclerotiorum 5328
    seeds 2172-2173
    soil toxicity 10955
    soybean yellow mosaic virus 12361
    urease 10947
    Xanthomonas campestris 8774
    yield components 1276-1277, 5310
    yields 10955
  Glycine soja
    conglycinin 3085
    seeds 3085
    soybean yellow mosaic virus 12361
  Gossypium
    Fusarium oxysporum 10265
    nectaries 11413
    seeds 11413
    Xanthomonas axonopodis 724
    yield components 1642
  Gossypium barbadense
    leaves 8172
    Rotylenchulus reniformis 6972
    terpenoids 6961
    yield components 4612
  Gossypium hirsutum
    anther culture 10257
    colour 3544, 4613, 8181
    cytoplasmic male sterility 6956
    β-glucuronidase 11405
    growth period 5780
    leaves 1640, 3544
    plant glands 10260
    quality 4613, 8181
    Rotylenchulus reniformis 6972
    terpenoids 6961
    yield components 4612, 10252
    yields 5780
  Gracilaria domingensis, colour 8406
  grain legumes, conferences 5924
  Guizotia abyssinica, self incompatibility 10184
  Helianthus annuus
    chlorophyll 4527
    development 4528
    Diaporthe helianthi 12741
    DNA 10584
    fatty acids 3442, 8067
    interspecific hybridization 11277
    Orobanche cernua 12742
    palmitic acid 8067
    stearic acid 8067
  Helianthus petiolaris, interspecific hybridization 11277
  Hevea brasiliensis, isoenzymes 10274
  Hibiscus syriacus
    colour 7071
    flavones 7071
    flowers 7071
  Hippophae rhamnoides, ascorbic acid 10064
  history 8, 2786, 5960
  Hordeum spontaneum
    cleistogamy 3917
    flowering 3917
    Puccinia hordei 2889
  Hordeum vulgare
    branching 5067
    development 6167, 7438
    Diuraphis noxia 11968
    dormancy 6167
    Erysiphe graminis 6179
    esterases 7432
    gramine 7435
    height 3926, 5067
    hordein 11946

Genetics *cont.*
  Hordeum vulgare cont.
    lodging 5072
    male sterility 7433
    peroxidases 7432
    potassium 9574
    Puccinia 11965
    Pyrenophora teres 10674-10675
    quality 7444
    seeds 6167
    sodium 9574
    xyloglucan endotransglycosylase 7438
  Ipomoea batatas
    organelles 7830
    pollen 7830
  Iris ensata
    colour 798
    flowers 798
  Iris laevigata
    colour 798
    flowers 798
  Lathyrus sativus
    colour 5275
    flowers 5275
    male sterility 10942
  Lens
    cold resistance 5407
    Fusarium oxysporum 5407
  Lens culinaris
    Fusarium oxysporum 1308
    growth period 5397
    morphology 5397
    raffinose 5404
    salinity 9857
    yield components 9852
  Lentinula edodes
    development 11633
    growth period 11633
    incompatibility 11632
  Leucaena
    colour 3065
    flowers 3065
  Lilium davidii, organelles 8339
  Lilium regale, organelles 8339
  Limnanthes alba
    erucic acid 4546
    fatty acids 4546
  Linum usitatissimum (flax)
    Fusarium oxysporum 5792
    growth period 6977
    Melampsora lini 12859
  Linum usitatissimum (linseed), *Oidium lini* 12734
  Lolium boucheanum, glucose-6-phosphate isomerase 7658
  Lolium perenne, Puccinia coronata 12280
  Lupinus, reviews 4151
  Lupinus albus
    DNA fingerprinting 10918
    height 10925
  Lupinus atlanticus, seeds 10924
  Lupinus cosentinii, seeds 10924
  Lycopersicon esculentum
    Colletotrichum coccodes 492
    colour 7891
    fruits 7891
    Fulvia fulva 491, 4592, 11125
    Fusarium oxysporum 3247
    male sterility 8882
    Meloidogyne incognita 11138
    parthenocarpy 476
    Ralstonia solanacearum 12539
    ripening 8889
    seedlessness 476
    storage 8889
    tomato spotted wilt tospovirus 12544
    tomato yellow leaf curl bigeminivirus 5545
    yield components 11111
  Lycopersicon hirsutum, alfalfa mosaic alfamovirus 11132
  Malus baccata 520
  Malus pumila 520
    anthocyanins 7940
    colour 7940
    enzymes 7940
    habit 6641
    Podosphaera leucotricha 6656, 6659
    ribonucleases 11178
    self compatibility 10016

Genetics *cont.*
  Malus pumila cont.
    self incompatibility 2336-2337, 6637, 8915, 11178
    Venturia inaequalis 526-527, 6656-6660, 11181
  Mangifera indica, polyembryony 4486
  mathematics 71, 3773, 5939
  Medicago polymorpha
    colour 4130
    habit 4130
    height 4130
  Medicago sativa
    inflorescences 12308
    sterility 3048
  Melilotus alba 9761
  Muscari comosum, isoenzymes 7114
  Nicotiana, tumours 9106
  Nicotiana tabacum
    height 4586
    plant composition 8149
    tobacco mosaic tobamovirus 12822
    yield components 8146
  nomenclature, databases 4826
  nutrients, reviews 11813
  Oryza
    inflorescences 7582
    Xanthomonas oryzae 7622
  Oryza longistaminata
    habit 7580
    ligules 7580
  Oryza nivara, Xanthomonas oryzae 9714
  Oryza rufipogon, cytoplasmic male sterility 7575
  Oryza sativa
    aluminium 9706
    amylose 5213
    aroma 6288
    bentazone 9719
    bilanafos 2127, 12266
    colour 5193
    compatibility 5178
    cytoplasmic male sterility 1146, 1150, 2099, 6296, 7575
    embryo culture 7599
    fertility 5182
    flooding 4066-4067
    germination 2979
    glufosinate 9716
    growth period 5179
    habit 7580
    haploidy 2971
    height 2106, 9680
    herbicides 2127, 9716, 9719, 12266
    hybrid chlorosis 6265
    hybridization 2969, 6265
    inflorescences 7582, 9680
    insects 3025
    ligules 7580
    Magnaporthe grisea 292, 5222, 12250, 12253
    male sterility 1151, 5179, 7566, 7568, 12192
    Orseolia oryzae 2126
    photoperiodism 2980, 5179
    proteins 5192
    quality 5213, 6288, 12221
    Rhizoctonia solani 7627
    roots 2982
    salinity 6295
    seeds 2979, 6288
    temperature 1151
    toxic substances 9706
    ultraviolet radiation 9711
    waxes 6270
    wide hybridization 5178
    Xanthomonas oryzae 290, 3021, 4072, 5220, 6296, 7622, 7624, 10868, 12237
    yield components 12206
  Panicum infestum, hermaphroditism 6242
  Panicum maximum, hermaphroditism 6242
  Panicum trichocladum, hermaphroditism 6242
  Papaver somniferum, morphine 2668
  Passiflora edulis, self incompatibility 6757
  pathogens 7195
  Pennisetum
    spikelets 2952

Genetics *cont.*
  Pennisetum cont.
    tillering 2952
  Pennisetum glaucum
    reviews 234
    Sclerospora graminicola 12170
  Perilla frutescens, essential oils 12973
  Phaseolus acutifolius, Xanthomonas axonopodis 7746
  Phaseolus vulgaris
    chlorosis 5363
    Colletotrichum lindemuthianum 4211, 5361, 12387
    colour 5352, 7742
    Erysiphe polygoni 12388
    seeds 5352, 7742
    Xanthomonas axonopodis 12382
  Phoenix dactylifera 576
  photoperiodism 11786
  Picea glauca, isoenzymes 7024
  Pinus contorta
    climate 12890
    height 12890
  Pinus montana
    isoenzymes 8240
    proteins 8240
  Pinus sylvestris
    height 3577
    isoenzymes 8240
    proteins 8240
    quality 3577
  Pistacia vera 3399
  Pisum abyssinicum, Pseudomonas syringae 5386
  Pisum sativum
    chlorophyll 7759
    Erysiphe polygoni 8799
    flowering 12396
    gibberellins 9405
    growth period 12396
    growth regulators 9405
    nodulation 10990
    photoperiodism 5372
    Pseudomonas syringae 5386
    Rhizobium 1304
    temperature 5372
    Uromyces viciae-fabae 8799
  Platanus occidentalis, peroxidases 1679
  Poa pratensis
    apomixis 2136
    Drechslera poae 10884
    parthenogenesis 2136
    Puccinia striiformis 10884
  Poncirus trifoliata, Citrus tristeza closterovirus 8015
  Populus, diseases 2577
  Proteaceae, conferences 7180
  Prunus armeniaca
    fruits 6672
    growth period 6672
    self incompatibility 6671
  Prunus avium
    aspartate aminotransferase 6684
    colour 1463
    fruits 1463
    incompatibility 1461
    ribonucleases 6686
    self compatibility 6685-6686
    self incompatibility 6683-6684
  Prunus cerasifera
    Meloidogyne 3285, 8976
    peroxidases 7965
  Prunus cerasus, yield components 1464
  Prunus (cherries), isoenzymes 540
  Prunus domestica 8959
    fruits 8959
    male sterility 8959
    peroxidases 7965
    plum pox potyvirus 12642, 12650
  Prunus dulcis 3374
    flowering 9024
    growth period 6766, 9024
    incompatibility 9022
    self compatibility 3381
  Prunus persica
    colour 4437
    fruits 4437, 6692
    Meloidogyne incognita 4445
    Meloidogyne javanica 4445
    quality 6692
  Prunus (plums), conferences 9228

Genetics *cont.*
  Prunus spinosa, peroxidases 7965
  Psathyrostachys huashanica, Puccinia striiformis 11916
  Pyrus bretschneideri, Venturia pirina 8940
  Pyrus communis
    growth period 12631
    Venturia pirina 8940
    vigour 12631
    yields 12631
  Pyrus pyrifolia, Venturia pirina 530, 2346, 8940
  Pyrus ussuriensis, Venturia pirina 530, 2346
  quality 10
  quantitative traits 5935-5936
  Raphanus sativus
    chlorophyll 12493
    morphology 12493
  Rosa multiflora
    colour 7082
    flowers 7082
    spines 7082
  Rubus idaeus, raspberry bushy dwarf idaeovirus 12664
  Saccharum, Glomerella tucumanensis 9063
  Salix alba, isoenzymes 2579
  Salix fragilis, isoenzymes 2579
  Sarracenia, anthocyanins 4759
  Secale cereale
    chromosome pairing 7457
    growth period 4946
    height 2008
    isoenzymes 6189
    self incompatibility 7458-7459
    spring and winter habit 4945
    vernalization 4946
    yields 2008
  Secale derzhavinii, isoenzymes 6189
  Secale montanum, isoenzymes 6189
  seeds 10
  self incompatibility 1901, 7289
  Sesamum indicum
    habit 6878
    male sterility 2481
    plant hairs 5716
    yield components 6878, 9055
  sex, conferences 11652
  Solanum chacoense, leptine 404
  Solanum fendleri, Meloidogyne chitwoodi 4304
  Solanum gourlayi, potato M carlavirus 7817
  Solanum megistacrolobum, potato M carlavirus 7817
  Solanum melongena, Phomopsis vexans 4367
  Solanum muricatum, parthenocarpy 1535
  Solanum phureja, leptine 404
  Solanum tuberosum
    Globodera pallida 12468
    Phytophthora infestans 4297, 11041-11042
    potato leaf roll luteovirus 3175
    potato M carlavirus 7817
    potato X potexvirus 12468
  Sorbus aucuparia, isoenzymes 532
  Sorghum bicolor
    cytoplasmic male sterility 228
    development 2942-2943
    growth period 229, 6237
    leaves 2943
    photoperiodism 6237-6238, 7514
    Setosphaeria turcica 12160
    tannins 1100
  Stevia rebaudiana, rebaudiosides 6912
  Trifolium pratense
    mathematics 12317
    regenerative ability 323
    somatic embryogenesis 323
  Trifolium repens, roots 5260
  triticale
    flowering 7464
    height 9585
    Puccinia graminis 2903
  Triticum
    Erysiphe graminis 5032
    Puccinia recondita 2867

Genetics *cont.*
- *Triticum aestivum*
  - aluminium 10630, 10636
  - amylases 983
  - amylose 135, 991, 996
  - boron 9514
  - chitinase 2869
  - chromosome pairing 1943, 6100, 9451
  - *Cochliobolus sativus* 11900
  - colour 3845, 11854
  - conferences 10473
  - cytoplasmic male sterility 2836
  - *Diuraphis noxia* 1019, 2869, 7421, 9536-9537
  - endosperm 996, 2853
  - *Erysiphe graminis* 1017, 1980, 1983, 5034, 6142, 7412, 8586, 9528-9529, 10641-10642, 11906
  - flowering 4990
  - *Fusarium culmorum* 3882
  - gametocides 983
  - *Gibberella zeae* 9525
  - gibberellic acid 1949, 2842, 7361
  - gibberellins 10612
  - gliadin 1000, 1961, 11876
  - glucanases 1019
  - glumes 11852
  - glutenins 997, 1963, 6126, 9486
  - growth period 4946, 4984
  - growth regulators 1949, 7361, 10612
  - heat resistance 9516
  - height 962, 964, 1949, 1952, 1954, 2842, 4949, 6114, 7360-7361, 7368, 8558, 9459, 9468, 10612
  - hybrid necrosis 2830, 7418-7419, 10650
  - inflorescences 126
  - isoenzymes 9529
  - male sterility 9458
  - *Mayetiola destructor* 1987
  - multivariate analysis 966
  - peroxidases 2869, 9529
  - photoperiodism 964, 4949, 8560, 9470
  - photosynthesis 7370
  - plant hairs 11851
  - proteins 1001, 1963
  - *Puccinia* 7414
  - *Puccinia graminis* 10644
  - *Puccinia recondita* 1018, 1984, 2863-2864, 2866, 5042, 5045, 8586, 11917, 11920-11921
  - *Puccinia striiformis* 10647, 11916
  - *Pyrenophora tritici-repentis* 11892
  - quality 2853, 5010, 9498, 10622, 11875
  - regenerative ability 5004
  - *Schizaphis graminum* 7421
  - seeds 3845, 11854
  - shedding 126
  - soil-borne wheat mosaic furovirus 3892
  - spring and winter habit 4945, 11857
  - starch 991, 996
  - *Tilletia indica* 5038, 7413
  - toxic substances 10630, 10636
  - *Ustilago segetum* 11912
  - vernalization 4946, 4984, 8560, 9470, 11857
  - water balance 11858
  - waxes 7365
  - yield components 8558, 11900
  - yields 8562
- *Triticum dicoccoides, Erysiphe graminis* 5032
- *Triticum dicoccum, Erysiphe graminis* 5032, 11907
- *Triticum durum*
  - *Diuraphis noxia* 2868
  - *Erysiphe graminis* 10642, 11909
  - glutenins 3861
  - manganese 3873
  - nutrients 3873
  - *Pyrenophora tritici-repentis* 11893
  - quality 3861
  - *Schizaphis graminum* 2868
- *Triticum ispahanicum,* glumes 3847
- *Triticum militinae*
  - *Erysiphe graminis* 8586
  - *Puccinia recondita* 8586

Genetics *cont.*
- *Triticum polonicum,* glumes 3847
- *Triticum spelta*
  - inflorescences 126
  - shedding 126
- *Triticum timopheevii*
  - *Erysiphe graminis* 8586
  - *Puccinia recondita* 2867, 8586
- *Vicia,* isoenzymes 3094
- *Vicia amoena,* isoenzymes 324
- *Vicia faba*
  - colour 356
  - isoenzymes 3094
  - proteins 5343
  - seeds 356
  - trypsin inhibitors 5343
- *Vicia unijuga,* amylases 7686
- *Vigna mungo,* yield components 1321
- *Vigna radiata*
  - mung bean yellow mosaic bigeminivirus 12438
  - proteins 3138
  - seeds 3138
  - yield components 1322
- *Vigna unguiculata*
  - blackeye cowpea mosaic potyvirus 11012
  - seeds 8806
- *Vitis labruscana,* aroma 5622
- *Vitis vinifera*
  - aroma 5622
  - *Plasmopara viticola* 1492
  - seedlessness 2377
- waxes 5959
- *Zea mays* 11981
  - anthocyanins 12069
  - *Cercospora zeae-maydis* 12120
  - chlorophyll 12075-12077
  - colour 197, 12051, 12070, 12079
  - cytoplasmic male sterility 10701
  - death 10702
  - development 2928, 8530
  - *Diabrotica virgifera* 12140
  - DNA 10584
  - domestication 5124-5125
  - endosperm 12045, 12070, 12079
  - fasciation 12056
  - gibberellins 9405
  - growth regulators 9405
  - gynoecium 10702
  - habit 12046
  - height 12074
  - *Helicoverpa zea* 10727
  - isoorientin 10727
  - light 10710
  - lysine 12098
  - male sterility 12036-12040
  - methionine 12099
  - morphology 8530
  - necroses 12077
  - nutrients 2047
  - oleic acid 211
  - *Ostrinia nubilalis* 2053, 3992
  - phosphorus 2047
  - quality 12098
  - regenerative ability 209
  - *Rhopalosiphum maidis* 12144
  - seeds 12069
  - transposable elements 2024
  - tropisms 10710
  - vascular system 10709
  - vivipary 12044-12045
  - yield components 2928

Genista
- chemotaxonomy 9165
- chromosome number 4700
- isoflavones 9165

Genomes 8518, 11785
- *Aegilops* 9450
  - chromosome banding 9538
  - DNA hybridization 9538
- *Aegilops cylindrica* 10655
- *Aegilops tauschii* 8537, 8578
- *Allium,* techniques 9931
- *Allocasuarina verticillata* 9140
- *Arabidopsis thaliana* 26
- *Avena sativa* 1050
- *Brassica campestris* 12505
- *Brassica napus* (rape)
  - colour 612
  - *Leptosphaeria maculans* 1556

Genomes *cont.*
- *Brassica napus* (rape) *cont.*
  - seeds 612
- *Brassica nigra* 12505
- *Brassica oleracea* 12505
- *Casuarina glauca* 9140
- *Citrus limon* 1517
- *Coffea arabica*
  - DNA hybridization 12792
  - restriction fragment length polymorphism 12792
- *Coffea canephora* 12792
- *Coffea eugenioides* 12792
- databases 5963-5964
- *Elymus elongatus* 1224, 5237
- *Elymus farctus* 5237
- *Elymus hispidus* 1224, 5237
- *Glycine* 2170
  - reviews 8767
- *Gossypium* 9111
- *Gossypium barbadense*
  - gene mapping 3541
  - nucleotide sequences 3541
  - restriction fragment length polymorphism 3541
- *Gymnostoma deplancheanum* 9140
- *Helianthus annuus* 3437
- *Helianthus tuberosus* 3437
- *Hordeum,* DNA hybridization 11944
- *Hordeum chilense* 8537
  - prolamins 11821
- *Musa* 1504, 1506
- *Oryza,* random amplified polymorphic DNA 4028
- *Oryza sativa* 951
- polyploidy 1887
- *Secale cereale* 8537
- *Sorghum bicolor* 951
- transposable elements 1887
- *Tripsacum* 12013
- *Triticum* 977, 8578, 9450
- *Triticum aestivum* 4971, 5237
- *Triticum durum,* prolamins 11821
- *Vicia faba* 3092
- *Zea mays* 951, 1887, 12013
  - databases 12005

Genotype environment interaction
- *Arachis hypogaea,* yield components 1575
- *Avena sativa* 950
- *Azadirachta indica,* quantitative traits 8368
- *Brassica juncea,* photoperiodism 447
- *Brassica oleracea* (cabbages) 1365
- *Brassica pekinensis,* photoperiodism 447
- *Cajanus cajan,* yield components 4230, 9868
- *Campanula rapunculoides,* flowers 9171
- cereals, quality 11819
- *Cicer arietinum,* seedlings 4227
- crops, reviews 8438
- *Cucumis sativus* 8902
- *Cucurbita pepo,* sterols 12604
- *Dahlia pinnata,* quality 9192
- *Eragrostis curvula,* germination 1226
- *Eucalyptus nitens,* wood properties 11462
- *Gladiolus,* yield components 2653
- *Glycine max* 950, 2179
  - fatty acids 3077
  - mathematics 3087
  - plant composition 354
  - seeds 354, 3077
  - yield components 7721
- *Gossypium arboreum*
  - quality 11423
  - yields 11423
- *Gossypium hirsutum* 950
  - *Helicoverpa zea* 4615
  - rooting capacity 8170
  - yield components 4615, 10263
- *Helianthus annuus*
  - oils 6860
  - yield components 6859-6860
- *Hevea brasiliensis,* yield components 2565
- *Hordeum vulgare* 950
  - development 7440-7441
  - proteins 3933
  - quality 1042, 8610, 10667
  - seeds 7441
  - stress 174, 7440

Genotype environment interaction *cont.*
  Hordeum vulgare cont.
    yield components 1042, 8610
  insects 4825
  Ipomoea batatas, yields 5484
  Leucaena 9779
    Heteropsylla cubana 334
    yield components 334
  Leucaena leucocephala
    Heteropsylla cubana 334
    yield components 334
  Linum usitatissimum (flax)
    quality 8187
    yield components 8187
  Lolium perenne, nutrients 3035
  Lupinus albus, fruits 8761
  Lupinus mutabilis, yield components 1246
  Lycopersicon cheesmanii
    quality 11114
    yields 11114
  Lycopersicon esculentum
    quality 11114
    yields 11114
  Manihot esculenta, nutrients 2254
  mathematics 868, 4818, 5949-5950
  Oryza sativa
    habit 7581
    lipids 5212
    lysine 7605
    Magnaporthe grisea 7626
    mathematics 3013
    morphology 7581
    seeds 2103, 7590
    yield components 6278, 9691, 10858, 12207
  Pennisetum glaucum, yield components 7524
  Picea abies, quantitative traits 8256
  Pisum sativum
    yield components 375, 1258
    yields 5384
  Populus, genetic markers 4646
  Populus deltoides, development 747
  Populus trichocarpa, development 747
  Raphanus sativus, photoperiodism 447
  Saccharum officinarum
    quality 12766
    yield components 10192
    yields 12766
  Secale cereale
    height 2008
    quality 182
    yields 2008
  Solanum tuberosum 8830
    tissue culture 11030
    yield components 4284, 12450
  Sorghum bicolor 2058
    yield components 5138, 7515
  statistics 3
  Theobroma cacao, yield components 4568
  Trifolium repens, stolons 8757
  Trigonella foenum-graecum, yield components 10444
  triticale, yield components 2902
  Triticum aestivum 950, 9503
    amylose 991
    heat resistance 1014
    leaves 6107
    mathematics 6133
    Puccinia recondita 3886
    quality 132
    starch 991
    tillering 6107
    water balance 1012
    waxes 1014
    yield components 1955, 3853, 3886, 4994, 9501, 10627
  Triticum dicoccoides
    nitrogen 5016
    nutrients 5016
    proteins 5016
  Triticum durum 3870
    lipoxygenase 8568
    nitrogen 5016
    nutrients 5016
    proteins 5016
    quality 3868, 8568, 11872
    yield components 5014, 6106

Genotype environment interaction *cont.*
  Vicia faba
    growth period 5342
    yield components 1258
  Vigna mungo, yields 392
  Vigna umbellata, yields 3145
  Vigna unguiculata
    haemagglutinins 6460
    nutritive value 389
    phytic acid 6460
    plant composition 389
    trypsin inhibitors 6460
  Zea mays 950
    mathematics 5949
    yield components 205, 2931, 8657
    yields 12106
Genotype mixtures
  Amaranthus hybridus 9959
  Avena sativa, Puccinia coronata 1052
  Dactylis glomerata 10882
  Festuca arundinacea 10882
  Lolium perenne 10882
  Populus deltoides 9133
  Salix 1672
  Sorghum bicolor 4004
Gentiana
  phylogeny, random amplified polymorphic DNA 792
  taxonomy 5858
Gentiana pneumonanthe, sexual reproduction 846
Gentiana triflora
  acyltransferases
    gene expression 2632
    nucleotide sequences 2632
  anthocyanins
    gene expression 2632
    nucleotide sequences 2632
Geography
  Acer 3564
  Aegilops 3896
  Asparagus asparagoides 7132
  Codonopsis pilosula, DNA fingerprinting 10419
  Desmodium 7695
  fodder legumes 7643
  Medicago 6345
  Medicago sativa 7674
  Nothofagus nervosa, chloroplast genetics 752
  Pinus halepensis 761
  Theobroma 6918
  Vigna 3135
Geranium (*see also Pelargonium*)
  taxonomy 8316, 8320
Geranium planum, taxonomy 5860
Geranylgeranyl reductase
  Nicotiana tabacum
    gene expression 11379
    genetic transformation 11379
Gerbera
  biotechnology 11530
  flavone synthase, genetics 9176
  somaclonal variation 11530
Gerbera hintonii, nomenclature 3609
Gerbera hybrida
  development
    gene expression 3603
    nucleotide sequences 3603
  dihydrokaempferol 4-reductase
    gene expression 1727
    nucleotide sequences 1727
    promoters 1727
  flowers
    gene expression 3603, 11535
    nucleotide sequences 3603, 11535
  gibberellins
    gene expression 11535
    nucleotide sequences 11535
  2-pyrone synthase, genetic transformation 1735
  quality 2635
Gerbera jamesonii
  development 1734
  flowering 1734
  flowers, heritability 11539
  Tetranychus urticae 11545
  yield correlations 8314
Germany, Bundesanstalt für Züchtungsforschung an Kulturpflanzen, reports 7174

Germin
  Nicotiana tabacum
    gene expression 5025
    genetic transformation 5025
  Triticum aestivum
    gene expression 5025
    genetic transformation 5025
Germin-like proteins, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 11742
Germination
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 2772
    induced mutations 909
    molecular genetics 9315
    mutations 9334
  Arachis hypogaea 3464
  Beta vulgaris (sugarbeet)
    genetic variance 677
    genetics 12781
    heritability 677
  Brassica campestris 2459
    lethals 6809
  Brassica juncea, induced mutations 10112
  Brassica napus (rape) 2459
  Cannabis 2561
  Cicer arietinum 9860
  Cimicifuga nanchuanensis 8361
  Cocos nucifera 641
  Crambe abyssinica, induced mutations 6882
  Cucumis melo 12594
  Dasypyrum villosum 2841
  Eragrostis curvula, genotype environment interaction 1226
  fodder legumes 7647
  Glycine max 350, 6397, 9796
  Glycine soja 6397
  Gossypium hirsutum 5789
  Hibiscus cannabinus 2564
  Hordeum spontaneum 9564
  Hordeum vulgare 1928
    gene expression 5063
    germplasm releases 3923
    induced mutations 3923
  Lactuca sativa 4340
  Lesquerella fendleri, natural selection 651
  Lolium multiflorum 6326
  Lotus, heritability 12338
  Lotus uliginosus, heritability 12338
  Lupinus hispanicus 10928
  Lycopersicon 6570
    restriction fragment length polymorphism 7900
  Lycopersicon esculentum 1387, 12536
  Malpighia emarginata, artificial selection 6760
  Nigella sativa, induced mutations 5906
  Olea europaea, combining ability 11321
  Oryza sativa 4069, 5188
    gene expression 7589
    genetics 2979
  Pennisetum glaucum 3799
  Phaseolus vulgaris 8784
  Picea glauca 1697
  Pinus 3568
  Pistacia atlantica 3410
  Pistacia khinjuk 6773
  Pisum sativum 1299, 5373
  Rubus chamaemorus 3294
  Sorghum bicolor 3799
  triticale 1928
  Triticum aestivum 981, 984, 1928, 7363
  Triticum durum 984, 1928, 2841
  Tsuga mertensiana, heritability 9150
  Vaccinium vitis-idaea 3294
  Vigna radiata 395
  Zea mays 7488, 7506
    artificial selection 9631
    molecular genetics 9315
Germins
  Arabidopsis thaliana, nucleotide sequences 2742
  Pinus caribaea
    gene expression 3571
    nucleotide sequences 3571
Germplasm banks (*see* Gene banks)
Germplasm releases
  Aegilops tauschii, Erysiphe graminis 11911

Germplasm releases *cont.*
- *Arachis hypogaea*
  - *Diabrotica undecimpunctata* 4542
  - growth period 2479
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 2489
  - *Aphanomyces cochlioides* 12785
  - beet necrotic yellow vein furovirus 2502
  - *Cercospora beticola* 6910, 12785
  - *Rhizoctonia solani* 6910
  - sucrose 6908
  - tissue culture 2498
- *Carthamus tinctorius* 6862
  - fatty acids 6864
  - oleic acid 6864
- crops 4928
- *Cucumis sativus* 2323
- *Cucurbita moschata,* quality 7923
- *Glycine max* 6385, 7717
  - *Epilachna varivestis* 7731, 12374
  - *Fusarium solani* 7723
  - *Heterodera glycines* 7723
  - nodulation 4196
  - palmitic acid 4191
  - quality 2178
- *Gossypium* 2543
- *Gossypium barbadense,* quality 4614
- *Gossypium hirsutum* 8161
  - diseases 4616-4617
  - leaves 4609
  - *Meloidogyne incognita* 6973
  - nectaries 4609
  - pests 4616-4617
- *Helianthus annuus*
  - fatty acids 6856
  - *Sclerotinia sclerotiorum* 6861
- *Hordeum vulgare*
  - abscisic acid 3923
  - *Diuraphis noxia* 11968
  - germination 3923
- *Lycopersicon esculentum*
  - phytoplasmas 2306
  - viruses 2306
- *Medicago sativa*
  - *Acyrthosiphon kondoi* 4136
  - grazing 2148
  - persistence 2148
- *Nicotiana tabacum*
  - alkaloids 2534
  - growth period 11381
- *Oryza sativa,* compatibility 7572
- *Parthenium argentatum* 6985
- *Pennisetum glaucum* 10768
  - cytoplasmic male sterility 4012-4013
  - growth period 4012, 10772
  - height 10773-10776
  - photoperiodism 4012
- *Phaseolus vulgaris*
  - bean common mosaic necrosis potyvirus 4209
  - bean common mosaic potyvirus 2200, 2204, 4209, 4214
  - bean curly top virus 2204
  - curly top virus 4214
  - *Fusarium oxysporum* 2200
  - *Sclerotinia sclerotiorum* 4213
  - viruses 7751
  - *Xanthomonas campestris* 7749
- *Piper nigrum*
  - quality 12963
  - yields 12963
- *Prunus* 10031
- *Psathyrostachys juncea,* polyploidy 4107
- *Saccharum*
  - *Diatraea saccharalis* 4561
  - height 6899
  - leaves 6899
- *Saccharum officinarum,* development 6898
- *Solanum tuberosum, Phytophthora infestans* 5475
- *Sorghum bicolor* 10733
  - aluminium 10758
  - birds 10761
  - cytoplasmic male sterility 6239, 7512, 10739-10740, 10745-10747
  - digestibility 10754
  - growth period 6239, 10749
  - height 6239
  - photoperiodism 10749
  - quality 10755

Germplasm releases *cont.*
- *Sorghum bicolor cont.*
  - seeds 10761
  - *Spodoptera frugiperda* 4008
  - *Stenodiplosis sorghicola* 4008, 10762
  - toxic substances 10758
- *Triticum aestivum* 3811
  - *Aceria tosichella* 7399
  - *Erysiphe graminis* 7411, 11910-11911
  - male sterility 11848
  - *Mycosphaerella graminicola* 7399
  - *Puccinia recondita* 7415-7416
  - *Pyrenophora tritici-repentis* 7404
  - *Stagonospora nodorum* 7399
  - yield components 7371
- *Vigna radiata* 9874
- *Zea mays* 3951, 11980
  - amylose 10714
  - ornamental value 1081

Gibberella cyanogena, *Solanum tuberosum* 2244, 3168

Gibberella fujikuroi
- *Ananas comosus* 8017
- *Oryza sativa* 12243
- *Sorghum bicolor* 2948
- *Zea mays* 12114
  - techniques 12119

Gibberella pulicaris, *Solanum tuberosum* 8838

Gibberella zeae
- *Hordeum vulgare* 6156
- *Triticum, Triticum macha,* gene location 5027
- *Triticum aestivum* 7408
  - amplified fragment length polymorphism 9523
  - combining ability 5028
  - gene mapping 9523-9524
  - genetic markers 11905
  - genetics 9525
  - linkage 9524
  - restriction fragment length polymorphism 1016, 9523, 11905
- *Triticum macha,* gene mapping 2860
- *Zea mays* 10722
  - artificial selection 5128

Gibberellic acid
- *Arabidopsis thaliana,* molecular genetics 2764
- *Hordeum vulgare*
  - gene mapping 7428
  - microsatellites 7428
  - restriction fragment length polymorphism 7428
- *Lycopersicon esculentum*
  - gene expression 3236
  - genetic transformation 3236
- *Petunia,* gene expression 11549
- *Pisum sativum* 1300
  - gene expression 374
  - mutations 2209
- *Raphanus sativus* 2260
- *Setaria italica,* mutations 2063
- *Triticum aestivum* 4983
  - genetics 1949, 2842, 7361

Gibberellins
- *Actinidia deliciosa,* genetic transformation 3339
- *Arabidopsis thaliana*
  - development 1854
  - gene expression 1854, 2772-2773, 4887, 9348, 11770
  - genetic engineering 10587
  - genetic transformation 1854, 2773, 4887, 9348
  - genetics 9405
  - molecular genetics 914
  - mutations 914, 6031, 10521, 11770
  - nucleotide sequences 10587
- *Cajanus cajan* 1313
- *Cucurbita maxima*
  - gene expression 9348
  - genetic engineering 9348
- gene expression, reviews 876, 9259
- *Gerbera hybrida*
  - gene expression 11535
  - nucleotide sequences 11535
- *Hordeum vulgare*
  - gene expression 2875, 6171, 11945
  - mutations 9554
  - promoters 11945

Gibberellins *cont.*
- *Lactuca sativa*
  - gene expression 4341
  - nucleotide sequences 4341
- *Lolium temulentum,* gene expression 6323
- *Lycopersicon esculentum*
  - gene expression 4354, 7887
  - mutations 5526, 11106
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 6171, 11365
  - genetic transformation 4585, 11365
- *Oryza sativa*
  - gene expression 3339, 4064
  - genetic engineering 3339
  - genetic transformation 10587
- *Pennisetum glaucum,* heterosis 2950
- *Pisum sativum*
  - gene expression 9837, 10988
  - genetics 9405
  - mutations 7758, 9837
  - nucleotide sequences 10988
- *Solanum dulcamara*
  - development 1854
  - gene expression 1854
  - genetic transformation 1854
- *Solanum tuberosum,* gene expression 9900
- *Sorghum bicolor* 229
- *Triticum aestivum*
  - gene expression 3842
  - genetic engineering 10587
  - genetics 10612
  - nucleotide sequences 10587
- *Zea mays*
  - genetic engineering 10587
  - genetics 9405
  - nucleotide sequences 10587

Gigartina, taxonomy, techniques 10462

Gilia achilleifolia
- isoenzymes, evolution 1740
- morphology, evolution 1740
- ribosomal RNA, evolution 1740

Ginkgo biloba
- ribosomal DNA
  - evolution 8267
  - nucleotide sequences 8267
- tissue culture 9152

Girardinia diversifolia, chromosome morphology 8188

Gladiolus
- bean yellow mosaic potyvirus 2655
- breeding 8328
- chimaeras 7117
- colour
  - chimaeras 7117
  - induced mutations 7117
  - somaclonal variation 7115
- development, stability 1749
- elongation factors
  - gene expression 10387
  - genetic transformation 10387
  - promoters 10387
- flowers 11553
- gamma radiation 7117
- mannopine synthase
  - gene expression 10387
  - genetic transformation 10387
  - promoters 10387
- ovule culture 4749, 7117
- pollination 11553
  - books 4801
- somatic embryogenesis 7115
- taxonomy, books 4801
- variety trials 5866
- yield components
  - combining ability 2649
  - genotype environment interaction 2653
  - multivariate analysis 8335
- yield correlations 2648

Gladiolus carneus, tissue culture 1750

Gladiolus saxatilis, nomenclature 11557

Glands (*see* Plant glands)

Gleditsia, phylogeny, chloroplast genetics 3565

Gleditsia japonica, isoenzymes, population genetics 10305

Gliadin
- *Aegilops,* genetic variation 11937
- *Hordeum chilense,* linkage 11820

- **Gliadin** *cont.*
  - *Triticum aestivum* 1958, 2852, 4985, 6102, 6146, 7396, 9460
    - chromosome translocation 4969, 9494
    - gene expression 9488
    - gene location 4969
    - genetic markers 96
    - genetic variation 4991
    - genetics 1000, 1961, 11876
    - nucleotide sequences 9488, 11871
    - polymorphism 6119
  - *Triticum boeoticum,* polymorphism 3859
  - *Triticum dicoccum,* polymorphism 9497
  - *Triticum durum* 6123, 9485
    - linkage 11820
  - *Triticum spelta* 2852
    - nucleotide sequences 11871
    - polymorphism 9497
  - *Triticum urartu,* polymorphism 3859
- ***Gliricidia sepium***
  - provenance trials 1248
  - sexual reproduction 1677
  - vegetative propagation 1677
- ***Globodera pallida***
  - *Solanum* 11044
  - *Solanum tuberosum* 4306, 8843
    - genetic transformation 6494
    - genetics 12468
  - *Solanum vernei* 4306
- ***Globodera rostochiensis***
  - *Solanum* 11044
  - *Solanum tuberosum* 4305
- **Globulins**
  - *Amaranthus* 297
  - *Coffea arabica*
    - gene expression 10209
    - nucleotide sequences 10209
  - *Daucus carota,* gene expression 11047
  - *Herrania,* nucleotide sequences 12796
  - *Lupinus,* chemotaxonomy 12334
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 10209
    - genetic transformation 10209
  - *Theobroma,* nucleotide sequences 12796
  - *Tripsacum dactyloides*
    - evolution 1085
    - nucleotide sequences 1085
  - *Zea*
    - evolution 1085
    - nucleotide sequences 1085
- ***Gloeosporium*** *(see also Colletotrichum; Glomerella; Pyrenopeziza)*
- ***Glomerella*** *(see also Colletotrichum)*
- ***Glomerella cingulata***
  - *Anacardium occidentale* 2439
  - *Cajanus cajan* 12421
  - *Capsicum annuum* 504, 7915
  - *Dioscorea bulbifera*
    - gene expression 8851
    - nucleotide sequences 8851
  - *Fragaria ananassa* 2369
  - *Lupinus albus* 12336
  - *Lupinus angustifolius* 12336
  - *Mangifera indica* 10079, 11240
    - *in vitro* selection 8016
    - random amplified polymorphic DNA 8016
  - *Manihot esculenta* 12478
- ***Glomerella tucumanensis***
  - *Saccharum,* genetics 9063
  - *Saccharum officinarum* 1592-1593, 12770
    - stability 12769
    - techniques 1591, 12768
- **β-Glucan,** *Hordeum vulgare* 167, 3934
- **Glucan branching enzyme**
  - *Aegilops tauschii*
    - gene mapping 3898
    - nucleotide sequences 3898
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 1034
    - nucleotide sequences 1034
  - *Solanum tuberosum*
    - genetic transformation 9892
    - nucleotide sequences 9892
  - *Triticum aestivum*
    - gene expression 9467
    - genetic transformation 9490
  - *Zea mays,* nucleotide sequences 2910
- **Glucan endo-1,3-β-D-glucosidase**
  - *Actinidia deliciosa,* genetic transformation 6720
  - *Glycine max,* genetic engineering 6720
- **Glucanases**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4876
    - nucleotide sequences 4876
  - *Fragaria ananassa*
    - gene expression 10043
    - nucleotide sequences 10043
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 6161
    - genetic transformation 6161
  - *Nicotiana plumbaginifolia,* genetic engineering 5771
  - *Nicotiana sylvestris*
    - gene expression 6935
    - genetic transformation 6935
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 2527, 5771
    - genetic transformation 5771
    - promoters 2527
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 2962
    - nucleotide sequences 10803
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 5771
    - genetic transformation 5771
  - *Triticum aestivum,* genetics 1019
  - *Vitis vinifera,* gene expression 2378
  - *Zea mays* 221
- **Glucans,** *Hordeum vulgare* 5074, 6163, 8611
- **Glucides,** *Malus pumila* 12626
- **Glucokinase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 9099
    - genetic transformation 9099
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 7805
    - genetic transformation 7805
- **Glucose,** *Arabidopsis thaliana,* mutations 50, 57
- **Glucose oxidase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 8152
    - genetic transformation 8152
- **Glucose-1-phosphate adenylyltransferase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 2741, 10507
    - nucleotide sequences 6002, 10507
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 7426
    - genetic engineering 7426
  - *Ipomoea batatas,* genetic engineering 10221
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 8879
    - nucleotide sequences 8879
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 9099
    - genetic transformation 9099, 10221
  - *Solanum tuberosum*
    - genetic transformation 5465
    - mutations 403, 1332
- **Glucose-6-phosphate 1-dehydrogenase**
  - *Glycine max*
    - gene expression 3089
    - nucleotide sequences 3089
  - *Solanum tuberosum,* nucleotide sequences 11023
- **Glucose-6-phosphate isomerase**
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), gene expression 8112
  - *Lolium boucheanum,* genetics 7658
- **Glucosidases**
  - *Costus speciosus,* genetic engineering 11372
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 11372
    - genetic transformation 11372
  - *Pinus contorta*
    - gene expression 10317
    - nucleotide sequences 10317
  - *Polygonum tinctorium*
    - gene expression 8358
    - nucleotide sequences 8358
  - *Zea mays*
    - gene expression 6208
    - genetic transformation 6208
- **Glucosidases** *cont.*
  - *Zea mays cont.*
    - transposable elements 1063
- **Glucosinolates**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 9380
  - *Brassica campestris* 10139
  - *Brassica carinata,* induced mutations 6824
  - *Brassica juncea* 6820
  - *Brassica napus* 10139
  - *Brassica napus* (rape) 589, 4507, 6800, 6820, 6826, 12717, 12725
    - combining ability 6815
    - heterosis 6815
    - techniques 623
  - *Brassica nigra* 10139
  - *Brassica oleracea* (broccoli) 9949
  - *Brassica oleracea* (Brussels sprouts) 11072
    - heritability 12509
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers) 12514
  - Brassicaceae 615
  - *Sinapis alba* 10139
    - artificial selection 6842, 10151
    - evolution 2465
    - nucleotide sequences 2465
- **Glucosyltransferases**
  - *Gossypium hirsutum,* nucleotide sequences 4602
  - *Nicotiana tabacum,* gene expression 5763, 5773
- **β-Glucuronidase**
  - *Ageratum conyzoides*
    - gene expression 4834
    - genetic transformation 4834
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1841
    - genetic transformation 899, 1841
  - *Citrus*
    - gene expression 6742
    - genetic transformation 6742
  - *Gossypium hirsutum*
    - genetic transformation 11405
    - genetics 11405
  - *Lotus japonicus*
    - gene expression 1841
    - genetic transformation 1841
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 5756
    - genetic transformation 5756
- **Glufosinate**
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 8115
    - genetic transformation 2505, 10107, 12777
  - *Brassica chinensis,* genetic transformation 3225
  - *Brassica* (Chinese cabbages), genetic transformation 7854
  - *Brassica napus* (rape)
    - genetic engineering 4521
    - genetic transformation 627-628, 3721, 5667, 6784, 6839-6840, 10107
    - techniques 628
  - crops
    - biosafety 5958
    - genetic transformation 5958
  - genetic transformation 1815
  - *Oryza sativa*
    - genetic transformation 4033, 5204, 7632, 9716, 12267
    - genetics 9716
  - *Saccharum*
    - gene expression 9064
    - genetic transformation 9064
  - *Saccharum officinarum,* genetic transformation 2486, 3491
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 6495
    - genetic transformation 6495
  - *Triticum aestivum,* genetic transformation 2870, 7347
  - *Zea mays,* genetic transformation 10107
- **Glumes**
  - *Triticum aestivum* 1961
    - genetics 11852
  - *Triticum ispahanicum,* genetics 3847
  - *Triticum polonicum,* genetics 3847
  - *Zea mays*
    - gene dosage 12061
    - mutations 12061

Glutamate-ammonia ligase
  Brassica napus (rape)
    gene expression 5678, 6803, 9030
    genetic transformation 9030
    nucleotide sequences 5678
    restriction fragment length polymorphism 9030
  Glycine max
    gene expression 5305
    genetic transformation 5305
  Helianthus annuus
    gene expression 11280
    molecular genetics 4525
    polymerase chain reaction 4525
  Juglans nigra, nucleotide sequences 12709
  Lotus corniculatus
    gene expression 5305
    genetic transformation 5305
  Lotus japonicus, nucleotide sequences 6370
  Medicago sativa, nucleotide sequences 6351
  Oryza sativa, genetic transformation 7579
  Triticum aestivum
    molecular genetics 7348
    nucleotide sequences 7348
  Vigna mungo, heterosis 1320
  Vigna radiata, heterosis 1320
  Zea mays, genetic engineering 2020
Glutamate-cysteine ligase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 64, 885
    genetic transformation 885
    nucleotide sequences 885
  Medicago truncatula, nucleotide sequences 4126
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 9105
  Populus canescens, gene expression 1668
Glutamate decarboxylase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 23
    nucleotide sequences 23
Glutamate dehydrogenase
  Arabidopsis thaliana, polymorphism 3744
  Nicotiana plumbaginifolia, nucleotide sequences 10217
Glutamate receptors, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 895
Glutamate synthase
  Arabidopsis thaliana, mutations 1856
  Medicago sativa
    gene expression 6353
    genetic transformation 6353
Glutamate synthase (NADH)
  Oryza sativa
    gene expression 7553
    nucleotide sequences 7553
Glutamate-tRNA ligase, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 1837
Glutamyl-tRNA reductase
  Arabidopsis thaliana, gene expression 10555
  Glycine max, gene expression 9805
Glutamylcysteine synthetase
  Nicotiana tabacum
    gene expression 12814
    genetic transformation 12814
Glutaredoxin, *Lycopersicon esculentum,* nucleotide sequences 5522
Glutathione
  Arabidopsis thaliana, gene expression 65
  Nicotiana tabacum
    gene expression 12814
    genetic transformation 12814
  Populus, genetic transformation 748
Glutathione γ-glutamylcysteinyltransferase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 9372, 10551
    nucleotide sequences 9372, 10551
Glutathione peroxidase
  Helianthus annuus
    gene expression 2468
    nucleotide sequences 2468
  Nicotiana tabacum, gene expression 2535
Glutathione reductase
  Brassica juncea, nucleotide sequences 11256

Glutathione reductase *cont.*
  Gossypium hirsutum, genetic transformation 11426
  Lycopersicon esculentum 4357
    gene expression 4357
    genetic transformation 4357
  Lycopersicon peruvianum 4357
  Nicotiana tabacum
    gene expression 8136
    genetic transformation 8136
  Oryza sativa
    gene expression 4046
    nucleotide sequences 4046
  Pisum sativum
    gene expression 11426
    genetic engineering 11426
  Populus canescens, genetic transformation 5806
Glutathione synthase
  Arabidopsis thaliana, nucleotide sequences 11744
  Brassica juncea
    gene expression 4517
    genetic transformation 4517
  Medicago truncatula, nucleotide sequences 4126
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 9105
  Populus canescens
    gene expression 1668
    genetic transformation 5806
Glutathione transferase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 4898, 7241
    genetic transformation 7241
    induced mutations 7241
    nucleotide sequences 6003
  Hordeum vulgare
    gene mapping 960
    restriction fragment length polymorphism 960
  Nicotiana tabacum
    genetic engineering 7241
    promoters 7241
  Oryza sativa
    gene expression 9718
    nucleotide sequences 9718
  Triticum aestivum
    gene mapping 960
    nucleotide sequences 6093
    restriction fragment length polymorphism 960
  Zea mays, gene expression 10707, 12148
Glutelins
  Nicotiana tabacum
    gene expression 9695
    genetic transformation 9695
  Oryza sativa
    gene expression 9695
    genetic engineering 9695
Gluten
  Triticum aestivum 1961, 2849, 3865
  Triticum durum 3865
Glutenins
  Aegilops tauschii
    gene expression 3866
    nucleotide sequences 3897, 8578
    polymerase chain reaction 8578
  Hordeum chilense, linkage 11820
  Triticum
    genetic variation 3858
    nucleotide sequences 8578
    polymerase chain reaction 8578
  Triticum aestivum 999, 1939, 1953, 1958, 2852, 3864, 4985, 5011, 6146, 7384, 8570
    artificial selection 7377
    chromosome translocation 4969, 5009, 9492-9494
    gene expression 9488
    gene location 4969
    genetic markers 96, 6150
    genetic transformation 7376, 9442, 9489
    genetics 997, 1963, 6126, 9486
    induced mutations 10624
    nucleotide sequences 3856, 9488, 9495
    techniques 138
    variety classification 8566

Glutenins *cont.*
  Triticum boeoticum
    gene expression 3866
    nucleotide sequences 3857
    polymorphism 3859
  Triticum dicoccum, polymorphism 9497
  Triticum durum 9485
    chromosome translocation 9492-9493
    gene expression 11878
    genetic transformation 11878
    genetics 3861
    linkage 11820
    nucleotide sequences 6088, 9495
    polymorphism 3860, 3862
  Triticum spelta 2852
    polymorphism 9497
  Triticum urartu, polymorphism 3859
Glycans, *Arabidopsis thaliana,* mutations 9335
Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase
  Manihot esculenta, nucleotide sequences 7826
  Nicotiana tabacum
    gene expression 8144-8145
    genetic transformation 8144-8145
Glycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase
  Cucurbita ficifolia, nucleotide sequences 9997
  Oryza sativa, nucleotide sequences 1130
  Vicia faba, nucleotide sequences 10959
Glycine
  abscisic acid 9794
  colour, artificial selection 9797
  cultivars, Keza-1 2166
  ethylene 9794
  genomes 2170
    reviews 8767
  green manures 2166
  growth regulators 9794
  Heterodera glycines 12372
  histones, nucleotide sequences 12351
  interspecific hybridization 9794
  phylogeny, nucleotide sequences 2170
  pollination 9794
  random amplified polymorphic DNA 10949
  ribosomal DNA, nucleotide sequences 2170
  seeds, artificial selection 9797
  taxonomy, nucleotide sequences 12351
Glycine dehydrogenase (decarboxylating)
  Amaranthus edulis, mutations 5062
  Hordeum vulgare, mutations 5062
Glycine max
  abscisic acid 9794
  alternative oxidase
    gene expression 1274
    nucleotide sequences 9792
  amine oxidase (copper-containing), gene expression 5291
  amplified fragment length polymorphism 4174
  Arachis hypogaea, intergeneric hybridization 6392
  aspartate kinase
    gene expression 8766, 9793
    nucleotide sequences 8766, 9793
  Bacillus thuringiensis, genetic transformation 2169
  backcrossing 3081
  bacteria 12352
  bacterial artificial chromosomes 7725
  bean golden mosaic bigeminivirus 7726
  Bilobata subsecivella 4199
  Bradyrhizobium
    amplified fragment length polymorphism 5321
    linkage 5321
    molecular genetics 1267
  breeding 336, 1912, 2164, 4162-4163, 7696
    history 2163, 7697, 9783
  Calonectria ilicicola 9809
  canopy, gene mapping 3078
  carbon dioxide 6395
  Cassia obtusifolia, intergeneric hybridization 6392
  Cercospora sojina 2185, 9808, 12354
  chalcone isomerase
    gene expression 3089

***Glycine max* cont.**
  chalcone isomerase *cont.*
    nucleotide sequences 3089
  chitinase 5320
    nucleotide sequences 7710
  chlorine 10957
  chlorophyll
    linkage 5312
    mutations 5311-5312
  chlorosis, artificial selection 4160
  chromosome aberrations 344
  chromosome addition 4178
  chromosomes, polymerase chain reaction 7715
  chymotrypsin inhibitors 5319
  Cifuna locuples 7728
  colour
    genetics 2172-2173, 5310
    induced mutations 5300
    linkage 2171, 5311
    mutations 2171
  conglycinin
    gene expression 5295
    nucleotide sequences 9790
  Corticium rolfsii 12357
  crop density 4165, 4184, 5323
  cultivars
    Apollo 1265
    Blackjack-21 1261
    characteristics 6388-6390, 9788
    Daewonkong 7707
    Daksoy 4172
    Derry 4168
    Donegal 4169
    Dwight 1266
    Heihe-14 7708
    Ilpumgeomjeongkong 7704
    Jangmikong 7705
    Jim 4171
    Jinong-6 4166
    LS90-1920 6387
    Melrose 4173
    MN0301 7703
    MN1301 7702
    Norpro 7701
    OAC Bayfield 3070
    OAC Brussels 3071
    OAC Salem 3072
    OAC Sparta 3073
    OAC Thames 3074
    Ohsuzu 10946
    Olympus 1264
    Pace 1263
    Pana 1262
    Prolina 6386
    Stressland 7700
    Sui Nong-12 4167
    Tawonkong 7706
    Tyrone 4170
    Yudou-24 9787
    Yudou-25 9786
  cysteine proteinase inhibitors, gene expression 6403
  cysteine proteinases, gene expression 6403
  cytoplasmic male sterility 345
    artificial selection 9795
    genetics 9795
    microsatellites 9795
  death, gene expression 6403
  determinate and indeterminate habit 1271, 4184
  development
    epistasis 4182-4183
    gene expression 1274
    genetics 4182-4183
    multivariate analysis 1278
  Diaporthe phaseolorum 9808
  DNA 12345
  DNA binding proteins, chloroplast genetics 7712
  drought resistance 6402
  embryo culture 3083, 4188
  endoglucanase, genetic transformation 12461
  enzymes 5331
  Epilachna varivestis, germplasm releases 7731, 12374
  ethidium bromide 3076
  ethylene 8773, 9794
    induced mutations 6404

***Glycine max* cont.**
  ethylene *cont.*
    mutations 9806, 10956
  experimental design 9784
  fatty acid desaturases
    induced mutations 9801-9802
    restriction fragment length polymorphism 9801-9802
  fatty acids 7720
    artificial selection 12349
    genetics 12349
    genotype environment interaction 3077
    induced mutations 9801-9803
    restriction fragment length polymorphism 9801-9803
  ferritin, genetic engineering 3533, 5296
  flowering 1271
  flowers
    genetics 2172, 5310
    linkage 5311
  fructose-bisphosphatase
    gene expression 343
    nucleotide sequences 343
  fungi 12358
  Fusarium 12353
  Fusarium solani, germplasm releases 7723
  gamma radiation 3076, 3082, 5300, 5309
  gene mapping 340
  genetic engineering 3790
    techniques 11798, 12343
  genetic markers 4176, 7713, 12344
  genetic resources 335, 4161, 4164, 7698
  genetic transformation 2168, 6392, 7709, 7716
  genotype environment interaction 950, 2179
    mathematics 3087
  germination 350, 6397, 9796
  germplasm releases 6385, 7717
  glucan endo-1,3-β-D-glucosidase, genetic engineering 6720
  glucose-6-phosphate 1-dehydrogenase
    gene expression 3089
    nucleotide sequences 3089
  glutamate-ammonia ligase
    gene expression 5305
    genetic transformation 5305
  glutamyl-tRNA reductase, gene expression 9805
  glycinin
    gene expression 12183
    genetic engineering 7610, 12183
    genetic transformation 9798
  glyphosate
    genetic transformation 1281, 3075, 10953, 12343
    polymerase chain reaction 3075
  growth period 2181, 9796
    artificial selection 12347
    genetics 10951, 12346
  growth regulators 4180, 8773, 9794
    mutations 9806, 10956
  habit
    artificial selection 1272-1273
    genetics 5303
  haemoglobin
    gene expression 11489
    promoters 11489
  heat shock proteins 4180
  height 5323
    gene mapping 3078
  Helicoverpa zea
    genetic markers 7730
    restriction fragment length polymorphism 7730
  herbicides
    genetic transformation 1281, 3075, 10953, 12343
    polymerase chain reaction 3075
  Heterodera glycines 1262, 1266, 2187, 9808, 9810, 12366, 12368-12370
    artificial selection 7727
    gene expression 12365
    gene mapping 2188, 8775
    genetics 5333, 12362
    germplasm releases 7723
    linkage 6406
    repetitive DNA 8775

***Glycine max* cont.**
  Heterodera glycines cont.
    restriction fragment length polymorphism 2188, 6406, 12363
    techniques 12371
  homoserine dehydrogenase
    gene expression 8766, 9793
    nucleotide sequences 8766, 9793
  hybrid seed production 6393
  insects 7728, 9811, 12373
  interspecific hybridization 2166, 3081, 4178, 5306-5307, 5313, 5315, 6397, 9794, 9797, 12361
  isocitrate dehydrogenase
    gene expression 9791
    nucleotide sequences 9791
  isoenzymes 5320
    linkage 5311
  isoflavones 3079, 4189
    genetics 2175
  leaves 4181
    genetics 2173, 5299
    induced mutations 5300
    linkage 2171
    mutations 2171, 5299, 8768
  lectins 5319, 9799
    gene expression 348
    genetic engineering 348
  legislation 2168
  light
    gene expression 694
    genetic transformation 694
  linolenic acid
    genetic variance 4193
    genetics 4193
    induced mutations 6400, 9801
    mutations 352
    restriction fragment length polymorphism 9801
  lipoxygenase, genetics 8770
  lysine, genetic engineering 12350
  malate dehydrogenase
    genetics 2173
    linkage 2171
    mutations 2171, 8768
  male sterility
    gene mapping 4179
    genetics 6393
    restriction fragment length polymorphism 4179
    stability 6394
  mechanical damage, techniques 1279
  Melanagromyza sojae 4200
    genetics 5334
  Meloidogyne incognita 12364
  molecular genetics 4176
  morphology 5304
  mutagens 3076, 5309
  Myrothecium roridum 12356
  NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase 4900
  naringenin-chalcone synthase
    gene expression 7711
    nucleotide sequences 7711
  Nematoda 12367
  nitrates
    gene expression 2167
    nucleotide sequences 2167
  nitrogen 1270
  nodulation 8772
    gene expression 4177, 9805, 9807
    genetic engineering 4177
    germplasm releases 4196
    mutations 6401, 8773, 9806, 10956
    nucleotide sequences 9807
    promoters 4177
  nodulins
    gene expression 9804
    genetic transformation 9701
    nucleotide sequences 9804
  nutrients 353, 12366
    gene expression 2167
    genetics 10955
    nucleotide sequences 2167
  nutritive value 6399, 9799
  oils 5317
  oleic acid
    induced mutations 9802
    restriction fragment length polymorphism 9802
  oxidation 4900, 6402

***Glycine max* cont.**
- palmitic acid
  - artificial selection 12349
  - genetic transformation 10954
  - genetic variance 4192
  - genetics 3084, 4192, 12349
  - germplasm releases 4191
  - mutations, genetics 8771
  - techniques 10954
- peanut bud necrosis tospovirus 12360
- *Peronospora manshurica* 5327
- *Phialophora gregata*
  - amplified fragment length polymorphism 4197
  - gene mapping 4197
  - restriction fragment length polymorphism 4197
- *Phomopsis longicolla*
  - genetic markers 12359
  - restriction fragment length polymorphism 12359
- phosphate transporters, nucleotide sequences 10583
- phospholipids, genetic transformation 10953
- phosphorus 353
  - gene expression 3792
- photoperiodism 346, 1268, 5308
  - epistasis 4182-4183
  - genetics 4182-4183
- photosynthesis 1269, 5304
- phylogeny
  - mitochondrial genetics 3086
  - restriction fragment length polymorphism 3086
- *Phytophthora infestans,* genetic transformation 12461
- *Phytophthora sojae* 2186, 3090
  - genetics 1280, 5329-5330
  - heritability 4198
  - induced mutations 6404
  - linkage 7725
- plant composition 6399
  - genotype environment interaction 354
- plant embryos
  - gene expression 5285
  - nucleotide sequences 5285
- *Pleosphaerulina sojicola* 12356
- pollination 9794
- polygalacturonase, gene expression 12365
- polymerase chain reaction 10948
- promoters
  - gene expression 5305
  - genetic transformation 5305
- protein kinase
  - molecular genetics 1267
  - nucleotide sequences 6391
- protein-tyrosine phosphatase
  - gene expression 5285
  - nucleotide sequences 5285
- proteinase inhibitors
  - gene expression 4201, 6396
  - genetic engineering 4201
  - nucleotide sequences 5298, 6396
- proteins 5317
  - artificial selection 4194, 5307
  - gene expression 347, 12348
  - genetic engineering 12350
  - genetics 8770
  - polymorphism 6398
  - variety classification 6398
- *Pseudomonas savastanoi* 7724
- *Pseudomonas syringae*
  - gene expression 3089
  - induced mutations 6404
  - nucleotide sequences 3089
- quality 350, 4190, 7720, 8769
  - artificial selection 4194, 7719
  - genetic engineering 9800
  - genetic variance 4192-4193
  - genetics 4192-4193
  - germplasm releases 2178
  - linkage 6406
  - restriction fragment length polymorphism 6406
- random amplified polymorphic DNA 335, 337-339, 4175, 5297, 10948
- regenerative ability 4188
- restriction fragment length polymorphism 341, 4164, 7713

***Glycine max* cont.**
- *Rhizoctonia solani,* induced mutations 6404
- ribonucleotide reductase, nucleotide sequences 8765
- ribulose-bisphosphate carboxylase
  - gene expression 694
  - genetic transformation 694
- *Sclerotinia sclerotiorum* 6405, 12355
  - genetics 5328
  - heritability 5328
- seeds 350, 5317, 6397, 8772
  - gene expression 12348
  - genetics 2172-2173
  - genotype environment interaction 354, 3077
  - linkage 2171
  - mutations 2171
- *Septoria glycines,* induced mutations 6404
- sodium azide 5309
- soil toxicity, genetics 10955
- sowing date 2183, 3088, 4184, 4200, 5324
- soybean mosaic potyvirus 5331-5332
- soybean yellow mosaic virus, genetics 12361
- *Spodoptera littoralis*
  - dominance 7729
  - heritability 7729
- spring and winter habit 5324
- stability 4195
- stearic acid
  - genetic transformation 10954
  - induced mutations 9803
  - restriction fragment length polymorphism 9803
  - techniques 10954
- stearoyl-acyl carrier protein desaturase
  - induced mutations 9803
  - restriction fragment length polymorphism 9803
- storage, seeds 350
- stress 4900
- sucrose 9811
- symbiosis 5320
- *Tetranychus urticae,* techniques 8776
- tissue culture 4185-4187
- toxic substances 10957
- translocation 1270
  - gene expression 3792
- trehalase
  - gene expression 9789
  - nucleotide sequences 9789
- triacylglycerols 351
- trypsin inhibitors 5301, 5319, 9799
- ubiquitin
  - gene expression 3089
  - nucleotide sequences 3089
- ultraviolet radiation
  - gene expression 7711
  - nucleotide sequences 7711
- urease
  - genetics 10947
  - restriction fragment length polymorphism 10947
- variety classification, random amplified polymorphic DNA 10950
- variety trials 950, 1259-1260, 2165, 2179, 4165, 6063, 7699, 9784-9785
- waterlogging 5325
- X radiation 6400, 9801-9803
- *Xanthomonas campestris,* genetics 8774
- yield components 7718
  - artificial selection 5293, 5307
  - genetic variance 3080
  - genetics 1276-1277, 5310
  - genotype environment interaction 7721
  - heritability 1276, 2177, 2183, 3076
  - heterosis 5306, 5313, 10952
  - induced mutations 3076, 3082, 5309
  - multivariate analysis 1278
  - somaclonal variation 349
  - stability 2180, 2182, 5322, 7722
- yield correlations 1275, 2176, 3081-3082, 5314-5316, 5324, 7697
- yields 5304, 5327, 12355
  - genetics 10955
- *Zea mays*
  - crop mixtures 2181

***Glycine max* cont.**
- *Zea mays cont.*
  - intergeneric hybridization 6392

Glycine-rich proteins
- *Cucumis sativus*
  - gene expression 4386
  - nucleotide sequences 4386
- *Lilium longiflorum*
  - gene expression 10397
  - genetic engineering 10397
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 10397
  - genetic transformation 10397
- *Zea mays,* gene expression 10703

Glycine soja
- adenosinetriphosphatase, mitochondrial genetics 5294
- amplified fragment length polymorphism 4174
- backcrossing 3081
- chloroplast genetics 342
- conglycinin, genetics 3085
- cytochrome-*c* oxidase, mitochondrial genetics 5294
- genetic resources 7698
- germination 6397
- heat shock proteins 2184
- interspecific hybridization 2166, 3081, 5306-5307, 5313, 5315, 6397, 9797, 12361
- isoenzymes, genetic variation 2174
- mitochondrial genetics 342
- phylogeny
  - mitochondrial genetics 3086
  - restriction fragment length polymorphism 3086
- proteins 5318
  - artificial selection 5307
- quality 4190
- random amplified polymorphic DNA 5297, 7714
- restriction fragment length polymorphism 342
- salinity, random amplified polymorphic DNA 5326
- seeds 2174, 5318, 6397
  - genetics 3085
- soybean yellow mosaic virus, genetics 12361
- trypsin inhibitors 5302
- yield components
  - artificial selection 5307
  - heterosis 5306, 5313
- yield correlations 3081, 5315

Glycine tomentella
- chromosome addition 4178
- interspecific hybridization 4178

Glycinin
- *Glycine max*
  - gene expression 12183
  - genetic engineering 7610, 12183
  - genetic transformation 9798
- *Oryza sativa*
  - gene expression 7610
  - genetic transformation 7610, 12183

Glycoalkaloids
- *Solanum,* techniques 12452
- *Solanum berthaultii*
  - gene mapping 405
  - restriction fragment length polymorphism 405
- *Solanum brevidens,* techniques 12452
- *Solanum tuberosum* 1339, 3170, 8824
  - gene mapping 405
  - restriction fragment length polymorphism 405
  - techniques 8825, 12452

Glycogen (starch) synthase
- *Antirrhinum majus,* gene expression 10375
- *Triticum aestivum,* gene expression 11856
- *Zea mays* 8645

Glycoproteins
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 33, 58
  - genetic transformation 33
- *Brassica alboglabra*
  - gene expression 5501
  - genetic transformation 5501

Glycoproteins *cont.*
- *Brassica oleracea*
  - isoenzymes 9943
  - restriction fragment length polymorphism 9943
- genetic transformation 4829
- *Lycopersicon esculentum,* nucleotide sequences 7884
- *Nicotiana glauca* 8132
- *Nicotiana tabacum* 5760
  - gene expression 3525
  - genetic transformation 12801
  - nucleotide sequences 3525
- *Phaseolus vulgaris,* nucleotide sequences 10976
- *Pisum sativum,* mutations 6442
- *Santalum album*
  - gene expression 837, 3646
  - nucleotide sequences 3646

Glycosyltransferases
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 33
  - genetic transformation 33

Glycyrrhiza
- phylogeny, nucleotide sequences 821
- ribulose-bisphosphate carboxylase, nucleotide sequences 821

Glycyrrhiza echinata
- isoflavone 2′-hydroxylase
  - gene expression 10423
  - nucleotide sequences 10423

Glyoxalase
- *Brassica juncea*
  - gene expression 5685
  - genetic engineering 5685
  - nucleotide sequences 5685
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 5685
  - genetic transformation 5685
- *Zea mays* 3981

Glyphosate
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 8115
  - genetic transformation 2506, 5741, 9076
- *Brassica napus* (rape), genetic transformation 5667
- crops
  - biosafety 5958
  - genetic engineering 872
  - genetic transformation 5958
- *Glycine max*
  - genetic transformation 1281, 3075, 10953, 12343
  - polymerase chain reaction 3075
- *Gossypium,* genetic transformation 11398, 11427, 11443-11444
- *Gossypium hirsutum*
  - gene expression 11445-11446
  - genetic transformation 11400, 11442, 11445-11446
- *Ipomoea batatas* 4317
- *Lactuca sativa,* genetic transformation 7858
- *Oryza sativa* 8726
- techniques 3702

Gnetales, evolution 4923

Gnetopsida
- homeotic genes 11788
- phylogeny 11788

Gnetum africanum, nutritive value 8872

Gomphus
- nucleotide sequences 8400
- phylogeny 8400

Gossypium
- *Agrobacterium* 12841
- alcohol dehydrogenase, nucleotide sequences 86, 12837
- *Anthonomus grandis* 12855
- Aphidoidea 10268
- *Bacillus thuringiensis,* genetic engineering 3552
- *Bemisia argentifolii* 11430, 12854
- binding proteins, nucleotide sequences 9113
- breeding, conferences 853, 11648-11649
- bronze wilt 11428
- cadinene synthase, genetic engineering 11585
- cefotaxime 1643
- cotton leaf curl bigeminivirus
  - induced mutations 12844

Gossypium *cont.*
- cotton leaf curl bigeminivirus *cont.*
  - techniques 12845
- crop density 11422, 12855
- cultivars
  - characteristics 6949-6950
  - Jinmian-22 6951
  - Sure-Grow 125B/R 11398
  - Sure-Grow 125R 11398
  - Sure-Grow 501B/R 11398
  - Sure-Grow 585B 11398
  - Sure-Grow 585R 11398
  - Wanmian-11 8162
- cytoplasmic male sterility 11408
  - genetic markers 6955
  - random amplified polymorphic DNA 6955
- 2,4-D, genetic transformation 2558
- DNA hybridization 6953
- drought resistance 2548, 11425
- embryo culture 1643
- evolution
  - chloroplast genetics 12837
  - nucleotide sequences 12837
  - ribosomal DNA 12837
- fungi 12842
  - techniques 2550
- *Fusarium oxysporum* 12839
  - genetics 10265
- genetic distance, random amplified polymorphic DNA 10244
- genetic resources 6976
- genetic transformation 11413
  - *in vitro* selection 6952
  - techniques 4601, 11407
- genomes 9111
- germplasm releases 2543
- glyphosate, genetic transformation 11398, 11427, 11443-11444
- gossypol, backcrossing 9116
- growth regulators, genetic transformation 2558
- habit 10255
- heat resistance 11425
- *Helicoverpa*
  - genetic transformation 2556-2557
  - techniques 2556
- *Helicoverpa armigera* 1642, 10261
  - genetic transformation 9119, 10267, 12849, 12853
- *Helicoverpa zea,* genetic transformation 12856
- herbicides, genetic transformation 2558, 11398, 11427, 11443-11444
- heterosis 11408
- hybrid seed production 11408
- hybrid varieties 11408
- induced mutations 8166
- insecticides 12855
- insects
  - genetic engineering 3552
  - genetic transformation 11398, 11427, 11433, 11443
- interspecific hybridization 2543, 9116, 12835
- lethals 11413
- *Lygus* 2551
- *Macrophomina phaseolina* 725
- *Meloidogyne incognita* 9118, 12839, 12847
- mitochondrial genetics 6953
- nectaries, genetics 11413
- nitrogen, genetic transformation 12856
- nutrients, genetic transformation 12856
- outcrossing 11413
- palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase
  - gene expression 11410
  - nucleotide sequences 11410
- pests, conferences 11649
- phylogeny, nucleotide sequences 86
- plant disorders 11428
- proteins 9118
- quality 721-722
  - artificial selection 8179
  - conferences 853
  - heritability 8179
  - reciprocal effects 10261
  - techniques 719, 3549
- repetitive DNA
  - evolution 1636

Gossypium *cont.*
- repetitive DNA *cont.*
  - fluorescence *in situ* hybridization 1636
  - polyploidy 1636
- restriction fragment length polymorphism 9111
- *Rotylenchulus reniformis* 12847
- salinity 2548
- seed production 2540
- seeds
  - genetics 11413
  - polymorphism 2544
- space flight 8166
- stearoyl-CoA desaturase, nucleotide sequences 9112
- terpenoids 6976
- Thripidae 11437
- variety classification 2544
- variety trials 11396, 11427
  - mathematics 709
- *Xanthomonas axonopodis*
  - genetic markers 724
  - genetics 724
- *Xanthomonas campestris* 725
- yield components
  - combining ability 6962
  - genetic variance 1642
  - genetics 1642
  - heritability 717
  - heterosis 6962, 10254
  - stability 11418
- yield correlations 717, 10255
- yields, reciprocal effects 10261

Gossypium arboreum
- *Aphis gossypii* 11438
- breeding 3539
- chromosome pairing 5778
- farnesyl pyrophosphate synthase, nucleotide sequences 11412
- interspecific hybridization 1637, 5778, 11416
- male sterility 6957, 11416
- morphology 5778
- plant glands 5778
- pollen 6957
- quality 3539
  - genotype environment interaction 11423
- *Thielaviopsis basicola* 12843
- yield components
  - combining ability 11416
  - heritability 9115
- yield correlations 9115
- yields, genotype environment interaction 11423

Gossypium barbadense
- apomixis, gene expression 712
- breeding, history 11395
- chromosome banding 1638
- chromosome pairing 5778
- cultivars, PSC57 Pima 11399
- development, gene mapping 12836
- genomes
  - gene mapping 3541
  - nucleotide sequences 3541
  - restriction fragment length polymorphism 3541
- haploidy 712
- interspecific hybridization 724, 4612, 5778, 6961, 6972, 10245
- leaves
  - genetics 8172
  - mutations 8172
- *Meloidogyne incognita* 12846
- morphology 5778
- plant glands 5778
- pollen, gene mapping 12836
- quality 720
  - germplasm releases 4614
  - heterosis 10245
- repetitive DNA
  - gene mapping 3541
  - nucleotide sequences 3541
  - restriction fragment length polymorphism 3541
- *Rotylenchulus reniformis* 12846
  - genetics 6972
  - heritability 6972
- seeds 712
- terpenoids, genetics 6961

Gossypium barbadense *cont.*
- yield components
  - combining ability 11419
  - genetic variance 11419
  - genetics 4612
  - heterosis 4612, 10245
  - history 11395
  - induced mutations 8167

Gossypium bickii
- chromosome pairing 5778
- interspecific hybridization 5778
- morphology 5778
- plant glands 5778

Gossypium herbaceum
- breeding 3539
- chromosome banding 1638
- interspecific hybridization 11416
- quality 3539
- yield components, combining ability 11416

Gossypium hirsutum
- acetoacetyl-CoA reductase, genetic transformation 10262
- adenylyl cyclase
  - gene expression 4608
  - nucleotide sequences 4608
- *Agrobacterium tumefaciens,* genetic transformation 711, 11406
- alcohol dehydrogenase, nucleotide sequences 12834
- aneuploidy 10247
- annexins
  - gene expression 6960
  - nucleotide sequences 6960
- anther culture, genetics 10257
- *Anthonomus grandis* 726, 11431, 12851
- *Aphis gossypii* 11438
- *Bacillus thuringiensis*
  - gene expression 1648
  - genetic transformation 715-716, 1648, 6975, 8185
  - pleiotropy 8185
- *Bemisia argentifolii* 2549, 11432, 11439, 12848
- *Bemisia tabaci* 1646, 12850
- breeding 708, 2539, 6945, 11421
  - history 5776
- bromoxynil, genetic transformation 11442
- catechin 9117
- cells, gene expression 4607
- chlorophyll, genetic markers 714
- cleistogamy 8168
- *Colletotrichum gossypii* 5790
- colour
  - genetic markers 714
  - genetics 3544, 4613, 8181
  - pleiotropy 8181
- cotton leaf crumple bigeminivirus 2549
- cotton leaf curl bigeminivirus 4618
- cultivars
  - Biaoza A1 10241
  - DeltaEmerald 6946
  - DeltaJewel 6947
  - DeltaOpal 6948
  - DP388 11397
  - DP675 11397
  - Mokpo-8 710
  - PM1215BG/RR 11400
  - PM1218BG/RR 11400
  - PM1560BG/RR 11400
  - Su Mai-12 9110
  - Su Mian-9 4600
  - Sure-Grow-747 11401
  - Xinluzao-7 3540
  - Yu Mian-14 8163
  - Yumian-17 10242
  - Zhe Mian-11 9109
  - Zhemian-102 2541
  - Zhemian-11 11402
- cytoplasmic inheritance 11409
- cytoplasmic male sterility 1647, 3542, 8169
  - genetics 6956
- 2,4-D, genetic transformation 10269
- desaturase
  - gene expression 8171
  - nucleotide sequences 8171
- development 10246
  - gene expression 8173
  - gene mapping 12836
  - genetic transformation 716

Gossypium hirsutum *cont.*
- diseases
  - biotechnology 6970
  - genetic resources 6970
  - germplasm releases 4616-4617
- DNA 10246
- drought resistance 1644-1645, 3551, 5789, 6966-6969
  - genetic markers 723
- enzymes, gene expression 4607
- expansins
  - gene expression 2542
  - nucleotide sequences 2542
- farnesyl pyrophosphate synthase, gene expression 11412
- fibres 6964
  - gene expression 713
  - mutations 10248
- *Fusarium,* artificial selection 8182
- *Fusarium oxysporum* 9117, 10264
- gamma radiation 2545, 6954
- gene mapping 1635, 11403
- genetic distance 8165
- genetic engineering 11403
- genetic markers 4599
- genetic resources 11394
- genetic transformation 4603, 8164
- genotype environment interaction 950
- germination 5789
- germplasm releases 8161
- glucosyltransferases, nucleotide sequences 4602
- β-glucuronidase
  - genetic transformation 11405
  - genetics 11405
- glutathione reductase, genetic transformation 11426
- glyphosate
  - gene expression 11445-11446
  - genetic transformation 11400, 11442, 11445-11446
- growth period
  - genetics 5780
  - heritability 5779-5780
- growth regulators 715, 10248, 11414
- habit
  - combining ability 8175
  - genetic variance 8175
  - induced mutations 2545
- heat resistance 12838
- *Helicoverpa armigera* 1647
  - gene expression 2555
  - genetic transformation 2555, 8184, 12857
- *Helicoverpa zea*
  - genetic transformation 2553-2554, 8183, 11435
  - genotype environment interaction 4615
- *Heliothis virescens*
  - genetic engineering 4620
  - genetic transformation 2553, 6974, 11435, 11440
- herbicides
  - gene expression 11445-11446
  - genetic transformation 10269, 11400, 11442, 11445-11446, 12858
- hybrid seed production 3543, 11442
- hybridization 3544
- hydroxymethylglutaryl-CoA reductase, molecular genetics 5777
- insects, genetic transformation 2552, 11400, 11414, 11429, 11434, 11436, 11441
- interspecific hybridization 724, 1637, 4612, 6961, 6972, 10245
- kanamycin, genetic transformation 10269
- leaves 6959, 6969, 11411, 11432, 12850
  - genetics 1640, 3544
  - germplasm releases 4609
  - heritability 3545
- lectins, genetic transformation 6974
- lipid transfer proteins
  - gene expression 10243
  - genetic engineering 10243
- *Lygus lineolaris* 11436
- *Meloidogyne incognita* 12846
  - germplasm releases 6973
- mepiquat 11414
- mepiquat chloride 715
- mutagens 8174

Gossypium hirsutum *cont.*
- nectaries 11436
  - germplasm releases 4609
- oils 5787
  - dominance 8178
  - heritability 8178
- ovule culture 6964, 11424
- *Pectinophora gossypiella,* genetic transformation 12852
- peroxidases, nucleotide sequences 12840
- pests
  - biotechnology 6970
  - genetic resources 6970
  - germplasm releases 4616-4617
- phenolic compounds 4618
- phospholipase D, nucleotide sequences 12833
- photoperiodism 4604-4605
- photosynthesis 6969
- phylogeny, DNA hybridization 5788
- physiology, heterosis 10250
- plant glands, genetics 10260
- plant hairs
  - gene mapping 6958
  - restriction fragment length polymorphism 6958
- plant introduction 8165
- pollen, gene mapping 12836
- pollen germination 3543
- polyhydroxyalkanoate synthase, genetic transformation 10262
- proteins, nucleotide sequences 11404
- protoplast culture 8177, 10256
- quality 720, 5786, 6965, 10249, 10259, 11421
  - artificial selection 8180
  - combining ability 8176, 10251
  - gene mapping 5785
  - genetic transformation 10262
  - genetic variance 10260
  - genetics 4613, 8181
  - heritability 718
  - heterosis 8176, 10245, 10251, 10260
  - induced mutations 6954
  - pleiotropy 8181
- restriction fragment length polymorphism 1635
- ribosomes, nucleotide sequences 11404
- rooting capacity, genotype environment interaction 8170
- *Rotylenchulus reniformis* 12846
  - genetics 6972
  - heritability 6972
- salinity 3551, 11424
  - genetic transformation 11426
- seed production 2554
- seedlings 10249
- seeds 5787, 5789, 6966
  - dominance 8178
  - gene expression 1639
  - genetic variance 4606
  - heritability 8178
  - mutations 1639
- somatic embryogenesis 5784, 10258
  - artificial selection 3548
- *Spodoptera exigua,* genetic transformation 4619
- *Spodoptera frugiperda,* genetic transformation 4619
- sucrose synthase
  - gene expression 1639
  - mutations 1639
- sugars 726
- taxonomy 3550
- terpenoids, genetics 6961
- *Thielaviopsis basicola* 12843
- tissue culture 5784, 11420
- transcription factors, genetic engineering 11811
- transpiration 6969
- trypsin inhibitors, genetic transformation 8184
- variety classification 4599
- variety trials 950, 1634
- *Verticillium,* artificial selection 8182
- *Verticillium dahliae*
  - gene expression 10266
  - random amplified polymorphic DNA 6971
- water balance, gene expression 713
- weeds, genetic transformation 12858

***Gossypium hirsutum** cont.*
  Xanthomonas axonopodis, nucleotide sequences 12840
  yield components 4605
    combining ability 3546-3547, 4611, 5781, 5783, 8169, 8176, 11417
    genetic variance 2546, 5783, 10260
    genetics 4612, 10252
    genotype environment interaction 4615, 10263
    heterosis 1641, 3546, 4610-4612, 5782, 6963, 8176, 9114, 10245, 10253, 10260
    inbreeding depression 1641
    induced mutations 8174
    maternal effects 3542
    multivariate analysis 5782, 11415
    stability 10263
  yield correlations 2547, 4604, 6963, 10249
  yields
    combining ability 10251
    genetics 5780
    heritability 5780
    heterosis 10251
    induced mutations 6954
Gossypium mustelinum, taxonomy 3550
Gossypol, *Gossypium,* backcrossing 9116
Gourds (*see* Cucurbitaceae)
Gracilaria chilensis
  phylogeny 11636
  restriction fragment length polymorphism 11636
Gracilaria domingensis, colour, genetics 8406
Gracilaria gracilis
  enzymes, nucleotide sequences 11639
  UTP-glucose-1-phosphate uridylyltransferase, nucleotide sequences 10461
Gracilariopsis lemaneiformis
  lyases, nucleotide sequences 11635
  starch, nucleotide sequences 11635
Graft hybridization
  Capsicum annuum 1398, 12567
  Vitis vinifera 6710
Grain legumes
  albumins, genetic transformation 2160
  breeding, conferences 5924
  cultivars 9402
  gene banks 10945
  genetic resources 5445
  genetics, conferences 5924
  habit
    breeding 1256
    reviews 1256
  Maruca vitrata 2162
  plant composition 5284
  Pseudomonas savastanoi 9825
  seeds 5284
Gramine
  Hordeum vulgare
    genetics 7435
    heritability 7435
Gramineae (*see* Poaceae)
Grapevine A trichovirus
  Nicotiana benthamiana
    gene expression 11389
    genetic transformation 11389
  Nicotiana occidentalis
    gene expression 11389
    genetic transformation 11389
Grapevine B trichovirus
  Nicotiana benthamiana
    gene expression 11389
    genetic transformation 11389
  Nicotiana occidentalis
    gene expression 11389
    genetic transformation 11389
Grapevine fanleaf nepovirus
  Vitis rotundifolia 3333
  Vitis rupestris 3333
  Vitis vinifera 3333
Grapevine leaf roll virus, *Vitis* 9002
Grasses
  biotechnology, reviews 783
  breeding 299, 1212, 7648-7649
  cultivars 10582
  experimental design 4088, 9731
  gene banks 4085
  grazing, databases 300
  variety trials 4088, 9731
Grazing
  Brachiaria 3047
  Desmanthus virgatus 6379
  Festuca arundinacea, natural selection 6329
  grasses, databases 300
  Lolium hybridum 6325
  Lolium perenne 298, 6325
  Medicago sativa
    artificial selection 2148
    germplasm releases 2148
  Trifolium repens 298
  Triticum aestivum 1005
Green fluorescent protein
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 25, 1841, 2763, 5966, 9294, 10552-10553
    genetic engineering 10553
    genetic transformation 25, 1841, 5966, 9294, 10552
    techniques 25
  crops
    gene expression 5966
    genetic transformation 5966
  gene expression 5985
  Lotus japonicus
    gene expression 1841
    genetic transformation 1841
  Nicotiana tabacum
    gene expression 5966
    genetic transformation 5966, 12804
  Oryza sativa, genetic transformation 2081, 12804
  Populus, genetic transformation 4634
  Saccharum, genetic transformation 1588
  Solanum tuberosum
    gene expression 12442
    genetic transformation 12442
  Ulmus procera, genetic transformation 4634
Green manures, *Glycine* 2166
Greening, *Hordeum vulgare,* mutations 8608
Grevillea
  fertility 7068
  self incompatibility 7068
Grevillea juniperina
  cultivars, VJ-62 4694
  interspecific hybridization 4694
Grevillea macleayana, microsatellites, genetic markers 8278
Grevillea victoriae
  cultivars, VJ-62 4694
  interspecific hybridization 4694
Groundnut rosette assistor luteovirus, *Arachis hypogaea,* heritability 6875
Groundnut rosette umbravirus, *Arachis hypogaea,* heritability 6875
Growth (*see* Development)
Growth period
  Allium sativum, multivariate analysis 9934
  Amphicarpaea edgeworthii 5452
  Arachis hypogaea
    germplasm releases 2479
    heritability 2477
  Brassica campestris 10111
  Brassica juncea
    combining ability 10120
    induced mutations 11262
  Brassica napus (rape) 10111
  Brassica oleracea (broccoli) 8867
  Brassica oleracea (cauliflowers) 10111
  Cajanus cajan 384
  Cicer arietinum, genetics 7769
  Citrus unshiu 10075
  Cucurbita pepo, heterosis 7919
  Dimorphotheca pluvialis, heritability 6887
  Eruca vesicaria, stability 10185
  Fragaria ananassa 3313
  Glycine max 2181, 9796
    artificial selection 12347
    genetics 10951, 12346
  Gossypium hirsutum
    genetics 5780
    heritability 5779-5780
  Hibiscus cannabinus 8191
  Hordeum vulgare, heritability 7437
  Lens culinaris
    genetics 5397
    induced mutations 6447
Growth period *cont.*
  Lentinula edodes, genetics 11633
  Linum usitatissimum (flax)
    genetics 6977
    induced mutations 6977
  Linum usitatissimum (linseed), artificial selection 11269
  Lupinus mutabilis 10927
  Lycopersicon cheesmanii, pleiotropy 6567
  Lycopersicon esculentum, pleiotropy 6567
  Nicotiana tabacum, germplasm releases 11381
  Oryza
    gene mapping 2989
    restriction fragment length polymorphism 2989
  Oryza glaberrima
    gene mapping 2989
    restriction fragment length polymorphism 2989
  Oryza sativa 1135-1136, 2101, 2113, 7615, 12199
    genetics 5179
    heritability 2102
    mutations 1170
  Pennisetum glaucum, germplasm releases 4012, 10772
  Phaseolus vulgaris, heritability 1290
  Pisum sativum 5447, 10984
    genetics 12396
  Prunus armeniaca, genetics 6672
  Prunus dulcis, genetics 6766, 9024
  Prunus persica 3289
    mutations 3291
    random amplified polymorphic DNA 3291
  Prunus salicina, heritability 8961
  Psidium guajava 1531
  Pyrus communis, genetics 12631
  Saccharum officinarum 10191
  Secale cereale, genetics 4946
  Sorghum bicolor
    genetic transformation 3790
    genetics 229, 6237
    germplasm releases 6239, 10749
  Triticum aestivum
    chromosome substitution 6111
    combining ability 6129, 9478
    gene location 6111
    gene mapping 6108
    genetics 4946, 4984
    reciprocal effects 4984
    restriction fragment length polymorphism 6108
  Vaccinium macrocarpon 3306
  Vaccinium oxycoccus 3306
  Vicia faba, genotype environment interaction 5342
  Vigna umbellata, stability 5448, 6466
  Vitis vinifera 12674
  Zea mays 194, 214, 7487, 7501
    combining ability 12053
    heterosis 9614
    mathematics 204
    reciprocal effects 12053
Growth regulators
  Antirrhinum majus 8321
  Arabidopsis thaliana 2780
    gene expression 30, 2773, 3741, 3758, 4880, 4887, 7261, 9348, 9357, 11766
    genetic engineering 91
    genetic transformation 2773, 4887, 9348
    genetics 9359, 9405
    molecular genetics 913-914, 922-923, 4934
    mutations 50, 57, 913-914, 922-923, 1846, 1866, 2776, 2785, 3741, 4880-4881, 4934, 6015, 6031, 8498, 9333, 9380, 10541, 11766
    translocation 9338
  Brassica juncea 6801
  Brassica napus (rape) 2450
  Catharanthus roseus, gene expression 7140
  conferences 3654
  Cucumis melo, gene expression 11158

Growth regulators *cont.*
- *Cucurbita maxima*
  - gene expression 9348
  - genetic engineering 9348
- *Daucus carota* 9909
- gene expression 948
  - reviews 11805
- *Glycine* 9794
- *Glycine max* 4180, 8773, 9794
  - mutations 9806, 10956
- *Gossypium,* genetic transformation 2558
- *Gossypium hirsutum* 715, 10248, 11414
- *Helianthus annuus,* mutations 8064
- *Hemerocallis* 2634
- *Hordeum vulgare* 1044
- *Lactuca sativa*
  - gene expression 4341
  - nucleotide sequences 4341
- *Lolium temulentum,* gene expression 6323
- *Lycopersicon chilense* 4356
- *Lycopersicon esculentum* 4356
  - gene expression 4348, 4353-4354
  - genetic transformation 4347
  - molecular genetics 4934
  - mutations 3244, 4353, 4934, 5528, 11106
  - nucleotide sequences 5528
- *Malus pumila*
  - gene expression 1428
  - genetic transformation 4395
  - *in vitro* selection 5571
  - nucleotide sequences 1428
- molecular genetics 948, 3734, 11687
  - conferences 4796
- *Nicotiana benthamiana,* genetic transformation 913
- *Nicotiana plumbaginifolia,* gene expression 3531
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 91, 700, 1071, 3520, 4591
  - genetic transformation 1071, 1627, 4585, 5765
- *Oryza sativa* 7603, 7617
  - gene expression 4064
  - mutations 4041
- *Pennisetum glaucum,* heterosis 2950
- *Petunia,* gene expression 11549
- *Pinus kesiya* 3574
- *Pisum sativum* 1300
  - gene expression 10988
  - genetics 9405
  - molecular genetics 4934
  - mutations 2209, 4934
  - nucleotide sequences 10988
- *Populus trichocarpa*
  - gene expression 1667
  - nucleotide sequences 1667
- *Prunus persica* 11197
- *Pyrus pyrifolia,* restriction fragment length polymorphism 11185
- *Raphanus sativus* 2260
- *Setaria italica,* mutations 2063
- *Solanum tuberosum,* gene expression 9900
- *Sorghum bicolor* 229
  - mutations 10748
- *Triticum aestivum* 4983
  - gene expression 3842
  - genetics 1949, 7361, 10612
- *Vigna radiata*
  - gene expression 11013
  - nucleotide sequences 11013
- *Vitis vinifera* 1487
- *Zea mays* 3975
  - gene expression 91, 1071
  - genetic markers 10716
  - genetic transformation 1071
  - genetics 9405
- *Zea mays* (sweetcorn) 7483

Guadua, taxonomy 3648

Guanosinetriphosphatase
- *Antirrhinum majus*
  - gene expression 1745
  - nucleotide sequences 1745
- *Pisum sativum,* phytochrome, gene expression 9838

Guazuma crinita, tissue culture, cryopreservation 1681

Guillardia theta, ribosomal RNA, nucleotide sequences 5921

Guizotia abyssinica
- seeds 5722
- self incompatibility, genetics 10184
- yield components
  - multivariate analysis 653
  - stability 652

Gymnocalycium
- chromosome pairing 2663
- DNA 2663

Gymnocalycium mihanovichii
- cultivars
  - Hongkwang 8345
  - Myeongweal 8344

Gymnosperms
- DNA 2588
- ribosomal DNA, nucleotide sequences 3585

Gymnostoma deplancheanum, genomes 9140

Gynoecium
- *Arabidopsis thaliana*
  - genetics 10518
  - mutations 2757
- *Borago officinalis* 5896
- *Brassica napus* (rape) 8042
  - gene expression 5670
  - nucleotide sequences 5670
  - promoters 5670
- *Corylus avellana*
  - gene expression 3396
  - nucleotide sequences 3396
- *Heliotropium europaeum* 5896
- *Hordeum vulgare*
  - gene expression 3918
  - gene mapping 3918
  - nucleotide sequences 3918
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 5670, 11374
  - genetic transformation 5670, 11374
- *Olea europaea* 11318
- *Saxifraga,* evolution 12923
- *Solanum tuberosum,* gene expression 2234
- *Zea mays,* genetics 10702

Habenaria, chromosome morphology 4756

Habenaria praecox, taxonomy 8341

Habit
- *Abies procera,* genetics 3584
- *Anacardium occidentale,* artificial selection 3408
- *Betula pubescens* 11460
- *Brassica juncea,* induced mutations 11262
- *Camelina sativa,* induced mutations 6883
- *Casuarina equisetifolia,* heritability 4663
- *Cucurbita moschata,* genetics 6605
- *Glycine max*
  - artificial selection 1272-1273
  - genetics 5303
- *Gossypium* 10255
- *Gossypium hirsutum*
  - combining ability 8175
  - genetic variance 8175
  - induced mutations 2545
- grain legumes
  - breeding 1256
  - reviews 1256
- *Helianthus annuus*
  - gene mapping 4523
  - random amplified polymorphic DNA 4523, 11281
- *Lupinus albus,* stability 10926
- *Lupinus mutabilis* 10927
- *Lycopersicon esculentum,* mutations 11106
- *Malus pumila,* genetics 6641
- *Medicago polymorpha,* genetics 4130
- *Oryza longistaminata*
  - genetics 7580
  - linkage 7580
- *Oryza sativa*
  - gene mapping 7581
  - genetics 7580
  - genotype environment interaction 7581
  - linkage 7580
- *Phaseolus vulgaris*
  - artificial selection 5354
  - genetic markers 5362

Habit *cont.*
- *Pisum sativum*
  - genetic markers 1297
  - random amplified polymorphic DNA 1297
- *Pyrus communis* 8937
  - induced mutations 8936
- *Sesamum,* induced mutations 1576
- *Sesamum indicum,* genetics 6878
- *Zea mays*
  - artificial selection 3971, 12080
  - genetics 12046
  - nucleotide sequences 12073

Haem, *Hordeum vulgare,* gene mapping 1995

Haem oxygenase
- *Arabidopsis thaliana*
  - mutations 6024
  - nucleotide sequences 9320

Haemagglutinins, *Vigna unguiculata,* genotype environment interaction 6460

Haemoglobin
- *Allocasuarina verticillata,* genetic transformation 11489
- *Casuarina glauca,* genetic transformation 11489
- *Cichorium*
  - gene expression 11088
  - nucleotide sequences 11088
- *Glycine max*
  - gene expression 11489
  - promoters 11489
- *Oryza sativa,* genetic transformation 9659
- *Parasponia,* genetic engineering 9659
- *Parasponia andersonii*
  - gene expression 11489
  - promoters 11489
- *Trema tomentosa*
  - gene expression 11489
  - promoters 11489

Hairs (*see* Plant hairs)

Haloalkane dehalogenase
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 9307
  - genetic markers 9307
  - genetic transformation 9307

Halotydeus destructor, *Trifolium subterraneum* 8758, 12320

Haloxyfop
- *Zea mays*
  - gene mapping 12145
  - *in vitro* selection 12145

Hamamelidaceae, phylogeny, techniques 7297

Hamamelidoideae
- nucleotide sequences 8285
- phylogeny 8285

Hamamelis, phylogeny, ribosomal DNA 2614

Haploidy
- *Allium cepa* 8857
- *Brassica campestris* 3425
- *Brassica campestris* (turnip rape) 12714, 12716
- *Brassica napus* (rape) 6787-6788, 6800
  - pollen culture 4512
- *Brassica oleracea* (cabbages) 11070
- *Cucumis sativus* 6618, 12607, 12610
  - morphology 12609
  - plant embryos 11168
- *Festuca arundinacea* 1217
- *Gossypium barbadense* 712
- *Hordeum bulbosum* 5057
- *Hordeum vulgare* 3913, 5057
- *Linum usitatissimum* (flax) 1649
- *Lolium multiflorum* 1217
- *Oryza sativa* 2997
  - genetics 2971
- *Solanum acaule* 3159
- *Solanum phureja* 6484
- *Solanum tuberosum* 3157-3158, 9898
- triticale 975
- *Triticum aestivum* 122, 974-975, 6096, 9446, 9452, 9456, 11864
  - techniques 6099
- *Triticum durum* 119, 975, 4972
  - combining ability 8555
- *Zea mays* 1077, 12019-12021, 12027, 12042-12043

Hard seeds, *Medicago sativa* 4128

Harvest index
  Arachis hypogaea, heritability 8080
  Elettaria cardamomum 4774
  Medicago sativa, combining ability 9752
  Oryza sativa 10825
    heterosis 5195
  Pennisetum glaucum, combining ability 12168
  Zingiber officinale 11603
Harvesting (*see also* Mechanical harvesting)
  Asparagus officinalis, gene expression 2292
  Beta vulgaris (sugarbeet) 8114
  Citrus sinensis 10071
  Morus 3346
Hatiora graeseri
  flowering 8348
  self compatibility 8348
Haynaldoticum sardoum, salinity 5020, 10638
Heat resistance
  Acer rubrum 11490
  Aegilops 3902
  Apium graveolens 3228
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 8502
    genetic transformation 1872, 8502
  Avena sativa 1051
  Brassica oleracea (cabbages) 6537
  Brassica pekinensis, genetic markers 451
  Cucurbita 4384
  Gossypium 11425
  Gossypium hirsutum 12838
  Helianthus annuus, techniques 12740
  Lactuca sativa 4340, 12522
    artificial selection 461
  Lycopersicon esculentum 485, 488
    gene mapping 4364
    restriction fragment length polymorphism 4364
  Lycopersicon peruvianum
    gene mapping 4364
    restriction fragment length polymorphism 4364
  Oryza sativa 10860
  Phaseolus 2161
  Phaseolus vulgaris 2161
  Solanum 11038
  Solanum tuberosum 1341, 6490
  triticale 7395
  Triticum aestivum 1007, 1010-1011, 1015, 3874, 6136, 7389, 7392, 7395, 9509, 10629
    artificial selection 6137, 9519
    genetics 9516
    genotype environment interaction 1014
  Triticum durum, stability 6138
  Vigna 2161
  Vigna unguiculata 6461, 12426
  Zea mays 3980
    gene expression 2048
Heat shock
  gene expression 4844
  Lycopersicon esculentum, gene expression 4338
  Prunus persica 533
  Prunus salicina 533
  Spinacia oleracea, gene expression 4338
  Zea mays, gene expression 12111
Heat shock proteins
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 4901, 4903, 8502, 9328
    genetic transformation 8502, 9328
    nucleotide sequences 4903
  Brassica napus (rape), gene expression 9980
  Brassica oleracea (cabbages)
    gene expression 12511
    nucleotide sequences 12511
  Glycine max 4180
  Glycine soja 2184
  Hevea brasiliensis
    gene expression 5797
    nucleotide sequences 5797
  Lycopersicon esculentum, gene expression 4338, 9980
  Malus pumila, gene expression 525
  Medicago sativa
    gene expression 10900
Heat shock proteins *cont.*
  Medicago sativa cont.
    nucleotide sequences 9749, 10900
  Nicotiana tabacum
    gene expression 4903
    genetic transformation 4903
  Oryza 2116
  Oryza rufipogon, molecular genetics 7561
  Oryza sativa 2116
    molecular genetics 7561
    nucleotide sequences 7318
  Quercus suber
    gene expression 2573
    nucleotide sequences 2573
  Salix gilgiana, gene expression 11477
  Spinacia oleracea, gene expression 4338
  Triticum aestivum
    gene expression 5024, 9504, 11881
    nucleotide sequences 9504
  Zea mays 3980
    gene expression 12107
  Zizania caduciflora, nucleotide sequences 7318
Heat sums, *Zea mays* 3972, 7487
Heavy metals
  Acer rubrum 7013
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 65
    random amplified polymorphic DNA 8503
  crops, breeding 7193
  genetic engineering 9276
  Phaseolus vulgaris
    gene expression 3102
    molecular genetics 3102
  Pisum sativum 5369
Hebe
  phylogeny, nucleotide sequences 1722
  taxonomy 8289
Hebe perbella, taxonomy 1723
Hedera helix
  cultivars
    Brandywine 8273
    Kaleidoscope 8271
    Teneriffe 8272
Hedysarum alpinum, nomenclature 5278
Hedysarum coronarium, genetic resources 5271
Hedysarum costaetalentii, taxonomy 2159
Height
  Allium sativum, induced mutations 5490
  Anacardium occidentale, artificial selection 3408
  Arabidopsis thaliana
    genetic engineering 10587
    genetic transformation 4586
    genetics 4586
    mutations 8498
    nucleotide sequences 10587
  Avena sativa, genetics 9578
  Avena sterilis, genetics 9578
  Brassica napus (rape), genetic markers 1550
  Camelina sativa, induced mutations 6883
  Citrullus lanatus, genetics 1410
  Eucalyptus globulus, genetics 10289
  Fagopyrum esculentum, genetics 6304
  Glycine max 5323
    gene mapping 3078
  Hordeum vulgare
    gene location 9561
    gene mapping 6168, 9411
    genetics 3926, 5067
    induced mutations 3926, 9550
  Lens culinaris, mutations 9851
  Lupinus albus 12323
    genetics 10925
    induced mutations 10925
  Lupinus mutabilis, induced mutations 10920
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 5532
    mutations 5532
  Malus pumila
    gene expression 7942
    genetic transformation 7942
  Medicago polymorpha, genetics 4130
  Medicago sativa
    heritability 10905
    inbreeding 10905
Height *cont.*
  Musa, somaclonal variation 2397
  Nicotiana tabacum
    genetic transformation 4586
    genetics 4586
  Oryza sativa
    gene mapping 2104, 2124, 2984
    gene tagging 5168
    genetic transformation 10587, 12200
    genetics 2106, 9680
    heterosis 7595
    induced mutations 9672
    mutations 1170, 5168, 7529, 12200, 12235
    restriction fragment length polymorphism 2124, 2984, 12200
  Pennisetum glaucum
    genetic variance 12167
    germplasm releases 10773-10776
  Picea abies, artificial selection 3581
  Picea glehnii 1694
    artificial selection 5822
  Pinus contorta, genetics 12890
  Pinus monticola 1688
  Pinus sylvestris, genetics 3577
  Pisum sativum 1300
  Saccharum, germplasm releases 6899
  Secale cereale
    gene mapping 9411
    genetics 2008
    genotype environment interaction 2008
  Setaria italica, mutations 2063
  Sorghum bicolor
    genetic transformation 3790
    germplasm releases 6239
  Spartina alterniflora
    evolution 8752
    mutations 8752
  triticale
    genetics 9585
    induced mutations 6191
  Triticum aestivum 124, 4983, 11855
    combining ability 3843, 5002
    gene mapping 4965, 6108, 9411
    genetic engineering 10587
    genetics 962, 964, 1949, 1952, 1954, 2842, 4949, 6114, 7360-7361, 7368, 8558, 9459, 9468, 10612
    heritability 3843
    heterosis 3843
    linkage 9459
    nucleotide sequences 10587
    pleiotropy 1951, 7367, 8573
    restriction fragment length polymorphism 6108
    somaclonal variation 2837
  Triticum durum 10614
  Zea mays 1087, 2926, 8639
    genetic engineering 10587
    genetics 12074
    mutations 2927, 12074
    nucleotide sequences 10587
Heinsia crinita, nutritive value 11090
Helianthus
  Diaporthe helianthi 11295
  fatty acids 6857
  interspecific hybridization 11295
    genetic markers 5690
  oils 6857
  phylogeny
    nucleotide sequences 4531
    random amplified polymorphic DNA 4532, 11291
  protoplast culture 11290
  quality 6857
  Sclerotinia sclerotiorum 11295
Helianthus annuus
  abscisic acid, mutations 8064, 11283
  allergens
    gene expression 633
    nucleotide sequences 633
  Alternaria helianthi 11294
    in vitro selection 640
  amplified fragment length polymorphism 6847
  Apidae 5691
  aquaporin
    gene expression 10153
    nucleotide sequences 10153
  archaeology 639

***Helianthus annuus** cont.*
  biotechnology, conferences 11650
  breeding, history 10152
  chlorophyll
    genetics 4527
    induced mutations 10154
    mutations 4527
  chromosome aberrations 11278
  chromosome banding 6846
  competitive ability 1563
  crossing over 8062
  cultivars, PKVSF-9 11272
  cytochromes, nucleotide sequences 3441
  cytoplasmic male sterility, mitochondrial genetics 4524, 11279
  dehydrins
    gene expression 8064
    nucleotide sequences 8064
  development, genetics 4528
  Diaporthe helianthi 2470, 11295
    genetics 12741
  DNA
    genetics 10584
    polymerase chain reaction 10584
  DNA binding proteins 11275
  domestication 639
  drought resistance 11292
    artificial selection 3443
    restriction fragment length polymorphism 11273
  ethyl methanesulfonate 8067
  fatty acids 6857, 10155
    artificial selection 6855
    genetics 3442, 8067
    germplasm releases 6856
    induced mutations 6856, 8067
    mutations 6854
    restriction fragment length polymorphism 11273
  fertility
    gene mapping 4523
    random amplified polymorphic DNA 4523
  flowering 6852
  fluorescence *in situ* hybridization 6846
  gene mapping 12737
  genetic markers 11281
  genetic resources 4522, 8068, 11271
  genetic transformation 8059
    techniques 5689, 11274
  genomes 3437
  glutamate-ammonia ligase
    gene expression 11280
    molecular genetics 4525
    polymerase chain reaction 4525
  glutathione peroxidase
    gene expression 2468
    nucleotide sequences 2468
  growth regulators, mutations 8064
  habit
    gene mapping 4523
    random amplified polymorphic DNA 4523, 11281
  heat resistance, techniques 12740
  hybrid seed production 635, 3438, 11276
  hybrid varieties 1563, 2467
  induced mutations 8061
  insects 9047
  interspecific hybridization 634, 3437, 3443, 4526, 5690, 6847, 8060, 11295
    genetics 11277
  introgression 6847
  isoenzymes, polymorphism 11282
  leaves 6848
  light, DNA 2469
  lipids 637
  lipoxygenase 637
  male sterility 3439
  N-methyl-*N*-nitrosourea 8061, 8067, 10154
  morphology, heritability 6850
  mutagens 8061, 8067, 10154, 11278
  nitrogen 3438
  nutrients 3438
  oils 6857, 8066
    genotype environment interaction 6860
  oleic acid 637, 6858
    mutations 638

***Helianthus annuus** cont.*
  oleic acid *cont.*
    restriction fragment length polymorphism 638
  Orobanche cernua, genetics 12742
  Orobanche cumana, restriction fragment length polymorphism 11296
  palmitic acid
    dominance 6849
    genetics 8067
    induced mutations 8067
    mutations 5695, 6849, 6853
  phenolic compounds 11293
  phylogeny, random amplified polymorphic DNA 4532
  plant embryos
    gene expression 5692
    nucleotide sequences 5692
  Plasmopara halstedii
    gene expression 2471
    genetic transformation 3790
    nucleotide sequences 2471
  pollen 4526
    gene expression 8063
  pollen germination, *in vitro* selection 640
  pollination 5691
  proteinase inhibitors
    gene expression 3440
    nucleotide sequences 3440
  proteins 11284
  protoplast culture 1562
  protoplast fusion 8060, 11289
  quality 6857
    heritability 4530
  random amplified polymorphic DNA 8058, 11271
  recombination 634
  ribosomal DNA 6846
  ribulose-bisphosphate carboxylase
    gene expression 4576
    genetic engineering 4576
  salinity 9046
  Sclerotinia 11293
  Sclerotinia sclerotiorum 4533, 8068, 11295
    germplasm releases 6861
  seeds 11284
  sowing date 11294
  sphingolipid desaturase, nucleotide sequences 3441
  stearic acid
    genetics 8067
    induced mutations 8067
    mutations 6853
  stress
    gene expression 8064
    nucleotide sequences 8064
  superoxide dismutase, mutations 11283
  synthetic varieties 12736
  temperature 4526
  tissue culture 1561, 6851-6852
  variety trials 2466, 8057
  water balance 3443
  yield components
    artificial selection 10152
    combining ability 4529, 5694
    genetic variance 5694
    genotype environment interaction 6859-6860
    heritability 4530, 12738
    heterosis 9044, 11282, 11285-11287, 12739
  yield correlations 636, 5693, 12738
  yields 4533, 8066
    combining ability 11288
Helianthus anomalus, evolution 634
Helianthus argophyllus
  chromosome banding 6846
  drought resistance, artificial selection 3443
  fluorescence *in situ* hybridization 6846
  genetic resources 8068
  interspecific hybridization 3443, 4526
  pollen 4526
  ribosomal DNA 6846
  Sclerotinia sclerotiorum 8068
  temperature 4526
  water balance 3443
Helianthus bolanderi
  interspecific hybridization 4526
  pollen 4526

***Helianthus bolanderi** cont.*
  temperature 4526
Helianthus giganteus
  interspecific hybridization 8060
  protoplast culture 8065
  protoplast fusion 8060
Helianthus maximiliani
  interspecific hybridization 8060
  protoplast fusion 8060
Helianthus nuttallii
  interspecific hybridization 8060
  protoplast culture 8065
  protoplast fusion 8060
Helianthus occidentalis, tissue culture 9045
Helianthus petiolaris
  amplified fragment length polymorphism 6847
  fatty acids 6857
  interspecific hybridization 634, 5690, 6847
    genetics 11277
  introgression 6847
  oils 6857
  quality 6857
  recombination 634
Helianthus tuberosus
  genetic engineering 3790
  genetic resources 8068
  genomes 3437
  interspecific hybridization 3437
  lectins
    gene expression 9925
    nucleotide sequences 9925
  Sclerotinia sclerotiorum 8068
Helicase, *Pisum sativum* 370
Helicoverpa
  Gossypium
    genetic transformation 2556-2557
    techniques 2556
Helicoverpa armigera
  Cajanus cajan 7778
    heterosis 5437
  Cajanus platycarpus 7778
  Cajanus scarabaeoides 7778
    heterosis 5437
  Cicer arietinum 12416-12417
  crops 8532
  Gossypium 1642, 10261
    genetic transformation 9119, 10267, 12849, 12853
  Gossypium hirsutum 1647
    gene expression 2555
    genetic transformation 2555, 8184, 12857
  Lycopersicon esculentum 4365, 12553
  Nicotiana tabacum
    gene expression 8159-8160, 12816
    genetic transformation 3536, 4596, 8159-8160, 12816
  Pisum sativum
    gene expression 12816
    genetic transformation 12816
Helicoverpa zea
  Glycine max
    genetic markers 7730
    restriction fragment length polymorphism 7730
  Gossypium, genetic transformation 12856
  Gossypium hirsutum
    genetic transformation 2553-2554, 8183, 11435
    genotype environment interaction 4615
  Zea mays 222, 12130, 12138
    genetics 10727
    heritability 10726
  Zea mays (popcorn) 3987
  Zea mays (sweetcorn)
    gene expression 12132
    genetic transformation 12132
Helictotrichon
  chromosome number 1225
  phylogeny 1225
    nucleotide sequences 3044
  taxonomy 1225
Heliothis *(see also Helicoverpa)*
Heliothis virescens
  Gossypium hirsutum
    genetic engineering 4620
    genetic transformation 2553, 6974, 11435, 11440

Heliotropium europaeum
  androecium 5896
  gynoecium 5896
Helleborus
  chemotaxonomy 4735
  fatty acids 4735
Helminthosporium *(see also Cochliobolus; Drechslera; Glomerella; Magnaporthe; Pyrenophora; Setosphaeria)*
Helopeltis, *Anacardium occidentale* 3420
Helopeltis theivora, *Camellia sinensis* 9078
Hemarthria altissima
  chromosome number 4117
  polyploidy 10894
Hemerocallis
  abscisic acid 2634
  corolla
    gene expression 10369
    nucleotide sequences 10369
  flowers, gene expression 2634
  growth regulators 2634
  senescence
    gene expression 2634, 10369
    nucleotide sequences 10369
Hemerocallis dumortieri, cytotaxonomy 3605
Hemerocallis esculenta, cytotaxonomy 3605
Hemerocallis exaltata, isoenzymes, genetic variation 5869
Hemerocallis middendorffii
  cytotaxonomy 3605
  isoenzymes, genetic variation 5869
Hemerocallis taeanensis, isoenzymes, genetic variation 9191
Hemerocallis thunbergii
  gene flow 8334
  isoenzymes
    genetic variation 5869
    polymorphism 8334
Hemileia vastatrix
  Coffea arabica 12794
  Coffea canephora 12794
Hepatica maxima, isoenzymes, genetic variation 11810
Heracleum, furanocoumarins 11595
Heracleum sibiricum
  furanocoumarins 11594-11595
  leaves 11594
Herbage crops
  breeding 1213, 9726
  genetic resources 1213
    conferences 10470
Herbicides
  Agrostis stolonifera, genetic transformation 311
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 10555
    mutations 3765
  Asparagus officinalis, in vitro selection 7875
  Beta vulgaris (sugarbeet) 8115, 12787
    genetic transformation 5741, 6072, 9076, 10107, 10206, 12777
  biosafety 11684
  Brassica campestris 6841
  Brassica campestris (turnip rape) 12714
  Brassica chinensis, genetic transformation 3225
  Brassica (Chinese cabbages), genetic transformation 7854
  Brassica napus (rape) 6838
    biosafety 629, 6835, 6837
    genetic engineering 4521
    genetic transformation 628-629, 5667, 6072, 6784, 6835-6837, 6839-6840, 9042, 10107
    techniques 628
  Capsicum annuum 1402
  Chenopodium album 6841
  crops
    biosafety 5958
    genetic transformation 5958, 11799
  Eleusine indica, nucleotide sequences 6230
  genetic transformation 1815, 3694, 9258
  Glycine max
    genetic transformation 1281, 3075, 10953, 12343
    polymerase chain reaction 3075
  Gossypium, genetic transformation 2558, 11398, 11427, 11443-11444
Herbicides *cont.*
  Gossypium hirsutum
    gene expression 11445-11446
    genetic transformation 10269, 11400, 11442, 11445-11446, 12858
  Ipomoea batatas 4317
  Lactuca sativa, genetic transformation 7858, 11077
  Nicotiana tabacum 9105, 12832
    gene expression 3538
    genetic transformation 4598, 9107
    in vitro selection 12831
  Oryza sativa 8726, 9718, 12269
    genetic transformation 2127, 4033, 5204, 7632, 9716, 12266-12267
    genetics 2127, 9716, 9719, 12266
  Paspalum vaginatum 1231-1232
  Saccharum
    gene expression 9064
    genetic transformation 9064
  Saccharum officinarum, genetic transformation 2486
  Solanum commersonii 409
  Solanum tuberosum 409, 4311
    genetic transformation 8817, 8845
  techniques 3702
  Triticum aestivum
    genetic transformation 2870
    induced mutations 6153
  Vigna radiata 395
  Zea mays 7506, 12147
    gene expression 12148
    gene mapping 12145
    genetic transformation 6072, 6230, 9634, 10107
    in vitro selection 12145-12146
    tissue culture 9634
  Zea mays (sweetcorn) 12150-12151
Heritability
  Abelmoschus esculentus, yield components 11172
  Agropyron cristatum, drought resistance 1222
  Agropyron desertorum, drought resistance 1222
  Allium cepa, yield components 431
  Amaranthus, yield components 9725
  Amaranthus cruentus, yield components 12272
  Arabidopsis thaliana, flowering 3746
  Arachis hypogaea 10169
    development 2477
    groundnut rosette assistor luteovirus 6875
    groundnut rosette umbravirus 6875
    growth period 2477
    harvest index 8080
    leaves 8080
    translocation 2477
    yield components 645, 9050
  Avena sativa
    quality 6186
    seeds 6186
  Beta vulgaris (sugarbeet)
    germination 677
    seeds 677
    vigour 677
  Brassica campestris, Erwinia carotovora 10147
  Brassica campestris (toria), yield components 5679, 10128, 10133
  Brassica chinensis
    Erwinia carotovora 10147
    quality 6535
  Brassica juncea, yield components 3430
  Brassica oleracea (Brussels sprouts), glucosinolates 12509
  Brassica pekinensis, Erwinia carotovora 10147
  Bromus inermis, digestibility 9745
  Cajanus cajan
    quantitative traits 5439
    yield components 385, 7775-7777, 9867
  Capsicum annuum
    fruits 1397
    yield components 3254
  Carthamus tinctorius, yield components 3445, 11298
  Casuarina equisetifolia, habit 4663
Heritability *cont.*
  Cicer arietinum
    proteins 5415
    regenerative ability 11001
    yield components 378, 5415, 5418, 7771-7772, 9861, 11000
  Coffea arabica, yield components 1605
  Coffea canephora
    plant composition 3506
    quality 3506
  Corchorus capsularis, yield components 10271
  Corchorus olitorius, yield components 12861
  Cryptomeria japonica
    snow 5835
    wood properties 5832
  Cucumis melo, viruses 5560
  Cucumis sativus, viruses 5560
  Cucurbita maxima, viruses 5560
  Cyclamen
    quality 2647
    yield components 2647
  Daucus carota, yield components 12476
  Dimorphotheca pluvialis
    growth period 6887
    oils 6888
    quality 6887
  Eleusine indica, Magnaporthe grisea 10784
  Eucalyptus nitens, wood properties 11462
  Eucalyptus urophylla, quantitative traits 2570
  Gerbera jamesonii, flowers 11539
  Glycine max
    Phytophthora sojae 4198
    Sclerotinia sclerotiorum 5328
    Spodoptera littoralis 7729
    yield components 1276, 2177, 2183, 3076
  Gossypium
    quality 8179
    yield components 717
  Gossypium arboreum, yield components 9115
  Gossypium barbadense, Rotylenchulus reniformis 6972
  Gossypium hirsutum
    growth period 5779-5780
    leaves 3545
    oils 8178
    quality 718
    Rotylenchulus reniformis 6972
    seeds 8178
    yields 5780
  Helianthus annuus
    morphology 6850
    quality 4530
    yield components 4530, 12738
  Hevea brasiliensis
    development 1654
    yields 1654
  Hibiscus cannabinus, yield components 8192
  Hordeum vulgare
    development 7437
    drought resistance 7448
    gramine 7435
    growth period 7437
    leaves 7437
    photosynthesis 8536
    quality 3928
    seed production 5065
    stress 174
    translocation 5065
    yield components 3928, 5073
  Ipomoea aquatica, yield components 6544
  Ipomoea batatas, yield components 5482
  Lathyrus sativus, yield components 5276
  Lens, yield components 6444
  Lens culinaris
    nitrogen 7766
    nutrients 7766
    yield components 3117, 6444, 7766, 9852
  Lilium, quality 10398
  Linum usitatissimum (linseed), yield components 632, 5688, 6845
  Lolium perenne, nutrients 3035

Heritability *cont.*
- *Lotus*
  - germination 12338
  - seeds 12338
- *Lotus uliginosus*
  - germination 12338
  - seeds 12338
- *Lupinus albus,* fruits 8761
- *Lupinus mutabilis,* yield components 1246
- *Lycopersicon esculentum*
  - *Colletotrichum coccodes* 492
  - quality 6561
  - yield components 6561
- *Medicago sativa*
  - drought resistance 7680
  - height 10905
  - morphology 6354
  - *Rhizobium* 10905
- *Mentha arvensis*
  - menthol 2679
  - quality 2679
- *Nicotiana tabacum,* yield components 5766, 8146
- *Oryza,* yield components 10820
- *Oryza nivara,* yield components 10840
- *Oryza rufipogon,* yield components 10840
- *Oryza sativa*
  - cold resistance 5216
  - fertility 5216
  - flooding 3017
  - growth period 2102
  - lipids 5212
  - lodging 6277
  - lysine 7605
  - photoperiodism 2102
  - proteins 9696
  - quality 3007, 7607
  - salinity 7611
  - seeds 2103
  - temperature 2102
  - yield components 274, 2992, 2996, 4068, 5198, 5200, 10840-10841, 10863, 12213, 12215
- *Panicum maximum,* yield components 5147
- *Panicum miliaceum,* yield components 12163
- *Pennisetum glaucum,* yield components 9651, 10777
- *Phaseolus acutifolius,* yield components 5355
- *Phaseolus vulgaris*
  - calcium 7743
  - growth period 1290
  - seeds 1290
  - *Xanthomonas campestris* 365
  - yield components 5355
- *Picea abies*
  - quantitative traits 8256
  - wood properties 11503
- *Picea sitchensis,* wood properties 7028
- *Pinus contorta, Endocronartium harknessii* 2604
- *Pinus massoniana,* cones 11494
- *Pinus pinaster*
  - *Dioryctria sylvestrella* 8246
  - yield components 2603
- *Pinus radiata,* yield components 2602
- *Pinus sylvestris*
  - wood properties 10320
  - yield components 7022, 8243
- *Pinus tecunumanii,* quantitative traits 8239
- *Pisum sativum*
  - *Mycosphaerella pinodes* 12402
  - quality 5380
  - seeds 5380
  - yield components 2211, 7761
- *Populus deltoides,* quantitative traits 747
- *Populus trichocarpa,* quantitative traits 747
- *Primula vulgaris,* seed production 4733
- *Prunus armeniaca*
  - development 3279
  - yield components 3280
- *Prunus avium*
  - quantitative traits 7970
  - yield components 2353
- *Prunus domestica* 8959

Heritability *cont.*
- *Prunus domestica cont.*
  - fruits 8959
  - male sterility 8959
- *Prunus dulcis*
  - fruits 10092
  - yield components 8030
- *Prunus persica*
  - flowers 4438
  - fruits 4438, 4441
- *Prunus salicina,* growth period 8961
- *Quercus rubra,* seeds 11467
- *Ricinus communis,* yield components 11335
- *Saccharum officinarum*
  - photosynthesis 6897
  - yield components 666, 6900, 8113
- *Sesamum indicum,* yield components 1577, 2482, 12759
- *Solanum melongena,* yield components 5553
- *Solanum tuberosum,* yield components 1337
- *Sorghum bicolor,* yield components 2056
- *Trifolium repens*
  - nutrients 2151
  - phosphorus 2151
- triticale
  - aluminium 11978
  - fertility 6192
  - yield components 2812, 6192
- *Triticum*
  - drought resistance 3877
  - yield components 3877
- *Triticum aestivum*
  - arabinoxylans 11877
  - *Erysiphe graminis* 8590
  - height 3843
  - leaves 3850, 6107
  - photosynthesis 6134
  - *Puccinia striiformis* 3891, 5046
  - quality 2846, 11877
  - tillering 6107
  - transpiration 6134
  - yield components 988, 1956, 2812, 2846, 3891, 4997, 5003, 6116, 11861, 11863
- *Triticum durum*
  - drought resistance 3877
  - photosynthesis 8536
  - yield components 3877
- *Triticum spelta, Erysiphe graminis* 8590
- *Tsuga heterophylla,* wood properties 7039
- *Tsuga mertensiana,* germination 9150
- *Vicia faba,* yield components 7734
- *Vigna mungo,* yield components 2219
- *Vigna radiata,* yield components 1322, 3140, 9883-9885, 12433
- *Vigna unguiculata*
  - yield components 388, 11010
  - yields 7779
- *Vitis, Plasmopara viticola* 7992
- *Zea mays*
  - digestibility 3973
  - forage 3973
  - *Helicoverpa zea* 10726
  - lodging 12052
  - oils 7497
  - quality 5123
  - roots 12052
  - salinity 12110
  - *Setosphaeria turcica* 7503
  - yield components 1075-1076, 3973, 5112, 9623, 12083
  - yields 9622
- *Zingiber officinale,* yield components 11604

Hermaphroditism
- *Ceratonia siliqua* 10081
- *Fragaria virginiana* 11204
- *Fraxinus lanuginosa* 11478
- *Hevea brasiliensis* 6984
- *Panicum infestum,* genetics 6242
- *Panicum maximum,* genetics 6242
- *Panicum trichocladum,* genetics 6242
- *Phoenix dactylifera* 8021

Herrania
- globulins, nucleotide sequences 12796
- phylogeny, nucleotide sequences 12796

Hessea, taxonomy 8337

Hessea tenuipedicellata, taxonomy 8337

Heterochromatin
- *Brassica campestris* (turnips) 9910
- *Zea mays,* molecular genetics 189

Heterodera avenae
- *Aegilops* 3810
- *Secale cereale,* gene mapping 1055
- *Triticum* 3810
- *Triticum aestivum*
  - gene mapping 9534
  - nucleotide sequences 9534

Heterodera cajani
- *Cajanus cajan* 4231
- *Vigna mungo* 12439
- *Vigna radiata* 12439

Heterodera glycines
- *Glycine* 12372
- *Glycine max* 1262, 1266, 2187, 9808, 9810, 12366, 12368-12370
  - artificial selection 7727
  - gene expression 12365
  - gene mapping 2188, 8775
  - genetics 5333, 12362
  - germplasm releases 7723
  - linkage 6406
  - repetitive DNA 8775
  - restriction fragment length polymorphism 2188, 6406, 12363
  - techniques 12371

Heterodera schachtii
- *Arabidopsis thaliana* 9381
- *Beta,* molecular genetics 1600
- *Beta procumbens,* molecular genetics 2504
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 2503
  - gene expression 5739
  - genetic transformation 5739
  - molecular genetics 1600, 2504
- *Raphanus sativus* 6843
- *Sinapis alba* 6843

Heteropsylla cubana
- *Leucaena* 5282, 9781
  - genotype environment interaction 334
  - multivariate analysis 334
- *Leucaena leucocephala*
  - genotype environment interaction 334
  - multivariate analysis 334

Heterosis 1890, 1893
- *Abelmoschus esculentus,* yield components 10006
- *Allium cepa,* yield components 3205
- *Amaranthus tricolor*
  - quality 11089
  - yield components 5510, 11089
- *Arachis hypogaea,* yield components 5712
- *Beta maritima,* competitive ability 5741
- *Beta vulgaris* (sugarbeet), competitive ability 5741
- *Betula nana,* leaves 2568
- *Betula pendula,* leaves 2568
- *Betula pubescens,* leaves 2568
- *Brassica campestris* (toria), yield components 10129
- *Brassica chinensis*
  - quality 6536
  - yield components 6536
- *Brassica juncea* 3424
  - yields 10132
- *Brassica napus* (rape) 2447
  - cold resistance 6814
  - glucosinolates 6815
  - yield components 6814-6815, 10125, 10135
- *Brassica oleracea* (cabbages), yields 12504
- *Brassica oleracea* (kohlrabi) 3234
- *Cajanus cajan* 12418
  - *Helicoverpa armigera* 5437
  - yield components 3130, 5437, 12419
- *Cajanus scarabaeoides*
  - *Helicoverpa armigera* 5437
  - yield components 5437
- *Capsicum annuum,* yield components 6593, 12574
- *Carthamus tinctorius,* yield components 4535
- *Cicer arietinum*
  - microsatellites 9858
  - morphology 7768

- **Heterosis** *cont.*
  - *Cicer arietinum cont.*
    - random amplified polymorphic DNA 9858
  - *Citrus limon,* essential oils 1520
  - *Citrus sinensis,* essential oils 1520
  - *Coix lacryma-jobi,* yield components 6308
  - *Cucurbita pepo*
    - growth period 7919
    - yield components 3259
    - yields 7919
  - *Cyamopsis tetragonoloba,* yield components 4240, 9888
  - *Elymus*
    - alkylresorcinols 2011
    - trypsin inhibitors 2011
  - *Glycine max,* yield components 5306, 5313, 10952
  - *Glycine soja,* yield components 5306, 5313
  - *Gossypium* 11408
    - yield components 6962, 10254
  - *Gossypium barbadense*
    - quality 10245
    - yield components 4612, 10245
  - *Gossypium hirsutum*
    - physiology 10250
    - quality 8176, 10245, 10251, 10260
    - yield components 1641, 3546, 4610-4612, 5782, 6963, 8176, 9114, 10245, 10253, 10260
    - yields 10251
  - *Helianthus annuus,* yield components 9044, 11282, 11285-11287, 12739
  - *Hevea brasiliensis,* yield components 12865
  - *Hibiscus cannabinus,* yield components 11452
  - *Hordeum vulgare,* yield components 5075
  - *Lagenaria siceraria,* yield components 10004
  - *Larix,* quantitative traits 8262
  - *Larix decidua,* development 5825
  - *Larix laricina,* development 5825
  - *Larix leptolepis,* development 5825
  - *Lens culinaris,* yield components 3116
  - *Linum usitatissimum* (flax), yield components 1650
  - *Linum usitatissimum* (linseed), yield components 1650, 5687
  - *Lycopersicon esculentum*
    - photosynthesis 3240
    - quality 481, 5536, 6561
    - yield components 481, 3241, 6561-6562
  - *Morus,* yield components 3344
  - *Musa,* yield components 3357
  - *Nelumbo nucifera* 3188
  - *Nicotiana tabacum*
    - quality 2531
    - yield components 2531
  - *Oryza*
    - peroxidases 10826
    - proteins 10826
  - *Oryza sativa* 259
    - development 1171, 1178
    - harvest index 5195
    - height 7595
    - male sterility 7567
    - photosynthesis 4047, 7585
    - quality 10854
    - yield components 1141, 1171, 1174-1178, 2991, 2995, 4049-4050, 5199, 5203, 7585, 10833-10834, 10837
    - yields 5195, 5202, 7595
  - *Papaver somniferum,* yield components 11591
  - *Pennisetum glaucum*
    - forage 7521
    - gibberellins 2950
    - growth regulators 2950
    - yield components 5149, 7523
  - *Phaseolus vulgaris*
    - *Xanthomonas axonopodis* 2202
    - yield components 6422
  - *Pistacia vera* 3405
    - juvenility 9026
    - vigour 9026
- **Heterosis** *cont.*
  - *Pisum sativum,* yield components 9839
  - *Pyrus communis,* quality 6667
  - *Raphanus sativus,* isoenzymes 5485
  - *Sesamum indicum,* yield components 2480, 3476, 5717, 8090, 10178, 12759, 12761
  - *Solanum phureja* 4258
    - yield components 9889
  - *Solanum tuberosum* 4258
    - *Alternaria solani* 7816
    - yield components 4268, 9889, 12450
  - *Sorghum bicolor*
    - cytoplasmic male sterility 6235
    - quality 8670
    - salinity 2946
    - yield components 8670, 10752
    - yields 5139
  - *Trifolium nigrescens,* nitrogen fixation 10910
  - *Trifolium repens*
    - nitrogen fixation 10910
    - yield components 12316
  - triticale
    - alkylresorcinols 2011
    - trypsin inhibitors 2011
    - yield components 2012
  - *Triticum aestivum* 6094
    - alkylresorcinols 2011
    - height 3843
    - leaves 117, 7366
    - photosynthesis 117, 9469
    - quality 130, 1938
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 7366
    - seeds 7368
    - trypsin inhibitors 2011
    - yield components 987, 1938, 2847, 5000, 6115, 7349, 10618
  - *Triticum durum*
    - drought resistance 9508
    - yield components 4996
  - *Vicia faba* 2189
    - yield components 6409
  - *Vigna mungo*
    - glutamate-ammonia ligase 1320
    - source sink relations 1320
    - yield components 9882
  - *Vigna radiata*
    - glutamate-ammonia ligase 1320
    - source sink relations 1320
    - yield components 3141-3142
  - *Vigna unguiculata,* yield components 6458
  - *Zea mays* 2028, 3953, 3965, 7477
    - *Cochliobolus heterostrophus* 2940
    - growth period 9614
    - multivariate analysis 7480
    - oils 7494
    - photosynthesis 12054
    - quality 2044, 2937
    - random amplified polymorphic DNA 9601
    - source sink relations 3968
    - yield components 1075, 2044, 5097, 7494, 10711
    - yields 2937, 2940, 7467
- **Heterozygosity** 1890, 10561
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 9066
  - *Fagus,* isoenzymes 8204
  - *Larix sukaczewii,* isoenzymes 8261
  - *Pinus maximartinezii* 12888
  - *Pisum sativum,* leaves 8795
  - *Salix eriocephala,* isoenzymes 4652
  - *Stylosanthes,* isoenzymes 9770
- ***Hevea***
  - gene banks, multivariate analysis 11797
  - genetic resources, multivariate analysis 11797
  - random amplified polymorphic DNA 12864
- ***Hevea brasiliensis***
  - anther culture 10275
  - artificial selection 4626
  - clonal variation 4625
  - development, heritability 1654
  - drought resistance 1657, 4627
  - heat shock proteins
    - gene expression 5797
    - nucleotide sequences 5797
  - hermaphroditism 6984
- ***Hevea brasiliensis*** *cont.*
  - isoenzymes, genetics 10274
  - phosphoprotein phosphatase, nucleotide sequences 5799
  - *Phragmenthera capitata* 4628
  - proteins
    - gene expression 11454
    - genetic engineering 10273
    - nucleotide sequences 11454
  - ribosomal DNA, fluorescence *in situ* hybridization 1653
  - rubber
    - gene expression 11454
    - nucleotide sequences 11454
  - rubber elongation factor, genetic engineering 11369
  - size, genetic variance 6982
  - somatic embryogenesis 1656, 10275
  - stress, stability 12866
  - thioredoxin, nucleotide sequences 9124
  - tissue culture 1656
  - tumour proteins
    - gene expression 5798
    - nucleotide sequences 5798
  - variety trials 6983
  - water balance 4627
  - yield components 11455
    - genotype environment interaction 2565
    - heterosis 12865
  - yield correlations 1655
  - yields, heritability 1654
- **Hexokinase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 12532
    - genetic engineering 12532
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 12532
    - genetic transformation 12532
- **Hexoses**
  - *Vitis vinifera*
    - gene expression 12675
    - nucleotide sequences 12675
- ***Hibiscus***
  - anthocyanins 3590
  - chemotaxonomy 3590
  - phylogeny 10340
  - random amplified polymorphic DNA 10340
- ***Hibiscus cannabinus***
  - cold resistance 2564
  - cultivars
    - 86-4 4623
    - Zhehong-3 2562
  - flowering 8191
  - germination 2564
  - growth period 8191
  - photoperiodism 8191
  - yield components
    - combining ability 8192, 11452
    - heritability 8192
    - heterosis 11452
- ***Hibiscus erlangeri,*** taxonomy 8288
- ***Hibiscus esculentus*** (*see Abelmoschus esculentus)*
- ***Hibiscus laevis,*** pollen competition 5843
- ***Hibiscus moscheutos,*** pollen competition 5843
- ***Hibiscus syriacus***
  - cold resistance 7070
  - colour, genetics 7071
  - cultivars 4688
  - fertility 5844
  - flavones, genetics 7071
  - flowering 7070
  - flowers, genetics 7071
  - insects 7070
  - phylogeny 10340
  - plant embryos 5844
  - protoplast culture 7073
  - random amplified polymorphic DNA 10340
- ***Hicoria*** (*see Carya)*
- ***Hierochloe odorata,*** cultivars, Radora 4115
- ***Hippeaskeria,*** *Nerine,* intergeneric hybridization 12930
- ***Hippeastrum hybridum,*** fertilization 10391
- ***Hippophae rhamnoides***
  - amino acids 7995
  - ascorbic acid, genetics 10064
  - carotenoids 7995

- ***Hippophae rhamnoides*** *cont.*
  - cold resistance 3350
  - fruits 3353
  - genetic resources 3349-3350
  - genetic variance, random amplified polymorphic DNA 9005
  - plant composition 3353
  - plant introduction 3350
  - sex, random amplified polymorphic DNA 3352
  - variety trials 3351
  - vitamins 7995
- ***Hirschfeldia incana,*** *Brassica napus* (rape), intergeneric hybridization 6783-6784
- ***Hirschmanniella oryzae,*** *Oryza sativa* 12259
- **Histidine**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 3730
  - *Brassica napus* (rape)
    - gene expression 2460
    - nucleotide sequences 2460
- **Histidine kinase,** *Arabidopsis thaliana,* gene expression 8496
- **Histidinol dehydrogenase,** *Arabidopsis thaliana,* gene expression 10540
- **Histone acetyltransferase**
  - *Zea mays*
    - gene expression 11996
    - nucleotide sequences 11996
- **Histones**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4217
    - nucleotide sequences 4217
  - *Cicer arietinum,* nucleotide sequences 6450
  - *Glycine,* nucleotide sequences 12351
  - *Hordeum vulgare* 10586
  - *Lilium longiflorum* 2656
    - gene expression 5877
    - nucleotide sequences 5877
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 1381, 7887
    - nucleotide sequences 7887
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 11363
    - genetic transformation 11363
    - nucleotide sequences 11363
    - promoters 11363
  - *Pisum sativum*
    - chromosome substitution 8795
    - gene expression 4217, 8795
    - nucleotide sequences 4217
  - *Porteresia coarctata,* nucleotide sequences 6260
  - *Secale cereale* 10586
  - *Tulipa gesneriana* 2656
  - *Vicia faba* 10586
  - *Zea mays*
    - gene expression 9603
    - genetic transformation 9603
- **History**
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), breeding 9066
  - *Brassica napus* (rape), breeding 2440
  - breeding 8, 2703, 4807, 11686, 12006
  - *Cocos nucifera,* breeding 3447
  - Cucurbitaceae 12586
  - fodder plants 1211
    - breeding 9727
  - *Fragaria ananassa,* breeding 5611
  - genetics 8, 2786, 5960
  - *Glycine max,* breeding 2163, 7697, 9783
  - *Gossypium barbadense*
    - breeding 11395
    - yield components 11395
  - *Gossypium hirsutum,* breeding 5776
  - *Helianthus annuus,* breeding 10152
  - *Hordeum vulgare,* yields 11823
  - mutations 2789
  - *Oryza glaberrima,* plant introduction 6246
  - *Oryza sativa* 270
    - breeding 5153-5154, 5175, 7530-7531, 7534
  - *Phoenix dactylifera,* plant introduction 10080
  - plant introduction 11665
  - *Prunus avium,* breeding 1443
  - *Prunus* (cherries), breeding 2352
  - *Prunus persica,* breeding 3289, 6688
  - *Solanum tuberosum*
    - nutrients 7803
- **History** *cont.*
  - *Solanum tuberosum cont.*
    - photosynthesis 7803
  - *Triticum aestivum*
    - breeding 961-964, 6081, 7325, 7330, 8540
    - plant introduction 963
    - quality 7383
    - variety trials 100
    - yields 7383
  - *Triticum durum*
    - breeding 961
    - yields 11823
  - *Vitis vinifera*
    - diseases 3332
    - pests 3332
  - *Zea mays*
    - breeding 3952, 5111, 11979
    - genetic resources 2904
    - hybrid seed production 2904
- ***Holcoglossum tangii,*** taxonomy 2661
- ***Holcoglossum wangii,*** taxonomy 2661
- ***Holcus lanatus,*** phylogeny, nucleotide sequences 3044
- **Homeoboxes**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 9328
    - genetic transformation 9328
  - gene expression 93
  - *Hordeum vulgare,* gene expression 93
  - *Malus pumila*
    - gene expression 8912
    - nucleotide sequences 8912
  - molecular genetics 10494
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 2517
    - genetic transformation 2517
    - nucleotide sequences 2517
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 10806
    - genetic engineering 10295
    - nucleotide sequences 10806
  - *Populus nigra*
    - gene expression 10295
    - genetic transformation 10295
  - *Zea mays,* gene expression 93
- **Homeotic genes**
  - angiosperms 11788
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 40-41, 3580, 7220
    - genetic engineering 7220
    - genetic transformation 40-41, 3580
    - molecular genetics 9330
  - *Corylus avellana*
    - gene expression 3396
    - nucleotide sequences 3396
  - Gnetopsida 11788
  - molecular genetics 10494
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 3515, 11366, 11382
    - genetic transformation 3515, 11366, 11382
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 2977
    - gene tagging 5168
    - genetic engineering 3515
    - genetic transformation 2977
    - mutations 5168
    - nucleotide sequences 3515
  - *Picea abies*
    - genetic engineering 3580
    - nucleotide sequences 3580
  - Pinopsida 11788
  - *Pinus radiata,* nucleotide sequences 5817
  - *Zea mays*
    - gene expression 6210-6211
    - genetic engineering 11382
    - nucleotide sequences 3961, 6210-6211
- **Homoglutathione synthase,** *Medicago truncatula,* nucleotide sequences 4126
- **Homoserine dehydrogenase**
  - *Glycine max*
    - gene expression 8766, 9793
    - nucleotide sequences 8766, 9793
- **Homozygosity,** *Pyrus pyrifolia,* self incompatibility 12630
- **Hordein**
  - *Hordeum* 1041
  - *Hordeum spontaneum* 9568
  - *Hordeum vulgare* 1999, 8600
- **Hordein** *cont.*
  - *Hordeum vulgare cont.*
    - gene expression 9547
    - genetic markers 96
    - genetic transformation 9547
    - genetic variation 5066
    - genetics 11946
    - induced mutations 7434
    - polymorphism 5070
    - promoters 9547
    - variety classification 5066
- ***Hordeum***
  - chloroplast genetics 6157
  - chromosome disposition 8601
  - chromosome elimination 8601
  - chromosome morphology 1033
  - compatibility, gene mapping 158
  - DNA hybridization, phylogeny 3908
  - embryo culture 7430
  - evolution 4112
  - gene expression 7430
  - genetic markers 3909
  - genetic resources 2872
  - genetic transformation 7430
  - genomes, DNA hybridization 11944
  - hordein 1041
  - interspecific hybridization 173
  - isoenzymes, polymorphism 4112
  - phylogeny, nucleotide sequences 3935
  - polymerase chain reaction 6157
  - proteins 2878
  - random amplified polymorphic DNA 3909
  - restriction fragment length polymorphism 3909
  - ribosomal DNA, phylogeny 3908
  - ribulose-bisphosphate carboxylase, nucleotide sequences 3935
  - salinity 3805
  - seeds 2878
  - taxonomy 11951
    - polymerase chain reaction 6175
  - triticale, intergeneric hybridization 3797
  - *Triticum,* intergeneric hybridization 3797
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 158
- ***Hordeum brevisubulatum,*** protoplast culture 3930
- ***Hordeum bulbosum***
  - haploidy 5057
  - interspecific hybridization 3913, 5057
  - random amplified polymorphic DNA 11941
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 2831
- ***Hordeum chilense***
  - *Aegilops tauschii*
    - *Agropyron cristatum,* intergeneric hybridization 3798
    - intergeneric hybridization 8537
  - breeding 3912
  - carotenes 7322
  - chromosome addition 7319
  - chromosome pairing, fluorescence *in situ* hybridization 3798
  - genetic transformation 2810
  - genomes 8537
  - gliadin, linkage 11820
  - glutenins, linkage 11820
  - nucleolus organizer 4943
  - prolamins
    - genetic variation 11821
    - genomes 11821
  - random amplified polymorphic DNA 7319-7320
  - *Secale cereale,* intergeneric hybridization 8537
  - somatic embryogenesis 8537, 11818
  - tissue culture 11818
  - *Triticum,* intergeneric hybridization 2830
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 7319-7320
  - *Triticum durum,* intergeneric hybridization 2810, 2868, 3802, 7322, 11818, 11820-11821
- ***Hordeum depressum,*** evolution 173
- ***Hordeum lechleri,*** interspecific hybridization 8601
- ***Hordeum marinum***
  - phylogeny, nucleotide sequences 1993

***Hordeum marinum* cont.**
- ribosomal RNA, nucleotide sequences 1993

Hordeum spontaneum
- amylases 1997
- centres of origin 8614
- cleistogamy, genetics 3917
- cold resistance
  - gene expression 2886
  - nucleotide sequences 2886
- cytoplasm, mitochondrial genetics 6160
- drought resistance 10671
- enzymes 9568
- *Erysiphe graminis* 10677
- flowering, genetics 3917
- genetic resources 9568
- germination 9564
- hordein 9568
- interspecific hybridization 2889, 3917, 7435, 9542
- microsatellites 1031
- *Puccinia hordei*
  - gene mapping 2889
  - genetics 2889
- quality 1997
- random amplified polymorphic DNA 1031, 11941
- restriction fragment length polymorphism 8614
- salinity 9564
- seeds, storage 9564

Hordeum vulgare
- abscisic acid 1044, 5058
  - gene expression 9559, 11945
  - germplasm releases 3923
  - induced mutations 3923
  - promoters 11945
- air pollution, mutations 3920
- amino acids 5077
- amplified fragment length polymorphism 154, 8535, 8600, 9549
- amylases 1040, 1997, 6103
- amylopectin 10666
- amylose 10666
- anther culture 5058, 9567, 10664, 11948
- barley mild mosaic bymovirus
  - gene mapping 3940
  - genetic transformation 9419
- barley yellow mosaic bymovirus 3938, 5054, 7450, 11966
  - gene mapping 3940
  - genetic markers 11967
  - genetic transformation 9419
- betaine-aldehyde dehydrogenase, gene expression 8604
- boron, restriction fragment length polymorphism 9573
- branching, genetics 5067
- breeding 1022, 1990, 5053, 5078, 11939
  - economics 4935
- cadmium 4944
- catalase, mutations 3920
- cell division 4944
  - gene expression 95
- cells, ultrastructure 9572
- cellulose, mutations 9560
- centres of diversity 6174
- chitinase, genetic engineering 8618
- chlorophyll
  - gene mapping 1995
  - induced mutations 1036, 3925, 5061
  - mutations 159, 164, 2880, 3922, 3929, 5064, 5069
- chloroplasts
  - gene expression 5071
  - mutations 8605
  - ultrastructure 9572
- chromatin 10586
- chromosome aberrations 1994, 3914, 3916
  - induced mutations 3915
- chromosome breakage, polymerase chain reaction 1032
- chromosome pairing 5056, 7321
- chromosome substitution 2877
- chromosomes 6162, 10586
- *Cochliobolus sativus* 8617, 10672-10673, 11953
- cold, gene expression 9571
- cold resistance 1044, 8539
  - artificial selection 3936

***Hordeum vulgare* cont.**
- cold resistance *cont.*
  - gene expression 2886, 7447, 9570
  - nucleotide sequences 2886, 9570
- colour 6170
- cultivars 1924, 10658
  - AC Hawkeye 3904
  - AC Rosser 3905
  - AC Westech 9544
  - Aliseo 8594
  - Aura 7425
  - Chunchussalbori 1028
  - Doolup 9543
  - Duwonchapssalbori 1024
  - GA-Luttrell 3907
  - Kewaunee 11940
  - Kinukei-21 6155
  - Miragbori 1027
  - MNBrite 6156
  - Namhyangbori 1023
  - Nishinohoshi 10657
  - Nure 8595
  - Saechalssalbori 1026
  - Seodunchalbori 1025
  - Tercel 3906
  - Unicorn 6155
  - YNH2 5054
  - YNH3 5054
- cysteine proteinases
  - gene expression 11945
  - promoters 11945
- cytoplasm, mitochondrial genetics 6160
- death 5058
- dehydrins
  - gene expression 9570
  - nucleotide sequences 9570
- development
  - gene expression 95, 1991
  - genetics 6167, 7438
  - genotype environment interaction 7440-7441
  - heritability 7437
  - nucleotide sequences 1991
- α-dextrin endo-1,6-α-glucosidase, gene expression 6165
- digestibility 168, 5077, 7442-7443
- *Diuraphis noxia* 3941
  - genetics 11968
  - germplasm releases 11968
- DNA binding proteins
  - gene expression 156-157, 7431
  - genetic transformation 156
  - nucleotide sequences 156-157, 7431
  - promoters 156
- DNA hybridization 2804, 2809, 4941
- DNA repair 3914
- domestication 172
- dormancy
  - gene mapping 9563
  - genetics 6167
  - induced mutations 6169
- drought resistance 2885
  - artificial selection 3936, 9542
  - combining ability 7448
  - gene expression 9570
  - heritability 7448
  - nucleotide sequences 9570
- electrical treatment 3915
- *Elymus canadensis,* intergeneric hybridization 5056
- endosperm
  - gene expression 7431
  - nucleotide sequences 7431
- enzymes, gene mapping 1995
- *Erysiphe graminis* 11962, 11964
  - amplified fragment length polymorphism 175, 6178
  - gene expression 1046, 3939, 10676, 11961
  - gene mapping 175-176, 1047, 6080, 6178, 11963
  - genetic transformation 3939, 11961
  - genetics 6179
  - linkage 176
  - mutations 3939, 11960
  - restriction fragment length polymorphism 175, 6080
- esterases
  - genetics 7432
  - polymorphism 5070

***Hordeum vulgare* cont.**
- extensin
  - gene expression 1991
  - nucleotide sequences 1991
- ferrochelatase
  - gene mapping 1995
  - mutations 1995
  - nucleotide sequences 1995
- ferulic acid 165
- flowering
  - gene mapping 97
  - molecular genetics 97
- fluorescence
  - gene location 163
  - induced mutations 163
- fluorescence *in situ* hybridization 2804, 8597
- fungi 11825, 11957
- *Fusarium culmorum* 11958
- gamma radiation 163, 1036, 3915, 9565
- gene banks 153
- gene mapping 154, 3911, 8597-8599, 10661
- genetic markers 5055, 8599, 9548
- genetic resources 1045, 2872, 9540, 11938
- genetic transformation 155, 9545
- genotype environment interaction 950
- germination 1928
  - gene expression 5063
  - germplasm releases 3923
  - induced mutations 3923
- *Gibberella zeae* 6156
- gibberellic acid
  - gene mapping 7428
  - microsatellites 7428
  - restriction fragment length polymorphism 7428
- gibberellins
  - gene expression 2875, 6171, 11945
  - mutations 9554
  - promoters 11945
- β-glucan 167, 3934
- glucan branching enzyme
  - gene expression 1034
  - nucleotide sequences 1034
- glucanases
  - gene expression 6161
  - genetic transformation 6161
- glucans 5074, 6163, 8611
- glucose-1-phosphate adenylyltransferase
  - gene expression 7426
  - genetic engineering 7426
- glutathione transferase
  - gene mapping 960
  - restriction fragment length polymorphism 960
- glycine dehydrogenase (decarboxylating), mutations 5062
- gramine
  - genetics 7435
  - heritability 7435
- greening, mutations 8608
- growth period, heritability 7437
- growth regulators 1044
- gynoecium
  - gene expression 3918
  - gene mapping 3918
  - nucleotide sequences 3918
- haem, gene mapping 1995
- haploidy 3913, 5057
- height
  - gene location 9561
  - gene mapping 6168, 9411
  - genetics 3926, 5067
  - induced mutations 3926, 9550
- histones 10586
- homeoboxes, gene expression 93
- hordein 1999, 8600
  - gene expression 9547
  - genetic markers 96
  - genetic transformation 9547
  - genetic variation 5066
  - genetics 11946
  - induced mutations 7434
  - polymorphism 5070
  - promoters 9547
  - variety classification 5066
- *in vitro* culture 2884
- inflorescences 10670
  - back mutations 3916, 3924-3925

***Hordeum vulgare* cont.**
  inflorescences *cont.*
    genetic markers 1992
    induced mutations 3925
    linkage 1992
    mutations 172, 3916
  internodes, gene location 9561
  interspecific hybridization 2889, 3913, 3917, 5057, 7435, 8601, 9542
  iron
    gene mapping 9551
    nucleotide sequences 9551
  isoamylase
    gene expression 10662
    nucleotide sequences 10662
  isoenzymes 3794
    genetic variation 9553
    polymorphism 2876, 7436
  jasmonic acid, gene expression 2874, 5063
  kinases, nucleotide sequences 10594
  lasers 1996, 7434
  leaves 2881, 6170, 8607, 9562
    heritability 7437
  levansucrase, genetic engineering 6937
  light 1035, 7434
    gene expression 2879, 5071, 10663
  lipid transfer proteins
    gene expression 3918
    gene mapping 3918
    nucleotide sequences 3918
  lipoxygenase
    gene expression 9552
    nucleotide sequences 9552
  lodging
    gene mapping 6168
    genetics 5072
    induced mutations 1996
  Magnaporthe grisea, mutations 11960
  magnetism 3915
  male sterility 5059
    genetics 7433
  N-methyl-*N*-nitrosourea 1996
  microsatellites 94, 1031, 3911
  moisture content 6164
  mutagens 1036, 1996, 3915, 3926-3927, 6169, 9550, 9565
  mutations 9558
  myo-inositol-1-phosphate synthase, gene mapping 11815
  naked grain 167-168, 5054, 6163-6164, 10665
  nicotianamine synthase
    gene expression 9556
    gene mapping 9551
    nucleotide sequences 9551, 9556
  nitrate reductase 1035
  nitrates 1035
  nitrogen 8602, 10670
  nutrients 1043, 6176, 8602, 10670
  nutritive value 167, 1039, 6077, 7442, 8611, 10596, 10666
  oligo-1,6-glucosidase
    gene expression 10659
    nucleotide sequences 10659
  oxalate oxidase, gene expression 1046
  ozone, mutations 3920
  pathogens, gene mapping 957
  peroxidases
    gene expression 9555
    genetics 7432
  phosphorus 1043
  photoperiodism
    gene mapping 1037
    mutations 6166
    restriction fragment length polymorphism 1037
  photorespiration, mutations 5062
  photosynthesis 9558
    artificial selection 8536
    chloroplast genetics 9557, 11943
    gene expression 8603, 9546, 10663, 11943
    genetic transformation 8603
    heritability 8536
    mutations 3929, 8606
    promoters 11943
  phytic acid 6077
    gene location 11815
    induced mutations 3927
    mutations 11815

***Hordeum vulgare* cont.**
  phytochrome, mutations 6166
  plant composition 1039, 10665
    techniques 8609
  plant embryos, gene expression 160, 9559
  plant introduction 3903
  pollen 5059
  polymerase chain reaction 6158, 8535
  Polymyxa graminis 3938
  polyphenols, artificial selection 9569
  potassium
    gene expression 955
    genetics 9574
  proanthocyanidins
    genetic markers 169
    random amplified polymorphic DNA 169
  promoters, gene expression 5071
  protein kinase
    gene expression 5068
    genetic transformation 5068
  proteinase inhibitors 7451
    genetic engineering 3894
  proteinases
    gene expression 3919
    nucleotide sequences 3919
  proteins 8602
    gene expression 9571
    genetic variation 161
    genotype environment interaction 3933
    mutations 8605
  protoporphyrin, mutations 5069
  Puccinia, genetics 11965
  Puccinia graminis, gene mapping 1030
  Puccinia hordei
    gene mapping 6080
    restriction fragment length polymorphism 6080
  Puccinia recondita, gene mapping 959
  Pyrenophora graminea 11956
    gene expression 2001
    gene mapping 6177
    restriction fragment length polymorphism 6177
  Pyrenophora teres 1045, 8617, 11955
    gene mapping 2888, 11959
    genetics 10674-10675
    restriction fragment length polymorphism 11959
  quality 170-171, 1040, 1997, 1999, 3934, 5078, 7445, 8612, 10668, 11950
    artificial selection 1041
    gene mapping 1030
    genetic markers 5079, 6173
    genetics 7444
    genotype environment interaction 1042, 8610, 10667
    heritability 3928
    restriction fragment length polymorphism 10669
  quantitative traits 8607
    gene mapping 7429
    restriction fragment length polymorphism 7429
  random amplified polymorphic DNA 1031, 2876, 3794, 3910, 6159, 6174, 8600
    variety classification 2882
  repetitive DNA 2809, 6159
    nucleotide sequences 10660
  restriction fragment length polymorphism 1029, 9548, 10661
  Rhopalosiphum maidis 9575
  Rhopalosiphum padi 7451
  Rhynchosporium secalis 1045
    stability 11954
  ribonucleases, gene expression 6171
  Roegneria ciliaris, intergeneric hybridization 7432
  roots
    gene location 163
    induced mutations 163
  salinity 1928, 6176, 8615
    gene expression 8604, 8616
    ultrastructure 9572
  Schizaphis graminum 7451
  seed production, heritability 5065
  seeds
    gene expression 160, 162, 1991, 5068

***Hordeum vulgare* cont.**
  seeds *cont.*
    genetic markers 162
    genetic transformation 5068
    genetics 6167
    genotype environment interaction 7441
    nucleotide sequences 1991
  serine:glyoxylate aminotransferase 9558
  siderophores, gene location 5060, 9414
  silicon 6176
  sister chromatid exchange 3916
  sodium, genetics 9574
  sodium azide 3926-3927, 6169, 9550
  somaclonal variation 3931
  somatic embryogenesis 11818, 11949
  spikelets
    gene mapping 8596
    nucleotide sequences 7439
    phylogeny 7439
  starch 170, 10665
    gene mapping 8613
  stress 3937
    genetic engineering 2887
    genotype environment interaction 174, 7440
    heritability 174
    promoters 2887
  superoxide dismutase 3794
  taxonomy 7446
  temperature 2881
  tillage 2000
  tissue culture 166, 1998, 3931-3932, 11818, 11947
  toxic substances 1994, 4944
    restriction fragment length polymorphism 9573
  transcription factors
    gene expression 156
    genetic transformation 156
    nucleotide sequences 156
    promoters 156
  translocation 3921
    heritability 5065
  transposable elements
    gene location 2873
    nucleotide sequences 2873
    variety classification 7427
  Triticum aestivum
    intergeneric hybridization 952, 4941, 6103, 7321, 11840
    triticale, intergeneric hybridization 953, 4943
  ultraviolet radiation 3914
  Ustilago segetum
    gene location 7449
    linkage 7449
  variety classification 96, 5070, 9562
    isoenzymes 7436
  variety trials 950, 1924, 2000, 3937, 5053
  vernalization, gene mapping 9411
  water balance 10595
  xyloglucan endotransglycosylase, genetics 7438
  yield components
    amplified fragment length polymorphism 11942
    artificial selection 1021
    gene mapping 11942
    genetic variance 5075
    genotype environment interaction 1042, 8610
    heritability 3928, 5073
    heterosis 5075
    induced mutations 1996, 9565
  yield correlations 1038, 2883, 3921, 6172, 9566
  yields 2881, 5074, 7450, 11958
    artificial selection 5076, 9541
    gene mapping 176, 6168
    genetic markers 5076
    history 11823
    linkage 176
    stability 11952
Hosta
  isoenzymes, genetic variation 2625
  population genetics 2625
Human cytomegalovirus, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 12801

Human respiratory syncytial virus
  Malus pumila
    gene expression 5570
    genetic transformation 5570
    plastocyanins
      gene expression 5570
      genetic transformation 5570
Humulene synthase
  Abies grandis
    gene expression 769
    nucleotide sequences 769
Humulus lupulus
  bitter acids, artificial selection 5912
  cultivars
    Furano-18 11622
    Horizon 12977
    Santiam 12976
  DNA fingerprinting 8386
  essential oils 8388
  gene banks 4785
  genetic distance 8385
  genetic transformation 9217
  oils 10455
  quality 12977
  random amplified polymorphic DNA 8385, 8387
  variety classification 8388
Hyacinthoides, taxonomy 10395
Hyacinthoides hispanica, lectins, nucleotide sequences 8330
Hyacinthoides non-scripta, inflorescences 11554
Hybrid chlorosis
  Oryza sativa, genetics 6265
  Triticum aestivum, gene location 9533
Hybrid necrosis
  Triticum aestivum 6149
    gene location 9533
    genetics 2830, 7418-7419, 10650
Hybrid seed production
  books 4803
  Brassica campestris (turnip rape) 601, 12714
  Brassica napus (rape) 5668-5669, 8040
  Cajanus cajan 5435-5436
  Capsicum annuum 2310, 12568
    polymerase chain reaction 499
    random amplified polymorphic DNA 499
  Dioscorea japonica 8852
  Dioscorea opposita 8852
  Eucalyptus 3558
  genetic transformation 9271
  Glycine max 6393
  Gossypium 11408
  Gossypium hirsutum 3543, 11442
  Helianthus annuus 635, 3438, 11276
  Lagenaria siceraria 7933
  legislation 1891
  Leucaena 4155-4156
  Lycopersicon esculentum 8882, 12529
  Oryza sativa 256-258, 1132-1135, 1137-1138, 1149, 2091, 2985, 4033, 5224, 12195
    DNA fingerprinting 9671
  Pennisetum glaucum 10771
  Raphanus sativus 2259
  Sesamum indicum 11336
  Sorghum bicolor 6233
  Sorghum sudanense 6233
  Trifolium nigrescens 1241
  Trifolium repens 1241
  triticale 1925-1926
  Triticum aestivum 1925-1926, 1936, 10607
    economics 1937
  Zea mays 7478
    genetic transformation 1066
    history 2904
Hybrid varieties
  Allium cepa 3208
  Asparagus officinalis 3231
  Brassica (Chinese cabbages) 5496-5497
  Brassica napus (rape) 2446, 6776
  Brassica oleracea (broccoli) 4330
  Cajanus cajan 4229
  Capsicum annuum 2295, 5555-5556
  cereals, conferences 2699
  Citrus 1514
  crops, conferences 2699
  Cucumis melo 5561
Hybrid varieties *cont.*
  Cucumis sativus 1376, 8901
  Gossypium 11408
  Helianthus annuus 1563, 2467
  Lycopersicon esculentum 471, 1376, 2295, 5519, 8884
  Musa 1500
  Nicotiana tabacum 3509
  Oryza sativa 240, 1116, 1122, 2067, 5174, 10786
    conferences 4791
  Prunus (apricots) 3278
  Prunus cerasus 1457
  Saccharum 8103
  Secale cereale 2007, 2896
  Solanum melongena 5550
  Solanum tuberosum 2230
  Sorghum bicolor 7507
  Triticum spelta 2821
  Vicia faba 2189
  Zea mays 3957-3958, 8628, 11979
    molecular genetics 2027
Hybrid vigour (*see* Heterosis)
Hybridization 2787, 9384
 (*see also* Graft hybridization; Intergeneric hybridization; Interspecific hybridization; Protoplast fusion; Wide hybridization)
  Brassica napus (rape) 2445
  Eleusine coracana, techniques 9654
  Gossypium hirsutum 3544
  Oryza sativa
    gene mapping 4034
    genetics 2969, 6265
  Tagetes 9180
  Triticum aestivum 118
Hydrangea arborescens
  embryo culture 12902
  interspecific hybridization 10342, 12902
Hydrangea macrophylla
  p-coumaroyltriacetic acid synthase
    gene expression 12904
    nucleotide sequences 12904
  embryo culture 12902
  interspecific hybridization 10342, 12902
  naringenin-chalcone synthase
    gene expression 12904
    nucleotide sequences 12904
Hydrangeaceae
  androecium 940
  development 940
Hydrazine, *Phaseolus vulgaris* 8782
Hydrogen cyanide, *Sorghum bicolor* 12162
Hydrogen peroxide, *Lycium barbarum* 12955
Hydrolases
  Arabidopsis thaliana, gene expression 6025
  Triticum aestivum 3881
Hydroperoxide dehydratase
  Arabidopsis thaliana, nucleotide sequences 11739
  Linum usitatissimum (flax), gene expression 3553
Hydroperoxide lyase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 22
    genetic engineering 22
    nucleotide sequences 22
Hydrophobins
  Agaricus bisporus
    gene expression 8391
    nucleotide sequences 8391
  Pleurotus ostreatus
    gene expression 5916, 7172
    nucleotide sequences 5916
(*S*)-2-hydroxy-acid oxidase
  Nicotiana tabacum
    gene expression 2516
    genetic transformation 2516
    nucleotide sequences 2516
Hydroxycinnamic acids
  Citrus sinensis 569
  Coffea arabica 1604
  Coffea canephora 1604
Hydroxycinnamoyl-CoA:tyramine *N*-(hydroxycinnamoyl) transferase, *Solanum tuberosum,* gene expression 6473
Hydroxylamine, *Vigna radiata* 11014
Hydroxymethylglutaryl-CoA reductase
  Arabidopsis thaliana, genetic engineering 1911
  Gossypium hirsutum, molecular genetics 5777
  Lycopersicon esculentum, gene expression 4351, 9963
  Nicotiana tabacum
    gene expression 1911
    genetic transformation 1911
4-Hydroxyphenylpyruvate dioxygenase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 21
    gene mapping 21
    genetic engineering 6004
    genetic transformation 21
    nucleotide sequences 21
  Nicotiana tabacum
    gene expression 6004
    genetic transformation 6004
Hydroxyproline
  Brassica napus (rape)
    in vitro selection 6829
    induced mutations 6829
  Solanum tuberosum, in vitro selection 3165
Hydroxypyruvate reductase
  Arabidopsis thaliana, genetic transformation 4383
  Cucumis sativus
    cytokinins 2324
    gene expression 2324
    promoters 2324
  Cucurbita, gene expression 4383
Hygromycin-B kinase
  Arabidopsis thaliana
    genetic transformation 3731
    recombination 3731
Hymenocallis clivorum, taxonomy 1751
Hymenula cerealis, *Triticum aestivum,* techniques 1976
Hyoscyamine (6*S*)-dioxygenase
  Atropa belladonna
    gene expression 10427
    nucleotide sequences 10427
  Hyoscyamus muticus, genetic transformation 11593
Hyoscyamus, pollen 7138
Hyoscyamus muticus
  hyoscyamine (6*S*)-dioxygenase, genetic transformation 11593
  Nicotiana tabacum, protoplast fusion 6929
  scopolamine, genetic transformation 11593
Hyoscyamus niger
  ribosomal RNA, gene mapping 815
  roots
    gene expression 11584
    genetic transformation 11584
Hypoxis decumbens, sexual reproduction 7113
Hypoxylon mammatum, *Populus tremuloides* 11476
Hypsipyla grandella
  Cedrela odorata 12882
  Swietenia macrophylla 12882
Hystrix duthiei
  chromosome pairing 12292
  interspecific hybridization 12292
Hystrix longearistata
  chromosome pairing 12292
  interspecific hybridization 12292
IAA
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 56, 59, 2758, 6025, 11766
    mutations 56, 59, 9380, 11766
    nucleotide sequences 2758
    translocation 9338
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 1627, 5765
  Zea mays 3975
IAA oxidase, *Brassica chinensis* 6531
IBA
  Malus pumila
    gene expression 1428
    nucleotide sequences 1428
  Pinus taeda, gene expression 11495
Ideotypes
  Brassica napus (rape) 2461

Ideotypes *cont.*
  cereals 3800
  competitive ability 5940
  Lolium rigidum 4102
  Lycopersicon esculentum 5533
  Oryza glaberrima 1164
  Oryza sativa 1164, 5153, 8702, 12204
  Prunus dulcis 3387
    rootstocks 3385
  Saccharum officinarum 663
  Triticum aestivum 4981, 4989
  Zea mays, drought resistance 6222
Idiogram (*see* Chromosome morphology)
Iditol dehydrogenase
  Malus pumila
    gene expression 4397
    nucleotide sequences 4397
Ilex
  ribulose-bisphosphate carboxylase
    nucleotide sequences 1676
    phylogeny 1676
Ilex aquifolium, sex 7006
Ilex attenuata, cultivars 9156
Ilex decidua, cultivars 9156
Ilex opaca, cultivars 9156
Ilex paraguariensis, tissue culture 9108
Imazamox, *Triticum aestivum,* induced mutations 6153
Immunoglobulins, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 4574
Immunology
  Nicotiana benthamiana
    gene expression 8157
    genetic transformation 8157
  Prunus persica, plum pox potyvirus 12661
  Triticum aestivum 8570
Immunophilins, *Arabidopsis thaliana,* gene expression 45
Impatiens, pollen germination 789
Impatiens aurantiaca
  interspecific hybridization 785, 789
  unreduced gametes 785
Impatiens hawkeri
  interspecific hybridization 785, 789
  unreduced gametes 785
Impatiens platypetala
  interspecific hybridization 785, 789
  unreduced gametes 785
Impatiens uzungwaensis, taxonomy 10373
Impatiens volkensii, taxonomy 10373
Impatiens walleriana
  light 791
  morphology 791
Importins
  Oryza sativa
    gene expression 260, 1129, 8689, 8694
    molecular genetics 5165
    nucleotide sequences 1129, 8689
***In situ* hybridization,** *Triticum aestivum* 6101
***In vitro* culture** 942, 7287, 7294
***In vitro* culture** (*see also* Anther culture; Cell culture; Embryo culture; Ovule culture; Protoplast culture; Tissue culture)
***In vitro* culture**
  Albizia lebbeck 756
  Brassica pekinensis 448
  Cichorium intybus 8871
  Cocos nucifera 8071
  cryopreservation 3780
  Cyphomandra betacea 4494
  forest trees 8194
  Hordeum vulgare 2884
  Lupinus 12326
  Malus pumila 8916
  Mammillaria san-angelensis 7129
  Musa 7996
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 2532
  Oryza sativa 251
  Phoenix dactylifera 576, 8023
  Pseudotsuga menziesii 11509
  reviews 6054
  Solanum tuberosum 3163
  techniques 11787
  Triticum aestivum 7324
  Zea mays 7324
***In vitro* fertilization,** angiosperms, reviews 7286
***In vitro* selection**
  Arachis hypogaea, drought resistance 8082-8083
  Asparagus officinalis
    chlorsulfuron 7875
    herbicides 7875
  Brassica carinata, salinity 10145
  Brassica napus (rape), hydroxyproline 6829
  Citrus sinensis, cold resistance 5645
  Daucus carota, Alternaria radicina 417
  Dianthus caryophyllus, Fusarium oxysporum 10374
  diseases 3696
  Fragaria ananassa, cold resistance 4455
  Gossypium, genetic transformation 6952
  Helianthus annuus
    Alternaria helianthi 640
    pollen germination 640
  Kappaphycus alvarezii, spores 11640
  Lycium barbarum, Fusarium oxysporum 12956
  Lycopersicon esculentum
    Fusarium oxysporum 5541
    iron 7899
    nutrients 7899
  Malus pumila, growth regulators 5571
  Mangifera indica, Glomerella cingulata 8016
  Musa, Fusarium oxysporum 8003, 10069
  Nicotiana tabacum
    copper 1629
    herbicides 12831
    pyraflufen 12831
  Oryza sativa
    cryopreservation 6282
    development 1163
    roots 1163
    salinity 7618, 9709
  Pisum sativum, Fusarium 5390
  Prunus dulcis, drought resistance 544
  Prunus persica, drought resistance 544
  Prunus pseudocerasus, viruses 12656
  Rubus idaeus, cold resistance 1476
  selenium 6380
  selenocysteine methyltransferase 6380
  Setaria italica
    nickel 1104
    toxic substances 1104
  Solanum nigrum, Alternaria solani 2673
  Solanum tuberosum
    cold resistance 3165
    ethionine 407
    hydroxyproline 3165
    Phytophthora infestans 8839
    salinity 410, 7813-7814, 11034
    sterols 5952
  triticale, salinity 7465
  Vitis vinifera, salinity 7991
  Zea mays
    acetyl-CoA carboxylase 12145
    haloxyfop 12145
    herbicides 12145-12146
    metolachlor 12146
    sethoxydim 12145
Inbred lines, *Zea mays* 10687
Inbreeding
  Agrostis 12288
  Cyclamen 2644
  Cyclamen balearicum 8327
  Cyclamen creticum 8327
  Cyclamen hederifolium 8327
  Cyclamen repandum 8327
  Leavenworthia 4543
  mathematics 8509
  Medicago sativa 4121
    fruits 7673
    height 10905
    Rhizobium 10905
    seeds 7673
  Papaver somniferum 10416
  Picea abies 8247
  Pinus echinata 8230
  Pinus radiata, development 3570
  Prunus mahaleb 1440
  selection, mathematics 3666
  Solanum tuberosum 2235
  Vicia faba 5336
  Zea mays 2932
Inbreeding *cont.*
  Zea mays cont.
    mathematics 3950
Inbreeding depression
  Abelmoschus esculentus 10006
  Cajanus cajan 12418
  Calluna vulgaris 10345
  Campanula rapunculoides 8311
  Cyamopsis tetragonoloba 9888
  Eucalyptus 3559
  Eucalyptus nitens 8198
  Gossypium hirsutum, yield components 1641
  Lycopersicon esculentum 3241
  Medicago sativa 4124
  Nemophila menziesii 5855
  Papaver somniferum, yield components 11591
  Pinus radiata 8231, 12884
    development 3567
  Pinus sylvestris 9144, 12885
  Solanum tuberosum 2223
  statistics 7272
  Zea mays 3953
Incompatibility
  Lentinula edodes, genetics 11632
  Phaseolus vulgaris 12378
  Pleurotus ostreatus, genetic markers 8397
  Prunus avium 8979
    genetics 1461
  Prunus dulcis, genetics 9022
India, reports, National Bureau of Plant Genetic Resources 5923
Indigofera, taxonomy 1252, 5281
Indoleacetamide hydrolase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 9338
    genetic transformation 9338
Induced mutations
  allergens, reviews 10496
  Allium cepa 2788
  Allium sativum, height 5490
  Amaranthus edulis, photosynthesis 7636
  Arabidopsis thaliana
    chromosomes 8464
    colour 898
    development 4865
    flowering 7266
    gene expression 32
    germination 909
    glutathione transferase 7241
    leaves 4885, 10538
    male sterility 4864
    phenylpropanoids 905
    photosynthesis 7257
    plant hairs 898, 8469
    pollen 4865
    proline 9356
    recombination 11735
    spermine 909
    vascular system 8492
  Arachis hypogaea 3463, 11332
    Frankliniella schultzei 3474
    Scirtothrips dorsali 3474
    Spodoptera litura 3474
    Thrips palmi 3474
  Brassica campestris, male sterility 6794
  Brassica carinata
    glucosinolates 6824
    seeds 6824
  Brassica juncea 10113
    Alternaria 10149
    chlorophyll 5677
    fatty acids 10141
    germination 10112
    growth period 11262
    habit 11262
    male sterility 10112
    seedlings 5674
    waxes 11262
    yield components 5681, 10112
  Brassica napus (rape)
    chlorophyll 6808
    hydroxyproline 6829
    male sterility 6794
    yield components 8041
  Camelina sativa
    habit 6883
    height 6883

Induced mutations *cont.*
- *Camellia sinensis, Pestalotiopsis longiseta* 681
- *Capsicum annuum* 1396
- *Catharanthus roseus*
  - alkaloids 7141
  - leaves 7141
- *Cicer arietinum,* chlorophyll 3119
- *Citrus,* seedlessness 8011
- *Citrus sinensis,* cold resistance 5645
- *Coffea arabica,* flavonoids 11358
- *Crambe abyssinica,* germination 6882
- *Crossandra infundibuliformis,* chlorophyll 11521
- *Cucumis melo,* pollen 12591
- *Cuphea viscosissima*
  - oils 3481
  - quality 3481
- *Curcuma longa*
  - chlorophyll 10442
  - yield components 10442
- *Cymbopogon martinii,* essential oils 1787
- *Cymbopogon winterianus,* essential oils 2682
- *Dendranthema*
  - photoperiodism 3600
  - quality 7099
- *Dendranthema morifolium*
  - flowers 2630
  - pollen 2630
- *Digitaria decumbens,* yield components 9744
- *Echinochloa crus-galli,* alcohol dehydrogenase 1109
- *Eremochloa ophiuroides,* morphology 5244
- *Gladiolus,* colour 7117
- *Glycine max*
  - colour 5300
  - ethylene 6404
  - fatty acid desaturases 9801-9802
  - fatty acids 9801-9803
  - leaves 5300
  - linolenic acid 6400, 9801
  - oleic acid 9802
  - *Phytophthora sojae* 6404
  - *Pseudomonas syringae* 6404
  - *Rhizoctonia solani* 6404
  - *Septoria glycines* 6404
  - stearic acid 9803
  - stearoyl-acyl carrier protein desaturase 9803
  - yield components 3076, 3082, 5309
- *Gossypium* 8166
  - cotton leaf curl bigeminivirus 12844
- *Gossypium barbadense,* yield components 8167
- *Gossypium hirsutum*
  - habit 2545
  - quality 6954
  - yield components 8174
  - yields 6954
- *Helianthus annuus* 8061
  - chlorophyll 10154
  - fatty acids 6856, 8067
  - palmitic acid 8067
  - stearic acid 8067
- *Hordeum vulgare*
  - abscisic acid 3923
  - chlorophyll 1036, 3925, 5061
  - chromosome aberrations 3915
  - dormancy 6169
  - fluorescence 163
  - germination 3923
  - height 3926, 9550
  - hordein 7434
  - inflorescences 3925
  - lodging 1996
  - phytic acid 3927
  - roots 163
  - yield components 1996, 9565
- *Ipomoea batatas,* yield components 7829
- *Jatropha curcas,* leaves 6889
- *Lathyrus sativus,* chromosome aberrations 6372
- *Lens culinaris* 4223
  - chlorophyll 1307
  - fasciation 6447
  - growth period 6447
  - morphology 1307
  - yields 6447

Induced mutations *cont.*
- *Lentinula edodes* 5918
- *Linum usitatissimum* (flax), growth period 6977
- *Lotus japonicus*
  - nodulation 1247
  - *Rhizobium* 1247
- *Lupinus albus*
  - height 10925
  - morphology 10921
- *Lupinus mutabilis*
  - flowering 10920
  - height 10920
- *Lycopersicon esculentum*
  - male sterility 8881
  - quality 6557
  - yield components 6557
- *Musa, Fusarium oxysporum* 568, 10069
- *Nicotiana alata,* self incompatibility 12810
- *Nicotiana tabacum* 10228
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 8138, 8140
- *Nigella sativa*
  - chlorophyll 12962
  - germination 5906
  - sterility 5906
- *Oryza sativa* 2970, 8697
  - flowers 5181
  - height 9672
  - male sterility 5181, 7568, 7571
  - quality 8710, 12224
  - regenerative ability 7602, 10846-10847
  - yield components 8698
- *Petunia hybrida,* naringenin-chalcone synthase 10378
- *Pharbitis purpurea*
  - colour 5848
  - flowers 5848
- *Phaseolus lunatus,* morphology 10969
- *Phaseolus vulgaris* 360
  - chlorophyll 8782, 9820
- *Phlox drummondii* 787
- *Pinus sylvestris* 11493
- *Pisum sativum* 5368
  - chlorophyll 3110, 6437
  - *Erysiphe pisi* 5392
  - leaves 3110, 8795
  - morphology 6437
  - nitrogen fixation 376
  - nodulation 376
  - plant composition 5375
  - *Rhizobium* 376
  - seeds 5375
- *Plantago ovata,* yield components 11590
- *Pyrus communis,* habit 8936
- *Pyrus pyrifolia, Alternaria alternata* 12633
- *Raphanus sativus* 9921
- *Saccharum officinarum,* regenerative ability 11345
- *Sesamum,* habit 1576
- *Sesamum indicum*
  - male sterility 2481
  - yield components 5715, 6877, 11337
- *Solanum khasianum,* yield components 12954
- *Solanum melongena,* spectinomycin 5551
- *Tradescantia* 937
  - androecium 4918
- *Trigonella foenum-graecum* 4154
- *Tripsacum dactyloides,* morphology 5131
- triticale
  - flowering 7464
  - height 6191
- *Triticum aestivum* 972
  - amylose 135
  - awns 2840
  - endosperm 2853
  - fertility 7356
  - glutenins 10624
  - herbicides 6153
  - imazamox 6153
  - inflorescences 4982
  - *Puccinia recondita* 8592
  - quality 2853
  - seeds 7359, 7362
- *Triticum durum* 972
- *Vicia faba* 2788
  - chromosome aberrations 9814

Induced mutations *cont.*
- *Vigna mungo*
  - chlorophyll 11015, 12431
  - morphology 3137
  - yield components 3139
- *Vigna radiata*
  - *Cercospora* 3133
  - chlorophyll 6464
  - *Erysiphe polygoni* 3133
  - fruits 4236
  - seeds 4236
  - yield components 5446, 7785, 9877-9878, 11014
- *Vigna unguiculata*
  - morphology 6457
  - yield components 11010
- *Zea mays* 12014-12016
  - amylose 9612
  - ATP synthase 199
  - chlorophyll 12058
  - chloroplasts 199, 12058
  - colour 11992
  - development 2033
  - leaves 12059
  - ligules 12064
  - methionine 12099
  - oleic acid 211
  - quality 5120
  - roots 2033
  - starch 5120

Inflorescences
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 4895, 7244, 8493
  - mutations 7244, 8493
  - nucleotide sequences 8493
- *Avena sativa,* genetics 9578
- *Avena sterilis,* genetics 9578
- *Chamomilla recutita,* mutations 11589
- *Hordeum vulgare* 10670
  - back mutations 3916, 3924-3925
  - genetic markers 1992
  - induced mutations 3925
  - linkage 1992
  - mutations 172, 3916
- *Hyacinthoides non-scripta* 11554
- *Lycopersicon esculentum,* mutations 5530
- *Mandevilla pentlandiana* 7069
- *Mangifera indica* 6748
- *Medicago sativa*
  - genetics 12308
  - mutations 12308
- *Oryza,* genetics 7582
- *Oryza sativa*
  - gene expression 4026
  - genetics 7582, 9680
  - nucleotide sequences 4026
- *Pachyrhizus ahipa* 3196
- *Pachyrhizus erosus* 3195, 3197
- *Pachyrhizus tuberosus* 3195, 3197
- triticale 11977
- *Triticum aestivum*
  - gene location 126, 4982
  - genetics 126
  - induced mutations 4982
- *Triticum durum* 4986
- *Triticum spelta*
  - gene location 126
  - genetics 126
- *Triticum turgidum* 4986
- *Zea mays*
  - gene expression 9617
  - mutations 12066
  - nucleotide sequences 9617

Information processing
- biotechnology 12
- forest trees 2567
- fruit crops, genetic resources 3263
- gene mapping 11708
- genetic resources 8433
- *Pyrus communis,* gene banks 8921

Inhibitor genes, *Zea mays,* linkage 12078

Injuries
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 22, 10502
  - genetic engineering 22
  - nucleotide sequences 22, 10502
- *Cucumis sativus*
  - gene expression 512
  - nucleotide sequences 512
- gene expression 4845

Injuries *cont.*
  Lycopersicon esculentum, gene expression 487, 5539
  Malus pumila, gene expression 10017
  Mesembryanthemum crystallinum, nucleotide sequences 7133
  Nicotiana tabacum
    gene expression 700, 5773
    nucleotide sequences 700
  Populus, gene expression 10298
  Solanum tuberosum, gene expression 12447
  Triticum aestivum 11883
Inorganic pyrophosphatase, *Populus,* nucleotide sequences 11471
Insecticides, *Gossypium* 12855
Insects
  biosafety 5955
  Brassica juncea, stability 6834
  Brassica napus (rape)
    biosafety 6833
    genetic transformation 4519, 6833, 8055
  Cajanus cajan 11009, 12422
  crops
    genetic engineering 2724
    genetic transformation 7204, 11799
  forest trees
    genetic engineering 5801
    genetics 5801
  genetic resources, books 2701
  genetic transformation 2726, 3694, 3698, 5955, 8442
  genotype environment interaction 4825
  Glycine max 7728, 9811, 12373
  Gossypium
    genetic engineering 3552
    genetic transformation 11398, 11427, 11433, 11443
  Gossypium hirsutum, genetic transformation 2552, 11400, 11414, 11429, 11434, 11436, 11441
  Helianthus annuus 9047
  Hibiscus syriacus 7070
  Ipomoea batatas 1352, 6506, 12489
  Liquidambar styraciflua, genetic transformation 12829
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 11141
    genetic transformation 11141, 12829
  Lycopersicon pennellii, gene mapping 12552
  molecular genetics 2725
  Momordica dioica 11170
  Morus 9004
  Nicotiana tabacum 12830
    genetic engineering 11141
  Oryza sativa
    genetic transformation 4080, 12260, 12265
    genetics 3025
  Phaseolus vulgaris, artificial selection 12392
  Salix eriocephala 2582
  Salix sericea 2582
  Solanum tuberosum, genetic transformation 5454
  triticale 9588
  Triticeae 3807
  Vigna mungo 12440
  Zea mays, genetic transformation 3721
  Zea mays (sweetcorn) 3983
Insulin
  Solanum tuberosum
    gene expression 2229
    genetic transformation 2229
Intellectual property rights 3688, 10485
  Oryza sativa 1115
Interchanges (*see* Chromosome translocation)
Intergeneric hybridization
  Aegilops
    Triticum 977, 3878, 4967
    Triticum aestivum 5031, 5035
  Aegilops crassa, Triticum aestivum 7350
  Aegilops cylindrica, Triticum aestivum 1950, 6095, 6153
  Aegilops geniculata, Triticum aestivum 10606
  Aegilops juvenalis, Triticum aestivum 1944
Intergeneric hybridization *cont.*
  Aegilops kotschyi, Secale cereale 9413
  Aegilops longissima, Triticum durum 5029
  Aegilops markgrafii, Triticum aestivum 5034
  Aegilops ovata, Triticum aestivum 2865, 4968, 5017, 5041, 9448, 9470
  Aegilops speltoides, Triticum aestivum 3840, 3880
  Aegilops tauschii
    Agropyron cristatum 10654
      Hordeum chilense 3798
    Hordeum chilense 8537
    Secale cereale 8537
    Triticum aestivum 4964, 7350, 11851, 11911
    Triticum durum 985, 3884, 11909
  Aegilops triuncialis, Triticum aestivum 1944, 5034, 6097
  Aegilops variabilis
    Secale cereale 9413
    Triticum aestivum 5049, 6100, 7352, 11839
  Aegilops ventricosa
    Triticum aestivum 1950, 5051, 7350
    Triticum durum 3834, 4956
  Agropyron cristatum, Triticum aestivum 3835
  Agropyron tsukushiense, Kengyilia mutica 12293
  Agrostis, Polypogon 3040
  Arabidopsis thaliana, Cardaminopsis arenosa 2739
  Arachis hypogaea, Glycine max 6392
  Banksia coccinea, Dryandra 7065
  Brassica alboglabra, Orychophragmus violaceus 444
  Brassica campestris
    Diplotaxis berthautii 6795
    Diplotaxis erucoides 6795
    Diplotaxis muralis 1548
    Eruca vesicaria 6796, 10109
    Moricandia arvensis 8039
  Brassica campestris (turnip rape), *Erucastrum gallicum* 6837
  Brassica juncea
    Eruca vesicaria 10108
    Erucastrum gallicum 599
    Orychophragmus violaceus 4505
    Trachystoma ballii 2448
  Brassica maurorum, Raphanus sativus 423
  Brassica napus
    Moricandia arvensis 598, 8039
    Raphanus sativus 592
    Sinapis alba 10139
  Brassica napus (rape)
    Erucastrum gallicum 6837
    Hirschfeldia incana 6783-6784
    Raphanus raphanistrum 3423, 6783-6784, 6838
    Raphanus sativus 4506
    Sinapis arvensis 6783-6784, 6840
  Brassica oleracea, Capsella bursa-pastoris 5503
  Brassica oleracea (broccoli), *Sinapis alba* 9950
  Brassica oleracea (kale), *Raphanus sativus* 424
  Brassica pekinensis, Diplotaxis virgata 9941
  Cajanus cajan, Vigna mungo 3068, 3129
  Cassia obtusifolia, Glycine max 6392
  Chamelaucium floriferum, Verticordia plumosa 1716
  Citrus
    Fortunella 11230
    Poncirus 6743
  Citrus deliciosa, Poncirus trifoliata 2423
  Citrus maxima, Poncirus trifoliata 8015
  Citrus paradisi, Poncirus trifoliata 2421
  Citrus reticulata, Fortunella crassifolia 11236
  Citrus sinensis, Poncirus trifoliata 2421, 5639, 8005
  Citrus sunki, Poncirus trifoliata 10074
  Cotoneaster melanocarpus, Sorbus sibirica 8214
  Cucumis sativus
    Cucurbita ficifolia 6614
Intergeneric hybridization *cont.*
  Cucumis sativus cont.
    Cucurbita moschata 6614
  Cymbidium goeringii
    Dendrobium chrysotoxum 3618
    Phalaenopsis 3618
  Dasypyrum villosum
    Elymus elongatus, Triticum durum 9447
    Triticum 2830
    Triticum aestivum 121, 7405, 7410, 9470
    Triticum durum 2841, 5020, 10638
  Elymus
    triticale, *Triticum aestivum* 2011
    Triticum 4967
    Triticum aestivum 1940, 6145
  Elymus canadensis, Hordeum vulgare 5056
  Elymus curvifolius
    Triticum aestivum 3838
    Triticum durum 3837
  Elymus elongatus
    Triticum aestivum 1975, 2834, 4961, 4976, 7351, 8747, 9447, 11839, 11884, 11923
    Triticum durum 5029, 9447, 10605
  Elymus farctus
    Triticum aestivum 3838, 11839
    Triticum durum 3837
  Elymus hispidus
    Triticum aestivum 5237, 7353, 8747, 9532
    Triticum durum 8545
  Elymus tsukushiensis, Triticum aestivum 11842
  Festuca, Lolium 2132, 9736
  Festuca arundinacea, Lolium multiflorum 1217, 5233, 8734
  Festuca pratensis
    Lolium multiflorum 7654, 12279
    Lolium perenne 4097-4098, 7653-7654
    Lolium temulentum 12279
  Glycine max, Zea mays 6392
  Hordeum
    triticale 3797
    Triticum 3797
    Triticum aestivum 158
  Hordeum bulbosum, Triticum aestivum 2831
  Hordeum chilense
    Secale cereale 8537
    Triticum 2830
    Triticum aestivum 7319-7320
    Triticum durum 2810, 2868, 3802, 7322, 11818, 11820-11821
  Hordeum vulgare
    Roegneria ciliaris 7432
    Triticum aestivum 952, 4941, 6103, 7321, 11840
      triticale 953, 4943
  Lablab purpureus, Vigna unguiculata 3068
  Larix occidentalis, Pinus monticola 1684
  Lycopersicon esculentum
    Solanum lycopersicoides 11126
    Solanum tuberosum 8818
  Nerine
    Amacrinum 12930
    Amaryllis belladonna 12930
    Amaryne 12930
    Cyrtanthus elatus 12930
    Hippeaskeria 12930
    Lycoris africana 12930
    Sprekelia formosissima 12930
  Nicotiana tabacum, Petunia hybrida 11548
  Pennisetum glaucum
    triticale 975
    Triticum aestivum 975, 3836
    Triticum durum 975
  Picea sitchensis
    Larix eurolepis 1684
    Pinus monticola 1684
    Pseudotsuga menziesii 1684
  Pinus monticola, Pseudotsuga menziesii 1684
  Prunus armeniaca 3277
  Prunus persica 3277
  Raphanus sativus, Sinapis arvensis 2259

Intergeneric hybridization *cont.*
  Rhododendron obtusum, Tsusiophyllum tanakae 8280
  Saccharum officinarum, Sorghum bicolor 12153
  Secale cereale
    Triticum aestivum 127, 1935, 1982, 3809, 4938, 4940, 4943, 4945-4946, 6103, 7354, 7410, 7420, 7460-7462, 8572, 9454, 9584, 10649, 11839, 11846, 11873
    Triticum durum 4942
  Tripsacum, Zea mays 7476, 7479, 12013, 12026
  Tripsacum dactyloides
    Zea diploperennis 12142-12143
    Zea mays 10709, 12011-12012
  triticale, *Triticum aestivum* 1942, 2812, 6103, 9585
  Triticeae 3796
  Triticum aestivum, Zea mays 116, 997, 4937, 6096, 6099
  Triticum durum, Zea mays 119, 971, 4972
Internodes
  Hordeum vulgare, gene location 9561
  Pisum sativum, mutations 2209
  Saccharum officinarum, mutations 5730
  Triticum aestivum 2838
Interspecific hybridization
  Abies 3583
  Acacia auriculiformis 1673
  Acacia mangium 1673
  Actinidia arguta 1497
  Actinidia melanandra 1497
  Aesculus 8217
  Agave amaniensis 9120
  Agave angustifolia 9120
  Allium cepa 6517, 8861, 9932
  Allium fistulosum 6517, 12496
  Allium galanthum 9932, 12496
  Allium porrum 8861
  Alstroemeria 5867, 11551
  Alstroemeria aurea 4746
  Alstroemeria inodora 4746
  Amaranthus cruentus 9723
  Amaranthus powellii 9723
  Amaranthus retroflexus 9723
  Amorphophallus albus 3189
  Amorphophallus corrugatus 3189
  Amorphophallus rivieri 3189
  Arachis 3462, 11333
  Arachis cardenasii 6868
  Arachis hypogaea 6868
  Asparagus densiflorus 6546
  Asparagus officinalis 6546
  Avena nuda 5080
  Avena sativa 1053, 2003, 9578
    Avena sterilis 6185
  Avena sterilis 1053, 2003, 5080, 9578
  Banksia 7065
  Banksia coccinea 7065
  Beta 9067
  Beta maritima 3492, 5741, 6046, 6906, 6911, 12786
  Beta vulgaris (sugarbeet) 3492, 5741, 6046, 6906, 6911, 9067, 12786
  Betula nana 2568, 12867
  Betula occidentalis 12868
  Betula papyrifera 12868
  Betula pendula 2568
  Betula pubescens 2568, 12867
  Brassica 1556, 6785-6786, 12729
  Brassica alboglabra 4334
  Brassica barrerieli 600
  Brassica campestris 597, 612, 1546, 2459, 4503-4504, 6782-6783, 6839, 8047, 9035, 10111, 10139, 12505
  Brassica campestris (turnips) 4316
  Brassica carinata 612
  Brassica juncea 597, 600, 6783, 8053, 10110
  Brassica maurorum 6785
  Brassica napus 5494, 8053
  Brassica napus (rape) 597, 612, 1556, 2452, 2459, 4503-4504, 6782-6783, 6786, 6839, 8047, 9035, 10104
  Brassica nigra 8053, 10139, 12505
  Brassica oleracea 10104, 12505
  Brassica oleracea (broccoli) 4334, 10146
  Brassica oleracea (cauliflowers) 10111

Interspecific hybridization *cont.*
  Brassica oxyrrhina 1546, 10110
  Brassica pekinensis 4316, 5494, 10146
  Brassica tournefortii 2452
  Brassicaceae 591, 1549
  Cajanus acutifolius 9864
  Cajanus cajan 5437, 9864
  Cajanus cajanifolia 9864
  Cajanus scarabaeoides 5437
  Capsicum 6592
  Capsicum annuum 6592, 12565
  Capsicum chinense 12565
  Carica cauliflora 574
  Carica papaya 574
  Cicer 5411
  Cicer arietinum 5411, 5423
  Cicer reticulatum 5423
  Cichorium endivia 11088
  Cichorium intybus 11088
  Citrus 9011
  Citrus clementina 1519, 2418
  Citrus ichangensis 3361, 8008
  Citrus jambhiri 3361, 8008
  Citrus limon 1519-1520, 5640
  Citrus maxima 1514, 11234
  Citrus reticulata 1514, 5636, 11234, 11236
  Citrus sinensis 1520, 3361, 5636, 5640, 8008, 11236
  Clarkia australis 7103
  Clarkia virgata 7103
  Coffea 12790
  Coffea arabica 12789, 12794-12795
  Coffea canephora 12789, 12792, 12794-12795
  Coffea eugenioides 12792
  Coffea pseudozanguebariae 6917
  Crocus abantensis 10388
  Crocus ancyrensis 10388
  crops 6047
  Cucumis melo 12590
  Cucumis sativus 12590
  Cucurbita moschata 7923
  Cucurbita pepo 7923
  Cyclamen persicum 2650
  Cyclamen purpurascens 2650
  Cymbidium 3618
  Cymbidium goeringii 3618
  Cynodon dactylon 8748
  Cynodon transvaalensis 8748
  Dendranthema indicum 786
  Dendranthema morifolium 786, 2621
  Dendranthema vestitum 786
  Dendranthema zawadskii 2621
  Dioscorea japonica 8852
  Dioscorea opposita 8852
  Diospyros kaki 6755
  Diospyros lotus 6755
  Elymus 10890
  Elymus hispidus 307
  Elymus repens 307
  Elymus spicatus 307
  Elymus stipifolius 307
  Eucalyptus grandis 3558-3559, 8197
  Eucalyptus urophylla 3558-3559, 8197
  Fragaria ananassa 7978
  Fragaria moschata 1478
  Fragaria pentaphylla 7978
  Fragaria vesca 1478
  Fragaria viridis 1478
  Glycine 9794
  Glycine max 2166, 3081, 4178, 5306-5307, 5313, 5315, 6397, 9794, 9797, 12361
  Glycine soja 2166, 3081, 5306-5307, 5313, 5315, 6397, 9797, 12361
  Glycine tomentella 4178
  Gossypium 2543, 9116, 12835
  Gossypium arboreum 1637, 5778, 11416
  Gossypium barbadense 724, 4612, 5778, 6961, 6972, 10245
  Gossypium bickii 5778
  Gossypium herbaceum 11416
  Gossypium hirsutum 724, 1637, 4612, 6961, 6972, 10245
  Grevillea juniperina 4694
  Grevillea victoriae 4694
  Helianthus 11295
    genetic markers 5690
  Helianthus annuus 634, 3437, 3443, 4526, 5690, 6847, 8060, 11295

Interspecific hybridization *cont.*
  Helianthus annuus cont.
    genetics 11277
  Helianthus argophyllus 3443, 4526
  Helianthus bolanderi 4526
  Helianthus giganteus 8060
  Helianthus maximiliani 8060
  Helianthus nuttallii 8060
  Helianthus petiolaris 634, 5690, 6847
    genetics 11277
  Helianthus tuberosus 3437
  Hordeum 173
  Hordeum bulbosum 3913, 5057
  Hordeum lechleri 8601
  Hordeum spontaneum 2889, 3917, 7435, 9542
  Hordeum vulgare 2889, 3913, 3917, 5057, 7435, 8601, 9542
  Hydrangea arborescens 10342, 12902
  Hydrangea macrophylla 10342, 12902
  Hystrix duthiei 12292
  Hystrix longearistata 12292
  Impatiens aurantiaca 785, 789
  Impatiens hawkeri 785, 789
  Impatiens platypetala 785, 789
  Ipomoea batatas 420, 11055, 12485
  Ipomoea lacunosa 420
  Ipomoea trifida 11055, 12485
  Iris 4745
  Iris brevicaulis 2643
  Iris ensata 798, 10389
  Iris fulva 2643, 2646
  Iris germanica 10389
  Iris hexagona 2646
  Iris laevigata 798
  Jatropha curcas 10182
  Jatropha gossypifolia 10182
  Jatropha tanjorensis 10182
  Juglans hindsii, genetic markers 2435
  Juglans regia, genetic markers 2435
  Kengyilia 12293
  Kengyilia mutica 12293
  Lachenalia 797
  Lagerstroemia fauriei 5846
  Lagerstroemia indica 5846
  Larix decidua 5825, 8262
  Larix laricina 5825, 8262
  Larix leptolepis 5825, 8262
  Lens culinaris 6445
  Lens orientalis 6445
  Leucadendron discolor 7051
  Leucadendron uliginosum 7051
  Leucaena 4156
  Leucaena diversifolia 334, 3065, 9771
  Leucaena esculenta 2156
  Leucaena leucocephala 334, 2156, 3065, 9771
  Leucaena pallida 9771
  Leymus 9738
  Leymus angustus 7663
  Leymus chinensis 7663
  Leymus flavescens 9738
  Lilium 11564
  Lilium callosum 9194-9196
  Lilium concolor 1752
  Lilium longiflorum 1752, 9194-9196
  Lupinus 10919
    reviews 4151
  Lupinus albus 10922
  Lupinus atlanticus 10924
  Lupinus cosentinii 10924
  Lupinus mutabilis 10919, 10922
  Lycopersicon cheesmanii 6567
  Lycopersicon chilense 11101
  Lycopersicon esculentum 1392, 2302, 2306, 3245, 4355, 4364, 4366, 5524, 6555, 6567, 7889, 7898, 7900, 9982, 11101, 12525, 12535, 12540
  Lycopersicon hirsutum 1392, 5524, 9982
  Lycopersicon parviflorum 12540
  Lycopersicon pennellii 4366, 7889, 12525
  Lycopersicon peruvianum 2306, 4364, 7889, 11101
  Lycopersicon pimpinellifolium 2302, 3245, 4355, 6555, 7898, 7900, 12535
  Malus baccata 520
  Malus floribunda 6658
  Malus micromalus 12619

Interspecific hybridization *cont.*
  Malus pumila 520, 6632, 6658, 12619
  Malus robusta 6632
  Nerine 12930
  Nicotiana alata 9095
  Nicotiana debneyi 6943
  Nicotiana gossei 4597
  Nicotiana tabacum 4597, 6943, 9095
  Nuphar microphylla 1765
  Nuphar variegata 1765
  Oryza 1145, 7622
  Oryza eichingeri 6263, 6300, 12190
  Oryza glaberrima 1164, 2989, 9717
  Oryza longistaminata 7580, 10826
    nucleocytoplasmic interaction 10820
  Oryza nivara 6264, 10826
    nucleocytoplasmic interaction 10820
  Oryza officinalis 2095
  Oryza rufipogon 4054, 6264, 7575, 9665, 10810
  Oryza sativa 1145, 1164, 2095, 2989, 4054, 6263-6264, 6300, 7575, 7580, 7622, 9665, 9717, 10810, 10826, 12190
    nucleocytoplasmic interaction 10820
    Oryza rufipogon 6261
  Pachyrhizus ahipa 2270
  Pachyrhizus erosus 2270
  Pachyrhizus tuberosus 2270
  Panicum infestum 6242
  Panicum maximum 6242
  Papaver setigerum 7145
  Papaver somniferum 7145
  Paulownia fortunei 754, 5808
  Paulownia tomentosa 754, 5808
  Pennisetum glaucum 2952, 10770
  Pennisetum mollissimum 2952
  Pennisetum squamulatum 10770
  Petunia axillaris 2641, 8325
  Petunia hybrida 8325
  Petunia integrifolia 2641, 8325
  Phaseolus polyanthus 5357
  Phaseolus vulgaris 5357
  Picea, random amplified polymorphic DNA 4675
  Picea engelmannii 7025, 7029
  Picea glauca 7025, 7029
  Pinus brutia 2600
  Pinus elliottii 8226
  Pinus halepensis 2600
  Pinus montana 8240
  Pinus palustris 8226
  Pinus sylvestris 8240
  Piper attenuatum 8369
  Piper barberi 8369
  Piper nigrum 8369
  Pistacia atlantica 1543, 3406-3407
  Pistacia integerrima 3407
  Pistacia terebinthus 3406
  Pistacia vera 1543
  Pisum abyssinicum 5386
  Pisum fulvum 377
  Pisum sativum 377, 5386
  Platanthera leucophaea 11566
  Platanthera psycodes 11566
  Poa arachnifera 7651
  Poa pratensis 7651
  Populus 6998
  Populus alba 8207
  Populus deltoides 747, 2575
  Populus euphratica 8207
  Populus tremula 5805
  Populus tremuloides 5805
  Populus trichocarpa 747, 2575
  Primula 4729
  Prunus 3380, 7955
  Prunus armeniaca 7965
  Prunus avium 540, 7968
  Prunus (cherries) 7968
  Prunus domestica 7965, 8971
  Prunus dulcis 2433, 3377, 3380, 11188
  Prunus incisa 540
  Prunus mume 534, 7955
  Prunus nipponica 540
  Prunus persica 2433, 3377, 11188
  Prunus (plums) 4413
  Prunus salicina 534
  Prunus sargentii 541
  Prunus serotina 541
  Prunus spinosa 8971
  Pterostylis alveata 7124

Interspecific hybridization *cont.*
  Pterostylis ophioglossa 7124
  Quercus 9131
  Quercus petraea 4642
  Quercus robur 4642
  Rhododendron eriocarpum 1717, 7072
  Rhododendron japonicum 1717
  Rhododendron kaempferi 7072
  Rhododendron kiusianum 1717
  Ribes nigrum 10037
    techniques 5607
  Ribes rubrum 10037
    techniques 5607
  Ribes uva-crispa 10037
    techniques 5607
  Robinia pseudoacacia 7054
  Robinia unifolia 7054
  Rosa dumalis 7083
  Rosa rubiginosa 7083
  Rubus arcticus 3298
  Rubus (blackberries) 5602
  Rubus fruticosus 2361
  Rubus idaeus 2361
  Rubus (raspberries) 5602
  Rubus stellatus 3298
  Salix 12877
  Salix alba 2579, 4651, 8208
  Salix eriocephala 2581-2582
  Salix fragilis 2579, 4651, 8208
  Salix sericea 2581-2582
  Santalum album 833
  Santalum spicatum 833
  Secale cereale 6189
  Secale montanum 6189
  Solanum 4257, 4289, 10083
  Solanum acaule 3157, 6475
  Solanum berthaultii 405, 9898
  Solanum brevidens 1326, 5472, 8834, 12452, 12459
  Solanum chacoense 404, 12450
  Solanum commersonii 409, 2233, 6479, 7802, 8819, 8834, 9907, 12453
    genetic markers 4259
  Solanum etuberosum 4261
  Solanum hjertingii 5466
  Solanum incanum 6583, 12555
  Solanum khasianum 12555
  Solanum kurtzianum 9897
  Solanum maglia 9897
  Solanum melongena 3250, 8892, 12555
  Solanum nigrum 4265
  Solanum phureja 404, 4258, 4263, 9889, 9896, 9899, 12450
  Solanum pinnatisectum 4261
  Solanum polyadenium 4260
  Solanum rybinii 9898
  Solanum stenotomum 9898
  Solanum torvum 3250, 8892
  Solanum tuberosum 405, 409, 1326, 2233, 3157, 4249, 4257-4258, 4260-4261, 4263, 4265, 4289, 5472, 6475, 6479, 7802, 8819, 8833-8834, 9889, 9896, 9898-9899, 9907, 12450, 12452-12453, 12459
    genetic markers 4259
  Solanum (tuberous species) 5466, 8833
  Sorghum bicolor 225, 227, 6233
  Sorghum caudatum 227
  Sorghum sudanense 225, 6233
  Spartina alterniflora, random amplified polymorphic DNA 12291
  Spartina foliosa, random amplified polymorphic DNA 12291
  Tanacetum cinerariifolium 10440
  Tanacetum parthenium 5905
  Tanacetum vulgare 5905, 10440
  Terminalia arjuna 3562
  Terminalia tomentosa 3562
  Trifolium ambiguum 1242
  Trifolium nigrescens 1241, 10910, 12319
  Trifolium repens 1241-1242, 10910, 12319
  Triticum 3877, 10648, 11838
  Triticum aestivum 120, 126, 1972, 2821, 2867, 5027, 5034, 6108, 7340, 7375, 7416, 8552, 8554, 8586, 8590, 9457, 9470, 9474, 9492, 9496, 9527, 11845, 11857, 11910
  Triticum araraticum 7416, 8554
  Triticum boeoticum 11910

Interspecific hybridization *cont.*
  Triticum dicoccoides 5008, 5032, 7375, 8593, 9465
  Triticum dicoccum 5032, 11857
  Triticum durum 120, 2867, 3877, 4986, 5008, 7340, 8593, 9465, 9474, 9492, 11845
  Triticum ispahanicum 3847
  Triticum macha 1972, 5027
  Triticum militinae 8586, 9457, 9527
  Triticum monococcum 11910
  Triticum polonicum 3847
  Triticum spelta 126, 2821, 6108, 8552, 8590, 9496
  Triticum timopheevii 2867, 8554, 8586, 9457, 9470, 9527
  Triticum turgidum 4986, 5032
  Tulipa agenensis 12937
  Tulipa gesneriana 12937
  Tulipa praestans 12937
  Vaccinium 11201-11202
  Vaccinium angustifolium 3300
  Vaccinium arboreum 2363, 4450, 5608
  Vaccinium corymbosum 2363, 3300, 4450, 6700
  Vaccinium darrowii 2363, 4450, 5608
  Vaccinium palustris 6700
  Vaccinium uliginosum 6700
  Vaccinium vitis-idaea 3304, 6700
  Vicia faba 1283
  Vicia narbonensis 1283
  Vigna mungo 394, 1320, 3068
  Vigna radiata 394, 1320, 12424
  Vigna unguiculata 3068, 12424
  Viola patrinii 8315
  Viola reichenbachiana 7095
  Viola riviniana 7095
  Viola wittrockiana 8315
  Vitis 3335
  Vitis amurensis 3335, 4466
  Vitis berlandieri 3331
  Vitis cinerea 3336
  Vitis labrusca 2380, 3328
  Vitis labruscana 5622
  Vitis riparia 3331, 3336
  Vitis rotundifolia 3333
  Vitis rupestris 3333
  Vitis vinifera 2380, 3328, 3331, 3333, 3335, 4466, 5622
  Zea luxurians 10709
  Zea mays 9604, 10709
  Zea perennis 9604
Introgression
  Helianthus annuus 6847
  Helianthus petiolaris 6847
Inversions (*see* Chromosome translocation)
Ion channels
  Nicotiana tabacum
    gene expression 4581
    nucleotide sequences 4581
Ion transport
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 6013, 11758
    nucleotide sequences 7247
  molecular genetics 9253, 10489
  Pharbitis nil, nucleotide sequences 7093
Ionizing radiation, *Lycopersicon esculentum* 6557
Ipomoea
  compatibility 7831
  dry matter 11055
  morphology 1350, 7831
  phylogeny, nucleotide sequences 12487
  ribosomal DNA, nucleotide sequences 12487
  roots 11055
  sweet potato chlorotic stunt crinivirus 2256
  sweet potato feathery mottle potyvirus 2256
  taxonomy 5483, 7831
    random amplified polymorphic DNA 1350, 7832
Ipomoea aquatica, yield components, heritability 6544
Ipomoea batatas
  amplified fragment length polymorphism, techniques 9914
  amylases 11056
  amylose 8849
  anthocyanins 6504

- ***Ipomoea batatas*** *cont.*
  - circadian rhythm, gene expression 12486
  - compatibility 7831
  - cultivars
    - Sunny Red 11053
    - Younmi 7828
    - Yushu-13 5481
  - *Cylas formicarius,* genetic transformation 3184
  - *Ditylenchus dipsaci* 7833
  - drought resistance 4318
  - galactonolactone dehydrogenase
    - gene expression 8848
    - nucleotide sequences 8848
  - gamma radiation 7829
  - gene banks 7827, 9913
  - genetic resources 3183, 9913, 12482
  - genetic transformation 9915
  - glucose-1-phosphate adenylyltransferase, genetic engineering 10221
  - glyphosate 4317
  - herbicides 4317
  - insects 1352, 6506, 12489
  - interspecific hybridization 420, 11055, 12485
  - leaves 9916
  - *Meloidogyne incognita* 12488
  - metallothionein, nucleotide sequences 6501
  - microsatellites 12483
  - molecular genetics 7793
  - morphology 1350, 7831
  - nucleotide sequences 12483
  - organelles, genetics 7830
  - pollen, genetics 7830
  - polyploidy 6503
  - protein kinase, nucleotide sequences 12484
  - proteinase inhibitors, nucleotide sequences 6502
  - proteins, nucleotide sequences 11054
  - protoplast fusion 420
  - somatic embryogenesis 3148, 4317
  - starch 8849-8850
    - techniques 6505
  - starch synthase, gene expression 12486
  - sweet potato feathery mottle potyvirus, genetic transformation 1351
  - taxonomy 7831
    - random amplified polymorphic DNA 1350
  - tissue culture 3148, 6503
  - trypsin inhibitors 1349
  - variety classification, random amplified polymorphic DNA 2255
  - yield components
    - heritability 5482
    - induced mutations 7829
  - yield correlations 5482
  - yields, genotype environment interaction 5484
- ***Ipomoea lacunosa***
  - interspecific hybridization 420
  - protoplast fusion 420
- ***Ipomoea trifida***
  - interspecific hybridization 11055, 12485
  - microsatellites 12483
  - morphology 1350
  - nucleotide sequences 12483
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 1350
- ***Ipomopsis aggregata***
  - competitive ability 10367
  - pollination 10367
- ***Ipsea malabarica,*** tissue culture 10403
- ***Iris***
  - epistasis 4745
  - interspecific hybridization 4745
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 8336
- ***Iris brevicaulis***
  - interspecific hybridization 2643
  - microsatellites 11550
  - natural selection 2643
- ***Iris ensata***
  - colour, genetics 798
  - flowers, genetics 798
  - interspecific hybridization 798, 10389
  - protoplast fusion 10389
  - random amplified polymorphic DNA 10389
- ***Iris florentina,*** irones 5911
- ***Iris fulva***
  - gene flow 2646
  - interspecific hybridization 2643, 2646
  - microsatellites 11550
  - natural selection 2643
- ***Iris germanica***
  - interspecific hybridization 10389
  - irones 5911
  - protoplast fusion 10389
  - random amplified polymorphic DNA 10389
- ***Iris hexagona***
  - gene flow 2646
  - interspecific hybridization 2646
- ***Iris hollandica,*** cell culture 5870
- ***Iris laevigata***
  - colour, genetics 798
  - flowers, genetics 798
  - interspecific hybridization 798
- ***Iris pallida,*** irones 5911
- ***Iris pumila***
  - leaves, natural selection 3614
  - shade 3614
- ***Iris variegata,*** irones 5911
- **Iron**
  - *Amaranthus* 1374-1375
  - *Citrus* 3364
  - *Hordeum vulgare*
    - gene mapping 9551
    - nucleotide sequences 9551
  - *Lycopersicon esculentum, in vitro* selection 7899
  - *Medicago sativa,* genetic transformation 5255
  - *Nicotiana tabacum* 3533
  - *Oryza sativa* 7612
    - genetic markers 4060
  - *Pisum sativum,* mutations 3114
  - *Tagetes erecta* 4739
  - *Triticum aestivum* 1004
  - *Zea mays* 6221
    - gene expression 12105
    - mutations 9629
    - nucleotide sequences 12105
- **Irones**
  - *Iris florentina* 5911
  - *Iris germanica* 5911
  - *Iris pallida* 5911
  - *Iris variegata* 5911
- **Irregular bearing,** *Vitis coignetiae* 1486
- **Irrigation**
  - *Anacardium occidentale* 12711
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 8114
  - *Oryza sativa* 9702-9703
  - *Triticum aestivum* 1003, 10626
  - *Zea mays* 215
- ***Irvingia gabonensis,*** genetic markers 3366
- ***Irvingia wombulu,*** genetic markers 3366
- ***Isariopsis*** (*see Phaeoisariopsis*)
- **Isoamylase**
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 10662
    - nucleotide sequences 10662
  - *Oryza sativa*
    - gene mapping 6271
    - nucleotide sequences 6271
  - *Zea mays,* molecular genetics 3959
- **Isochorismate hydroxymutase,** *Catharanthus roseus,* molecular genetics 10418
- **Isocitrate dehydrogenase**
  - *Glycine max*
    - gene expression 9791
    - nucleotide sequences 9791
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 2515
    - nucleotide sequences 2515
  - *Oryza sativa,* nucleotide sequences 12181
- ***Isodon,*** nomenclature 1764
- **Isoenzymes**
  - *Abeliophyllum distichum,* genetic variation 8220
  - *Abies,* genetic variation 8259
  - *Aconitum lycoctonum,* polymorphism 9173
  - *Aconitum septentrionale,* genetic variation 12953
  - *Aegilops speltoides,* polymorphism 3899
  - *Agastache foeniculum,* genetics 838
- **Isoenzymes** *cont.*
  - *Agave angustifolia,* genetic variation 5793
  - *Agave fourcroydes,* genetic variation 5793
  - *Alnus acuminata,* polymorphism 7009
  - *Alnus rubra,* genetic variation 10307
  - *Amelanchier arborea,* genetic variation 7948
  - *Amelanchier laevis,* genetic variation 7948
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4854
    - genetic engineering 4854
    - polymorphism 3744
  - *Arachis hypogaea,* polymorphism 5713
  - Arecaceae, polymorphism 7010
  - *Asimina triloba,* genetic variation 4493
  - *Asparagus officinalis*
    - polymorphism 7863, 7868
    - variety classification 7868
  - *Aster asa-grayi,* genetic variation 10364
  - *Avicennia* 7012
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), linkage 8110
  - *Brassica,* genetic variation 4333
  - *Brassica oleracea*
    - genetic variation 4333, 12502
    - glycoproteins 9943
    - self incompatibility 9943
  - *Brassica oleracea* (cabbages) 9945
  - *Brassica oleracea* (kale), genetic variation 4332
  - Brassicaceae 4516
  - *Calanthe bicolor* 11565
  - *Calanthe discolor* 11565
  - *Calanthe sieboldii* 11565
  - *Calluna vulgaris*
    - genetic variation 9159
    - polymorphism 11522
  - *Campanula takesimana,* genetic variation 11810
  - *Capsicum flexosum* 7908
  - *Castanea sativa,* genetic variation 11249
  - *Chamaecyparis obtusa,* genetic variation 4682-4683
  - *Chionachne koenigii,* polymorphism 2037
  - *Citrus,* variety classification 5642
  - *Citrus aurantiifolia,* genetics 8012
  - *Citrus latifolia,* genetics 8012
  - *Citrus limon,* genetics 8012
  - *Citrus meyeri,* genetics 8012
  - *Coix lacryma-jobi,* polymorphism 2037
  - *Colocasia esculenta*
    - genetics 1356
    - polymorphism 1356
  - crops 4933
  - *Cucumis melo*
    - genetics 2318
    - linkage 2318
  - *Cucumis sativus,* genetic variation 9999
  - *Cucurbita* 7925
  - *Cucurbita pepo,* polymorphism 7927
  - *Cupressus sempervirens,* polymorphism 11513
  - *Curcuma longa* 2675
  - *Cypripedium kentuckiense,* genetic variation 3622
  - *Cypripedium parviflorum,* genetic variation 3622
  - *Dactylis glomerata* 9733
    - genetic variation 3032
  - *Dioscorea alata,* genetic variation 2257
  - *Elymus*
    - genetic variation 8746
    - polymorphism 4108, 4112
  - *Elymus alaskanus,* genetic variation 12286
  - *Elymus caninus,* genetic variation 10889
  - *Eucalyptus,* polymorphism 3559
  - *Eucalyptus microtheca,* genetic variation 12869
  - *Fagopyrum esculentum*
    - genetics 7633
    - polymorphism 7633
  - *Fagopyrum homotropicum,* population genetics 12271
  - *Fagus*
    - genetic variation 8204
    - heterozygosity 8204
  - *Fagus multinervis,* genetic variation 11810

Isoenzymes *cont.*
  Fagus sylvatica
    genetic distance 4644
    genetic variation 732, 8203
    population genetics 8202
  Festuca pratensis, genetic variation 7661
  Ficus carica, variety classification 6728-6729
  Gilia achilleifolia, evolution 1740
  Gleditsia japonica, population genetics 10305
  Glycine max 5320
    linkage 5311
  Glycine soja, genetic variation 2174
  Helianthus annuus, polymorphism 11282
  Hemerocallis exaltata, genetic variation 5869
  Hemerocallis middendorffii, genetic variation 5869
  Hemerocallis taeanensis, genetic variation 9191
  Hemerocallis thunbergii
    genetic variation 5869
    polymorphism 8334
  Hepatica maxima, genetic variation 11810
  Hevea brasiliensis, genetics 10274
  Hordeum, polymorphism 4112
  Hordeum vulgare 3794
    genetic variation 9553
    polymorphism 2876, 7436
    variety classification 7436
  Hosta, genetic variation 2625
  Juglans nigra, genetic markers 10095
  Juglans regia
    genetic markers 10095
    genetic variation 10096
  Larix, genetic variation 5826, 11507
  Larix decidua, genetic variation 732
  Larix sukaczewii
    genetic variation 8261
    heterozygosity 8261
  Leavenworthia, genetic variation 4543
  Lens, genetic variation 2213
  Lolium boucheanum 7657
  Lolium multiflorum, mathematics 7655
  Lolium perenne 7656
    genetic variation 2133
  Lolium rigidum, genetic distance 8741
  Lycopersicon esculentum, genetic markers 8884
  Lycoris radiata, genetic variation 12933
  Lycoris sanguinea, genetic variation 8333
  Lysimachia minoricensis, genetic variation 9174
  Macrozamia heteromera, genetic variation 2608
  Macrozamia johnsonii, genetic variation 8354
  Macrozamia moorei, genetic variation 8354
  Malus pumila 10015
    gene mapping 4398
  Medicago, polymorphism 3050
  Muhlenbergia torreyi, genetic variation 3042
  Musa 1505, 4473, 5632
    polymorphism 1506
  Muscari comosum, genetics 7114
  Nassella pulchra, genetic variation 308
  Olea europaea, polymorphism 11323
  Oryza glumaepatula, genetic variation 255
  Oryza rufipogon, genetic variation 12172
  Oryza sativa 1169, 2092, 3022
    genetic distance 9666
    genetic variation 12193
  Pennisetum 4014
  Phaseolus lunatus
    genetic variation 3100, 7745
    polymorphism 7745
  Phaseolus vulgaris
    genetic variation 3099
    polymorphism 3099
  Phoenix dactylifera 575
  Picea abies, genetic variation 1695, 8253
  Picea glauca, genetics 7024
  Pinus
    chemotaxonomy 5821
    gene mapping 8241
    genetic variation 10316

Isoenzymes *cont.*
  Pinus albicaulis, genetic variation 12889
  Pinus brutia
    genetic distance 2601
    genetic variation 2599
    taxonomy 2601
  Pinus caribaea, polymorphism 8232
  Pinus koraiensis, genetic variation 3576
  Pinus montana, genetics 8240
  Pinus palustris, genetic variation 7019
  Pinus parviflora, genetic variation 11810
  Pinus pityusa
    genetic distance 2601
    taxonomy 2601
  Pinus roxburghii, polymorphism 8238
  Pinus sylvestris
    genetic variation 2597, 7021
    genetics 8240
  Pinus taeda, genetic variation 10319
  Pinus yunnanensis, genetic variation 8237
  Pistacia vera 9027
  Pisum sativum, gene expression 10986
  Porteresia coarctata, genetic variation 6274
  Posidonia australis, genetic variation 7166
  Prosopis, genetic markers 10302
  Prunus (cherries)
    gene mapping 540
    genetics 540
    linkage 540
  Prunus dulcis 3390
    polymorphism 9023
  Prunus persica 11196
  Prunus sargentii, genetic variation 4422
  Pseudotsuga menziesii, genetic variation 4679, 8263
  Pterocarpus indicus, polymorphism 8219
  Quercus havardii, genetic variation 6994
  Quercus suber, genetic variation 740
  Raphanus sativus 6510
    heterosis 5485
  Ricinus communis, variety classification 12758
  Robinia pseudoacacia
    polymorphism 1680
    variety classification 1680
  Saccharum officinarum
    genetic variation 11344
    polymorphism 11344
  Salix alba 4651
    genetics 2579
    polymorphism 2579, 8208
  Salix eriocephala, heterozygosity 4652
  Salix exigua, linkage 2580
  Salix fragilis 4651
    genetics 2579
    polymorphism 2579, 8208
  Santalum album, genetic variation 841
  Secale cereale
    genetic markers 7459
    genetic variation 3947
    genetics 6189
    linkage 7459
  Secale derzhavinii, genetics 6189
  Secale montanum, genetics 6189
  Sequoia sempervirens 9151
  Sesamum indicum 8089
  Sorbus aucuparia
    genetic variation 2347
    genetics 532
    polymorphism 532
  Sorghum bicolor 2054
    polymorphism 2037, 12152
  Spinacia oleracea
    gene expression 9954
    nucleotide sequences 9954
  Stylosanthes
    heterozygosity 9770
    polymorphism 9770
  Thymus quinquecostatus, genetic variation 11810
  Tiarella polyphylla, genetic variation 11810
  Trichomanes speciosum, polymorphism 5888
  Trifolium amoenum, polymorphism 5259
  Trifolium pratense 5258
  Triticum aestivum 149, 2835
    genetics 9529

Isoenzymes *cont.*
  Triticum durum
    genetic variation 3849
    multivariate analysis 3849
  Triticum urartu, polymorphism 3899
  Vicia
    genetic distance 3094
    genetics 3094
  Vicia amoena, genetics 324
  Vicia faba
    genetic distance 3094
    genetics 3094
  Vigna 4237
    phylogeny 7789
    polymorphism 12435
  Vigna unguiculata, genetic variation 8804
  Vigna vexillata 2218
  Vitis 8999
  Zea, polymorphism 2037
  Zea mays
    genetic variation 2908
    polymorphism 2037, 6221
  Zinnia elegans, variety classification 5850
Isoflavone 2′-hydroxylase
  Glycyrrhiza echinata
    gene expression 10423
    nucleotide sequences 10423
Isoflavone reductase, *Medicago sativa,* gene expression 3055
Isoflavones
  Genista 9165
  Glycine max 3079, 4189
    genetics 2175
Isoorientin
  Zea mays, genetics 10727
  Zea mays (popcorn) 3987
Isopentenyltransferase
  Lactuca sativa, genetic transformation 12520
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 12520
Isoprenoids
  gene expression 10490
  genetic transformation 10490
Isotoma axillaris, cultivars, Sapphire Blue 7088
Isovaleryl-CoA dehydrogenase
  Arabidopsis thaliana
    genetic engineering 9365
    nucleotide sequences 9365
  Pisum sativum, genetic transformation 9365
Isoxaflutole, *Zea mays* (sweetcorn) 12150
Ixia, taxonomy 11557
Ixora coccinea, random amplified polymorphic DNA 12900
Ixora congesta, random amplified polymorphic DNA 12900
Japan, reports, National Institute of Agrobiological Resources 11641
Jasminum fruticans, sexual reproduction 1784
Jasminum jenniae, taxonomy 8293
Jasmonic acid
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 68
    molecular genetics 922-923
    mutations 69, 922-923
  Brassica napus, gene expression 6817
  Catharanthus roseus, gene expression 7140
  Hordeum vulgare, gene expression 2874, 5063
Jatropha curcas
  digestibility 1215
  gamma radiation 6889
  interspecific hybridization 10182
  leaves, induced mutations 6889
  nutritive value 1215
  soil types 6889
Jatropha gossypifolia, interspecific hybridization 10182
Jatropha tanjorensis, interspecific hybridization 10182
Juglans, rootstocks, artificial selection 8031
Juglans hindsii
  backcrossing, genetic markers 2435
  interspecific hybridization, genetic markers 2435

***Juglans hindsii** cont.*
  leaves, genetic distance 2435
Juglans nigra
  glutamate-ammonia ligase, nucleotide sequences 12709
  isoenzymes, genetic markers 10095
Juglans regia
  apomixis 8032
  backcrossing, genetic markers 2435
  breeding 6769
  genetic resources 6768
  interspecific hybridization, genetic markers 2435
  isoenzymes
    genetic markers 10095
    genetic variation 10096
  leaves, genetic distance 2435
  Microsphaera juglandis 3393
Juncus effusus
  breeding 12974
  cultivars, Hinomidori 12975
Juniperus
  chemotaxonomy 1706
  essential oils, chemotaxonomy 9153
  prodelphinidin 1706
  taxonomy, random amplified polymorphic DNA 9153
Juniperus oxycedrus
  chemotaxonomy 11514
  embryo culture 1705
  essential oils 11514
Juvenility, *Pistacia vera,* heterosis 9026
Kalanchoe blossfeldiana
  cultivars
    Dahong 8346
    Hwahong 8343
Kalanchoe ndotoensis, taxonomy 809
Kalmia latifolia
  female fertility 2613
  pollination 2613
Kanamycin, *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 10269
Kanamycin kinase, *Pisum sativum,* genetic transformation 3109
Kappaphycus alvarezii, spores, *in vitro* selection 11640
Karyopherin
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 9981
    nucleotide sequences 9981
Karyotype (*see* Chromosome morphology)
Kaurene oxidase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 49
    gene mapping 49
Kaurene synthase, *Cucurbita maxima,* gene expression 4381
Kengyilia, interspecific hybridization 12293
Kengyilia mutica
  Agropyron tsukushiense, intergeneric hybridization 12293
  interspecific hybridization 12293
3-Ketoacyl-CoA synthase, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 3725
Kinase-associated protein phosphatase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 19
    genetic transformation 19
Kinases
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 3727, 3730
    nucleotide sequences 3727
  Hordeum vulgare, nucleotide sequences 10594
  molecular genetics 9385
  Oryza sativa, nucleotide sequences 10594
  Petunia inflata, genetic transformation 2639
  Solanum tuberosum
    gene mapping 12467
    nucleotide sequences 12467
  Triticum aestivum
    cytoplasmic male sterility 2871
    nucleotide sequences 10594
  Zea mays, nucleotide sequences 2916
Kochia prostrata
  cytology 5231
  polyploidy 5231
Koeleria, phylogeny, nucleotide sequences 3044
Koeleria cheesemannii, taxonomy 10898
Koeleria novozelandica, taxonomy 10898
Koeleria riguorum, taxonomy 10898
Lablab purpureus
  cultivars
    Co13 396
    CoLT21 396
    Endurance 6467
  lectins, nucleotide sequences 5453
  Vigna unguiculata, intergeneric hybridization 3068
  yield components, statistics 397
Laccase
  Agaricus bisporus, gene expression 2687
  Liriodendron tulipifera
    gene expression 10304
    nucleotide sequences 10304
  Populus canadensis
    gene expression 10294
    nucleotide sequences 10294
Lachenalia
  cytotaxonomy 797
  interspecific hybridization 797
Lactoferrin, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 12817
Lactuca
  Bremia 462
  Bremia lactucae 11076
  microsatellites 6542
  phylogeny, nucleotide sequences 2286
  variety trials 460
Lactuca sativa
  bilanafos, genetic transformation 11077
  bolting, artificial selection 461
  breeding 4339
  Bremia 4342
  Bremia lactucae 11076
    gene mapping 2288
    genetic markers 2288
    genetic transformation 5508
  cultivars 9955
    Salma 3229
  cytokinins, genetic transformation 8869
  DNA binding proteins, nucleotide sequences 2287
  genetic transformation 8868, 12519
  germination 4340
  gibberellins
    gene expression 4341
    nucleotide sequences 4341
  glyphosate, genetic transformation 7858
  growth regulators
    gene expression 4341
    nucleotide sequences 4341
  heat resistance 4340, 12522
    artificial selection 461
  herbicides, genetic transformation 7858, 11077
  isopentenyltransferase, genetic transformation 12520
  Liriomyza trifolii 2289
  microsatellites 6542
  morphology, random amplified polymorphic DNA 6543
  Nasonovia ribisnigri 4342
  nitrate reductase, genetic transformation 12521
  nitrates 3230
  nutrients 3230
  pathogenesis-related proteins, nucleotide sequences 2287
  phylogeny, nucleotide sequences 2286
  plant composition 3230
  seeds 4340
Lagenaria siceraria
  flowering 12615
  genetic engineering 6602
  hybrid seed production 7933
  morphology 12614
  yield components, heterosis 10004
Lagerstroemia
  cultivars
    Chickasaw 8276
    Kiowa 8276
    Pocomoke 8276
Lagerstroemia fauriei
  Cercospora lythracearum 5846
  Erysiphe lagerstroemiae 5846
  interspecific hybridization 5846
Lagerstroemia indica
  Cercospora lythracearum 5846
  Erysiphe lagerstroemiae 5846
***Lagerstroemia indica** cont.*
  interspecific hybridization 5846
Lamarckism 943
Lamiales, flowers, evolution 1746
Laminaria digitata
  genetic markers 3651
  microsatellites 3651
Larix
  isoenzymes, genetic variation 5826, 11507
  phylogeny 11507
  quantitative traits, heterosis 8262
Larix decidua
  development, heterosis 5825
  interspecific hybridization 5825, 8262
  isoenzymes, genetic variation 732
  Trichoscyphella willkommii 11508
Larix eurolepis
  ovule culture 3566
  Picea sitchensis, intergeneric hybridization 1684
  pollination 1684
  protoplast fusion 5827
Larix laricina
  development, heterosis 5825
  interspecific hybridization 5825, 8262
  protoplast fusion 5827
Larix leptolepis
  development, heterosis 5825
  interspecific hybridization 5825, 8262
  protoplast fusion 5827
Larix occidentalis
  Pinus monticola, intergeneric hybridization 1684
  pollination 1684
Larix sukaczewii
  isoenzymes
    genetic variation 8261
    heterozygosity 8261
Lasers
  Allium cepa 2788
  Hordeum vulgare 1996, 7434
  Vicia faba 2788
Late-embryogenesis-abundant proteins
  Fagus sylvatica
    gene expression 6997
    nucleotide sequences 6997
  Pseudotsuga menziesii, nucleotide sequences 7035
Lathyrus, albumins, polymorphism 9773
Lathyrus cicera, variety classification 5273-5274
Lathyrus decaphyllus, nomenclature 5280
Lathyrus odoratus
  chromosome number 3062
  meiosis 3062
Lathyrus polymorphus, nomenclature 5280
Lathyrus pratensis
  chromosome number 3062
  meiosis 3062
Lathyrus sativus
  albumins, genetic variation 327
  chromosome aberrations, induced mutations 6372
  colour, genetics 5275
  diethyl sulfate 6372
  ethyl methanesulfonate 6372
  flowers, genetics 5275
  forage 2155
  gamma radiation 6372
  male sterility, genetics 10942
  morphology, somaclonal variation 5272
  mutagens 6372
  neurotoxins
    DNA hybridization 6374
    somaclonal variation 5272, 6374
  phylogeny, random amplified polymorphic DNA 12340
  tissue culture 5287
  variety trials 2155, 10940
  yield components
    artificial selection 3066
    combining ability 7692
    genetic variance 7692
    heritability 5276
  yield correlations 5277, 9774
Latitude
  Rubus chamaemorus 3294
  Vaccinium vitis-idaea 3294
Lavandula, cultivars, Silver Feather 7050

- ***Lavandula dentata,*** cultivars, Pure Harmony 4693
- ***Lavandula intermedia***
  - genetic transformation 11614
  - tissue culture 11614
- ***Lavandula stoechas***
  - cultivars
    - Bee Dazzle 7047
    - Bella Bambina 7048
    - Lavenite-1 7049
- **Lawns and turf**
  - *Festuca arundinacea* 5236
  - genetic markers, reviews 4722
  - *Poa pratensis* 2135
- **Lead**
  - *Allium cepa,* cell division 11060
  - *Triticum aestivum,* gene expression 1008
- **Leafless cultivars,** *Pisum sativum* 1300, 10991
- ***Leavenworthia***
  - alcohol dehydrogenase, evolution 12763
  - inbreeding 4543
  - isoenzymes, genetic variation 4543
- **Leaves**
  - *Aegilops speltoides* 6154
  - *Amaranthus* 1375
  - *Amphicarpaea edgeworthii* 5451
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 8493
    - genetics 10538
    - induced mutations 4885, 10538
    - mutations 8493
    - nucleotide sequences 8493
  - *Arachis hypogaea,* heritability 8080
  - *Bauhinia purpurea,* molecular genetics 949
  - *Betula nana,* heterosis 2568
  - *Betula pendula,* heterosis 2568
  - *Betula pubescens,* heterosis 2568
  - *Brassica alboglabra* 3219
  - *Brassica napus* (rape), molecular genetics 595
  - *Butea monosperma,* molecular genetics 949
  - *Camellia sinensis* 10207
  - *Catharanthus roseus,* induced mutations 7141
  - *Corchorus capsularis* 10270
  - *Corchorus olitorius* 10270
  - *Delonix regia,* molecular genetics 949
  - *Dendranthema grandiflora* 9167
  - *Deschampsia* 7670
  - *Epipremnum pinnatum,* molecular genetics 949
  - *Glycine max* 4181
    - genetics 2173, 5299
    - induced mutations 5300
    - linkage 2171
    - mutations 2171, 5299, 8768
  - *Gossypium barbadense*
    - genetics 8172
    - mutations 8172
  - *Gossypium hirsutum* 6959, 6969, 11411, 11432, 12850
    - genetics 1640, 3544
    - germplasm releases 4609
    - heritability 3545
  - *Helianthus annuus* 6848
  - *Heracleum sibiricum* 11594
  - *Hordeum vulgare* 2881, 6170, 8607, 9562
    - heritability 7437
  - *Ipomoea batatas* 9916
  - *Iris pumila,* natural selection 3614
  - *Jatropha curcas,* induced mutations 6889
  - *Juglans hindsii,* genetic distance 2435
  - *Juglans regia,* genetic distance 2435
  - *Medicago sativa* 4129
  - molecular genetics, reviews 11807
  - *Musa* 5631
  - *Nicotiana tabacum* 1626
  - *Oryza glaberrima* 1164
  - *Oryza sativa* 1134-1135, 1164, 4039
    - genetic variance 2978
    - mutations 5189
  - *Paspalum* 2143
  - *Phaseolus vulgaris* 2197, 10967
  - *Philodendron hastatum,* molecular genetics 949
  - *Pisum sativum*
    - chromosome substitution 8795
- **Leaves** *cont.*
  - *Pisum sativum cont.*
    - gene expression 8795
    - heterozygosity 8795
    - induced mutations 3110, 8795
    - mutations 3112, 5371
  - *Prunus persica,* gene expression 4440
  - *Rheum* 7880
  - *Rhododendron* 12907
  - *Saccharum,* germplasm releases 6899
  - *Saccharum officinarum* 6895
  - *Salvia* 11610
  - *Secale cereale,* mutations 9582
  - *Sorghum bicolor*
    - cytoplasmic male sterility 4001
    - genetics 2943
  - *Tectona grandis* 4662
  - *Trifolium repens* 2150
  - *Triticum aestivum* 3846
    - genotype environment interaction 6107
    - heritability 3850, 6107
    - heterosis 117, 7366
  - *Vitis vinifera* 4465, 10053
  - *Zea mays* 2926, 8639
    - chimaeras 12063
    - development 2923
    - gene expression 9611, 12081
    - gene mapping 12057
    - induced mutations 12059
    - linkage 12103
    - mutations 1072, 2032, 2927, 8640, 9611, 12057, 12063, 12081
- **Lectins**
  - evolution 1818
  - *Galanthus nivalis*
    - gene expression 3023
    - genetic engineering 3023, 3895, 4310, 8107
  - genetic transformation 3698
  - *Glycine max* 5319, 9799
    - gene expression 348
    - genetic engineering 348
  - *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 6974
  - *Helianthus tuberosus*
    - gene expression 9925
    - nucleotide sequences 9925
  - *Hyacinthoides hispanica,* nucleotide sequences 8330
  - *Lablab purpureus,* nucleotide sequences 5453
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 348, 10239
    - genetic transformation 10239
  - nucleotide sequences 1818
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 3023
    - genetic transformation 3023
  - *Phaseolus lunatus*
    - gene expression 10965
    - nucleotide sequences 10965
  - *Saccharum,* genetic transformation 8107
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 4310
  - *Triticum aestivum,* genetic transformation 3895
  - *Urtica dioica*, genetic engineering 10239
- **Leek yellow stripe potyvirus,** *Allium sativum* 4328
- **Legislation** (*see also* Breeders' rights)
  - crops, genetic engineering 7207
  - genetic resources 3686-3687, 11672
  - genetic transformation 9245
  - *Glycine max* 2168
  - hybrid seed production 1891
  - *Zea mays,* genetic transformation 9600
- **Legumin**
  - *Cicer arietinum,* nucleotide sequences 4226
  - *Lens,* nucleotide sequences 5403
  - *Pisum sativum,* mutations 5381
- **Leguminosae** (*see* Fabaceae)
- ***Lens***
  - cold resistance
    - gene mapping 5407
    - genetics 5407
  - *Fusarium oxysporum*
    - gene mapping 5407
    - genetics 5407
  - isoenzymes, genetic variation 2213
- ***Lens*** *cont.*
  - legumin, nucleotide sequences 5403
  - random amplified polymorphic DNA 2213, 3115
  - vicilin, nucleotide sequences 5403
  - yield components, heritability 6444
- ***Lens culinaris***
  - *Agrobacterium tumefaciens* 5406
  - aneuploidy 9850
  - *Ascochyta fabae*
    - gene mapping 4224
    - random amplified polymorphic DNA 4224
    - techniques 5408
  - boron 5405
  - chlorophyll, induced mutations 1307
  - chromosome translocation 9850
  - cold resistance
    - genetic markers 12408
    - random amplified polymorphic DNA 12408
  - *Colletotrichum truncatum* 12409-12410
  - cultivars
    - Barimasur-2 5396
    - Barimasur-4 5396
    - Barimasur-2 12406
    - Barimasur-4 12407
  - fasciation, induced mutations 6447
  - *Fusarium oxysporum*
    - genetics 1308
    - random amplified polymorphic DNA 1308
  - gamma radiation 1307, 4223, 6447
  - genetic resources 5399, 12405
  - genetic transformation 5283
  - growth period
    - genetics 5397
    - induced mutations 6447
  - height, mutations 9851
  - induced mutations 4223
  - interspecific hybridization 6445
  - morphology
    - genetics 5397
    - induced mutations 1307
  - mutagens 1307
  - nitrogen, heritability 7766
  - nutrients, heritability 7766
  - nutritive value 1257, 5289
  - plant composition 5284
  - polypeptides, variety classification 1306
  - quality 1257
  - raffinose, genetics 5404
  - *Rhizoctonia solani* 5292
  - salinity, genetics 9857
  - *Sclerotinia sclerotiorum* 5292
  - seeds 5284, 5289, 6446
  - tannins 5289
  - toxic substances 5405
  - wide hybridization 9849
  - yield components 5400-5402, 9854
    - artificial selection 3118
    - genetics 9852
    - heritability 3117, 6444, 7766, 9852
    - heterosis 3116
    - stability 9856
  - yield correlations 6448, 9853, 9855
  - yields 5398
    - induced mutations 6447
- ***Lens nigricans,*** yield components 5400
- ***Lens orientalis***
  - interspecific hybridization 6445
  - yields 5398
- ***Lentinula,*** phylogeny, ribosomal DNA 852
- ***Lentinula edodes***
  - amplified fragment length polymorphism 5918
  - artificial selection 10457
  - competitive ability, artificial selection 12979
  - development, genetics 11633
  - DNA binding proteins, nucleotide sequences 9223
  - DNA fingerprinting 11632
  - fructification 11631
  - genetic resources 11632
  - genetic transformation 5917
  - growth period, genetics 11633
  - incompatibility, genetics 11632
  - induced mutations 5918
  - peptidases, nucleotide sequences 8392
  - protoplast fusion 11631

- ***Lentinula edodes*** *cont.*
  - random amplified polymorphic DNA 5918
  - restriction fragment length polymorphism 11630
  - space flight 5918
  - *Trichoderma,* artificial selection 12979
  - yields 2688
- ***Lepanthes,*** taxonomy 5886
- ***Lepidium***
  - fatty acids 9058
  - oils 9058
  - random amplified polymorphic DNA 6512
- ***Lepidium meyenii,*** random amplified polymorphic DNA 6512
- ***Lepidosaphes cornutus,*** *Piper betle* 9211
- **Leptine**
  - *Solanum chacoense*
    - gene mapping 4307
    - genetics 404
    - random amplified polymorphic DNA 4307
    - restriction fragment length polymorphism 4307
  - *Solanum phureja,* genetics 404
- ***Leptinotarsa decemlineata***
  - *Lycopersicon esculentum* 12554
  - *Solanum melongena*
    - gene expression 12561
    - genetic transformation 2309, 4368, 12561
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 4309, 12470
    - genetic engineering 8836
    - genetic transformation 4309, 12470, 12474
- ***Leptospermum scoparium***
  - cultivars, Freya 7056
  - essential oils 845
- ***Leptosphaeria*** *(see also Magnaporthe)*
- ***Leptosphaeria maculans***
  - *Brassica*
    - genetics 8053
    - restriction fragment length polymorphism 8053, 12729
  - *Brassica juncea* 12724
  - *Brassica napus* (rape) 3422
    - gene expression 12726
    - gene mapping 1556
    - genetics 626
    - genomes 1556
    - restriction fragment length polymorphism 1556
  - *Brassica napus* (swedes), artificial selection 419
  - Brassicaceae 454
- ***Leptosphaeria nodorum***
  - *Triticum aestivum* 7400
    - combining ability 11904
    - gene mapping 4964
- ***Leptosphaerulina trifolii,*** *Medicago sativa,* stability 9754
- ***Lesquerella***
  - DNA, techniques 3480
  - nomenclature 5724
- ***Lesquerella fendleri***
  - *Brassica napus* (rape), protoplast fusion 2449, 12720
  - DNA hybridization 2449
  - germination, natural selection 651
  - population genetics 1579
- **Lethal yellowing,** *Cocos nucifera* 641
- **Lethals**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 1844
  - *Brassica campestris*
    - flowering 6809
    - germination 6809
  - *Gossypium* 11413
- ***Leucadendron,*** cultivars, Rosette 5839
- ***Leucadendron discolor***
  - cultivars, Our Vision 7051
  - interspecific hybridization 7051
- ***Leucadendron uliginosum***
  - cultivars, Our Vision 7051
  - interspecific hybridization 7051
- ***Leucadendron xanthoconus,*** sexual reproduction 11519
- ***Leucaena***
  - breeding 5282, 9771
    - conferences 10468
- ***Leucaena*** *cont.*
  - cold resistance 9780, 10944
  - colour, genetics 3065
  - development 1249
  - digestibility 10944
  - flowers, genetics 3065
  - genetic markers 4657
  - genetic resources, books 1797
  - genotype environment interaction 9779
  - *Heteropsylla cubana* 5282, 9781
    - genotype environment interaction 334
    - multivariate analysis 334
  - hybrid seed production 4155-4156
  - interspecific hybridization 4156
  - morphology 2157
  - nutritive value 329, 9777
  - palatability 9776
  - proteins 10944
  - rootstocks 4155
  - soil pH 9780
  - taxonomy 4158, 9778
  - variety trials 1249, 2157
  - yield components
    - genotype environment interaction 334
    - multivariate analysis 334
- ***Leucaena diversifolia,*** interspecific hybridization 334, 3065, 9771
- ***Leucaena esculenta***
  - interspecific hybridization 2156
  - random amplified polymorphic DNA 2156
- ***Leucaena leucocephala***
  - cuttings 10941
  - *Heteropsylla cubana*
    - genotype environment interaction 334
    - multivariate analysis 334
  - interspecific hybridization 334, 2156, 3065, 9771
  - random amplified polymorphic DNA 2156
  - rooting capacity 10941
  - seed production 8218
  - yield components
    - genotype environment interaction 334
    - multivariate analysis 334
- ***Leucaena pallida,*** interspecific hybridization 9771
- **Leucine zipper**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 3534
    - genetic engineering 3534
    - promoters 3534
- ***Leucinodes orbonalis***
  - *Solanum macrocarpon* 12560
  - *Solanum melongena* 1395, 8893
    - genetic transformation 4368
- ***Leucocytospora*** *(see Valsa)*
- ***Leucospermum,*** cultivars, High Gold 5840
- ***Leucostoma*** *(see also Valsa)*
- **Levansucrase**
  - *Hordeum vulgare,* genetic engineering 6937
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 6937
    - genetic transformation 6937
- ***Leveillula taurica,*** *Vigna aconitifolia* 9886
- ***Leymus***
  - chromosome pairing 9738
  - genetic markers 9738
  - interspecific hybridization 9738
- ***Leymus angustus,*** interspecific hybridization 7663
- ***Leymus arenarius***
  - taxonomy
    - amplified fragment length polymorphism 6332
    - restriction fragment length polymorphism 6332
- ***Leymus chinensis,*** interspecific hybridization 7663
- ***Leymus flavescens***
  - chromosome pairing 9738
  - genetic markers 9738
  - interspecific hybridization 9738
- ***Leymus mollis***
  - taxonomy
    - amplified fragment length polymorphism 6332
    - restriction fragment length polymorphism 6332
- ***Libocedrus chilensis,*** waxes 1704
- **Licheninase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 8124
    - genetic transformation 8124
- **Light**
  - *Adiantum capillus-veneris*
    - gene expression 808
    - mutations 10412
  - *Arabidopsis,* mutations 4886
  - *Arabidopsis thaliana* 8499
    - gene expression 38, 916, 1865, 3739, 6011, 6029, 8478-8479, 8481, 9310, 9327, 9347, 9361, 11768-11769
    - genetic transformation 6011, 8479, 9327, 9361, 10981
    - mutations 38, 925, 9310, 9331
    - nucleotide sequences 38, 6029, 9347
  - *Camellia* 6916
  - *Catharanthus roseus,* gene expression 813
  - chloroplast genetics 9268
  - *Coprinus cinereus* 1791
  - *Corchorus capsularis* 1651
  - *Corchorus olitorius* 1651
  - *Crotalaria incana* 791
  - *Cucurbita,* gene expression 4383
  - gene expression 9268
  - *Glycine max*
    - gene expression 694
    - genetic transformation 694
  - *Helianthus annuus,* DNA 2469
  - *Hordeum vulgare* 1035, 7434
    - gene expression 2879, 5071, 10663
  - *Impatiens walleriana* 791
  - *Lycopersicon esculentum* 4350
    - mutations 8885
  - *Nicotiana tabacum* 8137
    - gene expression 694, 8141, 9089
    - genetic engineering 9327
    - genetic transformation 8141
    - promoters 9327
  - *Oryza sativa* 12198-12199
    - gene expression 8694
  - *Pharbitis nil* 5856
  - *Pinus taeda,* gene expression 5819
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 4221, 9835, 10981
    - mutations 9835
  - protoplasts, *Arabidopsis thaliana* 34
  - *Solanum tuberosum* 408, 2244
  - *Sorghum bicolor* 9637
    - nucleotide sequences 1096
  - *Triticum aestivum* 11883
    - chloroplast genetics 2826
    - gene expression 2826, 9505, 10613
    - gene location 9505
  - *Vitis vinifera* 10053
  - *Zea mays*
    - gene expression 2922
    - genetics 10710
- **Lignin**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 7253
  - forest trees, genetic engineering 4631
  - genetic engineering 9278
    - reviews 11709
  - *Medicago sativa* 5252
    - genetic transformation 4132
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 3530
    - genetic transformation 3530
  - *Populus,* genetic engineering 4132
  - *Populus tremuloides* 11476
- **Ligules**
  - *Oryza longistaminata*
    - genetics 7580
    - linkage 7580
  - *Oryza sativa*
    - genetics 7580
    - linkage 7580
  - *Zea mays*
    - gene expression 11994
    - induced mutations 12064
    - mutations 11994
- ***Ligustrum,*** taxonomy 10352
- **Liliaceae,** phylogeny 8524
- ***Lilium***
  - anthocyanins 11562
  - breeding 800
  - cells, ultrastructure 11561
  - interspecific hybridization 11564

Lilium *cont.*
- ovule culture 11564
- ovules, ultrastructure 11561
- quality 2657
  - combining ability 10398
  - heritability 10398
- random amplified polymorphic DNA 11560
- ribosomal DNA, phylogeny 9197
- tissue culture 804, 11563

Lilium callosum
- embryo culture 9196
- fertilization 9194
- interspecific hybridization 9194-9196

Lilium concolor
- interspecific hybridization 1752
- ribosomal DNA, phylogeny 4754

Lilium davidii
- nuclei 3617
- organelles, genetics 8339
- pollen 3617

Lilium formolongi, cell culture 803

Lilium japonicum, random amplified polymorphic DNA 802

Lilium longiflorum
- anthers
  - gene expression 10397
  - genetic engineering 10397
- anthocyanins 11562
- breeding 8338
- chromosome pairing 4751
- development 12936
- embryo culture 9196
- fertilization 9194
- glycine-rich proteins
  - gene expression 10397
  - genetic engineering 10397
- histones 2656
  - gene expression 5877
  - nucleotide sequences 5877
- interspecific hybridization 1752, 9194-9196
- pollen 2656, 3586, 4753, 12936
  - gene expression 5876-5877
  - nucleotide sequences 5876-5877
- pollen germination 4752, 12935
- pollination 1753, 12935
- protein kinase, nucleotide sequences 10396
- proteins 4753, 12936
- random amplified polymorphic DNA 5875
- ripening 4753
- stress 4753

Lilium maculatum, ribosomal DNA, phylogeny 4754

Lilium martagon
- population genetics 801
- random amplified polymorphic DNA 801

Lilium orier, genetic transformation, techniques 5752

Lilium pensylvanicum, ribosomal DNA, phylogeny 4754

Lilium regale, organelles, genetics 8339

Limnanthes alba
- erucic acid, genetics 4546
- fatty acids, genetics 4546
- pollination 9057
- ultraviolet radiation 9057
- wide hybridization 4546

Limonium
- apomixis 4736
- chromosome number 9182
- genetic transformation 9181
- morphology 9182
- taxonomy 4736
- tissue culture 9181

Limonium capraria, taxonomy 9182

Limonium dufourii
- amplified fragment length polymorphism 8306
- population genetics 8306

Limonium montis-christi, taxonomy 9182

Limonium perplexum, taxonomy 12922

Limonium vigoi, taxonomy 3608

Limonoids
- *Citrus* 5641
- *Citrus limon* 11230
- *Fortunella polyandra* 11230

Linalool synthase
- *Clarkia*
  - evolution 12920
  - nucleotide sequences 12920
- *Oenothera arizonica*
  - evolution 12920
  - nucleotide sequences 12920

Linaria vulgaris
- flowers
  - DNA methylation 12916
  - gene expression 12916
  - nucleotide sequences 12916

Linkage (*see also* Gene location; Gene mapping)
- *Arabidopsis thaliana, Xanthomonas campestris* 2782
- *Asparagus officinalis*
  - malate dehydrogenase 7863
  - sex 7863
- *Avena byzantina,* amylases 177
- *Avena fatua,* amylases 177
- *Avena sativa,* amylases 177
- *Avena sterilis,* amylases 177
- *Beta vulgaris* (sugarbeet)
  - isoenzymes 8110
  - male sterility 8110
  - parthenogenesis 8110
- *Cicer arietinum, Fusarium oxysporum* 383
- computer programming 1888
- *Cucumis melo,* isoenzymes 2318
- genetic markers 8511
- *Glycine max*
  - *Bradyrhizobium* 5321
  - chlorophyll 5312
  - colour 2171, 5311
  - flowers 5311
  - *Heterodera glycines* 6406
  - isoenzymes 5311
  - leaves 2171
  - malate dehydrogenase 2171
  - *Phytophthora sojae* 7725
  - quality 6406
  - seeds 2171
- *Hordeum chilense*
  - gliadin 11820
  - glutenins 11820
- *Hordeum vulgare*
  - *Erysiphe graminis* 176
  - inflorescences 1992
  - *Ustilago segetum* 7449
  - yields 176
- *Linum usitatissimum* (linseed), *Fusarium oxysporum* 727
- *Lolium multiflorum* 1216
- *Lolium perenne* 1216
- *Lycopersicon esculentum, Ralstonia solanacearum* 6574
- *Nicotiana tabacum*
  - *Thielaviopsis basicola* 6942
  - transposable elements 6942
- *Oryza longistaminata*
  - habit 7580
  - ligules 7580
- *Oryza sativa* 7564
  - habit 7580
  - ligules 7580
  - *Magnaporthe grisea* 8720
- *Prunus avium*
  - aspartate aminotransferase 6684
  - self incompatibility 6684
- *Prunus* (cherries), isoenzymes 540
- *Prunus persica,* genetic markers 1470
- *Pyrus pyrifolia, Alternaria alternata* 8941
- quantitative traits 73
- *Salix exigua,* isoenzymes 2580
- *Secale cereale* 5084
  - isoenzymes 7459
  - self compatibility 7459
- selection 10563
- *Solanum* 9895
- *Solanum tuberosum*
  - *Synchytrium endobioticum* 6492
  - tobacco mosaic tobamovirus 6492
- *Sorghum bicolor* 10737
- *Triticum aestivum*
  - awns 9524
  - cold resistance 11882
  - drought resistance 11865
  - *Gibberella zeae* 9524

Linkage *cont.*
- *Triticum aestivum cont.*
  - height 9459
  - male sterility 9459
  - *Puccinia recondita* 148
  - quality 11865
  - quantitative traits 936
  - vernalization 11882
- *Triticum durum*
  - gliadin 11820
  - glutenins 11820
  - yield components 9477
- *Zea mays*
  - alcohol dehydrogenase 7495
  - colour 197, 12078
  - drought resistance 12109
  - endosperm 12100-12101, 12103
  - inhibitor genes 12078
  - leaves 12103
  - zein 7495

Linoleic acid, *Sesamum indicum,* artificial selection 8092

Linolenic acid
- *Brassica napus* (rape)
  - artificial selection 614
  - genetic markers 614, 8049
  - random amplified polymorphic DNA 5733, 8049
- *Glycine max*
  - genetic variance 4193
  - genetics 4193
  - induced mutations 6400, 9801
  - mutations 352
  - restriction fragment length polymorphism 9801
- *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 1625
- *Oenothera* 8097
- *Solanum tuberosum,* gene expression 12447

Linum usitatissimum **(flax)**
- anther culture 1649
  - genetic markers 3554
  - random amplified polymorphic DNA 3554
- 5-azacytidine 6977
- cell walls, artificial selection 1918
- fatty acids 1559, 8186
- *Fusarium oxysporum* 2559
  - genetics 5792
- genetic transformation 5791
- growth period
  - genetics 6977
  - induced mutations 6977
- haploidy 1649
- hydroperoxide dehydratase, gene expression 3553
- *Melampsora lini* 11449
  - gene mapping 6978
  - genetic markers 12860
  - genetic transformation 6979
  - genetics 12859
  - molecular genetics 2560, 4621
  - mutations 2560
  - nucleotide sequences 6979
  - restriction fragment length polymorphism 6978
- mutagens 6977
- nitrogen 11448
- nutrients 11448
- quality 8186
  - genotype environment interaction 8187
- tissue culture 11447
- wide hybridization 1650
- yield components
  - genetic variance 1650
  - genotype environment interaction 8187
  - heterosis 1650
- yields 1559, 11448

Linum usitatissimum **(linseed)**
- anther culture 3436
- biosafety, mathematics 6781
- cultivars, AC Watson 1558
- drought resistance 1560
- fatty acids 1559, 11270
- *Fusarium oxysporum*
  - amplified fragment length polymorphism 727
  - gene mapping 727

- ***Linum usitatissimum* (linseed)** *cont.*
  - *Fusarium oxysporum cont.*
    - linkage 727
  - gene flow, mathematics 6781
  - growth period, artificial selection 11269
  - *Oidium lini,* genetics 12734
  - pollen competition, artificial selection 11269
  - *Spilarctia obliqua* 12735
  - storage 11270
  - variety trials 6844
  - wide hybridization 1650
  - yield components
    - combining ability 631
    - genetic variance 1650, 9043
    - heritability 632, 5688, 6845
    - heterosis 1650, 5687
    - multivariate analysis 5687, 12732
  - yield correlations 632, 12733
  - yields 1559
- ***Lipaphis erysimi***
  - *Brassica* 4520, 9041, 10150
  - *Brassica juncea* 8054, 12731
- **Lipid transfer proteins**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 4860
  - *Gossypium hirsutum*
    - gene expression 10243
    - genetic engineering 10243
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 3918
    - gene mapping 3918
    - nucleotide sequences 3918
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 10243
  - *Oryza sativa,* nucleotide sequences 8690
  - *Phaseolus vulgaris,* gene expression 2195
- **Lipids**
  - *Arabidopsis thaliana* 35
    - mutations 8486
  - chemotaxonomy 944
  - *Cucumis sativus*
    - gene expression 6611
    - nucleotide sequences 6611
  - *Helianthus annuus* 637
  - multivariate analysis 944
  - *Olea europaea* 1568
  - *Oryza sativa* 10856
    - genotype environment interaction 5212
    - heritability 5212
  - *Rhododendron* 8283
  - *Triticum aestivum* 1965
  - *Zea mays* 3982, 10718
- **Lipoic acid synthase,** *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 2746
- **Lipoxygenase**
  - *Actinidia chinensis,* nucleotide sequences 563
  - *Citrus jambhiri,* nucleotide sequences 9009
  - *Cucumis sativus*
    - gene expression 6612
    - nucleotide sequences 7930
  - *Glycine max,* genetics 8770
  - *Helianthus annuus* 637
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 9552
    - nucleotide sequences 9552
  - *Nicotiana tabacum,* gene expression 12811
  - *Oryza sativa* 9698
    - gene expression 12248
  - *Persea americana,* nucleotide sequences 6752
  - *Pisum sativum*
    - DNA hybridization 7762
    - gene expression 7756, 10986
    - nucleotide sequences 7756, 9846
  - *Solanum tuberosum* 12471
    - gene expression 399, 406
    - nucleotide sequences 399, 406
  - *Triticum durum,* genotype environment interaction 8568
- ***Lippia multiflora,*** essential oils 11618
- ***Liquidambar,*** phylogeny 10310
- ***Liquidambar styraciflua***
  - flowers
    - gene expression 10306
    - nucleotide sequences 10306
  - genetic transformation 12879
- ***Liquidambar styraciflua*** *cont.*
  - insects, genetic transformation 12829
  - peroxidases, genetic transformation 12829
  - tissue culture 12879
- ***Liriodendron chinense***
  - flowers 2584
  - seed production 2584
- ***Liriodendron tulipifera***
  - laccase
    - gene expression 10304
    - nucleotide sequences 10304
  - mercury
    - gene expression 2583
    - genetic transformation 2583
  - oxidoreductases
    - gene expression 10304
    - nucleotide sequences 10304
- ***Liriomyza trifolii***
  - *Cucumis melo,* genetics 4378
  - *Lactuca sativa* 2289
  - *Lycopersicon hirsutum,* genetic markers 11142
- ***Litchi chinensis***
  - DNA 8018
  - drought resistance 8018
  - tissue culture 11241
- **Lithium,** *Zea mays,* gene expression 2922
- ***Lithodora diffusa,*** cultivars, The Star 7052
- ***Lithospermum erythrorhizon***
  - chorismate pyruvate-lyase
    - *Agrobacterium rhizogenes* 8266
    - genetic transformation 8266
    - tissue culture 8266
- ***Lobelia brasiliensis,*** taxonomy 3610
- ***Lobelia erinus,*** genetic transformation 8305
- ***Lobesia botrana,*** *Vitis vinifera* 2382
- ***Lobivia rauschii***
  - death 11574
  - pollen 11574
- **Lodging**
  - *Antirrhinum majus,* artificial selection 9186-9188
  - *Fagopyrum esculentum* 9721
  - *Hordeum vulgare*
    - gene mapping 6168
    - genetics 5072
    - induced mutations 1996
  - *Oryza sativa*
    - artificial selection 7586
    - heritability 6277
  - *Sorghum bicolor,* techniques 12154
  - *Triticum aestivum* 3851, 9471
    - gene mapping 8561
  - *Triticum spelta,* gene mapping 8561
  - *Zea mays* 217, 2925
    - artificial selection 6215
    - combining ability 7489, 10708
    - gene mapping 6273
    - heritability 12052
    - techniques 8643
- ***Lolium***
  - chromosome pairing 2132
  - DNA 5232
  - *Festuca,* intergeneric hybridization 2132, 9736
  - genetic transformation 8740
  - stress, gene mapping 2134
- ***Lolium boucheanum***
  - glucose-6-phosphate isomerase, genetics 7658
  - isoenzymes 7657
- ***Lolium hybridum***
  - grazing 6325
  - *Puccinia coronata* 6325
- ***Lolium multiflorum***
  - amylases, polymorphism 7654
  - anther culture 1217, 5233
  - chromosome number, somaclonal variation 1218
  - cultivars 5230
    - Lipurus 10887
    - Vicugna 10887
  - *Festuca arundinacea,* intergeneric hybridization 1217, 5233, 8734
  - *Festuca pratensis,* intergeneric hybridization 7654, 12279
  - gene mapping 1216
  - germination 6326
  - haploidy 1217
  - isoenzymes, mathematics 7655
- ***Lolium multiflorum*** *cont.*
  - linkage 1216
  - peroxidases, polymorphism 7654
  - phylogeny, molecular genetics 3034
  - prolamins, polymorphism 7654
  - *Puccinia coronata*
    - cytoplasmic inheritance 4103
    - genetic markers 4103
  - salinity 6326
  - stress 8734
  - tissue culture 1218
  - variety classification, genetic markers 7659
  - variety trials 303, 5230, 9735
- ***Lolium perenne***
  - amylases, polymorphism 7654
  - anther culture 10879
  - breeding 4092
  - caffeate *O*-methyltransferase
    - gene expression 4095
    - nucleotide sequences 4095
  - carbohydrates 4101
  - chromosome addition 4097
  - chromosome pairing 4098
  - chromosome substitution 7653
  - crop mixtures 298, 10882
  - cultivars 9732
    - Meridian 4093
    - Victoca 4094
  - digestibility 7660
    - techniques 6324
  - DNA hybridization 4098, 7653
  - *Festuca pratensis,* intergeneric hybridization 4097-4098, 7653-7654
  - gene banks 12273
  - gene mapping 1216, 4097
  - genotype mixtures 10882
  - grazing 298, 6325
  - isoenzymes 7656
    - genetic variation 2133
  - linkage 1216
  - nutrients
    - genotype environment interaction 3035
    - heritability 3035
  - nutritive value 4101
    - multivariate analysis 305
  - palatability 7660
  - peroxidases, polymorphism 7654
  - persistence 298
  - polyploidy 4099
  - prolamins, polymorphism 7654
  - protoplasts, genetic transformation 2138
  - *Puccinia coronata* 6325
    - artificial selection 12280
    - genetics 12280
  - random amplified polymorphic DNA 8733
  - *Rhynchosporium orthosporum* 1219
  - seed testing 10888
  - self incompatibility, polymerase chain reaction 4096
  - thioredoxin, polymerase chain reaction 4096
  - variety classification 10888
    - genetic markers 7659
- ***Lolium rigidum***
  - drought resistance 4102
  - genetic resources 9735
  - ideotypes 4102
  - isoenzymes, genetic distance 8741
  - variety classification 4100
  - variety trials 9735
- ***Lolium temulentum***
  - *Festuca pratensis,* intergeneric hybridization 12279
  - β-fructofuranosidase
    - gene expression 304
    - nucleotide sequences 304
  - gibberellins, gene expression 6323
  - growth regulators, gene expression 6323
- ***Lonicera***
  - genetic resources 3347
  - plant composition 3354
  - taxonomy 3593
- ***Lonicera japonica,*** pollination 5628
- ***Lotus***
  - genetic resources 9769
  - germination, heritability 12338
  - seeds, heritability 12338

- ***Lotus corniculatus***
  - DNA methylation 3962
  - flowering, natural selection 2154
  - gene expression 12337
  - genetic transformation 12337
  - glutamate-ammonia ligase
    - gene expression 5305
    - genetic transformation 5305
  - morphology 10938
  - palatability 7684
  - phosphoenolpyruvate carboxylase, nucleotide sequences 10937
  - proanthocyanidins
    - gene expression 7688
    - genetic transformation 7688
  - promoters
    - gene expression 5305
    - genetic transformation 5305
  - tannins 7684
  - taxonomy 10938
  - zein, genetic transformation 3962
- ***Lotus japonicus***
  - binding proteins, gene expression 10936
  - β-glucuronidase
    - gene expression 1841
    - genetic transformation 1841
  - glutamate-ammonia ligase, nucleotide sequences 6370
  - green fluorescent protein
    - gene expression 1841
    - genetic transformation 1841
  - nodulation
    - gene expression 5270
    - induced mutations 1247
    - mutations 325
    - nucleotide sequences 5270
  - reporter genes
    - gene expression 1841
    - genetic transformation 1841
  - *Rhizobium,* induced mutations 1247
- ***Lotus scoparius***
  - colour 5269
  - flowers 5269
  - pollination 5269
- ***Lotus uliginosus***
  - germination, heritability 12338
  - seeds, heritability 12338
- **Low input agriculture,** *Brachiaria* 3047
- **Luciferase**
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 4253
    - genetic transformation 4253
  - *Triticum aestivum,* genetic transformation 111
- ***Luffa acutangula,*** *Pseudoperonospora cubensis* 12616
- **Lupeol synthase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 8470
    - nucleotide sequences 8470
- ***Lupinus***
  - alkanes, chemotaxonomy 5266
  - breeding 4150
    - books 4804
    - conferences 11647
  - chloroplast genetics 10932
  - chromosome number 9766
  - cold resistance 10935
  - cytology, reviews 4151
  - DNA 9766
  - evolution 4152
  - gene banks 3060, 9764
  - genetic resources 3060, 4149, 10915
    - reviews 9762
  - genetic transformation 5283
  - genetics, reviews 4151
  - globulins, chemotaxonomy 12334
  - *in vitro* culture 12326
  - interspecific hybridization 10919
    - reviews 4151
  - phylogeny 10932
    - nucleotide sequences 8762
  - repetitive DNA, phylogeny 10931
  - taxonomy 3060, 4152, 10933
  - variety classification 10923
  - waxes, chemotaxonomy 5266
- ***Lupinus albus***
  - acid phosphatase
    - gene expression 12322
    - nucleotide sequences 12322
  - artificial selection, mathematics 9763
- ***Lupinus albus*** *cont.*
  - breeding 9765
  - canopy 5264
  - cold resistance 5267
  - *Colletotrichum gloeosporioides* 5268
  - conglutin, gene expression 5263
  - determinate and indeterminate habit 12324-12325
  - development 7687
  - DNA fingerprinting, genetics 10918
  - drought resistance 10934
  - dry matter 12324
  - fruits 5264
    - genotype environment interaction 8761
    - heritability 8761
  - gamma radiation 9765
  - gene mapping 10917
  - genetic resources 6368, 8760, 10913
  - genetic transformation 5265
  - *Glomerella cingulata* 12336
  - habit, stability 10926
  - height 12323
    - genetics 10925
    - induced mutations 10925
  - interspecific hybridization 10922
  - morphology 9768
    - induced mutations 10921
  - mutagens 10921
  - plant composition 5284, 12330
  - plant embryos 10922
  - polymerase chain reaction 8760
  - protoplast fusion 10930
  - seed production 12323, 12325
  - seeds 5284
  - sodium azide 10921
  - temperature 7687
  - tissue culture 5265
  - yields 9768
- ***Lupinus angustifolius***
  - alkaloids 12331-12332
  - *Colletotrichum gloeosporioides* 5268
  - *Diaporthe toxica* 12335
  - genetic transformation, reviews 4151
  - *Glomerella cingulata* 12336
  - nutritive value 5289, 12331-12332
  - seeds 5289
  - tannins 5289
  - temperature 10929
  - yields 10929
- ***Lupinus atlanticus***
  - interspecific hybridization 10924
  - seeds, genetics 10924
- ***Lupinus cosentinii***
  - interspecific hybridization 10924
  - seeds, genetics 10924
- ***Lupinus havardii,*** ornamental value 12328
- ***Lupinus hispanicus,*** germination 10928
- ***Lupinus luteus***
  - asparaginase, nucleotide sequences 6369
  - breeding 3059
  - pollen, storage 9767
  - temperature 10929
  - yields 10929
- ***Lupinus mutabilis***
  - breeding 10914
  - flowering, induced mutations 10920
  - gamma radiation 10920
  - growth period 10927
  - habit 10927
  - height, induced mutations 10920
  - interspecific hybridization 10919, 10922
  - *N*-methyl-*N*-nitrosourea 10920
  - mutagens 10920
  - nutritive value 12329, 12333
  - plant embryos 10922
  - tissue culture 12327
  - variety trials 10916
  - yield components
    - genotype environment interaction 1246
    - heritability 1246
- ***Lupinus texensis***
  - repetitive DNA, nucleotide sequences 1245
  - Retroviridae, nucleotide sequences 11801
- ***Luzula luzuloides,*** cell division 8749
- **Lyases,** *Gracilariopsis lemaneiformis,* nucleotide sequences 11635
- ***Lycium barbarum***
  - *Fusarium oxysporum, in vitro* selection 12956
  - hydrogen peroxide 12955
  - somatic embryogenesis 12955
- ***Lycium chinense***
  - polyploidy 10436
  - tissue culture 10436
- **Lycopene,** *Lycopersicon esculentum,* gene expression 5527, 11110
- ***Lycopersicon***
  - chloroplast genetics 6064
  - cold resistance 6570, 9978
    - restriction fragment length polymorphism 3245
  - crossing over 5525
  - fruits
    - gene mapping 7898
    - genetic markers 7898
  - genetic resources 11124
  - germination 6570
    - restriction fragment length polymorphism 7900
  - *Lycopersicon esculentum* 4366
  - *Macrosiphum euphorbiae* 4366
  - *Oidium lycopersicum,* techniques 11127
  - quality
    - gene mapping 7898, 11115
    - genetic markers 7898
  - restriction fragment length polymorphism 5525
  - salinity 6570
  - *Spodoptera exigua* 4366
  - stress, restriction fragment length polymorphism 7900
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 12528
  - tomato mosaic tobamovirus 4362
  - tomato yellow leaf curl bigeminivirus 11135
  - variety classification, random amplified polymorphic DNA 12528
  - *Xanthomonas vesicatoria* 11124
  - yields, gene mapping 11115
- ***Lycopersicon cheesmanii***
  - growth period, pleiotropy 6567
  - interspecific hybridization 6567
  - quality, genotype environment interaction 11114
  - salinity 6567
  - yields, genotype environment interaction 11114
- ***Lycopersicon chilense***
  - abscisic acid 4356
  - *Botrytis cinerea* 11126
  - chitinase, gene expression 4356
  - drought resistance 4356
  - growth regulators 4356
  - interspecific hybridization 11101
  - transposable elements, nucleotide sequences 12527
- ***Lycopersicon esculentum*** 9976
  - abscisic acid 4356
    - gene expression 4353, 9979, 12537
    - genetic transformation 46
    - mutations 3244, 4353, 5528, 11107
    - nucleotide sequences 5528
  - acetyl-CoA carboxylase, genetic transformation 4344
  - acid phosphatase
    - fluorescence *in situ* hybridization 6579
    - gene mapping 6579
  - adenosinetriphosphatase
    - gene expression 9965
    - nucleotide sequences 9965
  - alcohol dehydrogenase, gene expression 11104
  - *Alternaria alternata* 2303
    - gene mapping 11130
    - recombination 11130
    - yeast artificial chromosomes 11130
  - *Alternaria solani* 2304
    - gene expression 12542
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
    - gene expression 473, 4348
    - genetic engineering 7851
    - genetic transformation 473

Lycopersicon esculentum cont.
- 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
  - gene expression 486, 4348
  - genetic transformation 478
  - nucleotide sequences 486
- amplified fragment length polymorphism 12525
- anther culture 482, 7896, 12533
- anthocyanins
  - gene expression 5529
  - mutations 5529
- aroma 9974
- ascorbate oxidase 11140
- ascorbate peroxidase 4357
- auxins, mutations 11105
- benzodiazepines 402
- binding proteins
  - gene expression 6572
  - nucleotide sequences 6572
- boron 92, 10590
- *Botrytis cinerea* 11126
- brassinosteroids
  - gene expression 5532
  - molecular genetics 1920, 4934
  - mutations 1920, 4934, 5532
- breeding 6552-6553, 8873
- chitinase, gene expression 4356
- chromosome addition, fluorescence *in situ* hybridization 9967
- chromosome number 11112
- chromosome pairing 8818
- chromosome translocation 8818
- *Clavibacter michiganensis* 12540
- cold, gene expression 4338
- cold resistance 1387, 4357, 9977
  - artificial selection 6571
- *Colletotrichum coccodes* 3248
  - genetics 492
  - heritability 492
- colour 6564
  - genetics 7891
- conferences 11642
- crossing over 5524
- cryptochrome
  - antisense RNA 9968
  - gene expression 9968
  - genetic transformation 9968
- cucumber mosaic cucumovirus
  - gene expression 5546-5547, 11134, 12548
  - genetic transformation 495, 2307, 4363, 5546-5547, 11134, 12548
- cultivars 1376, 8877
  - Bioscien 11095
  - Chunlei-2 11096
  - Gevora 7882
  - Guadajira 7882
  - Hongza-14 5519
  - INIFAT-28 8876
  - Puhong-2 5520
  - Qiyanaihuang 9960
  - Sakikoma 472
- cystatin, gene expression 1384
- cytology 4261
- cytoplasmic male sterility, mitochondrial genetics 7889
- cytosine deaminase, genetic transformation 5523
- cytosol aminopeptidase, gene expression 12534
- determinate and indeterminate habit 6565
- development
  - gene expression 4354, 11136
  - mutations 5530-5531
  - nucleotide sequences 5531, 11136
- DNA hybridization 9961
- drought resistance 4356
  - gene expression 12537
- ecotypes 11118
- electrical treatment, gene expression 7892
- *Erysiphe polygoni*
  - gene expression 11131
  - genetic transformation 11131
- esterases, genetic markers 8884
- ethylene
  - gene expression 4348, 8883, 11103
  - gene mapping 8886
  - genetic transformation 4347
  - molecular genetics 2298, 8883

Lycopersicon esculentum cont.
- ethylene *cont.*
  - mutations 11105, 12531
  - nucleotide sequences 11103
  - restriction fragment length polymorphism 8886
- ethylene-forming enzyme, genetic transformation 11095
- expansins
  - gene expression 474, 4346
  - nucleotide sequences 474, 4346
- extensin, gene expression 11121
- fertility 7897
- flooding
  - gene expression 486
  - nucleotide sequences 486
- flowering, gene expression 4354
- flowers 485
- fluorescence *in situ* hybridization 1378
- β-fructofuranosidase
  - gene expression 1377
  - nucleotide sequences 1377
- fruits 6564, 6578
  - combining ability 6560
  - genetic variance 6560
  - genetics 7891
  - storage 11113
- *Fulvia fulva*
  - gene expression 1390, 4359, 5542, 12543
  - gene mapping 7903, 12541
  - genetic engineering 4518, 5542
  - genetic transformation 4359
  - genetics 491, 4592, 11125
  - molecular genetics 1390
  - nucleotide sequences 494, 2305, 7903, 11128
  - reviews 11125
- fungi 9977
- fusaric acid 5543
- *Fusarium oxysporum* 3249, 4360, 5543, 7902
  - gene expression 493
  - gene mapping 5544
  - genetic transformation 493
  - genetics 3247
  - *in vitro* selection 5541
  - random amplified polymorphic DNA 5544
  - rootstocks 11129
  - techniques 5540
- galactosidases, gene expression 478
- gamma radiation 8881
- gene mapping 1379, 6555, 11099, 12525
  - techniques 9966
- genetic markers 11097
- genetic resources 468, 6553
- genetic transformation 2296, 4930, 9964, 11098
- germination 1387, 12536
- gibberellic acid
  - gene expression 3236
  - genetic transformation 3236
- gibberellins
  - gene expression 4354, 7887
  - mutations 5526, 11106
- glucose-1-phosphate adenylyltransferase
  - gene expression 8879
  - nucleotide sequences 8879
- glutaredoxin, nucleotide sequences 5522
- glutathione reductase 4357
  - gene expression 4357
  - genetic transformation 4357
- glycoproteins, nucleotide sequences 7884
- growth period, pleiotropy 6567
- growth regulators 4356
  - gene expression 4348, 4353-4354
  - genetic transformation 4347
  - molecular genetics 4934
  - mutations 3244, 4353, 4934, 5528, 11106
  - nucleotide sequences 5528
- habit, mutations 11106
- heat resistance 485, 488
  - gene mapping 4364
  - restriction fragment length polymorphism 4364
- heat shock, gene expression 4338
- heat shock proteins, gene expression 4338, 9980

Lycopersicon esculentum cont.
- height
  - gene expression 5532
  - mutations 5532
- *Helicoverpa armigera* 4365, 12553
- hexokinase
  - gene expression 12532
  - genetic transformation 12532
- histones
  - gene expression 1381, 7887
  - nucleotide sequences 7887
- hybrid seed production 8882, 12529
- hybrid varieties 471, 1376, 2295, 5519, 8884
- hydroxymethylglutaryl-CoA reductase, gene expression 4351, 9963
- ideotypes 5533
- inbreeding depression 3241
- inflorescences, mutations 5530
- injuries, gene expression 487, 5539
- insects
  - gene expression 11141
  - genetic transformation 11141, 12829
- interspecific hybridization 1392, 2302, 2306, 3245, 4355, 4364, 4366, 5524, 6555, 6567, 7889, 7898, 7900, 9982, 11101, 12525, 12535, 12540
- ionizing radiation 6557
- iron, *in vitro* selection 7899
- isoenzymes, genetic markers 8884
- karyopherin
  - gene expression 9981
  - nucleotide sequences 9981
- *Leptinotarsa decemlineata* 12554
- light 4350
  - mutations 8885
- lycopene, gene expression 5527, 11110
- *Lycopersicon* 4366
- *Macrosiphum euphorbiae*
  - molecular genetics 6580
  - nucleotide sequences 497
- magnetism, mutations 9970
- male sterility
  - genetics 8882
  - induced mutations 8881
  - mutations 5526, 6558, 12533
- meiosis 7897
- *Meloidogyne* 12550
  - fluorescence *in situ* hybridization 6579
  - gene mapping 4364, 6579
  - restriction fragment length polymorphism 4364
- *Meloidogyne incognita* 11137, 11139-11140, 12549, 12551
  - genetics 11138
  - molecular genetics 6580
  - nucleotide sequences 497
- *Meloidogyne javanica*, gene expression 1391
- molecular genetics 2300, 6552
- mutagens 6557, 8881
- mycorrhizas, mutations 479
- Nematoda
  - gene expression 11136
  - nucleotide sequences 11136
- nitrite reductase, gene expression 4349
- nitrogen 6566
- nutrients 92, 6565-6566
  - *in vitro* selection 7899
- *Oidium lycopersicum*, techniques 11127
- ornithine decarboxylase, gene expression 1382
- ovule culture 11110
- parthenocarpy, genetics 476
- pathogenesis-related proteins
  - gene expression 493, 11123, 12542
  - genetic transformation 493
  - nucleotide sequences 2305, 11123
- pectinesterase, mutations 477
- peroxidases
  - cell culture 6569
  - gene expression 6569, 11141
  - genetic transformation 11141, 12829
  - polymorphism 7885
- phosphorus 6565
  - gene expression 7888
- photosynthesis
  - gene expression 9971, 12532
  - genetic transformation 9971

Lycopersicon esculentum *cont.*
  photosynthesis *cont.*
    heterosis 3240
  phytochrome 4350
    alternative splicing 3237
    gene expression 11109
    genetic transformation 11109
    mutations 2299, 4352, 8528, 8887, 11109
    nucleotide sequences 3237
  phytoene synthase, gene expression 4351
  Phytophthora nicotianae 2303
  phytoplasmas, germplasm releases 2306
  plant disorders 6578
  pollen, gene expression 6559
  pollination 12529
  polyamines 1388, 6576
  polygalacturonase
    gene expression 5539, 11116
    genetic transformation 11116
  potato X potexvirus, gene expression 3246
  proline, gene expression 6559
  promoters
    gene expression 4345, 9404
    genetic engineering 4345, 9404
  prosystemin
    gene expression 4345
    genetic engineering 4345
  protein kinase
    gene expression 5542
    genetic engineering 5542
  proteinase inhibitors
    gene expression 4353, 7892
    genetic transformation 46
  proteinases
    gene expression 5521
    genetic transformation 5521
    nucleotide sequences 5521
  proteins, nucleotide sequences 6556, 12526
  protoplast culture 8888
  protoplast fusion 12530
  Pseudomonas solanacearum 12538
  Pseudomonas syringae
    gene expression 489-490, 3246, 4359, 11122-11123
    genetic transformation 4359, 11122
    nucleotide sequences 11123
  Pyrenochaeta lycopersici
    gene mapping 1389
    random amplified polymorphic DNA 1389
    restriction fragment length polymorphism 1389
  pyrroline-5-carboxylate synthetase
    gene expression 1380
    nucleotide sequences 1380
  quality 470, 483, 4355, 5516-5518, 6563, 7893, 9973, 9975, 11118-11119
    artificial selection 2301
    combining ability 5534-5535, 6561
    gene mapping 11115
    genotype environment interaction 11114
    heritability 6561
    heterosis 481, 5536, 6561
    induced mutations 6557
  Ralstonia solanacearum 488, 4358, 5538, 6573
    artificial selection 7901
    gene mapping 1914, 6574
    genetic markers 8891
    genetics 12539
    linkage 6574
    random amplified polymorphic DNA 8891
  random amplified polymorphic DNA 468, 475, 7885
  regenerative ability 4350
    mutations 12533
  repetitive DNA 1378
  restriction fragment length polymorphism 6555, 12525
  ribulose-bisphosphate carboxylase, gene expression 8527
  ripening 2300
    gene expression 478, 4348, 4351, 5527, 11103
    gene mapping 8886

Lycopersicon esculentum *cont.*
  ripening *cont.*
    genetic transformation 478, 4347, 9962
    genetics 8889
    mutations 477, 1383, 2301, 9969, 12531
    nucleotide sequences 11103
    restriction fragment length polymorphism 8886
  RNA polymerase, nucleotide sequences 3235
  roots
    gene expression 9404, 9979
    genetic engineering 9404
    genetic transformation 9404
  salinity 484, 1388, 3243, 6567, 12536
    artificial selection 6571
    cell culture 6569
    gene expression 1380, 6569, 9979
    gene mapping 2302, 12535
    restriction fragment length polymorphism 2302, 12535
    reviews 6568
    somaclonal variation 11120
  seed testing 8884
  seedlessness, genetics 476
  senescence, gene expression 12532
  Septoria lycopersici 6575
  serine proteinases
    gene expression 7886
    nucleotide sequences 7886
  Solanum etuberosum, protoplast fusion 4261
  Solanum lycopersicoides, intergeneric hybridization 11126
  Solanum tuberosum
    intergeneric hybridization 8818
    protoplast fusion 6477
  somaclonal variation 7897
  source sink relations
    gene expression 9972
    nucleotide sequences 9972
  space flight 7885
  spermidine synthase, nucleotide sequences 11100
  Spodoptera littoralis 12554
  stearoyl-CoA desaturase
    gene expression 11131
    genetic transformation 11131
  storage, genetics 8889
  streptomycin 12538
  stress, gene expression 3244, 11121, 12534
  sucrose-phosphate synthase
    gene expression 9971
    genetic transformation 9971, 11108
  sucrose synthase
    gene expression 9598, 9972
    genetic transformation 9598
    nucleotide sequences 9972
  systemin, genetic transformation 1384
  taxonomy, random amplified polymorphic DNA 12528
  temperature 11137
  Tetranychus 1392
  tissue culture 4358, 4360, 11112
  tobacco leaf curl bigeminivirus 5538
  tobacco mosaic tobamovirus
    genetic transformation 495-496, 12545
    somaclonal variation 12546
  tomato chlorotic spot tospovirus, artificial selection 11133
  tomato mosaic tobamovirus 4362, 6576
  tomato spotted wilt tospovirus, genetics 12544
  tomato yellow leaf curl bigeminivirus 12547
    combining ability 6577
    gene expression 9981
    genetics 5545
    nucleotide sequences 9981
  toxic substances 10590
  transpiration, mutations 2297
  transposable elements, gene expression 12543
  2-tridecanone 1392, 9982
  tropisms, mutations 8887, 9970, 11105
  Tuta absoluta 9982

Lycopersicon esculentum *cont.*
  ubiquitin
    genetic engineering 8878
    nucleotide sequences 8878
  variety classification 3238-3239
    DNA fingerprinting 7890
    microsatellites 480
    random amplified polymorphic DNA 12528
  variety trials 469-471, 5514-5518, 6554, 8874-8875, 11091-11094
  Verticillium dahliae
    gene mapping 4361
    restriction fragment length polymorphism 4361
  viruses
    gene mapping 5548
    germplasm releases 2306
  volatile compounds 1386, 9974, 11104
  water balance, gene expression 1381
  Xanthomonas campestris
    gene expression 4359
    genetic transformation 4359
  Xanthomonas vesicatoria, gene expression 8890
  xanthophyll
    mutations 5528, 8885
    nucleotide sequences 5528
  yield components 7893
    combining ability 5535, 6561
    genetics 11111
    heritability 6561
    heterosis 481, 3241, 6561-6562
    induced mutations 6557
  yield correlations 1385, 5533, 6561-6562, 7894-7895
  yields
    gene mapping 11115
    genotype environment interaction 11114
Lycopersicon glandulosum, protoplast culture 8888
Lycopersicon hirsutum
  alfalfa mosaic alfamovirus, genetics 11132
  crossing over 5524
  interspecific hybridization 1392, 5524, 9982
  Liriomyza trifolii, genetic markers 11142
  Tetranychus 1392
  tomato yellow leaf curl bigeminivirus 12547
  2-tridecanone 1392, 9982
  Tuta absoluta 9982
Lycopersicon parviflorum
  Clavibacter michiganensis 12540
  interspecific hybridization 12540
Lycopersicon pennellii
  amplified fragment length polymorphism 12525
  cytoplasmic male sterility, mitochondrial genetics 7889
  DNA hybridization 9961
  ethylene
    gene mapping 8886
    restriction fragment length polymorphism 8886
  fatty acids, gene mapping 12552
  gene mapping 12525
  genetic transformation 7883
  insects, gene mapping 12552
  interspecific hybridization 4366, 7889, 12525
  polyamines 1388
  restriction fragment length polymorphism 12525
  ripening
    gene mapping 8886
    restriction fragment length polymorphism 8886
  salinity 484, 1388, 3243
Lycopersicon peruvianum
  adenosinetriphosphatase, gene expression 5537
  ascorbate peroxidase 4357
  chlorophyll, mutations 12530
  cold resistance 4357
  cytoplasmic male sterility, mitochondrial genetics 7889
  β-fructofuranosidase, gene expression 1377

Lycopersicon peruvianum *cont.*
- glutathione reductase 4357
- heat resistance
  - gene mapping 4364
  - restriction fragment length polymorphism 4364
- interspecific hybridization 2306, 4364, 7889, 11101
- *Meloidogyne*
  - gene mapping 4364
  - restriction fragment length polymorphism 4364
- protoplast culture 3242, 8888
- protoplast fusion 12530
- ribonucleases
  - gene expression 8880, 11102
  - genetic engineering 8880
  - genetic transformation 11102
- self incompatibility
  - gene expression 8880, 11102
  - genetic engineering 8880
  - genetic transformation 11102
- systemin, gene expression 5537

Lycopersicon pimpinellifolium
- *Fulvia fulva,* nucleotide sequences 2305
- gene mapping 6555
- interspecific hybridization 2302, 3245, 4355, 6555, 7898, 7900, 12535
- pathogenesis-related proteins, nucleotide sequences 2305
- quality 4355
  - genetic markers 11117
- restriction fragment length polymorphism 6555
- salinity
  - gene mapping 2302, 12535
  - restriction fragment length polymorphism 2302, 12535

Lycoris africana, Nerine, intergeneric hybridization 12930

Lycoris radiata
- centres of origin 12933
- isoenzymes, genetic variation 12933

Lycoris sanguinea
- isoenzymes, genetic variation 8333
- population genetics 8333

Lygus, Gossypium 2551

Lygus lineolaris, Gossypium hirsutum 11436

Lysimachia minoricensis, isoenzymes, genetic variation 9174

Lysine
- *Glycine max,* genetic engineering 12350
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 12350
  - genetic transformation 12350
- *Oryza sativa*
  - genotype environment interaction 7605
  - heritability 7605
  - mutations 12222
- *Sorghum bicolor,* genetic transformation 3790
- *Zea mays* 9626
  - artificial selection 8655
  - genetics 12098
- *Zea mays* (sweetcorn), artificial selection 8653-8654

Maackiain
- *Cicer* 11005
- *Cicer bijugum* 11005

Macadamia
- variety trials 10098
- wind 2438

Macadamia integrifolia, wind 3417

Machaerium, taxonomy 5811

Macrophomina, Vigna radiata 4238

Macrophomina phaseolina
- *Abelmoschus esculentus* 11173
- *Cajanus cajan* 9870
- *Cicer arietinum* 5430
- *Gossypium* 725
- *Phaseolus vulgaris* 8790
- *Sorghum bicolor* 9644-9645
  - genetic variance 9647
- *Vigna radiata* 12436

Macrosiphoniella sanborni, Dendranthema 12928

Macrosiphum euphorbiae
- *Lycopersicon* 4366
- *Lycopersicon esculentum*
  - molecular genetics 6580

Macrosiphum euphorbiae *cont.*
- *Lycopersicon esculentum cont.*
  - nucleotide sequences 497
- *Solanum tuberosum,* genetic transformation 6494

Macrozamia heteromera, isoenzymes, genetic variation 2608

Macrozamia johnsonii
- isoenzymes, genetic variation 8354
- taxonomy 8354

Macrozamia moorei
- isoenzymes, genetic variation 8354
- taxonomy 8354

Maddenia
- pollen 10025
- taxonomy 10025

Magnaporthe grisea
- *Eleusine indica,* heritability 10784
- *Festuca arundinacea* 4104
- *Hordeum vulgare,* mutations 11960
- *Oryza* 12254
- *Oryza sativa* 3808, 4073-4075, 6248, 7628, 8721, 9715, 10869, 10871, 12251-12252
  - artificial selection 12249
  - backcrossing 5224
  - fluorescence *in situ* hybridization 3027
  - gene expression 5221, 5223, 10870, 12248
  - gene mapping 2123, 3027, 6080, 7625, 8720
  - genetic markers 2123
  - genetics 292, 5222, 12250, 12253
  - genotype environment interaction 7626
  - linkage 8720
  - molecular genetics 7629
  - mutations 5221
  - nucleotide sequences 10870
  - polymerase chain reaction 291, 5223, 12246
  - restriction fragment length polymorphism 3027, 6080, 7625
  - reviews 7629
  - somaclonal variation 2122
  - techniques 1206, 12247
  - yeast artificial chromosomes 3027
- triticale 3808
- *Triticum aestivum* 3808

Magnaporthe salvinii, Oryza sativa 10872

Magnetism
- *Hordeum vulgare* 3915
- *Lycopersicon esculentum,* mutations 9970

Magnolia hypoleuca
- chromosome pairing 3589
- microsatellites, genetic markers 8279
- polyploidy 3589

Magnolia liliiflora
- chromosome pairing 3589
- polyploidy 3589

Magnolia wugangensis, taxonomy 10355

Magnoliaceae
- maturase
  - nucleotide sequences 8286
  - phylogeny 8286

Maize dwarf mosaic potyvirus, *Zea mays* 1092, 5130

Maize rough dwarf fijivirus, *Zea mays* 12128

Maize streak geminivirus
- *Digitaria sanguinalis,* genetic transformation 1230
- *Zea mays*
  - gene mapping 6227
  - restriction fragment length polymorphism 6227

Majorana (*see Origanum*)

Malate dehydrogenase
- *Amaranthus edulis,* mutations 2129
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 3749
  - nucleotide sequences 3749
- *Asparagus officinalis,* linkage 7863
- *Flaveria pringlei,* genetic engineering 12444
- *Glycine max*
  - genetics 2173
  - linkage 2171
  - mutations 2171, 8768

Malate dehydrogenase *cont.*
- *Solanum tuberosum*
  - gene expression 12444
  - genetic transformation 6481, 12444

Male fertility, *Dianthus caryophyllus* 10365

Male sterility (*see also* Cytoplasmic male sterility)
- *Allium cepa* 3204, 3208, 9932
- *Allium fistulosum*
  - backcrossing 12496
  - cytoplasmic inheritance 12496
- *Allium galanthum* 9932
  - backcrossing 12496
  - cytoplasmic inheritance 12496
- *Arabidopsis thaliana*
  - induced mutations 4864
  - mutations 7242, 9316
  - nucleotide sequences 4864
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 4559, 9065
  - genetics 8111
  - linkage 8110
- *Brassica campestris*
  - genetics 10114
  - induced mutations 6794
- *Brassica juncea,* induced mutations 10112
- *Brassica napus,* genetics 607
- *Brassica napus* (rape) 6791
  - genetics 6792
  - induced mutations 6794
- *Brassica oleracea* (cabbages)
  - genetic markers 7850
  - random amplified polymorphic DNA 7850
- *Brassica oleracea* (cauliflowers), gene mapping 445
- *Brassica oxyrrhina*
  - chromosome addition 1546
  - random amplified polymorphic DNA 1546
- *Brassica pekinensis,* genetics 3215
- *Cajanus acutifolius* 9864
- *Cajanus cajan* 1313, 9864
- *Cajanus cajanifolia* 9864
- *Capsicum annuum* 2310
- *Cedronella canariensis* 2627
- *Citrullus lanatus,* genetics 1410
- *Coffea* 12790
- *Glycine max*
  - gene mapping 4179
  - genetics 6393
  - restriction fragment length polymorphism 4179
  - stability 6394
- *Gossypium arboreum* 6957, 11416
- *Helianthus annuus* 3439
- *Hordeum vulgare* 5059
  - genetics 7433
- *Lathyrus sativus,* genetics 10942
- *Lycopersicon esculentum*
  - genetics 8882
  - induced mutations 8881
  - mutations 5526, 6558, 12533
- *Nicotiana tabacum* 10230
  - gene expression 6932, 8133
  - genetic transformation 8133
- *Olea europaea,* chloroplast genetics 12750
- *Oryza*
  - gene mapping 2989
  - restriction fragment length polymorphism 2989
- *Oryza glaberrima*
  - gene mapping 2989
  - restriction fragment length polymorphism 2989
- *Oryza sativa* 1148-1149, 1154-1156, 1158, 2096-2098, 2973, 2976, 2983, 4039, 5184, 6266-6268, 7529, 7569, 7574, 8699, 8707, 12191, 12194
  - artificial selection 7571
  - gene expression 4029
  - genetic markers 1152, 7567
  - genetic transformation 264
  - genetics 1151, 5179, 7566, 7568, 12192
  - heterosis 7567
  - induced mutations 5181, 7568, 7571
  - nucleotide sequences 4029
  - reviews 7573

Male sterility *cont.*
  Prunus domestica
    genetics 8959
    heritability 8959
  Raphanus sativus 6510
  Rosmarinus officinalis, mitochondrial genetics 11615
  Sesamum indicum
    genetics 2481
    induced mutations 2481
  Sorghum bicolor 10744
    mutations 10742
    somaclonal variation 5137
  Triticum aestivum 1945, 1947, 7357, 10607
    gene expression 10608
    genetics 9458
    germplasm releases 11848
    linkage 9459
  Zea mays 7481, 12042
    gene mapping 12032
    genetics 12036-12040
    mutations 12031, 12038-12040
Maleic hydrazide, *Tradescantia* 4918
Malic acid, *Cicer arietinum* 12415
Malondialdehyde, *Brassica oleracea* (cabbages) 6537
Malonyltransferase
  Brassica napus (rape)
    gene expression 5106
    nucleotide sequences 5106
  Zea mays
    gene expression 5106
    nucleotide sequences 5106
Malpighia emarginata
  germination, artificial selection 6760
  yield components 10086
Malus
  cultivars, Spring Bride 1712
  diseases 2329, 10019
  Erwinia amylovora 12622
  gene banks 10019
  genetic resources 6621
  pests 10019
  Podosphaera leucotricha 2340
  Popillia japonica 1725
  quality 7943
  random amplified polymorphic DNA 2332
  stomata 6640
  Venturia inaequalis 2340, 12623
    genetic markers 7944
    random amplified polymorphic DNA 7944
Malus baccata
  genetic markers 520
  genetics 520
  interspecific hybridization 520
Malus floribunda, interspecific hybridization 6658
Malus hupehensis
  rootstocks 2335
  somatic embryogenesis 4399
Malus khirghizorum, tissue culture 4400
Malus micromalus
  interspecific hybridization 12619
  rootstocks 12619
Malus prunifolia, tissue culture 6642
Malus pumila
  Adoxophyes orana, genetic transformation 5577
  adventitious roots
    gene expression 5572
    nucleotide sequences 5572
  Agrobacterium tumefaciens
    gene expression 2333
    genetic transformation 2333, 3266
  alfalfa mosaic alfamovirus
    gene expression 5570
    genetic transformation 5570
    plastocyanins
      gene expression 5570
      genetic transformation 5570
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase, restriction fragment length polymorphism 6630
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
    gene mapping 6635
    restriction fragment length polymorphism 6630
Malus pumila *cont.*
  Amphitetranychus viennensis 4402
  anther culture 6644
  anthocyanins
    gene expression 523
    genetics 7940
  aroma 5574
  biotechnology 4389
  boron 6639
  Botrytis cinerea, gene expression 10017
  breeding 1419, 2327, 4394, 6625-6627, 8908, 11177
  centres of origin 6647
  chromosome number 6624
  clonal variation 522
  cold 1424
  cold resistance 6648, 8910
  colour
    genetics 7940
    mutations 4396
  cryopreservation 10018
  cultivars 526-527, 8910
    African Carmine 8911
    African Red 8911
    Breaburn 11175
    Charlotte 10010
    Chinook 10012
    Creston 10013
    Daiane 1422
    Delblush 11174
    Duquesa 10009
    Flamenco 10011
    Hangcuei 2331
    Hangfu 2331
    Hangguan 2331
    Hangjin 2331
    Hangyan 2331
    Huahong 12618
    Limoncella Rosa 1421
    Obelisk 10011
    Resista 6628
    Sandidge 4391
    Seokwang 518
    Silken 10014
    Super Chief 4391
    Tentation 11174
    U8 12619
    Xiangyahuang 5569
    Zuzana 6629
  death
    gene expression 3265
    nucleotide sequences 3265
  development, gene expression 7941, 12621
  domestication 6647
  elongation factors, gene expression 3268
  enzymes, genetics 7940
  Erwinia amylovora 4401, 8918
    genetic transformation 6650
    somaclonal variation 3270
  flavanols 6661
  flowering, gene expression 12621
  fruits 1427, 2338
    gene expression 11179
    mutations 4396
    nucleotide sequences 11179
  gene expression 8913
  gene mapping 2334, 6632-6633
  genetic engineering 519
  genetic markers 520, 6646
  genetic resources 5568
  genetic transformation 4393, 6634, 8913, 11176
    techniques 4392
  genetics 520
  glucides 12626
  growth regulators
    gene expression 1428
    genetic transformation 4395
    in vitro selection 5571
    nucleotide sequences 1428
  habit, genetics 6641
  heat shock proteins, gene expression 525
  height
    gene expression 7942
    genetic transformation 7942
  homeoboxes
    gene expression 8912
    nucleotide sequences 8912
  human respiratory syncytial virus
    gene expression 5570
Malus pumila *cont.*
  human respiratory syncytial virus *cont.*
    genetic transformation 5570
    plastocyanins
      gene expression 5570
      genetic transformation 5570
  IBA
    gene expression 1428
    nucleotide sequences 1428
  iditol dehydrogenase
    gene expression 4397
    nucleotide sequences 4397
  in vitro culture 8916
  injuries, gene expression 10017
  interspecific hybridization 520, 6632, 6658, 12619
  isoenzymes 10015
    gene mapping 4398
  microsatellites, variety classification 1423
  mutations 1420
  Nectria, random amplified polymorphic DNA 6655
  Nectria galligena 6652
  nutrients 1427
  oxygenases
    gene expression 5572
    nucleotide sequences 5572
  parthenocarpy 6638
  pathogens 6649
  Penicillium expansum, gene expression 10017
  phenolic compounds 11180
  plant disorders 1427
  Podosphaera leucotricha 2343, 5576, 6651-6652, 11183, 12624, 12626
    gene mapping 6653-6654
    genetics 6656, 6659
    random amplified polymorphic DNA 6655
  pollen germination 1424, 6639, 8907
  pollination
    gene expression 3267
    nucleotide sequences 3267
  polygalacturonase inhibitor, gene expression 10017
  polyploidy 10015
  proteins
    gene expression 11179
    genetic transformation 6650
    nucleotide sequences 11179
  quality 521, 2338, 5573, 6645-6646, 8917
  random amplified polymorphic DNA 515, 6631-6632, 6643
  respiration 12626
  ribonucleases
    genetics 11178
    nucleotide sequences 6636, 7937
  ripening, molecular genetics 6630
  rooting capacity, genetic transformation 7938
  roots
    gene expression 1428, 2333
    genetic transformation 2333
    nucleotide sequences 1428
  rootstocks 4394, 4401, 6648, 11177, 12619
    gene expression 7942
    genetic transformation 7942
    random amplified polymorphic DNA 1425
  self compatibility, genetics 10016
  self incompatibility 7939
    backcrossing 8914
    genetics 2336-2337, 6637, 8915, 11178
    nucleotide sequences 6636, 7937, 12620
    restriction fragment length polymorphism 12620
  somaclonal variation 524, 6643
  Tetranychus urticae 4402
  tissue culture 3269, 6642
  variety classification 521
    ribonucleases 8915
  variety trials 516-517, 1420, 2330, 3264, 4390, 8909
  Venturia inaequalis 1429, 2339, 2341-2343, 5576, 6651-6652, 6661, 8919, 10020, 11180, 11182-11183, 12624, 12626

- ***Malus pumila*** *cont.*
  - *Venturia inaequalis cont.*
    - gene mapping 6654
    - genetics 526-527, 6656-6660, 11181
    - random amplified polymorphic DNA 5575, 6655
    - reviews 12625
  - volatile compounds 5574
  - waxes 1426
- ***Malus robusta,*** interspecific hybridization 6632
- ***Malus sikkimensis,*** somatic embryogenesis 4399
- ***Malus toringo,*** somatic embryogenesis 4399
- ***Malus toringoides,*** somatic embryogenesis 4399
- ***Malva,*** nomenclature 1742
- ***Mammillaria***
  - chromosome morphology 9201, 10411
  - chromosome pairing 9200, 10411
  - cytotaxonomy 9201
  - DNA 9200, 10411
  - taxonomy 11575
- ***Mammillaria luethyi,*** taxonomy 811
- ***Mammillaria san-angelensis,*** *in vitro* culture 7129
- **Mandelonitrile lyase**
  - *Manihot esculenta*
    - gene expression 7824
    - nucleotide sequences 7824
  - *Prunus serotina,* nucleotide sequences 6687
- ***Mandevilla amabilis***
  - cultivars
    - Blushing Queen 4696
    - Red Fantasy 4697
- ***Mandevilla pentlandiana,*** inflorescences 7069
- **Manganese**
  - *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 889
  - *Phaseolus vulgaris* 9824, 10973
  - *Pinus nigra* 10322
  - *Spinacia oleracea,* nucleotide sequences 889
  - *Triticum aestivum* 1970
  - *Triticum durum,* genetics 3873
  - *Zea mays* 2049
- ***Mangifera***
  - phylogeny
    - chloroplast genetics 5647
    - restriction fragment length polymorphism 5647
- ***Mangifera indica***
  - amplified fragment length polymorphism 11239
  - cultivars, TPP-1 4485
  - essential oils 10078
  - flooding 573
  - fruits 570, 1526
  - gene banks 3355
  - *Glomerella cingulata* 10079, 11240
    - *in vitro* selection 8016
    - random amplified polymorphic DNA 8016
  - inflorescences 6748
  - outcrossing 1523
  - plant embryos 6748
  - pollination 1524
  - polyembryony 571
    - genetics 4486
  - quality 1526
  - random amplified polymorphic DNA 12698
  - rootstocks 572-573
  - salinity 572, 12699
  - sex 6748
  - temperature 6748
  - tissue culture 6749
  - variety trials 5646
  - volatile compounds 571
  - yield components, genetic variance 1525
  - yield correlations 1525
- ***Mangifera zeylanica,*** salinity 12699
- **Mangroves**
  - phylogeny
    - random amplified polymorphic DNA 755
    - restriction fragment length polymorphism 755
- ***Manihot baccata,*** taxonomy 6500
- ***Manihot esculenta***
  - amplified fragment length polymorphism 7825
  - aneuploidy 6499
  - apomixis 6499
  - cassava African mosaic bigeminivirus 12479-12480
    - reviews 12481
  - chromosome aberrations 11051
  - chromosome pairing 12477
  - cultivars 7823
  - embryo culture 3181
  - gene banks 7825
  - genetic resources 3181
  - *Glomerella cingulata* 12478
  - glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase, nucleotide sequences 7826
  - mandelonitrile lyase
    - gene expression 7824
    - nucleotide sequences 7824
  - mercuric chloride 11051
  - mutations 11051
  - nutrients, genotype environment interaction 2254
  - phylogeny 10475
    - nucleotide sequences 7826
  - polyploidy 12477
  - protoplast culture 3182
  - quality 2253
  - somaclonal variation 1348
  - somatic embryogenesis 3182
  - tissue culture 1348, 2252, 11052
  - toxins 12478
  - variety classification, amplified fragment length polymorphism 9912
  - *Xanthomonas axonopodis,* amplified fragment length polymorphism 8847
- ***Manilkara zapota,*** random amplified polymorphic DNA 8024
- **Mannitol dehydrogenase**
  - *Agaricus bisporus*
    - gene expression 8402
    - nucleotide sequences 8402
  - *Nicotiana tabacum* 11386
- **Mannopine synthase**
  - *Gladiolus*
    - gene expression 10387
    - genetic transformation 10387
    - promoters 10387
- **Mannose**
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - artificial selection 10202
    - genetic transformation 10202
- **Mannose-1-phosphate guanylyltransferase (GDP)**
  - *Solanum tuberosum*
    - senescence
      - antisense RNA, nucleotide sequences 12445
      - genetic transformation, nucleotide sequences 12445
- ***Maruca vitrata***
  - grain legumes 2162
  - *Vigna unguiculata* 12430
- **Maternal effects**
  - *Arabidopsis thaliana,* plant embryos 2755-2756
  - *Cucurbita pepo*
    - sexual reproduction 9998
    - yield components 3260
  - *Gossypium hirsutum,* yield components 3542
  - *Oryza sativa,* quality 3007, 8708
  - *Pisum sativum*
    - quality 5380
    - seeds 5380
  - statistics 9242
  - *Zea mays,* seeds 12082
- **Mathematics**
  - artificial selection 3683, 5944, 8425, 9233-9234
  - biosafety 6044
  - *Brassica napus* (rape)
    - biosafety 6781
    - gene flow 6779, 6781
    - genetic transformation 6779
  - breeding 3668
  - *Capsicum annuum,* yield correlations 9987
- **Mathematics** *cont.*
  - cereals
    - cold resistance 11824
    - variety trials 3684
  - climate, breeding 4817
  - combining ability 8517
  - *Dendranthema*
    - flowering 9175
    - temperature 9175
  - evolution 3782
  - experimental design 3682, 4812
  - *Festuca pratensis,* outcrossing 306
  - gene expression 10497
  - gene flow 3777, 6044, 6046
  - gene mapping 9
  - genetic markers 4831
  - genetic resources 3674, 3677
  - genetic variance 7271
  - genetics 71, 3773, 5939
  - genotype environment interaction 868, 4818, 5949-5950
  - *Glycine max,* genotype environment interaction 3087
  - *Gossypium,* variety trials 709
  - inbreeding 8509
  - *Linum usitatissimum* (linseed)
    - biosafety 6781
    - gene flow 6781
  - *Lolium multiflorum,* isoenzymes 7655
  - *Lupinus albus,* artificial selection 9763
  - *Medicago sativa,* yield components 10903
  - natural selection 11794
  - *Nicotiana tabacum* 1606
  - *Oryza sativa*
    - genotype environment interaction 3013
    - stability 2814
  - *Phaseolus vulgaris,* stability 6427
  - phylogeny 3782
  - *Pinus densiflora,* fertility 3575
  - *Pinus koraiensis,* fertility 3575
  - *Pinus thunbergii,* fertility 3575
  - *Pisum sativum,* seeds 9836
  - polyploidy 933
  - population genetics 7269-7270, 9382
  - *Populus*
    - gene flow 6998
    - outcrossing 6998
  - quality 10
  - quantitative genetics 9383
  - *Saccharum,* competitive ability 8104
  - *Saccharum officinarum,* breeding 3483
  - seeds 10
  - selection, inbreeding 3666
  - self incompatibility 10572
  - sexual reproduction 3776
  - stability 1807, 5948
  - *Trifolium pratense,* genetics 12317
  - *Triticum aestivum*
    - genotype environment interaction 6133
    - variety trials 9422
  - variety trials 3682, 4812-4813
  - *Zea mays* 2929
    - artificial selection 2907, 3950
    - combining ability 12007
    - genotype environment interaction 5949
    - growth period 204
    - inbreeding 3950
    - stability 2814
- ***Matricaria*** (*see also Chamomilla*)
- **Matrix attachment regions**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 9092
    - genetic transformation 9092
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 8692
    - genetic transformation 8692
- **Maturase**
  - Magnoliaceae
    - nucleotide sequences 8286
    - phylogeny 8286
  - *Michelia*
    - nucleotide sequences 8286
    - phylogeny 8286
- ***Mayetiola destructor,*** *Triticum aestivum,* genetics 1987
- ***Mayetiola destructor,*** *Triticum durum* 6151
- **Maysin,** *Zea mays* (popcorn) 3987

- **MCPA,** *Solanum tuberosum* 1330
- **Mechanical damage**
  - *Cicer arietinum* 10998
  - *Citrus reticulata* 4481
  - *Glycine max,* techniques 1279
  - *Oryza sativa* 7619
  - *Solanum tuberosum*
    - molecular genetics 8832
    - techniques 6487
- **Mechanical harvesting,** *Phaseolus vulgaris* 363
- ***Medicago***
  - chromosome number 5253
  - gamma radiation 7681
  - gene banks 6344
  - genetic resources 6345
  - geography 6345
  - isoenzymes, polymorphism 3050
  - phylogeny
    - chloroplast genetics 1234
    - nucleotide sequences 1234, 5253
  - population genetics 6346
  - proteins 2147
  - *Rhizobium* 315
  - ribosomal DNA
    - nucleotide sequences 5253
    - phylogeny 4133
  - saponins 12310
  - seeds 2147
  - somatic embryogenesis 12309
  - taxonomy 3050
  - *Trichoderma viride* 12310
- ***Medicago falcata***
  - chromosome number 5251
  - polyploidy 5251
- ***Medicago polymorpha***
  - colour, genetics 4130
  - gene flow 12306
  - habit, genetics 4130
  - height, genetics 4130
- ***Medicago sativa***
  - *Acyrthosiphon kondoi* 12312
    - germplasm releases 4136
  - adenosinetriphosphatase, nucleotide sequences 12305
  - alfin, nucleotide sequences 3053
  - *Alternaria alternata,* genetic transformation 5255
  - amylases, gene expression 3049
  - aneuploidy 8754
  - antibodies, genetic transformation 9748
  - artificial selection 4121-4122, 4124
  - *Aspergillus* 1237
  - boron 10590
  - *Botrytis cinerea,* genetic transformation 5255
  - breeding 4123
  - bromide 3051
  - caffeate *O*-methyltransferase, gene expression 3055
  - cell division
    - gene expression 4127, 12304
    - nucleotide sequences 12304
  - cellulase
    - gene expression 11802
    - genetic transformation 11802
  - chromosome banding 8754
  - cinnamyl-alcohol dehydrogenase
    - gene expression 5252
    - genetic transformation 5252
  - cold resistance 4135, 6359, 7679
  - competitive ability 6358
  - crop density 6358
  - cultivars 5230
    - B80 6349
    - CRLU4 6348
    - Grasslands Crusader 6348
    - Grasslands Kaituna 6349
  - *Cuscuta trifolii,* molecular genetics 12313
  - cutting 10901-10902
  - cuttings 3052
  - diseases 6360
  - DNA binding proteins, nucleotide sequences 3053
  - drought resistance 318, 1236
    - heritability 7680
    - somaclonal variation 4134
  - ferritin
    - gene expression 5255
    - genetic engineering 5255
- ***Medicago sativa** cont.*
  - forage
    - artificial selection 6355
    - restriction fragment length polymorphism 6355
  - fruits, inbreeding 7673
  - *Fusarium* 3054
  - gene flow 9751, 12307
  - genetic markers, reviews 5250
  - genetic resources 7675, 12303
  - geography 7674
  - glutamate-ammonia ligase, nucleotide sequences 6351
  - glutamate synthase
    - gene expression 6353
    - genetic transformation 6353
  - grazing
    - artificial selection 2148
    - germplasm releases 2148
  - hard seeds 4128
  - harvest index, combining ability 9752
  - heat shock proteins
    - gene expression 10900
    - nucleotide sequences 9749, 10900
  - height
    - heritability 10905
    - inbreeding 10905
  - inbreeding 4121
  - inbreeding depression 4124
  - inflorescences
    - genetics 12308
    - mutations 12308
  - iron, genetic transformation 5255
  - isoflavone reductase, gene expression 3055
  - leaves 4129
  - *Leptosphaerulina trifolii,* stability 9754
  - lignin 5252
    - genetic transformation 4132
  - morphology
    - combining ability 6354
    - heritability 6354
    - multivariate analysis 7674
  - naringenin-chalcone synthase, gene expression 3055
  - nitrogen 3051
  - nitrogen fixation
    - gene expression 316
    - genetic transformation 316
  - nutrients 3051
  - nutritive value 5252
  - oxidative stress, genetic transformation 5255
  - persistence
    - artificial selection 2148
    - germplasm releases 2148
  - phosphoenolpyruvate carboxylase
    - gene expression 316
    - genetic transformation 316
  - plant composition 7675
  - *Pratylenchus penetrans,* gene expression 3055
  - protein kinase, gene expression 4127
  - proteins, genetic distance 6352
  - pruning 6357
  - pyrroline-5-carboxylate synthetase
    - gene expression 2146
    - nucleotide sequences 2146
  - quality 4129, 4131
  - random amplified polymorphic DNA 7674, 12303
  - *Rhizobium*
    - heritability 10905
    - inbreeding 10905
  - *Rhizoctonia solani* 12311
  - roots 7679
    - artificial selection 6356
  - salinity
    - gene expression 2146, 3053, 9753
    - genetic transformation 9753
    - nucleotide sequences 2146
    - promoters 3053
  - saponins 1233
  - *Sclerotinia trifoliorum* 320
    - artificial selection 10906
    - techniques 2149
  - seeds 313
    - genetic distance 6352
    - inbreeding 7673
  - self compatibility 4121
  - soil toxicity 319
- ***Medicago sativa** cont.*
  - somatic embryogenesis 8521, 8755
  - stems 10901-10902
  - sterility, genetics 3048
  - stress, gene expression 7676
  - superoxide dismutase
    - gene expression 6359
    - genetic transformation 6359
  - taxonomy, multivariate analysis 7677
  - tissue culture 7676
  - tobacco necrosis necrovirus, genetic transformation 5255
  - toxic substances 10590
  - transposable elements, molecular genetics 9750
  - variety classification 313
  - variety trials 4125, 4129, 4131, 5230, 5249, 6347, 9747
  - yield components, mathematics 10903
  - yields
    - artificial selection 6356
    - stability 3052, 9754
- ***Medicago truncatula***
  - annexins, molecular genetics 1235
  - chloroplast genetics 6350
  - DNA hybridization 6350
  - gene banks 12273
  - glutamate-cysteine ligase, nucleotide sequences 4126
  - glutathione synthase, nucleotide sequences 4126
  - homoglutathione synthase, nucleotide sequences 4126
  - nodulation, gene expression 10904
  - nutrients
    - gene expression 7678
    - nucleotide sequences 7678
  - phosphates
    - gene expression 7678
    - nucleotide sequences 7678
  - phosphorus, gene expression 3792
  - *Rhizobium,* molecular genetics 1235
  - roots
    - gene expression 312
    - nucleotide sequences 312
  - somatic embryogenesis, tissue culture 5256
  - tissue culture 314
  - translocation, gene expression 3792
  - transposable elements, molecular genetics 9750
- ***Medicago varia***
  - nodulation
    - gene expression 10904
    - genetic transformation 10904
- **Medicinal plants**
  - biotechnology, reviews 814
  - breeding 8355
  - domestication 7134
  - gene banks 4764
  - genetic resources 10415
- **Meiosis** 8518
  - (*see also* Chromosome pairing)
  - *Adesmia* 3061
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 6005
    - genetic transformation 901
    - nucleotide sequences 901, 6005
  - *Cypripedium californicum* 1756
  - *Euryale ferox,* pollen 12946
  - *Festuca pratensis* 8743
  - *Lathyrus odoratus* 3062
  - *Lathyrus pratensis* 3062
  - *Lycopersicon esculentum* 7897
  - *Raphanus sativus* 9921
  - *Solanum commersonii* 4266
  - *Solanum tuberosum* 4266
  - *Vicia* 6408
  - *Vicia faba* 6408
  - *Zea mays* 3966
- ***Melaleuca alternifolia***
  - microsatellites 9214
  - population genetics 8381
- ***Melampsora***
  - *Salix* 10299
  - *Salix eriocephala* 2581
  - *Salix sericea* 2581
- ***Melampsora lini***
  - *Linum usitatissimum* (flax) 11449
    - gene mapping 6978
    - genetic markers 12860

Melampsora lini *cont.*
  Linum usitatissimum (flax) *cont.*
    genetic transformation 6979
    genetics 12859
    molecular genetics 2560, 4621
    mutations 2560
    nucleotide sequences 6979
    restriction fragment length polymorphism 6978
Melanagromyza sojae
  Glycine max 4200
    genetics 5334
Melanaphis sacchari, *Sorghum bicolor* 9419
Melanins
  Solanum hjertingii, dominance 5466
  Solanum (tuberous species), dominance 5466
Melilotus alba, genetics 9761
Melissa officinalis
  plant composition 7159
  quality 7159
  taxonomy, random amplified polymorphic DNA 9216
Melocactus
  chromosome morphology 3629
  chromosome number 3629
  DNA 3629
Meloidogyne
  Arachis 12755
  Beta maritima 12786
  Beta vulgaris (sugarbeet) 12786
  Lycopersicon esculentum 12550
    fluorescence *in situ* hybridization 6579
    gene mapping 4364, 6579
    restriction fragment length polymorphism 4364
  Lycopersicon peruvianum
    gene mapping 4364
    restriction fragment length polymorphism 4364
  Prunus cerasifera
    gene mapping 12652
    genetic markers 8976
    genetics 3285, 8976
    random amplified polymorphic DNA 12652
  Prunus persica, amplified fragment length polymorphism 12662
  Solanum bulbocastanum, genetic markers 7819
  Solanum melongena 2308
  Solanum tuberosum, genetic markers 7819
  Vitis rotundifolia 3333
  Vitis rupestris 3333
  Vitis vinifera 3333
Meloidogyne arenaria
  Capsicum annuum 12524
  Solanum melongena 12524
Meloidogyne chitwoodi, *Solanum fendleri,* genetics 4304
Meloidogyne exigua
  Coffea arabica 12794-12795
  Coffea canephora 12794-12795
Meloidogyne incognita
  Arabidopsis thaliana 9381
    gene expression 1881
    nucleotide sequences 1881
  Capsicum annuum, genetics 5558
  Capsicum chinense, genetics 5559
  Carica papaya 12701
  Cicer arietinum 12414
  Glycine max 12364
  Gossypium 9118, 12839, 12847
  Gossypium barbadense 12846
  Gossypium hirsutum 12846
    germplasm releases 6973
  Ipomoea batatas 12488
  Lycopersicon esculentum 11137, 11139-11140, 12549, 12551
    genetics 11138
    molecular genetics 6580
    nucleotide sequences 497
  Musa 12685
  Nicotiana 11393
  Nicotiana tabacum 11393
  Prunus persica, genetics 4445
  Sesamum indicum 12762
  Sesamum radiatum 12762
  Trigonella foenum-graecum 8374
Meloidogyne javanica
  Arachis 12755
  Cajanus cajan 3069
  Capsicum annuum 12583-12584
  Coffea 12793
  Cucumis sativus 12613
    genetics 4388
  Lycopersicon esculentum, gene expression 1391
  Prunus persica, genetics 4445
  Vigna mungo 3069
  Vigna radiata 3069
Meloidogyne naasi
  Aegilops variabilis, chromosome addition 5049
  Triticum aestivum, chromosome addition 5049
Membrane proteins
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 2758
    nucleotide sequences 2758
Mentha
  chemotaxonomy 11609
  essential oils 11606
  flavonoids 11609
  genetic resources 11606
  tissue culture 8377
  Verticillium dahliae 9212
Mentha arvensis
  cultivars, Kosi 11608
  essential oils 11612
    somaclonal variation 2678
  menthol, heritability 2679
  quality, heritability 2679
Mentha piperita
  chromosome number 10445
  essential oils 10445
  protoplast culture 11611
  Verticillium dahliae, somaclonal variation 9212
Menthol, *Mentha arvensis,* heritability 2679
Menyanthes trifoliata, sexual reproduction 1772
Mepiquat, *Gossypium hirsutum* 11414
Mepiquat chloride, *Gossypium hirsutum* 715
Mercurialis annua
  sex, nucleotide sequences 2666
  zeatin ribosidase, nucleotide sequences 2666
Mercuric chloride, *Manihot esculenta* 11051
Mercury
  genetic transformation 1808
  Liriodendron tulipifera
    gene expression 2583
    genetic transformation 2583
Meristems
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 10546
    genetics 8494
    mutations 10546
  Nicotiana tabacum
    gene tagging 1616
    genetic transformation 1616
Merremia tuberosa, domestication 7148
Merxmuellera cincta, taxonomy 6343
Mesembryanthemum crystallinum
  injuries, nucleotide sequences 7133
  phosphoprotein phosphatase, gene expression 12943
  stress 12943
Mesocriconema xenoplax, *Prunus* 12637
Mesona procumbens
  stability 7163
  variety trials 7163
Mespilus flabellata, nomenclature 7076
Messenger RNA 2727
  Aleurites fordii, nucleotide sequences 5721
Metallocarboxypeptidase inhibitor
  Solanum tuberosum
    gene expression 5458
    nucleotide sequences 5458
Metalloproteinases, *Nicotiana tabacum,* nucleotide sequences 6924
Metallothionein
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 910, 1874
    genetic transformation 1874
Metallothionein *cont.*
  Brassica napus (rape), gene expression 1874
  Cicer arietinum, gene expression 3120
  Citrus unshiu
    gene expression 9010
    nucleotide sequences 9010
  Eichhornia crassipes, nucleotide sequences 12944-12945
  Fagopyrum esculentum, nucleotide sequences 9720
  Fagus sylvatica, nucleotide sequences 10293
  Fucus vesiculosus
    gene expression 5922
    nucleotide sequences 5922
  Ipomoea batatas, nucleotide sequences 6501
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 5762
  Oryza sativa
    gene expression 7560
    nucleotide sequences 6259, 7560
  Prunus persica
    gene expression 12659
    nucleotide sequences 12659
Metals, *Arabidopsis thaliana,* gene expression 9370
Metasequoia glyptostroboides
  DNA 2588
  random amplified polymorphic DNA 8265
Metaxenia (*see* Xenia)
Methanol, *Capsicum annuum* 4374
Methionine
  Zea mays
    backcrossing 12099
    genetics 12099
    induced mutations 12099
Methionine adenosyltransferase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 10425
    genetic transformation 10425
  Nicotiana tabacum
    cell culture 3529
    gene expression 3529
  Papaver somniferum, gene expression 10425
Methionyl-tRNA synthetase
  Arabidopsis thaliana
    chloroplast genetics 4855
    gene expression 4855
    nucleotide sequences 4855
Methomyl, *Avena sativa* 10682
Methyl jasmonate
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 2784
    genetic transformation 2784
    mutations 2785
    promoters 2784
  Nicotiana tabacum
    cell culture 3529
    gene expression 3529, 4591
***N*-methyl-*N*-nitrosourea**
  Cicer arietinum 3119
  Helianthus annuus 8061, 8067, 10154
  Hordeum vulgare 1996
  Lupinus mutabilis 10920
  Vigna radiata 11014
***S*-methylcysteine sulfoxide**
  Brassica oleracea (kale) 12506
  Brassica oleracea (kohlrabi) 12506
Methyltetrahydropteroyltriglutamate-homocysteine S-methyltransferase, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 11730
Methyltransferases
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 892
    genetic engineering 892
  Coffea arabica, mutations 2512
  Nicotiana tabacum
    gene expression 892
    genetic transformation 892
  Spinacia oleracea 7857
  Thalictrum tuberosum
    gene expression 5897
    nucleotide sequences 5897
5-Methyltryptophan, *Oryza sativa,* mutations 2090

- **Metolachlor,** *Zea mays, in vitro* selection 12146
- **Metribuzin,** *Solanum tuberosum* 4311
- ***Metrosideros umbellata,*** cultivars, YV Harlequin 7055
- ***Metroxylon paulcoxii,*** taxonomy 4784
- ***Michelia***
  - maturase
    - nucleotide sequences 8286
    - phylogeny 8286
- **Micropropagation** (*see* Tissue culture)
- **Microsatellites**
  - *Abies alba* 758
  - *Actinidia* 3338
  - *Actinidia chinensis* 3338
  - *Arabidopsis thaliana* 5997
    - phylogeny 28
  - *Avena sativa* 1050
  - *Beta vulgaris*
    - biosafety 10201
    - gene flow 10201
  - *Brassica oleracea* 12502
  - *Camellia japonica* 7062
  - *Capsicum annuum* 8896
  - *Cicer arietinum* 12411
    - heterosis 9858
  - *Cicer echinospermum* 12411
  - *Cicer reticulatum* 12411
  - *Citrus,* phylogeny 2413
  - *Cocos nucifera,* variety classification 6866
  - crops 11719
  - *Elymus* 4106, 8746
  - *Elymus alaskanus* 1223
  - *Elymus caninus* 4106
  - *Elymus fibrosus,* polymorphism 6331
  - *Eucalyptus grandis* 1662
  - *Eucalyptus urophylla* 1662
  - *Fagus crenata* 12873
  - *Fagus japonica* 12873
  - *Fraxinus excelsior* 4654
  - *Glycine max,* cytoplasmic male sterility 9795
  - *Grevillea macleayana,* genetic markers 8278
  - *Hordeum spontaneum* 1031
  - *Hordeum vulgare* 94, 1031, 3911
    - gibberellic acid 7428
  - *Ipomoea batatas* 12483
  - *Ipomoea trifida* 12483
  - *Iris brevicaulis* 11550
  - *Iris fulva* 11550
  - *Lactuca* 6542
  - *Lactuca sativa* 6542
  - *Laminaria digitata* 3651
  - *Lycopersicon esculentum,* variety classification 480
  - *Magnolia hypoleuca,* genetic markers 8279
  - *Malus pumila,* variety classification 1423
  - *Melaleuca alternifolia* 9214
  - *Musa* 4470
  - mutations 882
  - *Oryza* 5214
  - *Oryza sativa* 7530-7531
    - variety classification 7557, 12189
  - *Phaseolus vulgaris* 6381
  - *Picea abies* 758, 8252
  - *Pinus* 7017
  - *Pinus contorta* 5815, 8227
  - *Pinus halepensis* 758
  - *Prunus* 12658
  - *Prunus persica* 12658
  - *Quercus petraea* 9129
  - *Quercus pubescens* 9129
  - *Quercus robur* 4641, 8200, 12870
  - *Shorea curtisii*
    - genetic markers 4660
    - nucleotide sequences 4660
  - *Sorghum bicolor* 12152
  - *Triticum aestivum* 94, 969, 9443
    - amylose 9491
    - artificial selection 9439
    - proteins 11868
    - sprouting 11834
  - *Triticum dicoccoides, Puccinia striiformis* 8593
  - *Triticum durum* 9443
    - *Puccinia striiformis* 8593
  - *Vigna* 6381
  - *Vitis,* variety classification 2413
- **Microsatellites** *cont.*
  - *Vitis vinifera* 2375, 2379
    - variety classification 6712, 11213
  - *Zea mays*
    - databases 12005
    - development 12048
    - roots 12048
  - *Zostera marina* 7165
- ***Microsphaera juglandis,*** *Juglans regia* 3393
- **Microtubules**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - genetic transformation 9314
    - nucleotide sequences 10504
  - *Vicia faba*
    - gene expression 2192
    - genetic engineering 2192
- ***Milletia stuhlmannii,*** seed production 8218
- ***Millettia atropurpurea***
  - flowers 9222
  - pollen germination 9222
- ***Mimosa craspedisetosa,*** taxonomy 10311
- ***Mimosa pudica***
  - apyrase
    - genetic engineering 10303
    - nucleotide sequences 10303
- **Mimosoideae**
  - pollen 331
  - taxonomy 331
- ***Mimulus cardinalis,*** flowers, gene mapping 2633
- ***Mimulus lewisii,*** flowers, gene mapping 2633
- **Minerals,** *Corylus avellana* 11250
- ***Mirabilis jalapa,*** pollen competition 5853
- ***Miscanthus sinensis,*** ribosomal RNA, nucleotide sequences 2140
- **Mitochondria**
  - gene expression, reviews 7210
  - *Zea mays* 9631
    - mutations 1068
- **Mitochondrial DNA**
  - *Brassica campestris* (turnips), techniques 11050
  - *Brassica hirta,* techniques 11050
- **Mitochondrial genetics**
  - *Abies,* cytochrome-*c* oxidase 4678
  - *Acorus calamus*
    - cytochrome-*c* oxidase 1769
    - phylogeny 1769
  - *Agrocybe aegerita* 7169
    - cytochrome-*c* oxidase 9224
  - *Allium ampeloprasum,* cytoplasmic male sterility 9933
  - *Allium porrum,* cytoplasmic male sterility 9933
  - angiosperms 8451
    - cytochrome-*c* oxidase 2798
  - *Arabidopsis thaliana* 8461
    - chaperones 8128
    - succinate dehydrogenase 4883
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), cytoplasmic male sterility 6907
  - *Brassica campestris,* cytoplasmic male sterility 1548, 5672
  - *Brassica napus* (rape)
    - cytoplasmic male sterility 603, 4506, 6799, 9034
    - development 10121
    - seeds 10121
  - conferences 9231
  - crops, promoters 9403
  - databases 3716, 5965
  - *Daucus,* phylogeny 5479
  - *Daucus carota,* phylogeny 5479
  - evolution 11792
  - *Glycine max,* phylogeny 3086
  - *Glycine soja* 342
    - adenosinetriphosphatase 5294
    - cytochrome-*c* oxidase 5294
    - phylogeny 3086
  - *Gossypium* 6953
  - *Helianthus annuus,* cytoplasmic male sterility 4524, 11279
  - *Hordeum spontaneum,* cytoplasm 6160
  - *Hordeum vulgare,* cytoplasm 6160
  - *Lycopersicon esculentum,* cytoplasmic male sterility 7889
  - *Lycopersicon pennellii,* cytoplasmic male sterility 7889
  - *Lycopersicon peruvianum,* cytoplasmic male sterility 7889
- **Mitochondrial genetics** *cont.*
  - *Nicotiana sylvestris*
    - cytoplasmic male sterility 1615, 12809
    - NADH dehydrogenase 1615, 12809
  - *Nicotiana tabacum* 1628, 6930
    - chaperones 8128
    - oxidoreductases 6936
  - *Oryza sativa* 2083, 9662
    - cytoplasmic male sterility 12197
  - *Pennisetum glaucum* 1106
  - *Petunia,* cytoplasmic male sterility 9189
  - *Phaseolus vulgaris,* cytoplasmic male sterility 8783
  - *Picea abies*
    - NADH dehydrogenase 12892
    - nucleotide sequences 10326
  - *Pinus,* NADH dehydrogenase 7017
  - *Pinus attenuata,* evolution 5814
  - *Pinus muricata,* evolution 5814
  - *Pinus radiata,* evolution 5814
  - *Pinus sylvestris,* evolution 4673
  - *Pisum sativum*
    - cytochromes 9830
    - promoters 7754
    - proteins 9830
  - Pteridopsida, phylogeny 7130
  - *Quercus robur* 12871
  - *Raphanus sativus* 2258
    - cytoplasmic male sterility 4506
  - reviews 2737
  - RNA, reviews 8450
  - *Rosmarinus officinalis,* male sterility 11615
  - *Solanum* 4256
    - restriction fragment length polymorphism 12441
  - *Solanum tuberosum* 2231, 3155, 4256
    - restriction fragment length polymorphism 12441
    - transfer RNA 7800
  - *Sorghum bicolor,* cytoplasmic male sterility 4000, 5136, 7511
  - transfer RNA, reviews 8449
  - *Zea mays* 2019
    - aldehyde dehydrogenase 8637
    - cytoplasmic male sterility 5102, 8637
    - NADH dehydrogenase 5095, 8636
- **Mitogen-activated protein kinase**
  - *Allium cepa,* gene expression 6516
  - *Capsicum annuum,* gene expression 6516
- **Mitosis** (*see* Cell division)
  - crops, cytoplasmic inheritance 11803
- **Mixoploidy**
  - *Rhoeo spathacea* 10429
  - *Vitis latifolia,* anther culture 6714
  - *Zea mays* 2919
- **Modifiers,** selection 3768
- **Moisture content**
  - *Hordeum vulgare* 6164
  - *Nicotiana tabacum* 4583, 11377
  - *Saccharum officinarum* 4554
- **Molecular genetics** 2735, 5987-5988, 5991, 9272
  - *Agaricus bisporus*
    - development 4788
    - fructification 4788
  - alternative oxidase 9257
  - angiosperms, flowers 7262
  - *Antirrhinum majus,* transposable elements 793
  - apomixis 2792
    - reviews 7288
  - *Arabidopsis,* alcohol dehydrogenase 11748
  - *Arabidopsis thaliana* 27, 2750, 3734, 4850, 11734, 11753
    - abscisic acid 913
    - alcohol dehydrogenase 6012
    - brassinosteroids 1920, 4934
    - calcium 2779
    - chlorophyll *a/b* binding protein 9325
    - cryptochrome 7249
    - cytochrome-b_5 reductase 5107
    - development 4889
    - diseases 11777
    - DNA binding proteins 11747
    - ethylene 2298
    - ethylene receptor 9326
    - extensin 7248
    - flowering 4863

Molecular genetics *cont.*
- *Arabidopsis thaliana cont.*
  - flowers 9330, 9350
  - germination 9315
  - gibberellic acid 2764
  - gibberellins 914
  - growth regulators 913-914, 922-923, 4934
  - homeotic genes 9330
  - jasmonic acid 922-923
  - phosphoprotein phosphatase 6016, 8471
  - photosynthesis 7249
  - phytochrome 1857
  - plant embryos 9315
  - roots 4891
  - salinity 2779, 3760
  - seeds 4889
  - techniques 9297
  - transcription factors 1825
  - trichomes 9342
  - zinc finger 4848
- *Arabis,* alcohol dehydrogenase 11748
- auxins 948
- *Avena,* RNA 7454
- *Avena sativa,* DNA 1049
- *Bauhinia purpurea*
  - leaves 949
  - senescence 949
- *Beta*
  - *Heterodera schachtii* 1600
  - phylogeny 1600
- *Beta procumbens, Heterodera schachtii* 2504
- *Beta vulgaris* (sugarbeet)
  - conferences 2695
  - *Heterodera schachtii* 1600, 2504
  - phylogeny 1600
- books 860
- *Brassica campestris*
  - anthers 6790
  - pollen 6790
- *Brassica napus* (rape)
  - acylglycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase 11259
  - leaves 595
- *Brassica oleracea,* self incompatibility 9944
- *Brassica pekinensis* 2281
- *Butea monosperma*
  - leaves 949
  - senescence 949
- *Catharanthus roseus,* isochorismate hydroxymutase 10418
- cell division 3774
  - reviews 7277
- cells 5984
- *Ceratopteris richardii,* development 12941
- cereals, development 11817
- chloroplasts 9396
- *Clerodendrum,* taxonomy 5845
- *Coffea* 8117
- computer programming 5971-5972
- conferences 8413
- crops
  - domestication 8523
  - ethylene 3710
  - flavonoids 6067
  - nutrients 3720
  - nutritive value 10589
  - pathogens 7202
  - polygalacturonase 947
  - reviews 11703
  - source sink relations 7205
  - water balance 4821
- *Cucumis sativus*
  - nitrates 7932
  - nutrients 7932
  - sex 12608
- *Cynodon,* phylogeny 10891
- databases 3717-3718
- defensins 9251
- *Delonix regia*
  - leaves 949
  - senescence 949
- development 3774, 5983, 11702
  - books 3662
  - conferences 857
  - reviews 13, 11807
- diseases 3692, 4824, 9251, 9257

Molecular genetics *cont.*
- diseases *cont.*
  - conferences 12991
  - reviews 871, 2721, 11677-11678
- DNA binding proteins 9265
- DNA repair 11782
- *Epipremnum pinnatum*
  - leaves 949
  - senescence 949
- ethylene 3734
- evolution 3783, 11791
  - conferences 4790
- farnesyltransferase 7310
- *Festuca arundinacea,* phylogeny 3034
- *Fragaria,* ripening 2367
- fruit crops
  - cells 10008
  - ripening 1919, 10008
- gene expression 3715
- genetic resources 3675
- *Glycine max* 4176
  - *Bradyrhizobium* 1267
  - protein kinase 1267
- *Gossypium hirsutum,* hydroxymethylglutaryl-CoA reductase 5777
- growth regulators 948, 3734, 11687
  - conferences 4796
- *Helianthus annuus,* glutamate-ammonia ligase 4525
- homeoboxes 10494
- homeotic genes 10494
- *Hordeum vulgare,* flowering 97
- insects 2725
- ion transport 9253, 10489
- *Ipomoea batatas* 7793
- kinases 9385
- leaves, reviews 11807
- *Linum usitatissimum* (flax), *Melampsora lini* 2560, 4621
- *Lolium multiflorum,* phylogeny 3034
- *Lycopersicon esculentum* 2300, 6552
  - brassinosteroids 1920, 4934
  - ethylene 2298, 8883
  - *Fulvia fulva* 1390
  - growth regulators 4934
  - *Macrosiphum euphorbiae* 6580
  - *Meloidogyne incognita* 6580
- *Malus pumila,* ripening 6630
- *Medicago sativa*
  - *Cuscuta trifolii* 12313
  - transposable elements 9750
- *Medicago truncatula*
  - annexins 1235
  - *Rhizobium* 1235
  - transposable elements 9750
- mycorrhizas 4159
- *Nicotiana,* taxonomy 8150
- *Nicotiana plumbaginifolia,* nitrate reductase 4582
- *Nicotiana tabacum* 9093
  - DNA binding proteins 2537
  - nitrate reductase 4582
  - transposable elements 10219
- nodulation 4159
- nomenclature 9400
- nutrients, reviews 11812
- organelles 883
- *Oryza rufipogon,* heat shock proteins 7561
- *Oryza sativa* 251
  - books 8424
  - centromeres 10817
  - DNA binding proteins 2085
  - heat shock proteins 7561
  - importins 5165
  - *Magnaporthe grisea* 7629
  - repetitive DNA 10817
  - variety classification 6252
- *Pachyrhizus erosus* 2268
- pathogenesis-related proteins 9251
- pathogens 3695, 7199-7200
- *Pharbitis nil,* photoperiodism 4731
- *Phaseolus vulgaris,* heavy metals 3102
- *Philodendron hastatum*
  - leaves 949
  - senescence 949
- *Phleum pratense*
  - allergens 12297
  - pollen 12297
- photosynthesis, reviews 11689, 11806
- phytochelatins 11717

Molecular genetics *cont.*
- *Picea abies,* ribulose-bisphosphate carboxylase 9146
- *Pisum sativum*
  - brassinosteroids 1920, 4934
  - growth regulators 4934
- *Pleurotus eryngii,* peroxidases 7173
- *Populus balsamifera,* phytochrome 12875
- prenyltransferases 7310
- *Prunus* 1459
- *Psophocarpus tetragonolobus,* chymotrypsin inhibitors 5455
- reviews 7215
- ribosomal RNA, computer programming 5968
- RNA polymerase, reviews 11712
- *Rubus,* phylogeny 5604
- *Saccharum officinarum,* reviews 9059
- salicylic acid 9257
- salinity, reviews 869
- sedoheptulose-bisphosphatase 8529
- serine/threonine specific protein phosphatase 2729
- *Sesbania rostrata*
  - *Azorhizobium caulinodans* 1253
  - ethylene 1253
  - nodulation 1253
- sex, conferences 11652
- *Silene coeli-rosa,* photoperiodism 4731
- *Silene latifolia*
  - development 1728
  - sex 11533
- *Solanum* 7793
- *Solanum tuberosum,* mechanical damage 8832
- *Sorghum bicolor,* cytoplasmic male sterility 8668
- *Spartina anglica,* salinity 5248
- *Spinacia oleracea,* binding proteins 6541
- stress, reviews 11806
- taxonomy 7296, 7299
- temperate fruits
  - phylogeny 2328
  - sugars 1922
- *Teucrium*
  - ribosomal DNA 4771
  - taxonomy 4771
- thionins 9251
- transposable elements, reviews 9284
- Trilliaceae 11540
- *Triticum aestivum*
  - diseases 9522
  - domestication 8523
  - *Erysiphe graminis* 1982
  - flowering 97
  - glutamate-ammonia ligase 7348
  - nucleolus organizer 9432
  - ribosomal RNA 9432
  - RNA 7346
- *Tuber* 8393
- vegetables 3791
  - ripening 1919
- viruses 9257
- *Vitis vinifera* 7987
- *Zea mays*
  - alcohol dehydrogenase 6012
  - colour 11992
  - DNA repair 12025
  - germination 9315
  - heterochromatin 189
  - hybrid varieties 2027
  - isoamylase 3959
  - plant embryos 9315
  - proteins 12004
  - pullulanase 3959
  - repetitive DNA 189
  - sucrose transporter 8642
  - transposable elements 2018, 5098
- zinc finger 9265

Momordica charantia
- chromosome morphology 4931
- chromosome number 4931
- yield components, combining ability 10005

Momordica dioica
- insects 11170
- pollen, storage 11169

Monocotyledons
- anthers 3778
- evolution 3778
- pollen 9392

- **Monocotyledons** *cont.*
  - proteins, evolution 84
  - seeds, evolution 84
- **Monogerm seeds,** *Beta vulgaris* (sugarbeet), genetics 12780
- ***Monographella nivalis***
  - *Avena sativa* 2005
  - *Secale cereale,* techniques 10684
  - *Triticum aestivum* 1009, 11889, 11902
    - gene expression 11888
- **Monoploidy** (*see* Haploidy)
- **Monosomic analysis** (*see* Gene location)
- **Monosomics** (*see* Aneuploidy)
- **Monoterpenes**
  - *Pinus brutia* 2600
  - *Pinus halepensis* 2600
- **Monoterpenoids,** *Satureja douglasii* 827
- ***Moraea,*** taxonomy, chloroplast genetics 3616
- ***Morchella,*** exo-α-1,4-glucan lyase, nucleotide sequences 11626
- ***Moricandia arvensis***
  - *Brassica campestris,* intergeneric hybridization 8039
  - *Brassica juncea,* protoplast fusion 2456
  - *Brassica napus,* intergeneric hybridization 598, 8039
  - cytoplasmic male sterility, cytoplasmic inheritance 2456
  - morphology 598
  - restriction fragment length polymorphism 8039
- ***Moricandia nitens,*** protoplast culture 11338
- ***Moringa oleifera,*** amplified fragment length polymorphism 6881
- **Morphine**
  - *Papaver somniferum* 2669, 7146
    - genetics 2668
- **Morphology**
  - *Achillea crithmifolia* 11616
  - *Actinidia chinensis* 6719
  - *Actinidia deliciosa* 6719
    - genetic transformation 8688
  - *Aegilops variabilis* 7352
  - *Alchemilla,* multivariate analysis 5859
  - *Allium sativum,* multivariate analysis 9934
  - angiosperms 1744
  - *Antirrhinum majus,* genetics 8530
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1867
    - genetics 8530
  - *Arachis hypogaea* 3465
  - *Arrhenatherum elatius,* natural selection 309
  - *Asarum* 1738
  - *Biserrula pelecinus,* multivariate analysis 6375
  - *Brassica napus* 598
  - *Ceiba insignis* 753
  - *Cicer arietinum* 5413
    - heterosis 7768
  - *Crotalaria incana* 791
  - *Cucumis sativus,* haploidy 12609
  - *Cucurbita maxima* 7924
  - *Cucurbita moschata* 7924
  - *Cucurbita pepo* 7924
  - *Cymbopogon flexuosus* 1785
  - *Daphne mezereum* 9161
  - *Dianthus,* multivariate analysis 12919
  - *Dichanthium annulatum,* multivariate analysis 12299
  - *Dioscorea,* multivariate analysis 9917
  - *Dioscorea quartiniana,* multivariate analysis 9917
  - *Enteromorpha,* nucleotide sequences 12982
  - *Eragrostis pilosa* 7667
  - *Eragrostis tef* 7667
  - *Eremochloa ophiuroides,* induced mutations 5244
  - *Eustoma grandiflorum,* somaclonal variation 12921
  - fodder plants 6315
  - *Foeniculum vulgare* 1780
  - *Gilia achilleifolia,* evolution 1740
  - *Glycine max* 5304
  - *Gossypium arboreum* 5778
  - *Gossypium barbadense* 5778
  - *Gossypium bickii* 5778
  - *Helianthus annuus,* heritability 6850
- **Morphology** *cont.*
  - *Impatiens walleriana* 791
  - *Ipomoea* 1350, 7831
  - *Ipomoea batatas* 1350, 7831
  - *Ipomoea trifida* 1350
  - *Lactuca sativa,* random amplified polymorphic DNA 6543
  - *Lagenaria siceraria* 12614
  - *Lathyrus sativus,* somaclonal variation 5272
  - *Lens culinaris*
    - genetics 5397
    - induced mutations 1307
  - *Leucaena* 2157
  - *Limonium* 9182
  - *Lotus corniculatus* 10938
  - *Lupinus albus* 9768
    - induced mutations 10921
  - *Medicago sativa*
    - combining ability 6354
    - heritability 6354
    - multivariate analysis 7674
  - *Moricandia arvensis* 598
  - *Morus,* multivariate analysis 5625
  - *Musa*
    - somaclonal variation 2399
    - statistics 2399
  - *Nuphar microphylla* 5893
  - *Nuphar pumila* 5893
  - *Nuphar rubrodisca* 1765
  - Orchidaceae 5882
  - *Ornithopus compressus,* multivariate analysis 6375
  - *Oryza* 1157
  - *Oryza sativa* 2092, 5177, 8703, 9679, 12201
    - gene mapping 7581
    - genetic engineering 8688
    - genetic variation 266
    - genotype environment interaction 7581
  - *Pachyrhizus,* multivariate analysis 2271
  - *Petunia* 5863
  - *Phaseolus lunatus,* induced mutations 10969
  - *Picea* 7026
  - *Picea obovata* 7026
  - *Pistacia vera* 3409
  - *Pisum sativum* 5376
    - induced mutations 6437
  - *Prunus dulcis* 3386, 3388
  - *Prunus mume* 534
  - *Prunus salicina* 534
  - *Raphanus sativus*
    - genetics 12493
    - mutations 12493
  - *Rosa* 6739
  - *Sesbania* 7691
  - *Solanum macrocarpon* 12560
  - *Solanum melongena* 3250
  - *Solanum surattense,* somaclonal variation 9206
  - *Solanum torvum* 3250
  - *Solanum tuberosum,* multivariate analysis 4272
  - *Sorghum bicolor* 2054, 6232, 9635, 9638, 9646
  - *Tagetes,* multivariate analysis 9180
  - *Trifolium* 1242
  - *Trigonella foenum-graecum,* mutations 8370
  - *Tripsacum dactyloides,* induced mutations 5131
  - *Triticum aestivum* 123, 7352
  - *Ulva,* nucleotide sequences 12982
  - *Vigna mungo,* induced mutations 3137
  - *Vigna unguiculata,* induced mutations 6457
  - *Vigna vexillata* 2218
  - *Zea mays* 1073, 9604
    - evolution 1084
    - genetics 8530
  - *Zea perennis* 9604
- ***Morus***
  - *Bombyx mori* 11223
  - breeding 2384
  - crop density 3346
  - development, mutations 3346
  - fungi 9004
  - harvesting 3346
  - insects 9004
- ***Morus*** *cont.*
  - morphology, multivariate analysis 5625
  - polyploidy 3342-3343, 5624, 11222
  - random amplified polymorphic DNA 4469
  - variety trials 3341, 3343
  - vegetative propagation 10059
  - yield components, heterosis 3344
  - yield correlations 3343
  - yields 5624
- ***Morus alba***
  - nutritive value 3345
  - yields 3345
- ***Mosla,*** taxonomy 8384
- **Movement proteins**
  - *Cucurbita maxima*
    - gene expression 3258
    - nucleotide sequences 3258
- **Mowing** (*see* Cutting)
- ***Muhlenbergia torreyi,*** isoenzymes, genetic variation 3042
- **Multiline varieties** (*see also* Composite varieties; Genotype mixtures)
- **Multivariate analysis**
  - *Abelmoschus caillei*
    - fruits 11171
    - yield components 11171
  - *Aegilops,* yield components 4993
  - *Alchemilla*
    - morphology 5859
    - taxonomy 5859
  - *Allium sativum*
    - growth period 9934
    - morphology 9934
    - yield components 9934, 12498
  - *Anacardium occidentale,* yield components 12710
  - *Biserrula pelecinus,* morphology 6375
  - *Brassica campestris* (toria), yield components 5680
  - *Caladenia tentaculata,* population genetics 9198
  - *Cicer arietinum,* yield components 380, 3122, 9863
  - *Coffea*
    - gene banks 11797
    - genetic resources 11797
  - *Colocasia esculenta,* yield components 1357
  - *Cucumis melo,* yield components 12592
  - *Dactylis glomerata,* palatability 8736
  - *Dahlia pinnata,* quality 9192
  - *Dianthus,* morphology 12919
  - *Dichanthium annulatum,* morphology 12299
  - *Dioscorea,* morphology 9917
  - *Dioscorea quartiniana,* morphology 9917
  - *Eulaliopsis binata,* yield components 12298
  - *Ficus carica,* fruits 6731
  - *Fragaria,* sugars 1481
  - *Fragaria ananassa,* sugars 1481
  - genetic variance 10560
  - *Gladiolus,* yield components 8335
  - *Glycine max*
    - development 1278
    - yield components 1278
  - *Gossypium hirsutum,* yield components 5782, 11415
  - *Guizotia abyssinica,* yield components 653
  - *Hevea*
    - gene banks 11797
    - genetic resources 11797
  - *Leucaena*
    - *Heteropsylla cubana* 334
    - yield components 334
  - *Leucaena leucocephala*
    - *Heteropsylla cubana* 334
    - yield components 334
  - *Linum usitatissimum* (linseed), yield components 5687, 12732
  - lipids 944
  - *Lolium perenne,* nutritive value 305
  - *Medicago sativa*
    - morphology 7674
    - taxonomy 7677
  - *Morus,* morphology 5625
  - *Olea europaea,* variety classification 11312

Multivariate analysis *cont.*
- *Ornithopus compressus,* morphology 6375
- *Oryza nivara,* yield components 12212
- *Oryza rufipogon,* yield components 12212
- *Oryza sativa*
  - gene banks 11797
  - genetic resources 11797
  - quality 9685, 12223
  - seeds 9685
  - yield components 2107, 5201, 6279, 9691, 10832, 10835-10836, 12212
- *Pachyrhizus,* morphology 2271
- *Papaver setigerum,* fatty acids 7145
- *Papaver somniferum,* fatty acids 7145
- *Passiflora,* taxonomy 3368
- *Phaseolus vulgaris*
  - variety classification 6423
  - yield components 7741
- *Pouteria sapota*
  - fruits 10085
  - plant composition 10085
- *Prunus armeniaca,* seeds 10028
- *Prunus persica,* quality 5600
- *Quercus petraea* 739
- *Rosa,* chemotaxonomy 5847
- *Saccharum officinarum,* quantitative traits 665
- *Solanum melongena,* yield components 5552
- *Solanum tuberosum*
  - morphology 4272
  - yield components 4269
- *Sorghum bicolor*
  - gene banks 11797
  - genetic resources 11797
  - yield components 5140-5141
- *Tagetes,* morphology 9180
- *Theobroma cacao,* yield components 5747
- *Thymus baeticus,* essential oils 5909
- *Triticum,* yield components 4993
- *Triticum aestivum*
  - genetics 966
  - variety classification 1930
  - yield components 2843, 4998, 11859
- *Triticum durum*
  - isoenzymes 3849
  - yield components 2843, 3849, 10615
- *Vigna radiata,* yield components 7787, 12434
- *Vigna umbellata,* yield components 11017
- *Zea mays*
  - heterosis 7480
  - random amplified polymorphic DNA 7480
  - *Sesamia nonagrioides* 7505
  - yield components 185, 8648, 12085

Mung bean yellow mosaic bigeminivirus, *Vigna radiata,* genetics 12438

Murraya paniculata
- *Citrus,* protoplast fusion 8007
- cultivars, Min-a-Min 4698

Musa
- *Agrobacterium tumefaciens,* genetic transformation 2394
- 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase, nucleotide sequences 9007
- amplified fragment length polymorphism 7997
- anther culture 2403
- antifungal proteins
  - gene expression 2408
  - genetic transformation 2408
- biotechnology 1501, 7998
- breeding 1500, 2327, 2388, 4471, 7996
  - conferences 2693
  - reports 8409
- cell culture 2392, 11226
- chloroplasts 2395
- chromosome number 4473
- clonal variation 2386
- colchicine 4472
- cultivars
  - PITA15 1500
  - PITA16 1500
  - PITA19 1500
  - PITA20 1500

Musa *cont.*
- dimethyl sulfoxide 10069
- DNA 10067
- enzymes, somaclonal variation 2398
- ethyl methanesulfonate 10069
- ethylene receptor, nucleotide sequences 6740
- flowering, genetic transformation 7999
- *Fusarium* 8002
- *Fusarium oxysporum* 2407, 12684
  - *in vitro* selection 8003, 10069
  - induced mutations 568, 10069
- gamma radiation 4472
- genetic markers 4471
- genetic resources 2385, 2387, 10065
- genetic transformation 2386, 2392
- genomes 1504, 1506
- height, somaclonal variation 2397
- hybrid varieties 1500
- *in vitro* culture 7996
- isoenzymes 1505, 4473, 5632
  - polymorphism 1506
- leaves 5631
- *Meloidogyne incognita* 12685
- microsatellites 4470
- morphology
  - somaclonal variation 2399
  - statistics 2399
- mutagens 4472, 10069
- *Mycosphaerella* 2407
- *Mycosphaerella fijiensis* 8002, 12683
- *Mycosphaerella musicola* 4475
- photosynthesis 1504
- phytoalexins 2406, 8001
- plant disorders 3356
- pollen 2395
- polyploidy 1500, 1503, 2395, 5631
  - techniques 4472
- *Pratylenchus coffeae* 2409
- *Pratylenchus goodeyi* 11227
- proteins, somaclonal variation 2398
- protoplast culture 2401
- quality 2405, 8000
  - books 3663
- *Radopholus similis* 2409, 12685
- random amplified polymorphic DNA 7997, 9006
- repetitive DNA 4470
- ripening 2405, 3356
  - gene expression 2396
- roots 9008
- somaclonal variation 2402
  - amplified fragment length polymorphism 5630
  - random amplified polymorphic DNA 2393
- somatic embryogenesis 2404, 10068
- stability 4474
- stomata, techniques 4472
- sugarcane bacilliform badnavirus
  - gene expression 10066
  - genetic transformation 10066
  - nucleotide sequences 10066
  - promoters 10066
- techniques
  - cytology 1502
  - tissue culture 1507
- tissue culture 2386, 2392, 2400, 6741, 10068, 11226
- variety classification 1505
- variety trials 566, 1499, 2389-2391
- water balance 1504
- yield components 5633
  - combining ability 3357
  - heterosis 3357
- yield correlations 567

Musa acuminata, ribosomal RNA, gene mapping 5629

Musa balbisiana, ribosomal RNA, gene mapping 5629

Muscari comosum
- chromosome translocation 7114
- isoenzymes, genetics 7114
- size 7114

Mutagens
- *Arabidopsis thaliana* 898, 909, 4864-4865, 4885, 7257, 7266, 9356, 10538
- *Arachis hypogaea* 3464, 3470, 3474
- *Brassica campestris* 6794
- *Brassica campestris* (turnips) 9911

Mutagens *cont.*
- *Brassica carinata* 6824
- *Brassica juncea* 5674, 5677
- *Brassica napus* (rape) 6794, 6808, 6829
- *Camelina sativa* 6883
- *Capsicum annuum* 1396
- *Catharanthus roseus* 7141
- *Cicer arietinum* 3119
- *Crambe abyssinica* 6882
- *Crossandra infundibuliformis* 11521
- *Curcuma longa* 10442
- *Cymbopogon martinii* 1787
- *Dendranthema* 7099
- *Dendranthema morifolium* 2630
- *Digitaria decumbens* 9744
- *Eremochloa ophiuroides* 5244
- *Glycine max* 3076, 5309
- *Gossypium hirsutum* 8174
- *Helianthus annuus* 8061, 8067, 10154, 11278
- *Hordeum vulgare* 1036, 1996, 3915, 3926-3927, 6169, 9550, 9565
- *Lathyrus sativus* 6372
- *Lens culinaris* 1307
- *Linum usitatissimum* (flax) 6977
- *Lupinus albus* 10921
- *Lupinus mutabilis* 10920
- *Lycopersicon esculentum* 6557, 8881
- *Musa* 4472, 10069
- *Nicotiana tabacum* 10228
- *Nigella sativa* 5906, 12962
- *Oryza sativa* 10846-10847
- *Pharbitis purpurea* 5848
- *Phaseolus lunatus* 10969
- *Phaseolus vulgaris* 8782, 9820
- *Pisum sativum* 376, 3110, 5375, 5392, 6437
- *Plantago ovata* 11590
- *Raphanus sativus* 9922
- *Saccharum officinarum* 11345
- *Sesamum indicum* 5715, 6877
- *Solanum melongena* 5551
- *Sorghum bicolor* 10743
- *Sorghum subglabrescens* 10743
- *Tradescantia* 937, 4918
- *Tradescantia pallida* 938
- *Tradescantia paludosa* 938
- *Tripsacum dactyloides* 5131
- triticale 6191
- *Triticum aestivum* 2853, 8592, 10624
- *Vicia faba* 938, 9814
- *Vigna mungo* 3137, 11015, 12431
- *Vigna radiata* 3133, 5446, 6464, 9877-9878, 11014
- *Vigna unguiculata* 6457
- *Zea mays* 211, 2033, 5120, 9612, 12064

Mutations 10567-10568
- (*see also* Back mutations; Chromosome aberrations; Induced mutations)
- adenylate translocator, *Zea mays* 192
- *Adiantum capillus-veneris*
  - chloroplasts 10412
  - light 10412
- ADPglucose pyrophosphorylase 9275
- *Amaranthus edulis*
  - glycine dehydrogenase (decarboxylating) 5062
  - malate dehydrogenase 2129
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 7881
  - photorespiration 5062
  - photosynthesis 4084
- *Antirrhinum majus*
  - development 11546
  - flowers 11546
- *Arabidopsis*
  - development 8474
  - flowering 8473
  - light 4886
  - photosynthesis 4886
- *Arabidopsis thaliana* 9290
  - abscisic acid 48, 54, 913, 920, 1846, 2776, 4880-4881
  - acid phosphatase 1855
  - *Agrobacterium tumefaciens* 893
  - alcohol dehydrogenase 2765, 9334
  - androecium 4866
  - anthocyanins 11764
  - ascorbic acid 6009
  - ATP synthase 8491

Arabidopsis thaliana cont.
  auxins 1866, 2528, 3741, 6015, 10541
  brassinosteroids 903, 1920, 4884, 4934, 6018, 8483, 8498, 10532, 10534
  carbohydrates 906
  cell division 911-912, 4861
  cells 51
  cellulase 51
  cellulose synthase 9345
  chalcone isomerase 9375
  chlorophyll *a/b* binding protein 2775
  chloroplasts 43, 924, 3745, 3747, 6028
  circadian rhythm 9352
  cold resistance 3761
  colour 9339
  cryptochrome 926
  cucumber mosaic cucumovirus 1880
  cytochrome P-450 2745
  cytochromes 7240
  cytokinins 1853, 4861
  D-1-deoxyxylulose-5-phosphate synthase 8482
  development 66, 894, 907-908, 925, 1848, 1862, 2757, 2774, 3741, 3743, 4888, 7219, 7242, 9318, 9344, 10546, 11762
    gene expression 3748
  diseases 4909
  DNA 4859
  endosperm 6007
  epidermis 911, 11754
  Erysiphe orontii 1879
  ethylene 50, 53, 1853, 1859, 2785, 6015, 9333
  farnesyl-diphosphate farnesyltransferase 48
  fatty acids 921
  fertilization 6007
  flowering 1847, 9318, 9340, 10531, 11762
    gene expression 3748
  flowers 912, 10533
  fluorescence 1869
  fucose 9335
  fungicides 1878
  galactolipid diacylglycerol 8486
  gene expression 4859
  germination 9334
  gibberellins 914, 6031, 10521, 11770
  glucose 50, 57
  glucosinolates 9380
  glutamate synthase 1856
  glycans 9335
  growth regulators 50, 57, 913-914, 922-923, 1846, 1866, 2776, 2785, 3741, 4880-4881, 4934, 6015, 6031, 8498, 9333, 9380, 10541, 11766
  gynoecium 2757
  haem oxygenase 6024
  height 8498
  herbicides 3765
  IAA 56, 59, 9380, 11766
  inflorescences 7244, 8493
  jasmonic acid 69, 922-923
  leaves 8493
  lethals 1844
  light 38, 925, 9310, 9331
  lignin 7253
  lipids 8486
  male sterility 7242, 9316
  meristems 10546
  methyl jasmonate 2785
  ovules 3737
  oxidoreductases 11776
  oxygenases 921
  paraquat 3765
  pathogenesis-related proteins 4908
  Peronospora parasitica 67, 1878, 10554
  phosphatidylcholine desaturase 921
  photorespiration 9336
  photosynthesis 10544
  phytochrome 29, 38, 55, 907-908, 915, 926, 1852, 1857, 6008, 6019, 6024, 7260, 11770
  phytosterols 61
  plant embryos 894, 10546

Arabidopsis thaliana cont.
  plant hairs 2770
  Plasmodiophora brassicae 9380
  pollen 37, 7242
  proteins 924, 1849
  Pseudomonas syringae 67, 3762, 9379
  Pythium irregulare 69
  respiration 7240
  roots 1848, 2528, 6015
  salinity 11776
  seed production 4881
  seeds 906, 1849, 9339
  sexual reproduction 11754
  shade 7254
  somatic embryogenesis 1868
  starch 62, 1847, 11759
  sterility 1844, 1861
  stomata 1846
  stress 66
  sucrose 57, 2774
  tobacco etch potyvirus 4913
  translocation 43
  trichomes 9342
  tropisms 1845, 1863, 3740, 4877, 6035, 8495, 9358, 11763
  tryptophan 1848
  turnip crinkle carmovirus 1880
  turnip vein-clearing virus 3764
  variegation 3745, 3747
  violaxanthin deepoxidase 8488, 8490
  volatile compounds 2765
  zeaxanthin epoxidase 8490
Arachis hypogaea, chlorophyll 3466
Brassica napus (rape), fatty acids 6823
brassinosteroids 11809
Chamomilla recutita, inflorescences 11589
Cicer arietinum, nodulation 3125, 5420
Coffea arabica
  caffeine 2512
  methyltransferases 2512
Convolvulus prostratus, flowers 5854
Coprinus cinereus, self compatibility 8399
Corchorus capsularis
  colour 3555
  seeds 3555
Corchorus olitorius
  colour 3555
  seeds 3555
crops, flavonoids 6067
Cuphea viscosissima, oils 1582
Cynodon, DNA fingerprinting 12287
Dendranthema morifolium 3597
development 10578
Festuca pratensis, senescence 12279
Ficus microcarpa, dehydroascorbate reductase 12682
Flaveria bidentis, photosynthesis 4084
Glycine max
  chlorophyll 5311-5312
  colour 2171
  ethylene 9806, 10956
  growth regulators 9806, 10956
  leaves 2171, 5299, 8768
  linolenic acid 352
  malate dehydrogenase 2171, 8768
  nodulation 6401, 8773, 9806, 10956
  palmitic acid, genetics 8771
  seeds 2171
Gossypium barbadense, leaves 8172
Gossypium hirsutum
  fibres 10248
  seeds 1639
  sucrose synthase 1639
Helianthus annuus
  abscisic acid 8064, 11283
  chlorophyll 4527
  fatty acids 6854
  growth regulators 8064
  oleic acid 638
  palmitic acid 5695, 6849, 6853
  stearic acid 6853
  superoxide dismutase 11283
history 2789
Hordeum vulgare 9558
  air pollution 3920
  catalase 3920
  cellulose 9560

Hordeum vulgare cont.
  chlorophyll 159, 164, 2880, 3922, 3929, 5064, 5069
  chloroplasts 8605
  Erysiphe graminis 3939, 11960
  ferrochelatase 1995
  gibberellins 9554
  glycine dehydrogenase (decarboxylating) 5062
  greening 8608
  inflorescences 172, 3916
  Magnaporthe grisea 11960
  ozone 3920
  photoperiodism 6166
  photorespiration 5062
  photosynthesis 3929, 8606
  phytic acid 11815
  phytochrome 6166
  proteins 8605
  protoporphyrin 5069
Lens culinaris, height 9851
Linum usitatissimum (flax), *Melampsora lini* 2560
Lotus japonicus, nodulation 325
Lycopersicon esculentum
  abscisic acid 3244, 4353, 5528, 11107
  anthocyanins 5529
  auxins 11105
  brassinosteroids 1920, 4934, 5532
  development 5530-5531
  ethylene 11105, 12531
  gibberellins 5526, 11106
  growth regulators 3244, 4353, 4934, 5528, 11106
  habit 11106
  height 5532
  inflorescences 5530
  light 8885
  magnetism 9970
  male sterility 5526, 6558, 12533
  mycorrhizas 479
  pectinesterase 477
  phytochrome 2299, 4352, 8528, 8887, 11109
  regenerative ability 12533
  ripening 477, 1383, 2301, 9969, 12531
  transpiration 2297
  tropisms 8887, 9970, 11105
  xanthophyll 5528, 8885
Lycopersicon peruvianum, chlorophyll 12530
Malus pumila 1420
  colour 4396
  fruits 4396
Manihot esculenta 11051
Medicago sativa, inflorescences 12308
microsatellites 882
Morus, development 3346
Nicotiana alata, flowers 4584
Nicotiana plumbaginifolia, aldehyde oxidase 4587
Nicotiana sylvestris
  cytoplasmic male sterility 12809
  NADH dehydrogenase 12809
Nicotiana tabacum
  auxins 2528
  NADH dehydrogenase 9104
  NAD(P)H dehydrogenase 9102
  NAD(P)H-plastoquinone-oxidoreductase 9103
  RNA polymerase, chloroplast genetics 10225
  roots 2528
Oenothera, ribulose-bisphosphate carboxylase 3602
Oryza sativa 7564
  actin 4041
  alcohol dehydrogenase 3016
  amylases 4045
  amylose 5211
  auxins 4041
  chlorophyll 5197
  development 10828
  diseases 12235
  G proteins 12200
  growth period 1170
  growth regulators 4041
  height 1170, 5168, 7529, 12200, 12235

Oryza sativa cont.
  homeotic genes 5168
  leaves 5189
  lysine 12222
  Magnaporthe grisea 5221
  5-methyltryptophan 2090
  nutritive value 12222
  roots 10828
  senescence 5189
Pennisetum glaucum, chlorophyll 6245
Phaseolus vulgaris, cytoplasmic male sterility 8783
Pisum sativum
  abscisic acid 7758
  brassinosteroids 1920, 4934, 6438
  development 3112, 5371
  gibberellic acid 2209
  gibberellins 7758, 9837
  glycoproteins 6442
  growth regulators 2209, 4934
  internodes 2209
  iron 3114
  leaves 3112, 5371
  legumin 5381
  light 9835
  nitrogen fixation 2212, 5383
  nodulation 4222, 6442, 7763, 10990
  nutrients 3114
  photosynthesis 9835
  Rhizobium 3113
  starch 5383, 9845
  starch synthase 7760
  sucrose synthase 5370, 10989
  symbiosis 6442
  vicilin 5381
Prunus persica, growth period 3291
Pyrus communis 3273
Raphanus sativus
  chlorophyll 12493
  morphology 12493
Saccharum officinarum
  internodes 5730
  variegation 5730
Saintpaulia ionantha, flavonoids 1737
Secale cereale
  chromosome pairing 7457
  leaves 9582
  necroses 9582
  self compatibility 7459
  self incompatibility 7458
selection 8515
Setaria italica
  gibberellic acid 2063
  growth regulators 2063
  height 2063
Silene, plastocyanins 11534
Solanum tuberosum, glucose-1-phosphate adenylyltransferase 403, 1332
Sorghum bicolor
  cytoplasmic male sterility 5136
  ethylene 10748
  growth regulators 10748
  male sterility 10742
  phytochrome 10748
Spartina alterniflora, height 8752
Spinacia oleracea, NAD(P)H dehydrogenase 9102
Trigonella foenum-graecum
  morphology 8370
  nitrogen fixation 8373
Triticum aestivum
  chromosome pairing 1944, 3839
  drought resistance 10633
  endosperm 6125
Zea mays 12020
  abnormal development 12071
  anthocyanins 3969
  cell division 2032, 2927
  chlorophyll 12067-12068
  chloroplasts 5105
  chromosome pairing 1067, 2031
  Cochliobolus heterostrophus 2051
  colour 12051, 12065
  development 201, 2032, 2924, 2927, 7485, 12048, 12081
  digestibility 5122
  drought resistance 6222
  endosperm 2924, 8635
  fertilization 2921
  β-fructofuranosidase 6213
  gametes 7485
Zea mays cont.
  glumes 12061
  height 2927, 12074
  inflorescences 12066
  iron 9629
  leaves 1072, 2032, 2927, 8640, 9611, 12057, 12063, 12081
  ligules 11994
  male sterility 12031, 12038-12040
  mitochondria 1068
  NADH dehydrogenase 5095, 8636
  naringenin-chalcone synthase 12049
  nutrients 9629
  ovules 7485
  phenolic compounds 5122
  phosphoenolpyruvate carboxylase 200
  photosynthesis 12055
  phytic acid 11815
  plant embryos 2921
  plant hairs 12062
  plastoquinone 5105
  pollen 12031
  proteins 1068
  Puccinia sorghi 12126
  recombination 5099
  roots 2036, 12048
  seeds 2039, 2924
  shoots 12071
  spikelets 201
  starch 8652
  sucrose synthase 216
Mutator genes, *Zea mays* 12009
Mycorrhizas
  Eucalyptus globulus, gene expression 4637
  Lycopersicon esculentum, mutations 479
  molecular genetics 4159
  Pisum sativum, gene expression 12397
  Saccharum bengalense 6896
  Saccharum officinarum 6896
  Saccharum spontaneum 6896
  Trifolium repens, gene expression 12318
Mycosphaerella *(see also Didymella)*
  Eucalyptus 4639
  Musa 2407
Mycosphaerella arachidis, *Arachis hypogaea* 10174
Mycosphaerella berkeleyi, *Arachis hypogaea* 3472, 6868, 8084
Mycosphaerella brassicicola, Brassicaceae, techniques 2463
Mycosphaerella fijiensis, *Musa* 8002, 12683
Mycosphaerella graminicola
  Aegilops tauschii 3884
  Triticum aestivum 7400, 10639
    artificial selection 1978
    combining ability 7401
    germplasm releases 7399
  Triticum durum 3884
Mycosphaerella musicola, *Musa* 4475
Mycosphaerella pinodes
  Pisum sativum 377, 5391, 10992, 12401
    heritability 12402
    techniques 5389
Mycotoxins, *Zea mays,* reviews 6226
***Myo*-inositol,** *Solanum tuberosum,* genetic transformation 2237
***Myo*-inositol-1-phosphate synthase**
  Hordeum vulgare, gene mapping 11815
  Oryza sativa
    gene expression 4042
    nucleotide sequences 4042
  Zea mays, gene mapping 11815
Myrica rubra, cultivars, Dongkui Yangmei 5655
Myriocladus, taxonomy 5914
Myristic acid, *Brassica napus* (rape) 616
Myrothecium roridum, *Glycine max* 12356
Myrtus communis
  genetic resources 87
  tissue culture 7074, 9163
  vegetative propagation 707
Myzus nicotianae
  Nicotiana gossei 4597
  Nicotiana tabacum 4597
  Solanum tuberosum 8842
Myzus persicae
  Arabidopsis thaliana, techniques 1882
  Prunus davidiana 12663
  Prunus persica 4446, 12663
Myzus persicae *cont.*
  Solanum tuberosum, genetic transformation 6494
NAA
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 3754
    nucleotide sequences 3754
NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 188, 4900
    nucleotide sequences 188
  Glycine max 4900
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 188
  Zea mays
    gene expression 188
    nucleotide sequences 188, 2015
NADH dehydrogenase
  Brassica napus (rape), gene expression 5666
  Callitriche heterophylla, nucleotide sequences 1744
  Callitriche verna, nucleotide sequences 1744
  Nicotiana sylvestris
    mitochondrial genetics 1615, 12809
    mutations 12809
    nucleotide sequences 1615
  Nicotiana tabacum 10236
    genetic transformation 1618-1619, 9104
    mutations 9104
  Picea abies
    cytoplasmic inheritance 12892
    mitochondrial genetics 12892
  Pinus, mitochondrial genetics 7017
  Pisum sativum, gene expression 9832
  Pteridopsida, phylogeny 7130
  Zea mays
    mitochondrial genetics 5095, 8636
    mutations 5095, 8636
NADPH-cytochrome P450 oxidoreductase
  Nicotiana tabacum
    gene expression 686
    nucleotide sequences 686
NAD(P)H dehydrogenase
  Nicotiana tabacum
    gene expression 9102
    mutations 9102
  Spinacia oleracea
    gene expression 9102
    mutations 9102
NADPH oxidoreductase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 1826
    nucleotide sequences 1826
NAD(P)H-plastoquinone-oxidoreductase
  Nicotiana tabacum
    gene expression 9103
    mutations 9103
Naked grain
  Hordeum vulgare 167-168, 5054, 6163-6164, 10665
  Oryza sativa 2093
Narcissus confusus
  alkaloids, tissue culture 7116
  somatic embryogenesis, tissue culture 7116
Narcissus triandrus
  fertilization 10392
  self incompatibility 10392
Nardus gangitis, nomenclature 5245
Naringenin-chalcone synthase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 2771
    genetic transformation 3731
    recombination 3731
  Bromheadia finlaysoniana
    gene expression 2658
    nucleotide sequences 2658
  Catharanthus roseus
    gene expression 12949
    nucleotide sequences 12949
  Cicer arietinum, nucleotide sequences 10995
  Citrus sinensis
    gene expression 12690
    nucleotide sequences 12690
  Glycine max
    gene expression 7711
    nucleotide sequences 7711

- **Naringenin-chalcone synthase** *cont.*
  - *Hydrangea macrophylla*
    - gene expression 12904
    - nucleotide sequences 12904
  - *Medicago sativa,* gene expression 3055
  - *Nicotiana benthamiana*
    - gene expression 3524
    - genetic transformation 3524
  - *Nicotiana sylvestris,* nucleotide sequences 3524
  - *Persea americana,* nucleotide sequences 6751
  - *Petunia*
    - gene expression 1747
    - genetic transformation 1747
  - *Petunia hybrida*
    - gene expression 8322
    - genetic transformation 8322
    - induced mutations 10378
  - *Pisum sativum* 5391
  - *Torenia fournieri,* genetic transformation 9168
  - *Zea mays*
    - gene expression 12049
    - mutations 12049
    - nucleotide sequences 12049
- ***Nasonovia ribisnigri,*** *Lactuca sativa* 4342
- ***Nassella pulchra***
  - isoenzymes, genetic variation 308
  - quantitative traits, genetic variation 308
- ***Nasturtium,*** phylogeny, chloroplast genetics 3793
- **Natural selection**
  - *Arrhenatherum elatius,* morphology 309
  - *Brassica campestris* 6841
  - *Campanula punctata*
    - flowers 12914
    - pollen 12914
  - *Chenopodium album* 6841
  - competitive ability 5940
  - *Datura wrightii,* plant hairs 12957
  - diseases, reviews 2722
  - female fertility 1904
  - *Festuca arundinacea,* grazing 6329
  - flowers 1904
  - *Iris brevicaulis* 2643
  - *Iris fulva* 2643
  - *Iris pumila,* leaves 3614
  - *Lesquerella fendleri,* germination 651
  - *Lotus corniculatus,* flowering 2154
  - mathematics 11794
  - reviews 2795
  - *Rubus spectabilis*
    - colour 5603
    - seeds 5603
  - self pollination 7280
  - sex 7280
  - *Triticum aestivum,* restriction fragment length polymorphism 4966
  - *Triticum dicoccoides* 8550
  - *Zea mays,* seeds 2039
- **Necroses**
  - *Secale cereale,* mutations 9582
  - *Zea mays,* genetics 12077
- **Nectar**
  - *Alcea rosea* 8309
  - angiosperms 4920
  - *Antirrhinum majus* 8309
  - *Consolida* 8309
  - Orchidaceae 3619
  - *Tagetes patula* 8309
  - *Tropaeolum majus* 8309
  - *Viola wittrockiana* 8309
- **Nectaries**
  - *Gossypium,* genetics 11413
  - *Gossypium hirsutum* 11436
    - germplasm releases 4609
- ***Nectria,*** *Malus pumila,* random amplified polymorphic DNA 6655
- ***Nectria galligena,*** *Malus pumila* 6652
- ***Nelumbo nucifera***
  - heterosis 3188
  - phylogeny 7838
  - random amplified polymorphic DNA 7838
- **Nematicides,** cereals 11827
- **Nematoda**
  - crops
    - gene expression 8441
    - genetic transformation 8441
  - *Dioscorea* 12491
- **Nematoda** *cont.*
  - genetic engineering 1814
  - genetic transformation 3697-3698, 3701, 11683
  - *Glycine max* 12367
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 11136
    - nucleotide sequences 11136
  - proteinase inhibitors, genetic transformation 11682
  - *Prunus dulcis* 3377
  - *Prunus persica* 3377
- ***Nemophila menziesii,*** inbreeding depression 5855
- **Neomycin phosphotransferase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 6927
    - genetic transformation 6927
- ***Neotyphodium,*** *Festuca,* techniques 12283
- ***Neovossia*** *(see Tilletia)*
- ***Nepenthes alata***
  - nitrogen
    - gene expression 5889
    - nucleotide sequences 5889
  - translocation
    - gene expression 5889
    - nucleotide sequences 5889
- ***Nepenthes mira,*** taxonomy 8350
- ***Nepenthes wilkiei,*** taxonomy 8350
- ***Nepeta cataria,*** plant hairs 5899
- ***Nepeta makuensis,*** taxonomy 7101
- ***Nephelium*** *(see also Litchi)*
- ***Nephotettix cincticeps***
  - *Oryza sativa*
    - gene mapping 1207, 6301
    - restriction fragment length polymorphism 1207
- ***Nephrolepis multiflora,*** tissue culture 4760
- ***Nerine***
  - *Amacrinum,* intergeneric hybridization 12930
  - *Amaryllis belladonna,* intergeneric hybridization 12930
  - *Amaryne,* intergeneric hybridization 12930
  - *Cyrtanthus elatus,* intergeneric hybridization 12930
  - *Hippeaskeria,* intergeneric hybridization 12930
  - interspecific hybridization 12930
  - *Lycoris africana,* intergeneric hybridization 12930
  - *Sprekelia formosissima,* intergeneric hybridization 12930
- ***Nerium oleander,*** pollination 777
- **Neurotoxins**
  - *Lathyrus sativus*
    - DNA hybridization 6374
    - somaclonal variation 5272, 6374
- **Neutron radiation,** *Brassica juncea* 10141
- **Nickel**
  - *Oryza sativa* 287, 4070
  - *Setaria italica, in vitro* selection 1104
  - *Vigna radiata,* artificial selection 3146
- ***Nicotiana***
  - chloroplast genetics 6064
  - gene banks, catalogues 9084
  - *Meloidogyne incognita* 11393
  - restriction fragment length polymorphism 6925
  - taxonomy, molecular genetics 8150
  - tumours, genetics 9106
- ***Nicotiana africana,*** protoplast culture 5768
- ***Nicotiana alata***
  - allergens, genetic transformation 10812
  - cytoplasmic male sterility
    - cytoplasmic inheritance 1621, 9095
    - repetitive DNA 1621
  - flowers, mutations 4584
  - gamma radiation 12810
  - interspecific hybridization 9095
  - proteinase inhibitors, genetic engineering 12816
  - protoplast fusion 1621
  - self incompatibility, induced mutations 12810
- ***Nicotiana benthamiana***
  - abscisic acid, genetic transformation 913
  - anthers
    - gene expression 3524
    - genetic transformation 3524
- ***Nicotiana benthamiana*** *cont.*
  - antibodies
    - genetic engineering 3514
    - genetic transformation 3514, 12798
  - beet necrotic yellow vein furovirus, genetic transformation 6944
  - calmodulin
    - gene expression 7109
    - genetic transformation 7109
  - cassava African mosaic bigeminivirus
    - gene expression 5775
    - genetic transformation 5775
  - gene expression 1613
  - genetic transformation 1613
    - techniques 5752
  - grapevine A trichovirus
    - gene expression 11389
    - genetic transformation 11389
  - grapevine B trichovirus
    - gene expression 11389
    - genetic transformation 11389
  - growth regulators, genetic transformation 913
  - immunology
    - gene expression 8157
    - genetic transformation 8157
  - naringenin-chalcone synthase
    - gene expression 3524
    - genetic transformation 3524
  - peanut clump furovirus, genetic transformation 6944
  - pepper mild mottle tobamovirus
    - gene expression 12828
    - genetic transformation 12828
  - *Phytophthora nicotianae*
    - gene expression 3524
    - genetic transformation 3524
  - plum pox potyvirus, genetic transformation 12821, 12823
  - potato X potexvirus, genetic transformation 11388
  - proteins, gene expression 11368
  - *Pseudomonas syringae*
    - gene expression 11122
    - genetic transformation 11122
  - sweet potato feathery mottle potyvirus
    - gene expression 12825
    - genetic transformation 12825
  - tobacco mosaic tobamovirus, gene expression 11388
  - tomato spotted wilt tospovirus
    - gene expression 8157
    - genetic transformation 8157
  - viruses, gene expression 1633, 12827
- ***Nicotiana debneyi***
  - interspecific hybridization 6943
  - *Peronospora tabacina* 6943
  - *Thielaviopsis basicola*
    - random amplified polymorphic DNA 6925
    - repetitive DNA 6925
- ***Nicotiana glauca***
  - *Agrobacterium rhizogenes*
    - evolution 10215
    - gene expression 10215
  - glycoproteins 8132
  - self incompatibility 8132
- ***Nicotiana glutinosa***
  - pathogenesis-related proteins
    - gene expression 10238
    - nucleotide sequences 10238
- ***Nicotiana gossei***
  - interspecific hybridization 4597
  - *Myzus nicotianae* 4597
  - phenolic compounds 4597
- ***Nicotiana occidentalis***
  - grapevine A trichovirus
    - gene expression 11389
    - genetic transformation 11389
  - grapevine B trichovirus
    - gene expression 11389
    - genetic transformation 11389
- ***Nicotiana paniculata,*** elongation factors, nucleotide sequences 5753
- ***Nicotiana plumbaginifolia***
  - abscisic acid, gene expression 3531
  - adenosinetriphosphatase
    - gene expression 11376
    - nucleotide sequences 11376
  - aldehyde oxidase
    - gene expression 4587

***Nicotiana plumbaginifolia** cont.*
- aldehyde oxidase *cont.*
  - mutations 4587
- calreticulin
  - gene expression 2525
  - nucleotide sequences 2525
- DNA binding proteins
  - gene expression 4575
  - nucleotide sequences 4575
- dormancy
  - gene expression 10232
  - genetic engineering 10232
- β-fructofuranosidase
  - gene expression 430
  - genetic transformation 430
- glucanases, genetic engineering 5771
- glutamate dehydrogenase, nucleotide sequences 10217
- growth regulators, gene expression 3531
- nitrate reductase, molecular genetics 4582
- plant embryos 2525
- somatic embryogenesis 2525
- sucrose 1F-fructosyltransferase
  - gene expression 430
  - genetic transformation 430
- superoxide dismutase, genetic engineering 8661
- zeaxanthin epoxidase
  - gene expression 3531, 10232
  - genetic engineering 10232

***Nicotiana rustica**,* RNA, nucleotide sequences 2518

Nicotiana sylvestris
- adenosinetriphosphatase
  - gene expression 2522
  - nucleotide sequences 2522
- binding proteins
  - gene expression 9088
  - nucleotide sequences 9088
- chitinase
  - gene expression 6935
  - genetic transformation 6935
- chlorophyll
  - gene expression 9088
  - nucleotide sequences 9088
- cyclins
  - gene expression 4579
  - genetic transformation 4579
- cytoplasmic male sterility
  - mitochondrial genetics 1615, 12809
  - mutations 12809
  - nucleotide sequences 1615
- glucanases
  - gene expression 6935
  - genetic transformation 6935
- NADH dehydrogenase
  - mitochondrial genetics 1615, 12809
  - mutations 12809
  - nucleotide sequences 1615
- naringenin-chalcone synthase, nucleotide sequences 3524
- phytochrome, genetic transformation 2526
- promoters
  - gene expression 4579
  - genetic transformation 4579
- ribonucleases
  - gene expression 6931
  - nucleotide sequences 6931
- ribosomal DNA, nucleotide sequences 12802
- self incompatibility
  - gene expression 6931
  - nucleotide sequences 6931

Nicotiana tabacum
- abscisic acid, gene expression 700, 4591
- acetate kinase
  - gene expression 1622
  - genetic transformation 1622
- actin 1917
- activase
  - gene expression 8138
  - genetic transformation 8138
- adenosinetriphosphatase
  - gene expression 5761
  - genetic transformation 6932
  - nucleotide sequences 5761
- adenosylmethionine decarboxylase
  - cell culture 3529
  - gene expression 3529

***Nicotiana tabacum** cont.*
- *Agrobacterium rhizogenes,* genetic transformation 2532, 10216
- *Agrobacterium tumefaciens*
  - gene expression 2520
  - genetic transformation 2520, 3517
  - promoters 2520
- air pollution 9105
  - gene expression 2535
- albumins, genetic transformation 4081
- alfalfa mosaic alfamovirus
  - gene expression 12501
  - genetic transformation 4595, 12501
- alkaloids, germplasm releases 2534
- allene oxide synthase, genetic transformation 10527
- allergens, genetic transformation 10812
- *Alternaria alternata* 11386
- alternative oxidase
  - gene expression 698, 704, 8133
  - genetic transformation 698, 8133, 11375
- aluminium, genetic engineering 8439
- amino acids 2249
- 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
  - gene expression 11374
  - genetic transformation 11374
- 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
  - gene expression 9875
  - genetic transformation 9875
- amyloplasts, gene expression 6939
- annexins
  - gene expression 4580
  - nucleotide sequences 4580
- anthers
  - gene expression 10397
  - genetic transformation 10397
- antibodies, genetic transformation 3522, 11387, 12826
- antifreeze proteins, genetic transformation 413
- antigens, genetic transformation 12801
- apoptosis
  - gene expression 8156, 11373
  - genetic transformation 11373
- aquaporin
  - gene expression 11378
  - nucleotide sequences 11378
- arginine decarboxylase
  - cell culture 3529
  - gene expression 3529
- aromatic-L-amino-acid decarboxylase
  - gene expression 3528, 4765
  - genetic transformation 3528, 4765
- artificial selection 682
- ascorbate peroxidase, gene expression 8156
- *Atropa belladonna,* genetic transformation 8137
- auxins
  - gene expression 91, 1071, 2529, 12812
  - genetic transformation 1071
  - mutations 2528
- *Bacillus thuringiensis*
  - gene expression 683-684, 705
  - genetic transformation 683-684, 705
- betaine, genetic transformation 2536
- binding proteins
  - gene expression 6933, 9085, 12812
  - genetic transformation 1287, 6933, 9085
  - nucleotide sequences 6923
- bioremediation, genetic transformation 8134
- breeding 3507-3508
- caffeate *O*-methyltransferase, genetic transformation 10446
- caffeoyl-CoA *O*-methyltransferase, genetic transformation 10446
- calcineurin, genetic transformation 6940
- calmodulin 697
  - gene expression 2523
  - nucleotide sequences 2523
- carbohydrates, gene expression 6937
- caspases 702
- catalase
  - gene expression 5476
  - genetic engineering 5476

***Nicotiana tabacum** cont.*
- CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase
  - gene expression 6092
  - genetic transformation 6092
- cell culture 2232, 2249, 6939, 9098, 10233
- cell division 1620, 5758, 10233
  - gene expression 4578, 5759
- cellulase
  - gene expression 11802
  - genetic transformation 11802
- chaperones
  - mitochondrial genetics 8128
  - nucleotide sequences 8128
- chitinase
  - gene expression 687, 5772, 8229
  - genetic transformation 5772, 8229
  - nucleotide sequences 687, 8130
- chloramphenicol *O*-acetyltransferase
  - gene expression 1622
  - genetic transformation 1622
- chloroplast genetics 9087, 9098
  - gene mapping 11371
  - genetic transformation 11720
- chloroplasts
  - gene expression 12806
  - genetic transformation 11720, 12806
- choline monooxygenase, genetic transformation 2536
- chorismate pyruvate-lyase
  - gene expression 3519
  - genetic transformation 3519
- chromosome morphology, tissue culture 3532
- chromosome number 2232
- cinnamyl-alcohol dehydrogenase
  - gene expression 699
  - genetic transformation 699, 8135
- cold resistance
  - gene expression 12815
  - genetic transformation 12815
- copper, *in vitro* selection 1629
- cryopreservation 2249
- cucumber mosaic cucumovirus
  - gene expression 1626, 11390
  - genetic transformation 1626, 11390
- cultivars
  - A545 3509
  - Burley-1317 4570
  - Byala Slatina A42 4571
  - Elenski-827 3510
  - Golden Tobacco VI 11360
  - Kharmanli-134 3512
  - Kharmanli-43 3511
  - Oxford-207 6921
  - Ruska-1 3513
  - Ruska-2 4569
  - VA355 6919
  - VA359 6920
- cyclin-dependent kinase, gene expression 9101
- cyclins, gene expression 3523, 4578
- cytochromes
  - gene expression 8144-8145
  - genetic transformation 8144-8145, 10223
- cytokinins
  - gene expression 1623, 6934, 8131
  - genetic transformation 6934, 8131
  - nucleotide sequences 1623
- cytoplasmic male sterility
  - cytoplasmic inheritance 1621, 9095
  - protoplast fusion 11548
  - repetitive DNA 1621
- defensins, nucleotide sequences 10224
- development 1626
  - gene expression 2084, 10234, 11366
  - genetic transformation 2084, 11366
  - nucleotide sequences 10234
- dihydrodipicolinate synthase, genetic transformation 7227
- diseases 6921
- DNA
  - gene expression 5751
  - genetic transformation 5751, 8137
- DNA binding proteins 11367
  - gene expression 2021, 2527, 2537, 3520, 6926, 10240, 10515
  - genetic transformation 6926, 10515
  - molecular genetics 2537

- ***Nicotiana tabacum*** *cont.*
  - DNA binding proteins *cont.*
    - promoters 2527
  - DNA methylation 8126
    - gene expression 4572
    - promoters 4572
  - DNA repair, genetic transformation 692
  - drought resistance 6941
    - genetic transformation 4820
  - electron transfer
    - gene expression 8141
    - genetic transformation 8141
  - enoyl-(acyl-carrier protein) reductase (NADH), genetic transformation 9302
  - 5-epi-aristolochene synthase
    - DNA footprinting 690
    - gene expression 690
    - genetic transformation 690
    - promoters 690
  - ethanol
    - gene expression 1612
    - genetic transformation 1612
    - promoters 1612
  - ethylene
    - DNA binding proteins 3521
    - gene expression 3520, 4591
    - promoters 3521
  - extensin
    - gene expression 5764
    - genetic transformation 5764
  - fatty acids, genetic engineering 3006
  - ferric-chelate reductase
    - gene expression 1609
    - genetic transformation 1609
  - ferritin
    - gene expression 3533
    - genetic transformation 3533
  - β-fructofuranosidase
    - gene expression 12813
    - genetic transformation 12813
  - β-fructofuranosidase inhibitors, genetic engineering 12451
  - *Fulvia fulva,* genetic transformation 1390, 4592, 5542
  - fungi
    - gene expression 5770
    - genetic transformation 2243
  - G proteins
    - gene expression 9097
    - genetic transformation 9097
    - nucleotide sequences 9097
  - gene banks, catalogues 9084
  - gene expression 691, 1611, 2519, 3516, 5750, 9661, 10218, 10220, 11370
    - techniques 11361-11362
  - genetic engineering 11370
  - genetic transformation 691, 2519, 2751, 5750, 6922, 8122, 8127, 9286, 9661, 10218, 10220, 10226, 12807
    - techniques 5754, 11716
  - geranylgeranyl reductase
    - gene expression 11379
    - genetic transformation 11379
  - germin
    - gene expression 5025
    - genetic transformation 5025
  - gibberellins
    - gene expression 6171, 11365
    - genetic transformation 4585, 11365
  - globulins
    - gene expression 10209
    - genetic transformation 10209
  - glucanases
    - gene expression 2527, 5771
    - genetic transformation 5771
    - promoters 2527
  - glucokinase
    - gene expression 9099
    - genetic transformation 9099
  - glucose oxidase
    - gene expression 8152
    - genetic transformation 8152
  - glucose-1-phosphate adenylyltransferase
    - gene expression 9099
    - genetic transformation 9099, 10221
  - glucosidases
    - gene expression 11372
    - genetic transformation 11372
  - glucosyltransferases, gene expression 5763, 5773

- ***Nicotiana tabacum*** *cont.*
  - β-glucuronidase
    - gene expression 5756
    - genetic transformation 5756
  - glutamate-cysteine ligase, genetic transformation 9105
  - glutamylcysteine synthetase
    - gene expression 12814
    - genetic transformation 12814
  - glutathione
    - gene expression 12814
    - genetic transformation 12814
  - glutathione peroxidase, gene expression 2535
  - glutathione reductase
    - gene expression 8136
    - genetic transformation 8136
  - glutathione synthase, genetic transformation 9105
  - glutathione transferase
    - genetic engineering 7241
    - promoters 7241
  - glutelins
    - gene expression 9695
    - genetic transformation 9695
  - glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase
    - gene expression 8144-8145
    - genetic transformation 8144-8145
  - glycine-rich proteins
    - gene expression 10397
    - genetic transformation 10397
  - glycoproteins 5760
    - gene expression 3525
    - genetic transformation 12801
    - nucleotide sequences 3525
  - glyoxalase
    - gene expression 5685
    - genetic transformation 5685
  - green fluorescent protein
    - gene expression 5966
    - genetic transformation 5966, 12804
  - growth period, germplasm releases 11381
  - growth regulators
    - gene expression 91, 700, 1071, 3520, 4591
    - genetic transformation 1071, 1627, 4585, 5765
  - gynoecium
    - gene expression 5670, 11374
    - genetic transformation 5670, 11374
  - heat shock proteins
    - gene expression 4903
    - genetic transformation 4903
  - height
    - genetic transformation 4586
    - genetics 4586
  - *Helicoverpa armigera*
    - gene expression 8159-8160, 12816
    - genetic transformation 3536, 4596, 8159-8160, 12816
  - herbicides 9105, 12832
    - gene expression 3538
    - genetic transformation 4598, 9107
    - *in vitro* selection 12831
  - histones
    - gene expression 11363
    - genetic transformation 11363
    - nucleotide sequences 11363
    - promoters 11363
  - homeoboxes
    - gene expression 2517
    - genetic transformation 2517
    - nucleotide sequences 2517
  - homeotic genes
    - gene expression 3515, 11366, 11382
    - genetic transformation 3515, 11366, 11382
  - human cytomegalovirus, genetic transformation 12801
  - hybrid varieties 3509
  - (*S*)-2-hydroxy-acid oxidase
    - gene expression 2516
    - genetic transformation 2516
    - nucleotide sequences 2516
  - hydroxymethylglutaryl-CoA reductase
    - gene expression 1911
    - genetic transformation 1911
  - 4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase
    - gene expression 6004
    - genetic transformation 6004

- ***Nicotiana tabacum*** *cont.*
  - *Hyoscyamus muticus,* protoplast fusion 6929
  - IAA, genetic transformation 1627, 5765
  - immunoglobulins, genetic transformation 4574
  - *in vitro* culture, genetic transformation 2532
  - induced mutations 10228
  - injuries
    - gene expression 700, 5773
    - nucleotide sequences 700
  - insects 12830
    - genetic engineering 11141
  - interspecific hybridization 4597, 6943, 9095
  - ion channels
    - gene expression 4581
    - nucleotide sequences 4581
  - iron 3533
  - isocitrate dehydrogenase
    - gene expression 2515
    - nucleotide sequences 2515
  - isopentenyltransferase, genetic transformation 12520
  - lactoferrin, genetic transformation 12817
  - leaves 1626
  - lectins
    - gene expression 348, 10239
    - genetic transformation 10239
  - leucine zipper
    - gene expression 3534
    - genetic engineering 3534
    - promoters 3534
  - levansucrase
    - gene expression 6937
    - genetic transformation 6937
  - licheninase
    - gene expression 8124
    - genetic transformation 8124
  - light 8137
    - gene expression 694, 8141, 9089
    - genetic engineering 9327
    - genetic transformation 8141
    - promoters 9327
  - lignin
    - gene expression 3530
    - genetic transformation 3530
  - linolenic acid, genetic transformation 1625
  - lipid transfer proteins, genetic transformation 10243
  - lipoxygenase, gene expression 12811
  - lysine
    - gene expression 12350
    - genetic transformation 12350
  - male sterility 10230
    - gene expression 6932, 8133
    - genetic transformation 8133
  - mannitol dehydrogenase 11386
  - mathematics 1606
  - matrix attachment regions
    - gene expression 9092
    - genetic transformation 9092
  - *Meloidogyne incognita* 11393
  - meristems
    - gene tagging 1616
    - genetic transformation 1616
  - metalloproteinases, nucleotide sequences 6924
  - metallothionein, genetic transformation 5762
  - methionine adenosyltransferase
    - cell culture 3529
    - gene expression 3529
  - methyl jasmonate
    - cell culture 3529
    - gene expression 3529, 4591
  - methyltransferases
    - gene expression 892
    - genetic transformation 892
  - mitochondrial genetics 1628, 6930
  - moisture content 4583, 11377
  - molecular genetics 9093
  - mutagens 10228
  - *Myzus nicotianae* 4597
  - NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase, genetic transformation 188
  - NADH dehydrogenase 10236
    - genetic transformation 1618-1619, 9104

***Nicotiana tabacum* cont.**
  NADH dehydrogenase *cont.*
    mutations 9104
  NADPH-cytochrome P450 oxidoreductase
    gene expression 686
    nucleotide sequences 686
  NAD(P)H dehydrogenase
    gene expression 9102
    mutations 9102
  NAD(P)H-plastoquinone-oxidoreductase
    gene expression 9103
    mutations 9103
  neomycin phosphotransferase
    gene expression 6927
    genetic transformation 6927
  nitrate reductase, molecular genetics 4582
  nitric oxide, gene expression 701
  nitrite reductase
    gene expression 2524, 8143, 11383
    genetic engineering 2524
    genetic transformation 8143, 11383
    promoters 2524
  nitrogen 6938
  nucleotide sequences 1611, 3516
  nutrients 3533, 6938
    gene expression 10233
    nucleotide sequences 10233
  organelles
    DNA polymerase 4573
    gene expression 6933, 9098
    genetic transformation 6933
  ornithine decarboxylase
    cell culture 3529
    gene expression 3529
  osmotin
    genetic engineering 10200
    promoters 10200
  osmotin-like proteins, genetic transformation 8121
  outcrossing 3526
  ovule culture 4589
  oxalate decarboxylase, genetic transformation 4081
  oxidoreductases
    genetic transformation 9107
    mitochondrial genetics 6936
  oxophytodienoic acid reductase, gene expression 7222
  oxyfluorfen, genetic transformation 9107
  oxygen, gene expression 5759
  oxygenases
    gene expression 688
    nucleotide sequences 688
  ozone 9105
    gene expression 2535
  paraquat 9105
  pathogenesis-related proteins
    gene expression 701, 704, 1607, 3520, 4593, 8156, 8229, 11391-11392
    genetic transformation 1607, 8229, 11392
  pathogens, gene expression 10231
  pendochitinase, genetic transformation 2243
  Peronospora tabacina 6943
  peroxidases 10230
    gene expression 2260
    genetic engineering 11141, 12829
    genetic transformation 2260
    nucleotide sequences 12800
  Petunia hybrida, intergeneric hybridization 11548
  phaseolin
    gene expression 9818, 11364
    genetic transformation 9818, 11364
  phenolic acids
    gene expression 2530
    genetic transformation 2530
  phenolic compounds 4597
  phenylalanine ammonia-lyase
    gene expression 1614, 8206
    genetic transformation 8206, 12818
  phenylpropanoid enzyme 4-coumarate:coenzyme A ligase, genetic transformation 8375
  phosphates
    gene expression 10233
    nucleotide sequences 10233

***Nicotiana tabacum* cont.**
  phosphofructokinase
    gene expression 8142
    genetic transformation 8142
  phosphoprotein phosphatase, genetic transformation 6940
  phosphoribulokinase, genetic transformation 6938
  photosynthesis 6938, 6941, 8137, 10236
    chloroplast genetics 9100
    gene expression 9091
    genetic transformation 9091, 9096
  Phthorimaea operculella
    gene expression 705
    genetic transformation 705
  phytochrome
    gene expression 3944, 5191
    genetic engineering 9327
    genetic transformation 2526, 3944, 5191
    promoters 9327
  Phytophthora cryptogea
    gene expression 5770
    genetic transformation 5770
  Phytophthora infestans
    gene expression 5476
    genetic engineering 5476
  Phytophthora nicotianae 6919-6920, 12819
    genetic transformation 12818
  plant composition, genetics 8149
  plant hairs, genetic transformation 11811
  plastids, genetic transformation 685, 12804
  pokeweed antiviral protein, genetic transformation 3535
  pollen 5760
    gene expression 10227
    genetic transformation 2514, 6930
    nucleotide sequences 10227
  pollen culture 2533
  pollen germination 697, 1917, 6066
    gene expression 696
    genetic transformation 696
  pollination 10229
  pollution
    gene expression 2887
    genetic transformation 2887, 8134
  polyesters, genetic transformation 12803
  polyubiquitin, nucleotide sequences 689
  potassium cyanide, gene expression 704
  potato X potexvirus
    gene expression 9908
    genetic transformation 3535, 9908
  potato Y potyvirus, genetic transformation 703, 1632, 5774
  proliferating cell nuclear antigen, nucleotide sequences 6928
  promoters
    gene expression 9404
    gene tagging 1616
    genetic engineering 9404
    genetic transformation 1616, 4345
  prosystemin, genetic transformation 4345
  proteasomes
    gene expression 4577
    nucleotide sequences 4577
  protein kinase 1620
    gene expression 700, 1071, 2523, 5769, 8129, 10516
    genetic transformation 1071, 5542, 5769
    nucleotide sequences 700, 2523, 8129, 10516
  proteinase inhibitors
    gene expression 3537, 12816
    genetic transformation 3537, 12816
  proteinases
    gene expression 1622, 8123
    genetic transformation 703, 1622, 8123
  proteins
    chloroplast genetics 10585
    gene expression 12350
    genetic transformation 12350, 12621
  protoplast culture 4588
  protoplast fusion 1621
  protoplasts 5758
    gene expression 1623
    nucleotide sequences 1623

***Nicotiana tabacum* cont.**
  protoporphyrinogen oxidase, gene expression 3538
  Pseudomonas savastanoi 702
  Pseudomonas syringae, genetic transformation 1630
  putrescine *N*-methyltransferase
    cell culture 3529
    gene expression 3529
  pyraflufen 12832
    in vitro selection 12831
  pyruvate kinase, genetic transformation 11380
  quality, heterosis 2531
  Ralstonia solanacearum, genetic transformation 12817
  recombination 12808
    genetic transformation 12797
  reporter genes, genetic transformation 12804
  resolvase, genetic transformation 12797
  restriction fragment length polymorphism 6925
  retinoblastoma, gene expression 9101
  Retroviridae, nucleotide sequences 11801
  Rhizoctonia solani, genetic transformation 3535
  ribonucleases
    gene expression 6171
    genetic transformation 8880
  ribonucleotide reductase
    gene expression 2521
    nucleotide sequences 2521
  ribosomal DNA, nucleotide sequences 12802
  ribulose-bisphosphate carboxylase
    gene expression 693-694, 4576, 8138, 8140, 8527, 9090, 9094
    genetic engineering 12816
    genetic transformation 4576, 8139-8140
    induced mutations 8138, 8140
    promoters 12816
  RNA
    gene expression 9089, 11726
    genetic transformation 11726
  RNA polymerase
    chloroplast genetics 14, 9086
    gene expression 1608, 3518, 5755
    genetic engineering 14
    genetic transformation 14, 5755
      chloroplast genetics 10225
    mutations, chloroplast genetics 10225
    promoters 14, 3518
  roots
    gene expression 9404
    genetic engineering 9404
    genetic transformation 9404
    mutations 2528
  rubber elongation factor
    gene expression 11369
    genetic transformation 11369
  salicylic acid hydroxylase
    gene expression 704
    genetic transformation 704
  salinity
    gene expression 5685, 7194
    genetic transformation 4820, 6940, 7194
  Salpiglossis sinuata, genetic transformation 8137
  scaffold attachment regions, nucleotide sequences 8130
  seeds 4583, 11377
    gene expression 348, 10209
    genetic transformation 10209
  self incompatibility, genetic transformation 8880
  senescence
    gene expression 5757, 10231, 11382, 11391
    genetic transformation 5757, 11382
  sexual reproduction 3527
  sorbitol, genetic transformation 4590
  source sink relations 6036
  spectinomycin
    gene expression 12805
    genetic transformation 12805
  Spodoptera littoralis, genetic engineering 3537

Nicotiana tabacum *cont.*
- squalene synthase
  - gene expression 1617
  - nucleotide sequences 1617
- squash mosaic comovirus, genetic transformation 4594
- starch synthase, gene expression 6939
- stearoyl-CoA desaturase, genetic transformation 1625
- sterol-C5(6)-desaturase, nucleotide sequences 7230
- sterols
  - gene expression 892
  - genetic transformation 892
- streptomycin
  - gene expression 12805
  - genetic transformation 12805
- stress
  - gene expression 2887, 3534, 4591, 6933, 6937, 10237
  - genetic engineering 3534
  - genetic transformation 2887, 6933
  - promoters 3534
- strictosidine synthase
  - gene expression 3528
  - genetic transformation 3528, 10424
- sucrose-phosphate synthase, genetic transformation 5506
- sugars
  - cell culture 11385
  - gene expression 9099
  - genetic transformation 9099
- sulfite reductase
  - gene expression 1610
  - nucleotide sequences 1610
- sweet potato feathery mottle potyvirus, genetic transformation 1631
- syntaxin
  - gene expression 4581
  - nucleotide sequences 4581
- tagetitoxin, gene expression 1608
- *Talaromyces flavus*
  - gene expression 8152
  - genetic transformation 8152
- *Thielaviopsis basicola* 8151
  - linkage 6942
  - random amplified polymorphic DNA 6942
- tissue culture 1628, 8148
  - genetic transformation 1627
- tobacco etch potyvirus
  - gene expression 8154
  - genetic transformation 703
- tobacco mosaic tobamovirus 702
  - gene expression 704, 2537, 5773, 8155-8156, 10240, 12820
  - genetic transformation 3535, 4593, 11387, 12820, 12826
  - genetics 12822
- tobacco vein mottling potyvirus, genetic transformation 703, 2538, 8158
- tomato spotted wilt tospovirus
  - genetic transformation 8153
  - somaclonal variation 12824
- toxins
  - gene expression 683-684, 705
  - genetic transformation 683-684, 705
- transcription factors
  - gene expression 1612
  - genetic transformation 1612, 11811
  - promoters 1612
- translation initiation factor
  - gene expression 696, 10222
  - genetic transformation 696
  - nucleotide sequences 10222
- translocation
  - gene expression 1624
  - genetic transformation 1624
- transposable elements
  - gene expression 10219
  - genetic transformation 8125
  - linkage 6942
  - molecular genetics 10219
  - random amplified polymorphic DNA 6942
- tryptophan synthase, gene expression 9202
- tyramine *N*-feruloyltransferase
  - gene expression 12799
  - nucleotide sequences 12799

Nicotiana tabacum *cont.*
- tyrosine decarboxylase, genetic transformation 1770
- ubiquitin
  - genetic engineering 10214
  - genetic transformation 8878, 10214
- ultraviolet radiation, genetic transformation 5749
- uroporphyrinogen decarboxylase
  - gene expression 12820
  - genetic transformation 12820
- uroporphyrinogen oxidase
  - gene expression 12820
  - genetic transformation 12820
- variety trials 1606, 8120
- violaxanthin deepoxidase
  - gene expression 2513
  - nucleotide sequences 2513
- water balance
  - cell culture 11385
  - gene expression 11378
  - nucleotide sequences 11378
- xylem, genetic transformation 8135
- yeast artificial chromosomes, genetic transformation 695
- yield components 8120, 11384
  - combining ability 5767, 8147
  - genetic variance 5766
  - genetics 8146
  - heritability 5766, 8146
  - heterosis 2531

Nicotiana tomentosiformis, ribosomal DNA, nucleotide sequences 12802

Nicotianamine synthase
- *Arabidopsis thaliana,* gene expression 9371
- *Hordeum vulgare*
  - gene expression 9556
  - gene mapping 9551
  - nucleotide sequences 9551, 9556

Nigella sativa
- chlorophyll, induced mutations 12962
- ethyl methanesulfonate 5906, 12962
- gamma radiation 5906, 12962
- germination, induced mutations 5906
- mutagens 5906, 12962
- sterility, induced mutations 5906

Nilaparvata lugens
- *Oryza eichingeri* 6300
- *Oryza sativa* 4078, 6300, 10874-10875, 12258, 12261
  - gene mapping 7631, 8725
  - genetic markers 3026
  - genetic transformation 4201, 10865
  - random amplified polymorphic DNA 8725
  - restriction fragment length polymorphism 7631, 8725

Nitrate reductase
- *Arabidopsis thaliana,* gene expression 1856, 9321, 9367
- *Corchorus capsularis* 1651
- *Corchorus olitorius* 1651
- gene expression 875, 4843
- *Hordeum vulgare* 1035
- *Lactuca sativa,* genetic transformation 12521
- *Nicotiana plumbaginifolia,* molecular genetics 4582
- *Nicotiana tabacum,* molecular genetics 4582
- *Poa pratensis* 8735
- *Solanum tuberosum* 4311
- *Triticum aestivum* 5018
- *Zea mays,* gene expression 2922, 6214

Nitrate transporters
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 2759
  - gene tagging 2759
  - nucleotide sequences 2759, 6000

Nitrates
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 4878, 4896, 9368
  - nucleotide sequences 4896
- *Brassica napus* (rape)
  - gene expression 2460
  - nucleotide sequences 2460
- *Cucumis sativus,* molecular genetics 7932
- *Daucus carota* 6497
- gene expression 3704, 7306

Nitrates *cont.*
- *Glycine max*
  - gene expression 2167
  - nucleotide sequences 2167
- *Hordeum vulgare* 1035
- *Lactuca sativa* 3230
- *Triticum aestivum* 8538
- vegetables 2805
- *Zea mays* 8538

Nitric oxide, *Nicotiana tabacum,* gene expression 701

Nitrilase
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 1858
  - genetic transformation 1858

Nitrite reductase
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 2524, 8143
  - genetic transformation 2524, 8143
- gene expression 4843
- *Lycopersicon esculentum,* gene expression 4349
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 2524, 8143, 11383
  - genetic engineering 2524
  - genetic transformation 8143, 11383
  - promoters 2524
- *Oryza sativa,* cell culture 6281
- *Spinacia oleracea*
  - gene expression 2284
  - nucleotide sequences 2284

Nitrogen
- *Aegilops,* evolution 7369
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 1871, 9369
  - genetic transformation 1871
  - nucleotide sequences 1871
- *Betula papyrifera* 1661
- *Betula tortuosa* 1660
- *Brassica napus* (rape) 6828
- *Cajanus cajan* 384
- *Glycine max* 1270
- *Gossypium,* genetic transformation 12856
- *Helianthus annuus* 3438
- *Hordeum vulgare* 8602, 10670
- *Lens culinaris,* heritability 7766
- *Linum usitatissimum* (flax) 11448
- *Lycopersicon esculentum* 6566
- *Medicago sativa* 3051
- *Nepenthes alata*
  - gene expression 5889
  - nucleotide sequences 5889
- *Nicotiana tabacum* 6938
- *Oryza sativa* 1188, 2113
  - techniques 286
- *Pennisetum purpureum* 7525
- *Phleum pratense,* artificial selection 3046
- *Pinus sylvestris* 8244
- *Poa pratensis* 8735
- *Ricinus communis*
  - gene expression 1871
  - nucleotide sequences 1871
- *Saccharum officinarum* 6901
- *Solanum tuberosum* 4285
- *Solanum* (tuberous species) 8831
- *Sorghum bicolor* 1101, 10756
- *Spinacia oleracea* 1370-1371
- *Triticum,* evolution 7369
- *Triticum aestivum* 980, 3872, 6132, 8581
- *Triticum dicoccoides,* genotype environment interaction 5016
- *Triticum durum* 8581
  - chromosome substitution 9474
  - gene location 9474
  - genotype environment interaction 5016
- *Vaccinium macrocarpon* 7976
- *Zea mays* 195, 214, 6220, 8658, 9628
  - gene expression 7490
  - gene mapping 5126

Nitrogen fixation (*see also Bradyrhizobium; Rhizobium)*
- *Cicer arietinum,* artificial selection 5425
- gene expression 7212
  - reviews 4
- *Medicago sativa*
  - gene expression 316
  - genetic transformation 316
- *Oryza sativa* 10859
- *Phaseolus vulgaris* 5359, 8786, 10972
  - artificial selection 9823

Nitrogen fixation *cont.*
  Pisum sativum 6383
    induced mutations 376
    mutations 2212, 5383
  Trifolium nigrescens, heterosis 10910
  Trifolium repens, heterosis 10910
  Trigonella foenum-graecum, mutations 8373
  Vicia faba 3095, 6383
  Vigna aconitifolia 1323
Nitrous oxide
  Sorghum bicolor 10743
  Sorghum subglabrescens 10743
Nodulation
  Allocasuarina verticillata, genetic transformation 11489
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 4177
    genetic transformation 4177
  Casuarina glauca, genetic transformation 11489
  Cicer arietinum 6455
    mutations 3125, 5420
  Glycine max 8772
    gene expression 4177, 9805, 9807
    genetic engineering 4177
    germplasm releases 4196
    mutations 6401, 8773, 9806, 10956
    nucleotide sequences 9807
    promoters 4177
  Lotus japonicus
    gene expression 5270
    induced mutations 1247
    mutations 325
    nucleotide sequences 5270
  Medicago truncatula, gene expression 10904
  Medicago varia
    gene expression 10904
    genetic transformation 10904
  molecular genetics 4159
  Oryza sativa, 2,4-D 2114
  Phaseolus vulgaris 5359
    gene expression 7747
    gene mapping 10971
    nucleotide sequences 7747
  phylogeny 1908
  Pisum sativum
    gene mapping 8797
    genetic markers 8797
    genetics 10990
    induced mutations 376
    mutations 4222, 6442, 7763, 10990
  Sesbania rostrata
    gene expression 317
    molecular genetics 1253
  Trifolium repens, genetic transformation 4142
Nodulins
  Astragalus sinicus
    gene expression 1254
    nucleotide sequences 1254
  Glycine max
    gene expression 9804
    genetic transformation 9701
    nucleotide sequences 9804
  Oryza, genetic engineering 9701
  Oryza sativa
    gene expression 10808
    nucleotide sequences 10808
  Phaseolus vulgaris 10972
  Vicia hirsuta
    gene expression 10911
    genetic transformation 10911
Nomenclature 6057
  Aegilops, databases 11879
  Agave vivipara 11451
  algae, databases 10463
  Annona pygmaea 10087
  Annona warmingiana 10087
  Brassica 3434
  Brassica erucastrum 5683
  Brassicaceae 3434
  Bromus 4120
  Canna indica 8317
  Chaptalia hintonii 3609
  Colchicum 2651
  Crataegus 7076
  cytology 9386
  Echinocactus smithii 5891
  Eragrostis tenella 1228
Nomenclature *cont.*
  Erica thomensis 10349
  Erucastrum 5683
  Fabaceae 5279
  genetics, databases 4826
  Gerbera hintonii 3609
  Gladiolus saxatilis 11557
  Hedysarum alpinum 5278
  Isodon 1764
  Lathyrus decaphyllus 5280
  Lathyrus polymorphus 5280
  Lesquerella 5724
  Malva 1742
  Mespilus flabellata 7076
  molecular genetics 9400
  Nardus gangitis 5245
  Orchidaceae 5887
  Phaseolus spectabilis 3144
  Phaseolus stenolobus 3144
  Physaria 5724
  Platanus acerifolia 7011
  Platanus orientalis 7011
  Plectranthus 1764
  Poa pratensis 5234
  Prunus 4421
  Pyrus 7076
  Quercus 742
  Saxifraga 8352
  Sesamum indicum 9056
  Solanum vespertilio 3639
  Solenostemon 1764
  Thelocactus conothelos 5891
  Themeda 5247
  Theobroma cacao 9082
  Thymus pulcherrimus 3645
  Thymus serpyllum 2680
  Triticeae 4947
  Triticum, databases 11879
  Vigna 4237
  Vigna linearis 3144
  Vigna spectabilis 3144
  Vitis vinifera, cultivars 11211
  Zea mays 9627
  Ziziphus 5656
  Zotovia 6340
Norflurazon, *Arabidopsis thaliana,* gene expression 10555
Nothofagus
  ribulose-bisphosphate carboxylase
    nucleotide sequences 1676
    phylogeny 1676
Nothofagus nervosa, geography, chloroplast genetics 752
Nucleases, *Triticum aestivum,* gene expression 7358
Nuclei
  Beta vulgaris (sugarbeet) 4559
  Cupressus sempervirens 10331
  Lilium davidii 3617
  Oryza sativa, gene expression 260
  Pisum sativum 5369
  Secale cereale 2899
  Zea mays 12017
Nucleic acids, *Torreya grandis* 779
Nucleocytoplasmic interaction
  Aegilops 7350
    development 1950
    Erysiphe graminis 5035
  Oryza longistaminata, interspecific hybridization 10820
  Oryza nivara, interspecific hybridization 10820
  Oryza sativa, interspecific hybridization 10820
  Triticum aestivum 7350
    development 1950
    Erysiphe graminis 5035
    seeds 2839
Nucleolus
  Pisum sativum 5369
  Vicia 2152
  Zea mays
    gene expression 9596
    nucleotide sequences 9596
Nucleolus organizer
  Hordeum chilense 4943
  Secale cereale 4943
  triticale 4943
  Triticum, nucleotide sequences 9433
  Triticum aestivum 4943
    molecular genetics 9432
Nucleolus organizer *cont.*
  Zea mays 12023-12024
Nucleotide diphosphate kinase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 10540
    nucleotide sequences 10540
Nucleotide sequences
  Abies grandis
    humulene synthase 769
    selinene synthase 769
  acid phosphatase, *Arabidopsis thaliana* 9298
  Acorus calamus
    cytochrome-*c* oxidase 1769
    phylogeny 1769
  actin 11789
  Actinidia chinensis
    fruits 563
    lipoxygenase 563
  Adiantum capillus-veneris
    photoperiodism 807
    phytochrome 3630
  Aegilops tauschii
    domestication 8578
    glucan branching enzyme 3898
    glutenins 3897, 8578
    phylogeny 1002
  Agaricus bisporus
    hydrophobins 8391
    mannitol dehydrogenase 8402
  Agrocybe, ribosomal RNA 1789
  Agrocybe aegerita
    cytochrome-*c* oxidase 9224
    fructification 11634
  Aleurites fordii
    messenger RNA 5721
    stearoyl-CoA desaturase 5720
  Allium, phylogeny 434, 6522
  Allium cepa
    alliin lyase 11059
    cytoplasm 9930
    β-fructofuranosidase 430
    sucrose 1F-fructosyltransferase 430
  Allium tuberosum, alliin lyase 9928
  Alnus sieboldiana, allergens 9139
  Alopecurus vaginatus, phylogeny 3044
  Amaranthus hypochondriacus
    betaine-aldehyde dehydrogenase 7635
    proteins 10876
  angiosperms
    adenosinetriphosphatase 1909
    evolution 1907, 1909
    phylogeny 3784
    ribulose-bisphosphate carboxylase 1909
  anthocyanins 11800
  Antirrhinum majus
    guanosinetriphosphatase 1745
    plant embryos 1745
    transposable elements 4741
  Arabidopsis lyrata, flowering 11771
  Arabidopsis thaliana 5998, 9295, 10511
    abscisic acid 7223
    acyl-CoA binding proteins 1840
    adenosinetriphosphatase 16, 9305, 9312, 10500, 10520, 11727
    adenosylhomocysteinase 11746
    adenylsulfate kinase 6017
    aldehyde oxidase 1836
    alternative splicing 3735, 7225, 7228
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 927, 3753
    1-aminocyclopropane-1-carboxylic acid 7237
    annexins 8457
    anthocyanins 11764-11765
    aquaporin 2762, 10545
    arabinose kinase 7233, 7236
    asparagine-tRNA ligase 1835
    aspartate-ammonia ligase 1830
    auxins 2766, 11752
    binding proteins 889, 2766, 3724, 8458, 9291
    biotin-(propionyl-CoA-carboxylase (ATP-hydrolysing)) ligase 9300
    catalase 1834
    CDP-diacylglycerol-inositol 3-phosphatidyltransferase 11722
    cell division 2769
    cell walls 7236
    cellulase 51

Nucleotide sequences *cont.*
- *Arabidopsis thaliana cont.*
  - chaperones 8128
  - chaperonins 10506
  - chloroplasts 3724, 8458
  - circadian rhythm 4856
  - cold resistance 1873, 4907, 9373
  - copper 20
  - cyclophilin 4892
  - cytidine deaminase 11723
  - cytochrome-b_5 reductase 3729
  - cytochrome P-450 11721
  - cytochromes 3441, 7240
  - databases 3728
  - development 47, 1831, 4889, 6006, 7219, 9292, 9347, 11761
  - dihydrodipicolinate synthase 7227
  - diphosphomevalonate decarboxylase 7232
  - diseases 7221
  - DNA binding proteins 886, 1827, 1865, 1876-1877, 2744, 8459, 11750, 11752
  - DNA helicase 8454
  - endo-1,3(4)-β-glucanase 3738
  - endosperm 6006
  - enoyl-(acyl-carrier protein) reductase (NADH) 9302
  - epoxy-carotenoid dioxygenase 2740
  - fatty acid hydroperoxide lyase 10502
  - fatty acid hydroxylases 63
  - ferric-chelate reductase 6038
  - flavonoids 10508
  - flowers 3738, 4876, 4882, 7231, 10533
  - formate-tetrahydrofolate ligase 11741
  - G proteins 4217, 9301, 9303
  - galactose kinase 7233
  - galactosyltransferase 9329
  - germin-like proteins 11742
  - germins 2742
  - gibberellins 10587
  - glucanases 4876
  - glucose-1-phosphate adenylyltransferase 6002, 10507
  - glutamate-cysteine ligase 885
  - glutamate decarboxylase 23
  - glutamate receptors 895
  - glutamate-tRNA ligase 1837
  - glutathione γ-glutamylcysteinyltransferase 9372, 10551
  - glutathione synthase 11744
  - glutathione transferase 6003
  - haem oxygenase 9320
  - heat shock proteins 4903
  - height 10587
  - histones 4217
  - hydroperoxide dehydratase 11739
  - hydroperoxide lyase 22
  - 4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase 21
  - IAA 2758
  - inflorescences 8493
  - injuries 22, 10502
  - ion transport 7247
  - isovaleryl-CoA dehydrogenase 9365
  - 3-ketoacyl-CoA synthase 3725
  - kinases 3727
  - leaves 8493
  - light 38, 6029, 9347
  - lipoic acid synthase 2746
  - lupeol synthase 8470
  - malate dehydrogenase 3749
  - male sterility 4864
  - manganese 889
  - meiosis 901, 6005
  - *Meloidogyne incognita* 1881
  - membrane proteins 2758
  - methionyl-tRNA synthetase 4855
  - methyltetrahydropteroyltriglutamate-homocysteine S-methyltransferase 11730
  - microtubules 10504
  - NAA 3754
  - NAD^+ ADP-ribosyltransferase 188
  - NADPH oxidoreductase 1826
  - nitrate transporters 2759, 6000
  - nitrates 4896
  - nitrogen 1871
  - nucleotide diphosphate kinase 10540
  - nutrients 1871, 4896, 6039

Nucleotide sequences *cont.*
- *Arabidopsis thaliana cont.*
  - oxidoreductases 3745, 3747
  - oxophytodienoic acid reductase 7222
  - ozone 927
  - pathogenesis-related proteins 1877, 3634, 9360
  - pectinesterase 8472
  - *Peronospora parasitica* 67, 1876-1877, 10554
  - peroxidases 10501
  - peroxisomes 6014, 9341
  - phosphate transporters 10583
  - phosphatidylinositol-transfer protein 9299
  - phosphoglycerate dehydrogenase 4870
  - phospholipase D 9308
  - phospholipid-hydroperoxide glutathione peroxidase 24
  - phosphoprotein phosphatase 1842
  - phosphoproteins 7225
  - phosphoribosyl-AMP cyclohydrolase 884
  - phosphoribosyl-ATP pyrophosphatase 884
  - phosphoric monoester hydrolases 4869
  - phosphorylation 4879
  - phosphoserine aminotransferase 1832
  - phosphoserine phosphatase 8485
  - phosphotransferases 11725
  - photosynthesis 39, 889
  - phytochrome 38, 6029, 9320
  - plant embryos 3726, 5285, 9322, 9362
  - plant hairs 11765
  - pleckstrin 9311
  - pollen 3736
  - proteasomes 7239
  - protein kinase 3732-3733, 4856, 8455, 9306, 10516, 10530
  - protein-tyrosine phosphatase 5285
  - proteinases 10520
  - proteins 2752, 4853, 4868, 4871, 4875, 5999, 7235, 8456, 10510, 11729, 11738, 11740, 11745
  - *Pseudomonas syringae* 67
  - pyruvate dehydrogenase 9363, 11743
  - receptor kinases 7226, 9323
  - repetitive DNA 3723
  - respiration 7240
  - Retroviridae 11801
  - reviews 4851
  - ribosomal proteins 3756
  - RNA helicase 16, 2748
  - RNA polymerase 4858
  - roots 1881, 3754
  - seeds 47, 4889, 9354
  - self incompatibility 7231
  - senescence 9360, 10520
  - serine proteinases 3754
  - serine/threonine specific protein phosphatase 11737
  - sphingolipid desaturase 3441
  - splicing factors 7228
  - squalene monooxygenase 8037
  - sterol-C5(6)-desaturase 7230
  - sterol isomerase 1839
  - stress 2752, 3756, 7265
  - *O*-succinylhomoserine (thiol)-lyase 15, 9309
  - sugar transport proteins 3736
  - superoxide dismutase 10514
  - surface proteins 1845
  - syntaxin 10528
  - threonine synthase 11728
  - tocopherols 1870
  - transcription factors 1865, 10587
  - transposable elements 7221
  - tropisms 1845, 2758
  - uracil phosphoribosyltransferase 6001
  - urease 4872
  - violaxanthin deepoxidase 2513
  - *Xanthomonas campestris* 4910
  - zinc 6039
- *Arachis hypogaea,* allergens 5709
- *Arrhenatherum elatius,* phylogeny 3044
- *Artemisia,* phylogeny 3031
- *Artemisia vulgaris,* cystatin 10417
- *Asparagus officinalis,* flowering 11086
- *Asplenium nidus,* RNA 2662

Nucleotide sequences *cont.*
- *Aster,* phylogeny 7100
- *Astragalus sinicus,* nodulins 1254
- *Atropa belladonna*
  - alkaloids 10427
  - hyoscyamine (6*S*)-dioxygenase 10427
- *Avena*
  - phylogeny 3044
  - seeds 7454
- *Beta vulgaris* (sugarbeet), elongation factors 4558
- *Bouteloua,* ribosomal DNA 2144
- *Brassica campestris*
  - Retroviridae 11801
  - self incompatibility 3217, 3428-3429
- *Brassica campestris* (turnip rape)
  - fatty acids 3433
  - oleic acid 3433
- *Brassica carinata,* stearoyl-CoA desaturase 9028
- *Brassica juncea*
  - APS reductase 8045
  - cadmium 8045
  - fatty acids 6778
  - glutathione reductase 11256
  - glyoxalase 5685
  - sulfate adenylyltransferase 8045
  - sulfate transporter 8045
  - sulfur 8045
  - thioglucosidase 8045
- *Brassica napus*
  - cytochromes 3441
  - protein kinase 10516
  - sphingolipid desaturase 3441
- *Brassica napus* (rape)
  - calcium binding proteins 8042
  - cytoplasmic male sterility 4506
  - desiccation 1554
  - diacylglycerol *O*-acyltransferase 12712
  - flowering 8048
  - fruits 5675
  - glutamate-ammonia ligase 5678
  - gynoecium 5670
  - histidine 2460
  - malonyltransferase 5106
  - nitrates 2460
  - plant embryos 1554
  - protein kinase 11254
  - shedding 5675
  - squalene monooxygenase 8037
  - stress 12721
- *Brassica oleracea*
  - proteins 11067
  - ribosomes 11067
  - self incompatibility 3217
- *Brassica oleracea* (cabbages)
  - heat shock proteins 12511
  - phospholipase D 11068
- *Brassica oleracea* (cauliflowers)
  - chlorophyll 3218
  - development 5502
- *Brassica pekinensis,* dehydrins 440
- Brassicaceae, albumins 5682
- *Bromheadia finlaysoniana,* naringenin-chalcone synthase 2658
- *Callitriche heterophylla*
  - NADH dehydrogenase 1744
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 1744
- *Callitriche verna*
  - NADH dehydrogenase 1744
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 1744
- *Camellia sinensis,* pathogenesis-related proteins 11354
- *Canavalia gladiata,* proteins 2222
- *Canavalia lineata,* chaperonins 7689
- *Cantharellus* 8400
- *Cantharellus cibarius,* phylogeny 5915
- *Capsicum annuum* 7906
  - capsanthin-capsorubin synthase 3255
  - carotenoid hydroxylases 7907
  - oxidative stress 3255
  - sesquiterpene cyclase 502
  - transketolase 498
  - ultraviolet radiation 502
  - xanthophyll 7907
- *Capsicum chinense,* defensins 9986
- *Carica papaya,* cysteine proteinases 11242

Nucleotide sequences *cont.*
- *Carya illinoinensis,* proteins 2436
- *Castanea sativa*
  - *Dermatophagoides farinae* 3395
  - proteinase inhibitors 3395
  - *Tribolium castaneum* 3395
- *Catharanthus roseus*
  - adenylylsulfate reductase 11583
  - aromatic-L-amino-acid decarboxylase 4765
  - DNA binding proteins 12947
  - flavonoid 3′-monooxygenase 12949
  - naringenin-chalcone synthase 12949
  - strictosidine synthase 10424
- *Ceratopteris richardii*
  - DNA binding proteins 12980
  - sex 12980
- *Chenopodium rubrum*
  - cyclins 5227
  - enzyme inhibitors 8730
  - retinoblastoma 5228
- *Cicer arietinum*
  - amine oxidase (copper-containing) 5412
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 4225
  - *Ascochyta rabiei* 10995
  - calmodulin 6452
  - cytochrome P-450 10996
  - histones 6450
  - legumin 4226
  - naringenin-chalcone synthase 10995
  - proline-rich proteins 1309
  - ribonucleases 6449
  - *trans*-cinnamate 4-monooxygenase 9859
  - transposable elements 7767
- *Cichorium,* haemoglobin 11088
- *Citrullus lanatus,* proteins 2319
- *Citrus,* phylogeny 4479
- *Citrus jambhiri,* lipoxygenase 9009
- *Citrus sinensis*
  - naringenin-chalcone synthase 12690
  - pectinesterase 2419
  - protein kinase 3363
- *Citrus unshiu*
  - adenosinetriphosphatase 10073
  - carotenoids 11228
  - dehydrins 8006
  - fruits 9010
  - metallothionein 9010
- *Clarkia,* linalool synthase 12920
- *Coffea arabica*
  - endosperm 10210
  - globulins 10209
  - proteins 10210
  - seeds 10209
  - spermidine synthase 4563
- *Coffea canephora*
  - endosperm 10210
  - proteins 10210
- computer programming 5967, 5973-5980
- *Coprinus cinereus,* ribosomal RNA 11627
- *Coriandrum sativum*
  - acyl carrier protein 5908
  - fatty acids 5908
- *Corylus avellana*
  - flowering 3396
  - gynoecium 3396
  - homeotic genes 3396
  - transcription factors 3396
- *Crambe,* phylogeny 11340
- *Craterellus* 8400
- *Craterostigma plantagineum*
  - stress 12942
  - sucrose synthase 12942
- crops
  - patents 9243
  - promoters 9403
- *Cucumis melo*
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 12589
  - ethylene 9994
- *Cucumis sativus*
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 512
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 512
  - auxins 512
  - development 10002

Nucleotide sequences *cont.*
- *Cucumis sativus cont.*
  - fruits 10002
  - glycine-rich proteins 4386
  - injuries 512
  - lipids 6611
  - lipoxygenase 7930
  - phospholipase A2 6611
  - protein kinase 6610
  - roots 4386
- *Cucurbita*
  - acyl-CoA oxidase 1411
  - DNA binding proteins 2322
- *Cucurbita ficifolia,* glycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase 9997
- *Cucurbita maxima*
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 2321
  - movement proteins 3258
- *Cucurbita moschata,* phosphoric monoester hydrolases 2320
- *Cucurbita pepo,* protein kinase 4382
- Cucurbitaceae, evolution 6598
- *Cyamopsis tetragonoloba,* UDPglucose 4-epimerase 7792
- *Cymbidium hybrida,* dihydrokaempferol 4-reductase 11568
- databases 2736, 5961-5962
- *Datisca glomerata*
  - protein disulfide isomerase 7094
  - thiosulfate sulfurtransferase 7161
  - transcription factors 7162
- *Daucus carota*
  - binding proteins 2250
  - citrate synthase 7821
  - plant embryos 2250, 3178
  - seeds 3178
  - somatic embryogenesis 2250
  - sucrose synthase 4315
- *Dendrobium crumenatum,* 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase 7123
- development 11789, 11808
- *Dianthus caryophyllus,* benzoyltransferases 3598
- *Dioscorea bulbifera*
  - *Glomerella cingulata* 8851
  - pathogenesis-related proteins 8851
- *Drosera,* ribulose-bisphosphate carboxylase 1676
- *Eichhornia crassipes,* metallothionein 12944-12945
- *Eleusine indica,* herbicides 6230
- *Enteromorpha*
  - morphology 12982
  - phylogeny 12982
- *Eucalyptus*
  - phylogeny 11465
  - ribosomal DNA 11465
- *Eucalyptus globulus,* cinnamyl-alcohol dehydrogenase 11461
- *Eucalyptus grandis,* flowers 1663
- evolution 11789, 11792
- *Fagopyrum*
  - acetyl-CoA carboxylase 1208
  - phylogeny 3030
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 1208
- *Fagopyrum esculentum,* metallothionein 9720
- *Fagus sylvatica*
  - late-embryogenesis-abundant proteins 6997
  - metallothionein 10293
  - pathogenesis-related proteins 11468
  - xyloglucan endotransglycosylase 6996
- *Flammulina velutipes,* proteins 12978
- *Fragaria ananassa*
  - ascorbate peroxidase 553
  - cellulase 4453, 6705
  - chitinase 8995
  - glucanases 10043
  - ripening 10043
- *Fragaria vesca,* ripening 5615
- *Fucus vesiculosus,* metallothionein 5922
- *Gastrodia elata*
  - antifungal proteins 10439
  - *Armillaria mellea* 10439
- genetic distance 10488
- genetic markers 10491

Nucleotide sequences *cont.*
- *Gentiana triflora*
  - acyltransferases 2632
  - anthocyanins 2632
- *Gerbera hybrida*
  - development 3603
  - dihydrokaempferol 4-reductase 1727
  - flowers 3603, 11535
  - gibberellins 11535
- *Ginkgo biloba,* ribosomal DNA 8267
- *Glycine*
  - histones 12351
  - phylogeny 2170
  - ribosomal DNA 2170
  - taxonomy 12351
- *Glycine max*
  - alternative oxidase 9792
  - aspartate kinase 8766, 9793
  - chalcone isomerase 3089
  - chitinase 7710
  - conglycinin 9790
  - fructose-bisphosphatase 343
  - glucose-6-phosphate 1-dehydrogenase 3089
  - homoserine dehydrogenase 8766, 9793
  - isocitrate dehydrogenase 9791
  - naringenin-chalcone synthase 7711
  - nitrates 2167
  - nodulation 9807
  - nodulins 9804
  - nutrients 2167
  - phosphate transporters 10583
  - plant embryos 5285
  - protein kinase 6391
  - protein-tyrosine phosphatase 5285
  - proteinase inhibitors 5298, 6396
  - *Pseudomonas syringae* 3089
  - ribonucleotide reductase 8765
  - trehalase 9789
  - ubiquitin 3089
  - ultraviolet radiation 7711
- *Glycyrrhiza*
  - phylogeny 821
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 821
- *Glycyrrhiza echinata,* isoflavone 2′-hydroxylase 10423
- *Gomphus* 8400
- *Gossypium*
  - alcohol dehydrogenase 86, 12837
  - binding proteins 9113
  - evolution 12837
  - palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase 11410
  - phylogeny 86
  - stearoyl-CoA desaturase 9112
- *Gossypium arboreum,* farnesyl pyrophosphate synthase 11412
- *Gossypium barbadense*
  - genomes 3541
  - repetitive DNA 3541
- *Gossypium hirsutum*
  - adenylyl cyclase 4608
  - alcohol dehydrogenase 12834
  - annexins 6960
  - desaturase 8171
  - expansins 2542
  - glucosyltransferases 4602
  - peroxidases 12840
  - phospholipase D 12833
  - proteins 11404
  - ribosomes 11404
  - *Xanthomonas axonopodis* 12840
- *Gracilaria gracilis*
  - enzymes 11639
  - UTP-glucose-1-phosphate uridylyltransferase 10461
- *Gracilariopsis lemaneiformis*
  - lyases 11635
  - starch 11635
- *Guillardia theta,* ribosomal RNA 5921
- gymnosperms, ribosomal DNA 3585
- Hamamelidoideae 8285
- *Hebe,* phylogeny 1722
- *Helianthus,* phylogeny 4531
- *Helianthus annuus*
  - allergens 633
  - aquaporin 10153
  - cytochromes 3441
  - dehydrins 8064

Nucleotide sequences *cont.*
  Helianthus annuus cont.
    glutathione peroxidase 2468
    plant embryos 5692
    Plasmopara halstedii 2471
    proteinase inhibitors 3440
    sphingolipid desaturase 3441
    stress 8064
  Helianthus tuberosus, lectins 9925
  Helictotrichon, phylogeny 3044
  Hemerocallis
    corolla 10369
    senescence 10369
  Herrania
    globulins 12796
    phylogeny 12796
  Hevea brasiliensis
    heat shock proteins 5797
    phosphoprotein phosphatase 5799
    proteins 11454
    rubber 11454
    thioredoxin 9124
    tumour proteins 5798
  Holcus lanatus, phylogeny 3044
  Hordeum
    phylogeny 3935
    ribulose-bisphosphate carboxylase 3935
  Hordeum marinum
    phylogeny 1993
    ribosomal RNA 1993
  Hordeum spontaneum, cold resistance 2886
  Hordeum vulgare
    cold resistance 2886, 9570
    dehydrins 9570
    development 1991
    DNA binding proteins 156-157, 7431
    drought resistance 9570
    endosperm 7431
    extensin 1991
    ferrochelatase 1995
    glucan branching enzyme 1034
    gynoecium 3918
    iron 9551
    isoamylase 10662
    kinases 10594
    lipid transfer proteins 3918
    lipoxygenase 9552
    nicotianamine synthase 9551, 9556
    oligo-1,6-glucosidase 10659
    proteinases 3919
    repetitive DNA 10660
    seeds 1991
    spikelets 7439
    transcription factors 156
    transposable elements 2873
  Hyacinthoides hispanica, lectins 8330
  Hydrangea macrophylla
    p-coumaroyltriacetic acid synthase 12904
    naringenin-chalcone synthase 12904
  Ilex, ribulose-bisphosphate carboxylase 1676
  Ipomoea
    phylogeny 12487
    ribosomal DNA 12487
  Ipomoea batatas 12483
    galactonolactone dehydrogenase 8848
    metallothionein 6501
    protein kinase 12484
    proteinase inhibitors 6502
    proteins 11054
  Ipomoea trifida 12483
  Juglans nigra, glutamate-ammonia ligase 12709
  Koeleria, phylogeny 3044
  Lablab purpureus, lectins 5453
  Lactuca, phylogeny 2286
  Lactuca sativa
    DNA binding proteins 2287
    gibberellins 4341
    growth regulators 4341
    pathogenesis-related proteins 2287
    phylogeny 2286
  lectins 1818
  Lens
    legumin 5403
    vicilin 5403
  Lentinula edodes
    DNA binding proteins 9223

Nucleotide sequences *cont.*
  Lentinula edodes cont.
    peptidases 8392
  Lilium longiflorum
    histones 5877
    pollen 5876-5877
    protein kinase 10396
  Linaria vulgaris, flowers 12916
  Linum usitatissimum (flax), *Melampsora lini* 6979
  Liquidambar styraciflua, flowers 10306
  Liriodendron tulipifera
    laccase 10304
    oxidoreductases 10304
  Lolium perenne, caffeate *O*-methyltransferase 4095
  Lolium temulentum, β-fructofuranosidase 304
  Lotus corniculatus, phosphoenolpyruvate carboxylase 10937
  Lotus japonicus
    glutamate-ammonia ligase 6370
    nodulation 5270
  Lupinus, phylogeny 8762
  Lupinus albus, acid phosphatase 12322
  Lupinus luteus, asparaginase 6369
  Lupinus texensis
    repetitive DNA 1245
    Retroviridae 11801
  Lycopersicon chilense, transposable elements 12527
  Lycopersicon esculentum
    abscisic acid 5528
    adenosinetriphosphatase 9965
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 486
    binding proteins 6572
    development 5531, 11136
    ethylene 11103
    expansins 474, 4346
    flooding 486
    β-fructofuranosidase 1377
    Fulvia fulva 494, 2305, 7903, 11128
    glucose-1-phosphate adenylyltransferase 8879
    glutaredoxin 5522
    glycoproteins 7884
    growth regulators 5528
    histones 7887
    karyopherin 9981
    Macrosiphum euphorbiae 497
    Meloidogyne incognita 497
    Nematoda 11136
    pathogenesis-related proteins 2305, 11123
    phytochrome 3237
    proteinases 5521
    proteins 6556, 12526
    Pseudomonas syringae 11123
    pyrroline-5-carboxylate synthetase 1380
    ripening 11103
    RNA polymerase 3235
    serine proteinases 7886
    source sink relations 9972
    spermidine synthase 11100
    sucrose synthase 9972
    tomato yellow leaf curl bigeminivirus 9981
    ubiquitin 8878
    xanthophyll 5528
  Lycopersicon pimpinellifolium
    Fulvia fulva 2305
    pathogenesis-related proteins 2305
  Magnoliaceae, maturase 8286
  Malus pumila
    adventitious roots 5572
    death 3265
    fruits 11179
    growth regulators 1428
    homeoboxes 8912
    IBA 1428
    iditol dehydrogenase 4397
    oxygenases 5572
    pollination 3267
    proteins 11179
    ribonucleases 6636, 7937
    roots 1428
    self incompatibility 6636, 7937, 12620

Nucleotide sequences *cont.*
  Manihot esculenta
    glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase 7826
    mandelonitrile lyase 7824
    phylogeny 7826
  Medicago
    phylogeny 1234, 5253
    ribosomal DNA 5253
  Medicago sativa
    adenosinetriphosphatase 12305
    alfin 3053
    cell division 12304
    DNA binding proteins 3053
    glutamate-ammonia ligase 6351
    heat shock proteins 9749, 10900
    pyrroline-5-carboxylate synthetase 2146
    salinity 2146
  Medicago truncatula
    glutamate-cysteine ligase 4126
    glutathione synthase 4126
    homoglutathione synthase 4126
    nutrients 7678
    phosphates 7678
    roots 312
  Mercurialis annua
    sex 2666
    zeatin ribosidase 2666
  Mesembryanthemum crystallinum, injuries 7133
  Michelia, maturase 8286
  Mimosa pudica, apyrase 10303
  Miscanthus sinensis, ribosomal RNA 2140
  Morchella, exo-α-1,4-glucan lyase 11626
  Musa
    1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 9007
    ethylene receptor 6740
    sugarcane bacilliform badnavirus 10066
  Nepenthes alata
    nitrogen 5889
    translocation 5889
  Nicotiana glutinosa, pathogenesis-related proteins 10238
  Nicotiana paniculata, elongation factors 5753
  Nicotiana plumbaginifolia
    adenosinetriphosphatase 11376
    calreticulin 2525
    DNA binding proteins 4575
    glutamate dehydrogenase 10217
  Nicotiana rustica, RNA 2518
  Nicotiana sylvestris
    adenosinetriphosphatase 2522
    binding proteins 9088
    chlorophyll 9088
    cytoplasmic male sterility 1615
    NADH dehydrogenase 1615
    naringenin-chalcone synthase 3524
    ribonucleases 6931
    ribosomal DNA 12802
    self incompatibility 6931
  Nicotiana tabacum 1611, 3516
    adenosinetriphosphatase 5761
    annexins 4580
    aquaporin 11378
    binding proteins 6923
    calmodulin 2523
    chaperones 8128
    chitinase 687, 8130
    cytokinins 1623
    defensins 10224
    development 10234
    G proteins 9097
    glycoproteins 3525
    histones 11363
    homeoboxes 2517
    (*S*)-2-hydroxy-acid oxidase 2516
    injuries 700
    ion channels 4581
    isocitrate dehydrogenase 2515
    metalloproteinases 6924
    NADPH-cytochrome P450 oxidoreductase 686
    nutrients 10233
    oxygenases 688
    peroxidases 12800
    phosphates 10233

- **Nucleotide sequences** *cont.*
  - *Nicotiana tabacum cont.*
    - pollen 10227
    - polyubiquitin 689
    - proliferating cell nuclear antigen 6928
    - proteasomes 4577
    - protein kinase 700, 2523, 8129, 10516
    - protoplasts 1623
    - Retroviridae 11801
    - ribonucleotide reductase 2521
    - ribosomal DNA 12802
    - scaffold attachment regions 8130
    - squalene synthase 1617
    - sterol-C5(6)-desaturase 7230
    - sulfite reductase 1610
    - syntaxin 4581
    - translation initiation factor 10222
    - tyramine *N*-feruloyltransferase 12799
    - violaxanthin deepoxidase 2513
    - water balance 11378
  - *Nicotiana tomentosiformis,* ribosomal DNA 12802
  - *Nothofagus,* ribulose-bisphosphate carboxylase 1676
  - *Ocimum basilicum,* caffeate *O*-methyltransferase 12972
  - *Oenothera arizonica,* linalool synthase 12920
  - *Olea,* repetitive DNA 1567
  - *Olea chrysophylla,* acyl-acyl-carrier-protein desaturase 11315
  - *Olea cuspidata,* acyl-acyl-carrier-protein desaturase 11315
  - *Olea europaea*
    - acyl-acyl-carrier-protein desaturase 11315
    - allergens 10163
    - cytochromes 10164
  - Orchidaceae, ribulose-bisphosphate carboxylase 5883
  - *Oryza*
    - catalase 8712
    - repetitive DNA 7558
  - *Oryza australiensis*
    - endonucleases 10818
    - transposable elements 10818
  - *Oryza rufipogon* 9665
    - RNA 6261
    - RNA helicase 6261
    - RNA polymerase 6261
  - *Oryza sativa* 6297, 9665
    - abscisic acid 4071
    - alanine aminotransferase 4031
    - aldehyde dehydrogenase 12180
    - amylose 12186
    - anthers 4029
    - catalase 1834
    - chitinase 2967
    - cysteine endopeptidases 9663
    - development 9681, 12184
    - α-dextrin endo-1,6-α-glucosidase 7554
    - dihydrokaempferol 4-reductase 9669
    - DNA binding proteins 12179
    - elongation factors 5166, 10805
    - endonucleases 10818
    - flowering 9681
    - flowers 12184
    - glucanases 10803
    - glutamate synthase (NADH) 7553
    - glutathione reductase 4046
    - glutathione transferase 9718
    - glycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase 1130
    - heat shock proteins 7318
    - homeoboxes 10806
    - homeotic genes 3515
    - importins 1129, 8689
    - inflorescences 4026
    - isoamylase 6271
    - isocitrate dehydrogenase 12181
    - kinases 10594
    - lipid transfer proteins 8690
    - *Magnaporthe grisea* 10870
    - male sterility 4029
    - metallothionein 6259, 7560
    - *myo*-inositol-1-phosphate synthase 4042
    - nodulins 10808
    - pathogens 12236

- **Nucleotide sequences** *cont.*
  - *Oryza sativa cont.*
    - phosphate transporters 10583
    - phytoene desaturase 12185
    - plant embryos 4040
    - protein kinase 2105, 2120, 7555, 10809
    - proteins 2965, 10811
    - pyrophosphatases 10807
    - pyruvate decarboxylase 7614
    - repetitive DNA 7558
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 273, 12177
    - ribulose-phosphate 3-epimerase 7592
    - salinity 4071
    - serine/threonine specific protein phosphatase 4030
    - somatic embryogenesis 279
    - stress 4046
    - succinate dehydrogenase 12188
    - superoxide dismutase 7552
    - thymidylate synthase 9670
    - transposable elements 2999, 5163, 9664, 10818
    - tryptophan synthase 2090
    - *Xanthomonas oryzae* 2120
  - *Paeonia*
    - alcohol dehydrogenase 12924
    - phylogeny 12924
  - *Palmaria palmata,* ribosomal RNA 5921
  - *Panax* 5898
  - *Panax pseudoginseng*
    - flowers 1774
    - transcription factors 1774
  - *Panicum maximum*
    - apomixis 8675
    - embryo sac 8675
  - *Papaver nudicaule,* self incompatibility 1773
  - *Papaver rhoeas,* self incompatibility 1773
  - *Papaver somniferum*
    - alkaloids 10426
    - codeinone reductase 10428
    - pathogenesis-related proteins 3634
    - tyrosine decarboxylase 1770
  - *Perilla frutescens*
    - anthocyanidin synthase 4545
    - fatty acid desaturases 5723
    - UDP-glucose:anthocyanin 5-*O*-glucosyltransferase 6884
  - *Persea americana*
    - chitinase 4488
    - lipoxygenase 6752
    - naringenin-chalcone synthase 6751
  - *Petroselinum crispum, trans*-cinnamate 4-monooxygenase 4778
  - *Petunia*
    - colour 5864
    - cytochrome P-450 5864
  - *Petunia hybrida*
    - ACC 10379
    - calmodulin 7109
    - chalcone isomerase 794
    - pollen 10379
    - protein kinase 10516
  - *Peziza,* exo-α-1,4-glucan lyase 11626
  - *Phalaenopsis,* ethylene 7121
  - *Pharbitis nil,* ion transport 7093
  - *Pharbitis purpurea*
    - colour 2631
    - flowers 2631
  - *Phaseolus lunatus*
    - cytokinins 5353
    - lectins 10965
    - Retroviridae 11801
    - zeatin glucosyltransferase 5353
  - *Phaseolus vulgaris*
    - asparagine synthase 10962
    - *Colletotrichum lindemuthianum* 8792
    - fungi 7747
    - glycoproteins 10976
    - nodulation 7747
    - pathogenesis-related proteins 7747
    - protein kinase 7747
    - *trans*-cinnamate 4-monooxygenase 9819
    - transposable elements 7739
  - *Phleum pratense*
    - allergens 8751
    - pollen 8751

- **Nucleotide sequences** *cont.*
  - phylogeny 4925, 11793
    - statistics 2796
  - *Phytolacca americana*
    - antifungal proteins 1777
    - pathogenesis-related proteins 11598
  - *Picea abies*
    - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 765
    - homeotic genes 3580
    - mitochondrial genetics 10326
  - *Picea glauca*
    - repetitive DNA 1693
    - somatic embryogenesis 8254
  - *Pimpinella brachycarpa,* phospholipase D 826
  - *Pinus,* ribosomal RNA 7023
  - *Pinus caribaea*
    - germins 3571
    - somatic embryogenesis 3571
  - *Pinus contorta,* glucosidases 10317
  - *Pinus radiata*
    - caffeate *O*-methyltransferase 7016
    - development 2594, 5817
    - flowering 2598
    - homeotic genes 5817
  - *Pinus sylvestris*
    - pinosylvin 4671
    - stilbene synthase 4671
  - *Pinus taeda,* protochlorophyllide reductase 1689
  - *Pisum sativum*
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 3111
    - cytochromes 9830
    - development 7757
    - DNA binding proteins 5367, 9829, 10983
    - DNA polymerase 10983
    - fungi 5367
    - G proteins 4217
    - gibberellins 10988
    - growth regulators 10988
    - histones 4217
    - lipoxygenase 7756, 9846
    - pectinesterase 10987
    - plant embryos 5285
    - polyubiquitin 8793
    - proliferating cell nuclear antigen 12394
    - protein-tyrosine phosphatase 5285
    - proteinases 6435
    - proteins 9830
    - Retroviridae 11801
    - ribosomal DNA 9831
    - ribosomes 10980
    - roots 10987
    - spermidine synthase 7755
    - sucrose synthase 5370
    - transcription factors 3108
    - UDPglucose 4-epimerase 2207
  - *Pleurotus ostreatus*
    - hydrophobins 5916
    - succinate dehydrogenase 2686, 11625
  - Poaceae
    - alcohol dehydrogenase 11822
    - evolution 11822
    - transposable elements 11816
  - *Polygonum tinctorium,* glucosidases 8358
  - *Poncirus trifoliata* 1522
  - *Populus*
    - caffeoyl-CoA *O*-methyltransferase 10296
    - cellulase 10297
    - development 2574
    - inorganic pyrophosphatase 11471
    - phenylalanine ammonia-lyase 8206
    - xylem 2574
  - *Populus balsamifera,* phenylcoumaran benzylic ether reductase 12874
  - *Populus canadensis,* laccase 10294
  - *Populus deltoides* 4645
  - *Populus trichocarpa*
    - abscisic acid 1667
    - growth regulators 1667
  - *Porphyra,* ribosomal RNA 11637
  - *Porphyra yezoensis,* ribosomal RNA 11638
  - *Porteresia coarctata,* histones 6260
  - *Posidonia oceanica,* ribosomal DNA 3649

Nucleotide sequences *cont.*
- *Potamophila parviflora*
  - phylogeny 285
  - ribosomal RNA 285
- proteins 11808
- *Prunus armeniaca*
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 11190
  - catechol oxidase 6673
- *Prunus avium*
  - ribonucleases 7969, 12653
  - self incompatibility 7969
- *Prunus dulcis*
  - ribonucleases 2434, 12708
  - self incompatibility 2434
- *Prunus persica*
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 4436
  - chlorophyll *a/b* binding protein 4434-4435
  - metallothionein 12659
- *Prunus serotina,* mandelonitrile lyase 6687
- *Pseudotsuga menziesii* 1700
  - late-embryogenesis-abundant proteins 7035
  - proteins 7032-7033
  - seeds 2605
  - thaumatin 7034
  - ubiquitin-conjugating enzyme 7031
- Pteridophyta, ribosomal DNA 3585
- *Pyrus pyrifolia*
  - ribonucleases 7937
  - ripening 10024
  - RNA polymerase 10022
  - self incompatibility 7937
  - senescence 10024
  - UTP-glucose-1-phosphate uridylyltransferase 5579
- *Quercus,* phylogeny 12872
- *Quercus suber*
  - heat shock proteins 2573
  - stress 2573
- *Raphanus sativus* 2258
  - aquaporin 425
  - cytoplasmic male sterility 4506
  - development 7835
- recombination 10488
- *Rhododendron,* phylogeny 8284
- *Ribes nigrum*
  - proteins 2362
  - ripening 2362
- ribosomal DNA 3719
- ribosomal RNA, computer programming 5969-5970
- ribulose-bisphosphate carboxylase, statistics 2796
- *Ricinus communis*
  - nitrogen 1871
  - nutrients 1871
  - permease 6876
- RNA polymerase 11793
- *Rosa,* phylogeny 2617
- Rosaceae
  - ribonucleases 4932
  - self incompatibility 4932
- Rubiaceae, ribulose-bisphosphate carboxylase 1676
- *Rubus idaeus,* ripening 4449
- *Ruta graveolens,* acridone synthase 12948
- *Saccharum officinarum* 3487, 4550
  - caffeate *O*-methyltransferase 11343
  - cinnamoyl-CoA reductase 11343
  - cinnamyl-alcohol dehydrogenase 11343
- *Salix gilgiana,* DNA replication 11477
- *Sambucus nigra,* binding proteins 6738
- *Santalum album,* glycoproteins 3646
- *Secale cereale,* secalins 2898
- *Sesbania rostrata,* chalcone reductase 12342
- *Shorea curtisii,* microsatellites 4660
- *Silene latifolia*
  - pollen 1730
  - proline-rich proteins 1730
  - sex chromosomes 5851
- *Sinapis alba*
  - glucosinolates 2465
  - transcription factors 630
- *Solanum berthaultii,* protein kinase 5459

Nucleotide sequences *cont.*
- *Solanum brevidens,* repetitive DNA 1328
- *Solanum commersonii,* cyclophilin 2240
- *Solanum tuberosum*
  - binding proteins 5460
  - chitinase 9893
  - development 4251, 8816
  - drought resistance 2241
  - *Erwinia carotovora* 4293
  - ethylene 9894
  - fructose-2,6-bisphosphate 2-phosphatase 7801
  - glucan branching enzyme 9892
  - glucose-6-phosphate 1-dehydrogenase 11023
  - kinases 12467
  - lipoxygenase 399, 406
  - metallocarboxypeptidase inhibitor 5458
  - phosphofructokinase 7801
  - potato Y potyvirus 12467
  - protein kinase 5460, 11020
  - pyrophosphatases 5468
  - repetitive DNA 1328
  - ribosomal DNA 7798
  - senescence
    - mannose-1-phosphate guanylyltransferase (GDP)
      - antisense RNA 12445
      - genetic transformation 12445
  - serine palmitoyltransferase 12462
  - starch synthase 11027
  - tubers 8816
- *Sorghum,* phylogeny 12156
- *Sorghum bicolor*
  - alcohol dehydrogenase 11814
  - light 1096
  - protein kinase 9636
  - transcription factors 6234
- *Sphenostylis stenocarpa,* chitinase 9887
- *Spinacia oleracea* 7857
  - binding proteins 889, 2285
  - isoenzymes 9954
  - manganese 889
  - nitrite reductase 2284
  - phosphoribosyl diphosphate synthase 9954
  - photosynthesis 889
  - ribosomes 7856
  - ribulose-phosphate 3-epimerase 1369
- *Sporobolus pyramidalis*
  - desiccation 7672
  - G proteins 7672
- techniques 11710
- *Thalictrum tuberosum,* methyltransferases 5897
- *Theobroma*
  - globulins 12796
  - phylogeny 12796
- thymidine kinase 5989
- *Trifolium repens,* 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 8756
- *Tripsacum dactyloides,* globulins 1085
- *Trisetum,* phylogeny 3044
- Triticeae
  - ribosomal DNA 3795
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 4948
- *Triticum*
  - domestication 8578
  - glutenins 8578
  - nucleolus organizer 9433
- *Triticum aestivum* 11833
  - binding proteins 7417
  - cadmium 10632
  - CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase 6092
  - cell division 11847
  - cold resistance 9513
  - DNA binding proteins 156
  - gibberellins 10587
  - gliadin 9488, 11871
  - glutamate-ammonia ligase 7348
  - glutathione transferase 6093
  - glutenins 3856, 9488, 9495
  - heat shock proteins 9504
  - height 10587
  - *Heterodera avenae* 9534
  - kinases 10594
  - peptidylprolyl isomerase 9504
  - phylogeny 1002, 8577

Nucleotide sequences *cont.*
- *Triticum aestivum cont.*
  - phytochelatins 10632
  - puroindoline-b 9429
  - RNA polymerase 1062
  - salinity 9515
  - starch synthase 9444
  - taxonomy 11871
  - toxic substances 10632
  - transcription factors 156, 10587
- *Triticum boeoticum,* glutenins 3857
- *Triticum durum,* glutenins 6088, 9495
- *Triticum spelta*
  - gliadin 11871
  - taxonomy 11871
- *Ulva*
  - morphology 12982
  - phylogeny 12982
- *Vanilla planifolia*
  - caffeate *O*-methyltransferase 4773
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 3640
- *Verbena hybrida,* UDP-glucose:anthocyanin 5-*O*-glucosyltransferase 6884
- *Vicia faba*
  - cytoplasmic male sterility 3093
  - glycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase 10959
  - peptidylprolyl isomerase 9815
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 9816
- *Vigna mungo*
  - asparaginyl endopeptidase 4235
  - flavonoids 3136
- *Vigna radiata*
  - aldehyde dehydrogenase 1319
  - aldehyde reductase 2381
  - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 9875
  - cytokinin-specific binding protein 9876
  - development 9879
  - ethylene 11013
  - growth regulators 11013
  - seeds 9879
- *Vigna unguiculata,* phospholipase D 9873
- *Vitis vinifera*
  - arginine decarboxylase 11216
  - hexoses 12675
  - ripening 12675
- *Zea,* globulins 1085
- *Zea mays*
  - alanine transaminase 2014
  - alcohol dehydrogenase 11814
  - alternative splicing 3735
  - caffeoyl-CoA *O*-methyltransferase 11989
  - carotene desaturase 11990
  - cysteine proteinases 9597
  - cytochrome-b_5 reductase 5107
  - cytokinin oxidase 5104, 9602
  - development 5109, 6210-6211, 9617, 9619
  - DNA binding proteins 3960, 10692
  - endosperm 6206
  - evolution 11997
  - fertilization 12028
  - gibberellins 10587
  - glucan branching enzyme 2910
  - habit 12073
  - height 10587
  - histone acetyltransferase 11996
  - homeotic genes 3961, 6210-6211
  - inflorescences 9617
  - iron 12105
  - kinases 2916
  - malonyltransferase 5106
  - NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase 188, 2015
  - naringenin-chalcone synthase 12049
  - nucleolus 9596
  - nutrients 12105
  - phosphate transporters 10583
  - phosphoenolpyruvate carboxylase 1074
  - phosphopyruvate hydratase 2939
  - phytase 5109
  - plant embryos 9619
  - proline-rich proteins 7486

Nucleotide sequences *cont.*
  Zea mays cont.
    protein kinase 191, 6206, 9618
    proteinases 3919
    proteins 2913, 9594, 10696
    pyruvate dehydrogenase 9610
    repetitive DNA 5094
    Retroviridae 11801
    ribosomal proteins 10695
    RNA polymerase 1062, 9595
    roots 10704
    small nuclear RNA 9596
    starch branching enzyme 8632
    succinate dehydrogenase 10695
    sulfate adenylyltransferase 5110
    sulfate permease 5110
    thioredoxin 2913
    transcription factors 3960, 10587, 12105
    translation initiation factor 7482
    transposable elements 2022, 5094, 11998
  Zizania caduciflora, heat shock proteins 7318
Nullisomic analysis (*see* Gene location)
Nuphar microphylla
  interspecific hybridization 1765
  morphology 5893
  taxonomy 5893
Nuphar pumila
  morphology 5893
  taxonomy 5893
Nuphar rubrodisca
  morphology 1765
  pollen 1765
  random amplified polymorphic DNA 1765
Nuphar variegata, interspecific hybridization 1765
Nut crops
  breeding 10088
  genetic resources 1418
  reproduction, reviews 3370
Nutrients 3669
  Aegilops 9539
    evolution 7369
  Apium graveolens 92
  Arabidopsis thaliana 8475
    gene expression 1871, 4896, 6039, 7259, 9368-9369, 10550
    genetic transformation 1871
    nucleotide sequences 1871, 4896, 6039
  Beta vulgaris (sugarbeet) 6909
    tissue culture 10203
  Betula papyrifera 1661, 9125
  Betula tortuosa 1660
  Brachiaria 2145
  Brassica napus (rape) 2462, 6825, 6828, 8050
  Brassica pekinensis 450
  Camellia sinensis 10208
  Capsicum annuum 7914
  Cicer arietinum 382
  Citrus 3364
  crops, molecular genetics 3720
  Cucumis sativus, molecular genetics 7932
  Daucus carota, artificial selection 6498
  Festuca pratensis 8742-8743
  gene expression 3704
  genetic transformation, reviews 11666
  genetics, reviews 11813
  Glycine max 353, 12366
    gene expression 2167
    genetics 10955
    nucleotide sequences 2167
  Gossypium, genetic transformation 12856
  Helianthus annuus 3438
  Hordeum vulgare 1043, 6176, 8602, 10670
  Lactuca sativa 3230
  Lens culinaris, heritability 7766
  Linum usitatissimum (flax) 11448
  Lolium perenne
    genotype environment interaction 3035
    heritability 3035
  Lycopersicon esculentum 92, 6565-6566
    in vitro selection 7899
  Malus pumila 1427

Nutrients *cont.*
  Manihot esculenta, genotype environment interaction 2254
  Medicago sativa 3051
  Medicago truncatula
    gene expression 7678
    nucleotide sequences 7678
  molecular genetics, reviews 11812
  Nicotiana tabacum 3533, 6938
    gene expression 10233
    nucleotide sequences 10233
  Oryza sativa 1187-1188, 1191, 2113, 4057-4058, 5215, 6293
    gene mapping 1189, 3012
    genetic markers 4059
    restriction fragment length polymorphism 1189
  Pennisetum purpureum 7525
  Phaseolus vulgaris 4207, 6426, 8786
  Phleum pratense, artificial selection 3046
  Pinus nigra 10322
  Pinus sylvestris 8244
  Pisum sativum 5290
    gene expression 9847
    mutations 3114
  Poa pratensis 8735
  Ricinus communis
    gene expression 1871
    nucleotide sequences 1871
  Saccharum officinarum 6901, 12767
  Secale cereale, techniques 956
  Solanum melongena 11147
  Solanum tuberosum 4285, 11043
    history 7803
  Solanum (tuberous species) 8831
  Sorghum bicolor 1101, 10756
  Spinacia oleracea 1370-1371
  Trifolium repens 10909
    heritability 2151
  triticale 11977
    techniques 956
  Triticum
    evolution 7369
    polyploidy 11880
  Triticum aestivum 92, 1004, 1968, 1970, 3872, 5018, 6129-6132, 7386, 7388, 8538, 8579-8581
    chromosome substitution 5013
    chromosome translocation 2857-2858
    gene expression 2857-2858
    gene location 5013
    techniques 140, 956
  Triticum dicoccoides, genotype environment interaction 5016
  Triticum durum 8581
    chromosome substitution 9474
    gene location 9474
    genetics 3873
    genotype environment interaction 5016
  Vaccinium macrocarpon 7976
  vegetables 2805
  Vicia faba 5290
  Vitis 561
  Zea mays 195, 214, 1086, 6220-6221, 8538, 8658-8660, 9628
    combining ability 2938
    gene expression 12105
    gene mapping 5126
    genetics 2047
    mutations 9629
    nucleotide sequences 12105
Nutritive value
  Amaranthus 1374-1375, 3028
  Apios americana 3194
  Arachis hypogaea 9051
  Atriplex halimus 7638
  Brassica campestris (turnip rape) 11266
  Brassica juncea 11266
  Brassica napus (rape) 11266
  Bromus inermis, artificial selection 7671
  Cicer arietinum 1257, 3126, 4228
  crops, molecular genetics 10589
  Eleusine indica, genetics 10783
  Fagopyrum esculentum 3028
  fodder legumes 6317
  Glycine max 6399, 9799
  Gnetum africanum 8872
  Heinsia crinita 11090
  Hordeum vulgare 167, 1039, 6077, 7442, 8611, 10596, 10666

Nutritive value *cont.*
  Jatropha curcas 1215
  Lens culinaris 1257, 5289
  Leucaena 329, 9777
  Lolium perenne 4101
    multivariate analysis 305
  Lupinus angustifolius 5289, 12331-12332
  Lupinus mutabilis 12329, 12333
  Medicago sativa 5252
  Morus alba 3345
  Oryza sativa 6287, 8707
    mutations 12222
  Panicum miliaceum 3028
  Pennisetum glaucum 5150
  Pisum sativum 6440-6441
  reviews 11664
  Solanum tuberosum, genetic transformation 3172, 8827
  Sorghum bicolor 1098-1099, 6240, 8671
  Sorghum sudanense 8671
  Terminalia arjuna 3562
  Terminalia tomentosa 3562
  triticale 6193
  Triticum aestivum 10596
  Triticum durum 10596
  Vicia faba 358, 5289, 5344
  Vigna unguiculata 4232, 8805
    genotype environment interaction 389
  Zea mays 1080, 3978, 6077, 8656
    genetic transformation 1079
Nymphaea marliacea, anthocyanins 1766
Nymphaeales, phylogeny, techniques 7297
Ocimum basilicum
  anthocyanins 1781
  caffeate *O*-methyltransferase, nucleotide sequences 12972
  cultivars, Nufar 7150
  essential oils 11607
  Fusarium oxysporum 7150
  plant introduction 11607
  variety classification 4780
Octomeria, taxonomy 11572
Odontoglossum dracoceps, taxonomy 11571
Odontotermes, *Eucalyptus* 9128
Oebalus pugnax, *Oryza sativa* 7619
Oenanthe javanica, genetic resources 6549
Oenothera
  chemotaxonomy 8099
  chloroplast genetics 4727
  cytoplasmic inheritance 11586
  fatty acids 8099
  linolenic acid 8097
  restriction fragment length polymorphism 4727
  ribulose-bisphosphate carboxylase, mutations 3602
Oenothera arizonica
  linalool synthase
    evolution 12920
    nucleotide sequences 12920
Oenothera hookeri, chloroplast genetics 2622
Oidiopsis (*see also Leveillula)*
Oidium (*see also Leveillula; Microsphaera; Uncinula)*
Oidium anacardii
  Anacardium occidentale 3400, 3418
    techniques 3419
Oidium lini, *Linum usitatissimum* (linseed), genetics 12734
Oidium lycopersicum
  Lycopersicon, techniques 11127
  Lycopersicon esculentum, techniques 11127
Oils
  Arachis hypogaea, artificial selection 1573
  Avena sativa
    gene mapping 8622
    restriction fragment length polymorphism 8622
  Barbarea 9058
  Brassica juncea
    combining ability 3431, 10142
    genetics 12719
  Brassica napus (rape) 6822
  Brassicaceae 6821
  Carthamus tinctorius 8069
  Citrullus colocynthis 11162
  Cuphea viscosissima
    genetic engineering 1582

- **Oils** *cont.*
  - *Cuphea viscosissima cont.*
    - induced mutations 3481
    - mutations 1582
  - *Dimorphotheca pluvialis* 650
    - artificial selection 6888
    - heritability 6888
  - *Eruca vesicaria* 11339
  - fatty oil plants, genetic engineering 1544
  - genetic transformation, reviews 11697
  - *Glycine max* 5317
  - *Gossypium hirsutum* 5787
    - dominance 8178
    - heritability 8178
  - *Helianthus* 6857
  - *Helianthus annuus* 6857, 8066
    - genotype environment interaction 6860
  - *Helianthus petiolaris* 6857
  - *Humulus lupulus* 10455
  - *Lepidium* 9058
  - *Olea europaea* 5706, 10165, 11327-11328
  - *Pistacia vera* 585
  - *Sesamum indicum,* combining ability 8091
  - *Zea mays* 6218
    - artificial selection 12097
    - genetic variance 7496
    - heritability 7497
    - heterosis 7494
    - wide hybridization 1083
- ***Olea***
  - amplified fragment length polymorphism 11311
  - repetitive DNA, nucleotide sequences 1567
  - taxonomy, amplified fragment length polymorphism 6867
- ***Olea chrysophylla***
  - acyl-acyl-carrier-protein desaturase
    - nucleotide sequences 11315
    - restriction fragment length polymorphism 11315
- ***Olea cuspidata***
  - acyl-acyl-carrier-protein desaturase
    - nucleotide sequences 11315
    - restriction fragment length polymorphism 11315
- ***Olea europaea***
  - acyl-acyl-carrier-protein desaturase
    - gene mapping 11310
    - nucleotide sequences 11315
    - restriction fragment length polymorphism 11315
  - allergens
    - gene expression 12751
    - nucleotide sequences 10163
  - amino acids 1569
  - amplified fragment length polymorphism 11311
  - *Bactrocera oleae* 2475, 11331
  - breeding, conferences 11643
  - clonal variation 11302
  - cold resistance 8074
  - cultivars 5703-5704
    - Maalot 11306
  - cytochromes
    - gene expression 10164
    - nucleotide sequences 10164
  - databases 9048
  - fatty acids 11327
  - flowering 11322, 11324
  - forcing 11324
  - fruits 3458, 11322
  - genetic resources 87, 2472, 9048, 11301, 11303-11305
    - books 8420
  - genetic transformation 8073, 11309, 11314, 11316
  - germination, combining ability 11321
  - gynoecium 11318
  - isoenzymes, polymorphism 11323
  - lipids 1568
  - male sterility, chloroplast genetics 12750
  - oils 5706, 10165, 11327-11328
  - peroxidases 1568
  - phenolic compounds 10166
  - pollen, ultrastructure 11319
  - pollination 11317
  - proteins 1569
- ***Olea europaea*** *cont.*
  - *Pseudomonas savastanoi* 11329
  - quality 3458, 5706, 11328
    - clonal variation 11326
  - random amplified polymorphic DNA 8072, 11302
  - *Spilocaea oleagina* 11330
  - stearoyl-CoA desaturase, gene expression 5705
  - storage 3458
  - taxonomy, amplified fragment length polymorphism 6867
  - tissue culture 11309
  - triacylglycerols 11325
  - variety classification 8072, 10165, 11305, 11307-11308, 11319, 11327
    - computer programming 2474
    - multivariate analysis 11312
    - random amplified polymorphic DNA 643, 2473, 11312-11313
  - variety trials 1566, 5702-5703
  - volatile compounds 10165
  - waxes 2475
  - yield components 11320
- **Oleic acid**
  - *Brassica campestris* (turnip rape)
    - gene mapping 3433
    - nucleotide sequences 3433
  - *Carthamus tinctorius,* germplasm releases 6864
  - *Glycine max*
    - induced mutations 9802
    - restriction fragment length polymorphism 9802
  - *Helianthus annuus* 637, 6858
    - mutations 638
    - restriction fragment length polymorphism 638
  - *Sesamum indicum,* artificial selection 8092
  - *Zea mays*
    - genetics 211
    - induced mutations 211
- **Oleosins**
  - gene expression 9274
  - genetic transformation 9274
- **Oligo-1,6-glucosidase**
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 10659
    - nucleotide sequences 10659
- **Onion yellow dwarf potyvirus,** *Allium sativum* 4328
- **Opal phytoliths,** *Oryza sativa* 6292, 9679
- ***Ophioglossum richardsiae,*** taxonomy 11578
- ***Ophioglossum vulgatum,*** taxonomy 11578
- ***Ophiomyia phaseoli,*** *Phaseolus vulgaris* 10978
- ***Ophiopogon japonicus,*** chromosome morphology 7127
- ***Ophiostoma novo-ulmi,*** *Ulmus* 11480
- ***Ophiostoma polonicum,*** *Picea abies* 1698
- ***Ophrys bertolonii,*** random amplified polymorphic DNA 2659
- ***Ophrys sphegodes***
  - pollination 10401
  - volatile compounds 10401
- ***Opuntia,*** genetic resources 11247
- ***Opuntia ficus-indica***
  - *Corticium rolfsii* 2432
  - drought resistance 8029
  - *Fusarium solani* 2432
  - salinity 8029
  - *Scytalidium lignicola* 2432
- ***Opuntia spinosissima***
  - polyploidy 1536
  - seeds 1536
  - self incompatibility 1536
- **Orchidaceae**
  - amplified fragment length polymorphism 7122
  - biotechnology, reviews 4755
  - cultivars 10400
  - DNA, techniques 9199
  - gene banks 10399
  - morphology 5882
  - nectar 3619
  - nomenclature 5887
  - phylogeny 5882
  - pollination 3619
  - ribosomal DNA, phylogeny 10405
- **Orchidaceae** *cont.*
  - ribulose-bisphosphate carboxylase, nucleotide sequences 5883
  - taxonomy 5883
- ***Orchis morio,*** pollination 7125
- **Organelles**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 9313
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers), gene expression 9313
  - *Ipomoea batatas,* genetics 7830
  - *Lilium davidii,* genetics 8339
  - *Lilium regale,* genetics 8339
  - molecular genetics 883
  - *Nicotiana tabacum*
    - DNA polymerase 4573
    - gene expression 6933, 9098
    - genetic transformation 6933
  - phylogeny 4922, 8443
- **Organic acids**
  - *Actinidia chinensis* 564
  - *Prunus laurocerasus* 8943
  - *Rheum* 7880
- **Organic nitrogen compounds,** *Astragalus* 8764
- ***Origanum majorana,*** variety classification 7152
- ***Origanum vulgare***
  - chemotaxonomy 3644
  - essential oils 3644
  - genetic resources 3644
- **Ornamental orchids,** variety classification, random amplified polymorphic DNA 2611
- **Ornamental palms**
  - breeding, conferences 10467
  - gene banks 10335-10336
- **Ornamental plants**
  - breeding, conferences 2694, 10466
  - colour 1709
    - genetic engineering 4685, 12898
      - reviews 3587
  - cryopreservation 775
  - flavonoids, genetic engineering, reviews 3587
  - flowers, genetic engineering, reviews 3587
  - fungi 11517
  - genetic engineering, reviews 776
  - genetic resources 774, 5837
  - genetic transformation 10333
  - ornamental value 10334
  - variety classification 1708
  - viruses, genetic transformation 4686
- **Ornamental value**
  - *Diospyros kaki* 5653
  - *Lupinus havardii* 12328
  - ornamental plants 10334
  - *Prunus mume* 6675
  - *Zea mays,* germplasm releases 1081
  - *Zelkova serrata* 11523
- **Ornamental woody plants,** variety trials 4687
- **Ornithine decarboxylase**
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 1382
  - *Nicotiana tabacum*
    - cell culture 3529
    - gene expression 3529
- ***Ornithopus compressus,*** morphology, multivariate analysis 6375
- ***Orobanche cernua,*** *Helianthus annuus,* genetics 12742
- ***Orobanche crenata***
  - *Pisum sativum* 5395
  - *Vicia faba* 8780
- ***Orobanche cumana,*** *Helianthus annuus,* restriction fragment length polymorphism 11296
- ***Orseolia oryzae***
  - *Oryza sativa* 8722, 12264
    - fluorescence *in situ* hybridization 293
    - gene mapping 293
    - genetics 2126
    - restriction fragment length polymorphism 293
- ***Orychophragmus violaceus***
  - *Brassica alboglabra,* intergeneric hybridization 444
  - *Brassica juncea,* intergeneric hybridization 4505

Orychophragmus violaceus *cont.*
- embryo culture 444
- fatty acids 10179
- genetic resources 2130, 10179
- tissue culture 6885

Oryza
- anther culture 1179
- breeding 4015
- catalase
  - nucleotide sequences 8712
  - phylogeny 8712
- chloroplasts
  - phylogeny 12227
  - restriction fragment length polymorphism 12227
- cytoplasmic male sterility 1145
- desiccation, anther culture 3004
- evolution 5214
- genetic resources 1203, 12173
- genomes, random amplified polymorphic DNA 4028
- growth period
  - gene mapping 2989
  - restriction fragment length polymorphism 2989
- heat shock proteins 2116
- inflorescences, genetics 7582
- interspecific hybridization 1145, 7622
- *Magnaporthe grisea* 12254
- male sterility
  - gene mapping 2989
  - restriction fragment length polymorphism 2989
- microsatellites 5214
- morphology 1157
- nodulins, genetic engineering 9701
- peroxidases, heterosis 10826
- phylogeny 12226
  - amplified fragment length polymorphism 9700
  - random amplified polymorphic DNA 4028, 4056
- pollen 1157
- proteins, heterosis 10826
- repetitive DNA, nucleotide sequences 7558
- restriction fragment length polymorphism 12226
- rice grassy stunt tenuivirus 4076
- rice yellow mottle sobemovirus, genetic transformation 12257
- seeds, archaeology 268
- silica 1160
- taxonomy, DNA hybridization 1186
- *Xanthomonas oryzae* 1203
  - genetics 7622
- yield components, heritability 10820

Oryza australiensis
- endonucleases
  - gene mapping 10818
  - nucleotide sequences 10818
- transposable elements
  - gene mapping 10818
  - nucleotide sequences 10818

Oryza barthii
- domestication 2112
- yield components 2112

Oryza eichingeri
- chromosome addition 6263, 6300
- fluorescence *in situ* hybridization 6263
- interspecific hybridization 6263, 6300, 12190
- *Nilaparvata lugens* 6300
- restriction fragment length polymorphism 12190

Oryza glaberrima
- canopy 9717
- competitive ability 9717
- domestication 2112
- growth period
  - gene mapping 2989
  - restriction fragment length polymorphism 2989
- ideotypes 1164
- interspecific hybridization 1164, 2989, 9717
- leaves 1164
- male sterility
  - gene mapping 2989
  - restriction fragment length polymorphism 2989

Oryza glaberrima *cont.*
- plant introduction, history 6246
- weeds 9717
- yield components 2112

Oryza glumaepatula
- isoenzymes, genetic variation 255
- population genetics 255

Oryza longistaminata
- habit
  - genetics 7580
  - linkage 7580
- interspecific hybridization 7580, 10826
  - nucleocytoplasmic interaction 10820
- ligules
  - genetics 7580
  - linkage 7580

Oryza meyeriana, protoplast culture 1180

Oryza nivara
- cytoplasmic male sterility 1144
- genetic resources 12212
- interspecific hybridization 6264, 10826
  - nucleocytoplasmic interaction 10820
- *Xanthomonas oryzae,* genetics 9714
- yield components
  - heritability 10840
  - multivariate analysis 12212
- yield correlations 2990

Oryza officinalis
- interspecific hybridization 2095
- pollen 2095

Oryza perennis, cytoplasmic male sterility 9674

Oryza punctata
- chromosome addition 1139, 2094
- DNA hybridization 2086
- protoplast fusion 2086

Oryza rufipogon
- amplified fragment length polymorphism 10810
- cytoplasmic male sterility 1144
  - genetics 7575
- domestication
  - amplified fragment length polymorphism 4054
  - gene mapping 4054
  - restriction fragment length polymorphism 4054
- enzymes 4044
- esterases 4044
- gene mapping 10810
- genetic resources 12212
- heat shock proteins, molecular genetics 7561
- interspecific hybridization 4054, 6264, 7575, 9665, 10810
- isoenzymes, genetic variation 12172
- nucleotide sequences 9665
- *Oryza sativa*
  - interspecific hybridization 6261
  - RNA 6261
- population genetics 10804
- quantitative traits, restriction fragment length polymorphism 1131
- random amplified polymorphic DNA 10804
- repetitive DNA 10810
- RNA 9665
  - nucleotide sequences 6261
- RNA helicase, nucleotide sequences 6261
- RNA polymerase, nucleotide sequences 6261
- yield components
  - heritability 10840
  - multivariate analysis 12212
- yield correlations 2990

Oryza sativa
- abscisic acid
  - gene expression 4064, 4071, 9676-9677
  - nucleotide sequences 4071
- *N*-acetylchitooligosaccharide, gene expression 7559
- actin
  - gene expression 1167
  - genetic engineering 6090
  - mutations 4041
  - promoters 6090
- adenosinetriphosphatase, gene mapping 7563
- adenylate kinase, gene expression 1192

Oryza sativa *cont.*
- alanine aminotransferase
  - gene expression 4031
  - genetic engineering 4031
  - nucleotide sequences 4031
  - promoters 4031
- alcohol dehydrogenase
  - gene expression 3016
  - mutations 3016
- aldehyde dehydrogenase, nucleotide sequences 12180
- aleurone layer
  - gene expression 4032
  - genetic transformation 4032
- allelopathy 6303
- allergens
  - gene expression 10812
  - genetic engineering 10812
- altitude 288, 6267
- aluminium 4061
  - genetics 9706
- amino acids 4079
- amplified fragment length polymorphism 252, 2963, 10810, 10819
- amylases
  - gene expression 2988, 7589
  - mutations 4045
- amylose 4052
  - gene expression 1168, 5211, 12186
  - genetics 5213
  - mutations 5211
  - nucleotide sequences 12186
- anatomy 5134
- androecium 6272
- aneuploidy 5176-5177
- anoxia 8714
- anther culture 278, 1181, 2998, 3011, 4017, 5204, 5207-5209, 7598, 7600-7601, 7603, 8704, 9692, 10844, 10846, 12218
  - gene mapping 277
  - restriction fragment length polymorphism 277
- anthers
  - gene expression 4029
  - nucleotide sequences 4029
- antisense DNA
  - gene expression 2977
  - genetic transformation 2977
- apomixis, artificial selection 10822
- archaeology 3009, 4055, 6292
- aroma 1182
  - artificial selection 281
  - genetics 6288
- artificial selection 1114
- aspartic proteinases, gene expression 5185
- auxins, mutations 4041
- *Bacillus thuringiensis,* genetic transformation 3024
- bentazone, genetics 9719
- betaine
  - gene expression 3015
  - genetic transformation 3015
- bilanafos
  - genetic transformation 2087, 2127, 12266
  - genetics 2127, 12266
- binding proteins
  - gene expression 1126, 9409
  - genetic transformation 1126
- biosafety 6264
- biotechnology 1125, 2958-2959
- breeding 238, 1111-1113, 2065, 2067-2069, 2817, 2955-2957, 4015, 5155-5156, 5158, 6247, 7314, 7316, 7528-7529, 7532, 8680, 10592, 10785
  - databases 237
  - history 5153-5154, 5175, 7530-7531, 7534
- calmodulin, gene mapping 7563
- canopy 9717
- catalase, nucleotide sequences 1834
- cecropin
  - gene expression 7623
  - genetic transformation 5219, 7623
- cell culture 3000-3001
- cell division, gene expression 4035, 4062
- centres of diversity 9710
- centres of origin 4055

***Oryza sativa** cont.*
- centromeres, molecular genetics 10817
- cercosporin 12242
- chitinase
  - gene expression 6255, 7559
  - gene mapping 2967
  - genetic engineering 2870, 5135
  - genetic transformation 6255
  - nucleotide sequences 2967
- chlorophyll 2999, 10845
  - mutations 5197
- chlorosis 3011
- chromosome addition 1139, 2094, 6263, 6300
- *Cnaphalocrocis medinalis* 7630
  - genetic transformation 3024
- *Cochliobolus miyabeanus,* techniques 1204
- *Cochliobolus spicifer* 12244
- colchicine 10846
- cold resistance 288, 5217, 7613, 7615, 7617, 9705, 9710, 10796, 12231
  - artificial selection 10862
  - gene expression 2781, 3015
  - gene mapping 3018, 12230
  - genetic markers 12230
  - genetic transformation 3015
  - genetic variance 5216
  - heritability 5216
- colour, genetics 5193
- combining ability 5174
- compatibility 262-263
  - genetics 5178
  - germplasm releases 7572
- competitive ability 9684, 9717
- crop density 12270
- cryopreservation 6285, 7597
  - *in vitro* selection 6282
- cultivars 244-245, 2073, 10797-10800
  - 80-You-121 2076
  - ADHR4 240
  - Aranghyangchalbyeo 7542
  - Awaminori 6251
  - Chao Chan-1 7539
  - Chenxuan-2 2072
  - Chunjiang-03 10789
  - Chunjiang 03 Jing 250
  - D297 Long-155 2071
  - Daejinbyeo 1118
  - Danjing-7 2072
  - Dixiebelle 2079
  - Drew 2078
  - Fujing-3 2072
  - Fulong-77 2071
  - Gan Wan Nuo-5 4023
  - Geuroobyeo 7547
  - Hangyu-1 8687
  - Heijing-5 10796
  - Heugjinjubyeo 7550
  - Heugnambyeo 7544
  - Hexi-34 1121
  - Hexi-35 1121
  - Hong Xiang-1 7551
  - Hong Xiang-4 7551
  - Hu-43 10792
  - Huaidao-3 249
  - Hwadongbyeo 7548
  - Hwamyeongbyeo 7549
  - Hyangmibyeo-2 1123
  - II You-162 10793
  - INCA LP-2 8683
  - Jasmine-85 2077
  - Jaymati 1120
  - Jinongda-7 4018
  - Jinongda-8 4022
  - Jinzao-22 7538
  - Kishori 4024
  - KRH1 1122
  - KRH2 1122
  - Kumamoto-3 247
  - Kumamoto-2 248
  - Liao Jing-326 4021
  - Liao Jing-454 7541
  - Liaoyan-9 2072
  - Liaoyannuo-10 2072
  - Longjing-8 12174
  - Longxuan-948 2075
  - Mancang-515 2080
  - Mienoemi 10791
  - Minghui-63 7576
  - Minkezao 2071

***Oryza sativa** cont.*
- cultivars *cont.*
  - Namgangbyeo 10787
  - Nampyeongbyeo 7543
  - Nanbaozao 2071
  - Sangjuchalbyeo 7546
  - Satyam 4024
  - Seojinbyeo 1117
  - Shanlong-669 2071
  - Shanlong-77 2071
  - Shanyou-136 5160
  - Shanyou-559 5159
  - Shennong-8801 2072
  - Snow Pearl 10790
  - Tai-537 10794
  - Tsukushiakamochi 5161
  - Weiyou-198 246
  - Wuyunjing-8 10795
  - Xie You-914 7540
  - Yandao-5 2070
  - Yanhui-559 2074
  - Yeonghaebyeo 7545
  - Ying-8433 2072
  - You-1465 8684
  - Yuanjing-7 12175
  - Yue Nuo-1 8682
  - Yuexiangzhan 8685
  - Yugeng-7 9658
  - Yumenohatamochi 2960
  - Zhenong-921 1119
  - Zhong Yu-8 4019
  - Zhong Yu 5 4020
  - Zhongzao-4 8686
  - Zhongzu-1 10788
- cyanogenic glycosides 5187
- cysteine endopeptidases, nucleotide sequences 9663
- cytoplasmic male sterility 257, 261, 1140-1141, 1145, 1147, 1153, 2972, 2985, 4036-4038, 4075, 5180, 6299, 7570, 7576, 8715, 9673-9674, 10820, 10823, 10826, 12193, 12195-12196, 12205
  - amplified fragment length polymorphism 1142
  - backcrossing 1143
  - gene expression 2974
  - gene mapping 1142, 5183
  - genetics 1146, 1150, 2099, 6296, 7575
  - mitochondrial genetics 12197
  - polymerase chain reaction 2974
  - protoplast fusion 12197
  - reciprocal effects 1146
  - restriction fragment length polymorphism 1142
- 2,4-D, nodulation 2114
- development 272, 7577
  - artificial selection 7587
  - gene expression 2105, 9681, 12184
  - genetic engineering 2084
  - heterosis 1171, 1178
  - *in vitro* selection 1163
  - mutations 10828
  - nucleotide sequences 9681, 12184
- α-dextrin endo-1,6-α-glucosidase, nucleotide sequences 7554
- dicamba 7603
- dihydrokaempferol 4-reductase
  - gene expression 9669
  - nucleotide sequences 9669
- diseases
  - gene mapping 2123
  - genetic markers 2123
  - genetic transformation 10866
  - mutations 12235
- DNA 265
- DNA binding proteins
  - molecular genetics 2085
  - nucleotide sequences 12179
- DNA fingerprinting 10819
- DNA hybridization 2086
- DNA methylation
  - gene expression 2964
  - genetic transformation 2964
- domestication
  - amplified fragment length polymorphism 4054
  - gene mapping 4054
  - restriction fragment length polymorphism 4054

***Oryza sativa** cont.*
- dormancy, gene mapping 3801
- drought resistance 2118-2119, 4048, 10864, 12234
  - artificial selection 1197, 6294
  - combining ability 5218
- dry matter 9684
- *Echinochloa crus-galli* 294, 6303, 12268
- *Echinochloa oryzoides* 294
- *Elasmopalpus lignosellus,* artificial selection 6302
- elicitors, gene expression 2962
- elongation factors
  - gene expression 5166
  - nucleotide sequences 5166, 10805
- embryo culture 10849-10851
  - genetics 7599
- embryology 6272
- endonucleases
  - gene mapping 10818
  - nucleotide sequences 10818
- enzymes 4044, 7612, 8716, 12238, 12242
  - gene expression 7594
  - genetic transformation 7594
- esterases 4044
- ethylene 7570
- expansins, gene expression 269
- fatty acids
  - gene expression 3006
  - genetic transformation 3006
- fenclorim 9718
- ferritin, genetic transformation 5296
- fertility
  - genetic variance 5216
  - genetics 5182
  - heritability 5216
- flooding 1195, 1200-1201, 2115, 3016, 4069, 5186, 8714, 12232-12233
  - gene expression 1192, 4062
  - genetic transformation 9708
  - genetic variance 3014
  - genetics 4066-4067
  - heritability 3017
  - reviews 9708
  - somaclonal variation 10863
- flowering 272, 1136-1137, 2983, 4043, 12203
  - gene expression 9681
  - nucleotide sequences 9681
- flowers 6269
  - gene expression 2977, 12184
  - genetic transformation 2977
  - induced mutations 5181
  - nucleotide sequences 12184
- fluorescence *in situ* hybridization 2966, 6263
- forage 284
- fructose-bisphosphate aldolase, variety classification 6276
- G proteins
  - genetic transformation 12200
  - mutations 12200
  - restriction fragment length polymorphism 12200
- gametocides 6268, 12194
- gamma radiation 2088, 2970, 5189, 7568, 7602, 8698, 10846-10847
- gene banks, multivariate analysis 11797
- gene expression 1632, 2083, 8693, 9262, 9660, 12182
- gene flow 6264
- gene mapping 252, 2089, 2808, 2963, 5167, 5170, 7564, 8691, 9270, 9662, 9668, 10810
- genetic engineering 9661, 10814
- genetic resources 2066, 2715, 2958-2959, 4936, 5157, 7316, 7533, 7535-7536, 10592, 10785, 12212
  - books 5929
  - multivariate analysis 11797
- genetic transformation 254, 1128, 1632, 2088, 2961, 2968, 4025, 4027, 5133-5134, 5164, 5169, 5173, 6253-6254, 6256-6258, 6264, 6286, 8693, 9660, 9694, 10814, 12187
  - albumins 4081
  - books 8424
  - polymerase chain reaction 253
  - reviews 10813
- genomes 951

Oryza sativa* *cont.
- genotype environment interaction, mathematics 3013
- germination 4069, 5188
  - gene expression 7589
  - genetics 2979
- *Gibberella fujikuroi* 12243
- gibberellins
  - gene expression 3339, 4064
  - genetic engineering 3339
  - genetic transformation 10587
- glucanases
  - gene expression 2962
  - nucleotide sequences 10803
- glufosinate
  - genetic transformation 4033, 5204, 7632, 9716, 12267
  - genetics 9716
- glutamate-ammonia ligase, genetic transformation 7579
- glutamate synthase (NADH)
  - gene expression 7553
  - nucleotide sequences 7553
- glutathione reductase
  - gene expression 4046
  - nucleotide sequences 4046
- glutathione transferase
  - gene expression 9718
  - nucleotide sequences 9718
- glutelins
  - gene expression 9695
  - genetic engineering 9695
- glycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase, nucleotide sequences 1130
- glycinin
  - gene expression 7610
  - genetic transformation 7610, 12183
- glyphosate 8726
- green fluorescent protein, genetic transformation 2081, 12804
- growth period 1135-1136, 2101, 2113, 7615, 12199
  - genetics 5179
  - heritability 2102
  - mutations 1170
- growth regulators 7603, 7617
  - gene expression 4064
  - mutations 4041
- habit
  - gene mapping 7581
  - genetics 7580
  - genotype environment interaction 7581
  - linkage 7580
- haemoglobin, genetic transformation 9659
- haploidy 2997
  - genetics 2971
- harvest index 10825
  - heterosis 5195
- heat resistance 10860
- heat shock proteins 2116
  - molecular genetics 7561
  - nucleotide sequences 7318
- height
  - gene mapping 2104, 2124, 2984
  - gene tagging 5168
  - genetic transformation 10587, 12200
  - genetics 2106, 9680
  - heterosis 7595
  - induced mutations 9672
  - mutations 1170, 5168, 7529, 12200, 12235
  - restriction fragment length polymorphism 2124, 2984, 12200
- herbicides 8726, 9718, 12269
  - genetic transformation 2127, 4033, 5204, 7632, 9716, 12266-12267
  - genetics 2127, 9716, 9719, 12266
- heterosis 259
- *Hirschmanniella oryzae* 12259
- history 270
- homeoboxes
  - gene expression 10806
  - genetic engineering 10295
  - nucleotide sequences 10806
- homeotic genes
  - gene expression 2977
  - gene tagging 5168
  - genetic engineering 3515
  - genetic transformation 2977

Oryza sativa* *cont.
- homeotic genes *cont.*
  - mutations 5168
  - nucleotide sequences 3515
- hybrid chlorosis, genetics 6265
- hybrid seed production 256-258, 1132-1135, 1137-1138, 1149, 2091, 2985, 4033, 5224, 12195
  - DNA fingerprinting 9671
- hybrid varieties 240, 1116, 1122, 2067, 5174, 10786
  - conferences 4791
- hybridization
  - gene mapping 4034
  - genetics 2969, 6265
- ideotypes 1164, 5153, 8702, 12204
- importins
  - gene expression 260, 1129, 8689, 8694
  - molecular genetics 5165
  - nucleotide sequences 1129, 8689
- *in vitro* culture 251
- induced mutations 2970, 8697
- inflorescences
  - gene expression 4026
  - genetics 7582, 9680
  - nucleotide sequences 4026
- insects
  - genetic transformation 4080, 12260, 12265
  - genetics 3025
- intellectual property rights 1115
- interspecific hybridization 1145, 1164, 2095, 2989, 4054, 6263-6264, 6300, 7575, 7580, 7622, 9665, 9717, 10810, 10826, 12190
  - nucleocytoplasmic interaction 10820
- iron 7612
  - genetic markers 4060
- irrigation 9702-9703
- isoamylase
  - gene mapping 6271
  - nucleotide sequences 6271
- isocitrate dehydrogenase, nucleotide sequences 12181
- isoenzymes 1169, 2092, 3022
  - genetic distance 9666
  - genetic variation 12193
- kinases, nucleotide sequences 10594
- leaves 1134-1135, 1164, 4039
  - genetic variance 2978
  - mutations 5189
- lectins
  - gene expression 3023
  - genetic transformation 3023
- light 12198-12199
  - gene expression 8694
- ligules
  - genetics 7580
  - linkage 7580
- linkage 7564
- lipid transfer proteins, nucleotide sequences 8690
- lipids 10856
  - genotype environment interaction 5212
  - heritability 5212
- lipoxygenase 9698
  - gene expression 12248
- lodging
  - artificial selection 7586
  - heritability 6277
- lysine
  - genotype environment interaction 7605
  - heritability 7605
  - mutations 12222
- *Magnaporthe grisea* 3808, 4073-4075, 6248, 7628, 8721, 9715, 10869, 10871, 12251-12252
  - artificial selection 12249
  - backcrossing 5224
  - fluorescence *in situ* hybridization 3027
  - gene expression 5221, 5223, 10870, 12248
  - gene mapping 2123, 3027, 6080, 7625, 8720
  - genetic markers 2123
  - genetics 292, 5222, 12250, 12253

Oryza sativa* *cont.
- *Magnaporthe grisea cont.*
  - genotype environment interaction 7626
  - linkage 8720
  - molecular genetics 7629
  - mutations 5221
  - nucleotide sequences 10870
  - polymerase chain reaction 291, 5223, 12246
  - restriction fragment length polymorphism 3027, 6080, 7625
  - reviews 7629
  - somaclonal variation 2122
  - techniques 1206, 12247
  - yeast artificial chromosomes 3027
- *Magnaporthe salvinii* 10872
- male sterility 1148-1149, 1154-1156, 1158, 2096-2098, 2973, 2976, 2983, 4039, 5184, 6266-6268, 7529, 7569, 7574, 8699, 8707, 12191, 12194
  - artificial selection 7571
  - gene expression 4029
  - genetic markers 1152, 7567
  - genetic transformation 264
  - genetics 1151, 5179, 7566, 7568, 12192
  - heterosis 7567
  - induced mutations 5181, 7568, 7571
  - nucleotide sequences 4029
  - reviews 7573
- matrix attachment regions
  - gene expression 8692
  - genetic transformation 8692
- mechanical damage 7619
- metallothionein
  - gene expression 7560
  - nucleotide sequences 6259, 7560
- 5-methyltryptophan, mutations 2090
- microsatellites 7530-7531
  - variety classification 7557
- mitochondrial genetics 2083, 9662
- molecular genetics 251
  - books 8424
- morphology 2092, 5177, 8703, 9679, 12201
  - gene mapping 7581
  - genetic engineering 8688
  - genetic variation 266
  - genotype environment interaction 7581
- mutagens 10846-10847
- mutations 7564
- *myo*-inositol-1-phosphate synthase
  - gene expression 4042
  - nucleotide sequences 4042
- naked grain 2093
- *Nephotettix cincticeps*
  - gene mapping 1207, 6301
  - restriction fragment length polymorphism 1207
- nickel 287, 4070
- *Nilaparvata lugens* 4078, 6300, 10874-10875, 12258, 12261
  - gene mapping 7631, 8725
  - genetic markers 3026
  - genetic transformation 4201, 10865
  - random amplified polymorphic DNA 8725
  - restriction fragment length polymorphism 7631, 8725
- nitrite reductase, cell culture 6281
- nitrogen 1188, 2113
  - techniques 286
- nitrogen fixation 10859
- nodulins
  - gene expression 10808
  - nucleotide sequences 10808
- nuclei, gene expression 260
- nucleotide sequences 6297, 9665
- nutrients 1187-1188, 1191, 2113, 4057-4058, 5215, 6293
  - gene mapping 1189, 3012
  - genetic markers 4059
  - restriction fragment length polymorphism 1189
- nutritive value 6287, 8707
  - mutations 12222
- *Oebalus pugnax* 7619
- opal phytoliths 6292, 9679
- *Orseolia oryzae* 8722, 12264

Oryza sativa *cont.*
- *Orseolia oryzae cont.*
  - fluorescence *in situ* hybridization 293
  - gene mapping 293
  - genetics 2126
  - restriction fragment length polymorphism 293
- *Oryza rufipogon*
  - interspecific hybridization 6261
  - RNA 6261
- oryzacystatin, gene expression 1167
- outcrossing 1153, 12195
- ovule culture 1158, 3002, 8706
- pathogenesis-related proteins, genetic transformation 8718
- pathogens
  - gene mapping 12236
  - nucleotide sequences 12236
- peroxidases 4073
- phenolic compounds 12264
- phenylalanine ammonia-lyase, gene expression 2962
- phloem, gene expression 1167
- phosphate transporters, nucleotide sequences 10583
- phosphinothricin acetyltransferase
  - gene expression 2964
  - genetic transformation 2964
- phosphoenolpyruvate carboxylase
  - gene expression 2912
  - genetic transformation 2912
- phosphorus 1187, 1191, 4057
  - gene mapping 1189, 3012
  - restriction fragment length polymorphism 1189
- photoperiodism 1148, 2098, 2101, 5184, 6267, 8699, 12203
  - gene mapping 1166, 7625, 8534
  - genetics 2980, 5179
  - heritability 2102
  - restriction fragment length polymorphism 7625
  - reviews 7573
- photosynthesis 5190, 7583
  - chloroplast genetics 271
  - gene expression 271, 7591, 7594
  - genetic transformation 7591, 7594
  - heterosis 4047, 7585
  - polyploidy 12202
  - wide hybridization 8701
- physiology 1161
- phytochrome
  - gene expression 5191
  - gene mapping 7556
  - genetic engineering 5191
- phytoene desaturase, nucleotide sequences 12185
- picloram 7603
- plant composition
  - gene mapping 9697
  - somaclonal variation 7584
- plant embryos 265, 5188
  - gene expression 2988, 4040, 6078
  - genetic transformation 2082
  - nucleotide sequences 4040
- plastids, genetic transformation 12804
- pollen 266, 2095
  - gene expression 10812
  - genetic engineering 10812
  - storage 1923
- polyamines 2972, 7570
- polymerase chain reaction 12178
- polyploidy 7529, 9675
- potassium 4058
  - genetic markers 4059
- proline
  - gene expression 2117
  - genetic transformation 2117
- promoters, gene expression 1127
- propanil 12269
- protein kinase
  - gene expression 2105, 2120, 4035, 7555, 9678, 10809
  - nucleotide sequences 2105, 2120, 7555, 10809
- proteinase inhibitors, genetic transformation 4201
- proteins 284, 1169, 6262, 12191, 12220, 12239
  - chloroplast genetics 10585
  - gene expression 2965, 4063

Oryza sativa *cont.*
- proteins *cont.*
  - genetics 5192
  - heritability 9696
  - nucleotide sequences 2965, 10811
- protoplast culture 2087, 3003
- protoplast fusion 2086
- *Puccinia recondita,* gene mapping 959
- puroindoline-b
  - gene expression 9429
  - genetic transformation 9429
- pyrophosphatases
  - nucleotide sequences 10807
  - promoters 10807
- pyrroline-5-carboxylate synthetase
  - gene expression 2117
  - genetic transformation 2117
- pyruvate decarboxylase
  - gene expression 7614
  - gene mapping 7614
  - nucleotide sequences 7614
- pyruvate,orthophosphate dikinase
  - gene expression 8695
  - genetic transformation 8695
- quality 238, 280, 282-283, 1184-1185, 2111, 4053, 5210, 6290-6291, 7604, 7606, 7608-7609, 8709, 9699, 10852-10853, 10855, 10857, 12219
  - combining ability 3008
  - gene mapping 6289
  - genetic variance 7607
  - genetics 5213, 6288, 12221
  - heritability 3007, 7607
  - heterosis 10854
  - induced mutations 8710, 12224
  - maternal effects 3007, 8708
  - multivariate analysis 9685, 12223
  - restriction fragment length polymorphism 6289
  - stability 12225
- quantitative traits
  - gene mapping 5171, 6289
  - restriction fragment length polymorphism 6289
- random amplified polymorphic DNA 2089, 5172, 7562, 9666, 10801, 10815-10816, 12176
- recombination 5173
- regenerative ability 5209, 6280, 9692, 10845
  - evolution 12217
  - genetic markers 12217
  - induced mutations 7602, 10846-10847
- repetitive DNA 10810
  - molecular genetics 10817
  - nucleotide sequences 7558
  - variety classification 7557
- reporter genes, genetic transformation 12804
- restriction fragment length polymorphism 1124, 2089, 5162, 5167, 7565, 8691, 12190
- *Rhizoctonia solani* 1205
  - genetic transformation 8718
  - genetics 7627
- ribosome-inactivating protein, genetic transformation 5096
- ribulose-bisphosphate carboxylase 10860
  - gene expression 273, 1198, 7591, 12177
  - gene mapping 7556
  - genetic transformation 7591
  - nucleotide sequences 273, 12177
- ribulose-phosphate 3-epimerase
  - gene expression 7592
  - nucleotide sequences 7592
- rice grassy stunt tenuivirus 6298
- rice tungro bacilliform badnavirus 4077
  - gene expression 9667
  - genetic transformation 9667
  - techniques 12255
- rice tungro spherical waikavirus 4077
  - gene expression 5225
  - genetic transformation 5225
- rice tungro virus 10873
- rice yellow dwarf phytoplasma 12256
- rice yellow mottle sobemovirus
  - epistasis 2125
  - gene mapping 2124-2125
  - restriction fragment length polymorphism 2124-2125

Oryza sativa *cont.*
- RNA 9665
- roots 2108, 4048, 5186
  - artificial selection 1197
  - genetics 2982
  - *in vitro* selection 1163
  - mutations 10828
- salinity 1194, 1196, 1199, 1202, 4068, 7616, 9707
  - artificial selection 1193
  - gene expression 3015, 4063-4064, 4071, 6078
  - genetic transformation 3015
  - genetics 6295
  - heritability 7611
  - *in vitro* selection 7618, 9709
  - nucleotide sequences 4071
  - somaclonal variation 9704
- *Scirpophaga incertulas* 4079
  - genetic transformation 3024, 6299
- seed production 4016
- seedlings 1200
- seeds 267, 1182, 2987, 7588, 9683, 10855-10856, 12220
  - gene expression 1127, 2105
  - genetic variance 2103
  - genetics 2979, 6288
  - genotype environment interaction 2103, 7590
  - heritability 2103
  - multivariate analysis 9685
  - quantitative traits 1159
  - storage 10853, 12205
- senescence 1140
  - mutations 5189
- serine/threonine specific protein phosphatase
  - gene expression 4030
  - nucleotide sequences 4030
- sexual reproduction 9675
- shade 12198-12199
- shedding
  - gene mapping 2986
  - restriction fragment length polymorphism 2986
- shoots 5186
- silage 8707
- silica 2981, 3009
- silicon 4061
- *Sitophilus oryzae* 8723, 12263
- *Sitotroga cerealella* 8724, 12262
- *Sogatella furcifera* 7630
- somaclonal variation 1181, 3001, 4017, 7597, 7600, 9693
  - random amplified polymorphic DNA 5206
  - restriction fragment length polymorphism 3005
- somatic embryogenesis
  - gene expression 279
  - nucleotide sequences 279
- source sink relations 270, 5196, 8700, 9682
- sowing date 1134, 1138
- space flight 9672
- spikelets 4043
  - gene mapping 10827
- sprouting 1162
- stability, mathematics 2814
- starch 1183, 4052
- sterility 263, 2975
- stress 289
  - gene expression 4046, 9677
  - genetic resources 9712
  - genetic transformation 4065
  - nucleotide sequences 4046
- succinate dehydrogenase, nucleotide sequences 12188
- sucrose-phosphate synthase
  - gene expression 7593
  - genetic transformation 7593
- superoxide dismutase, nucleotide sequences 7552
- techniques, breeding 1110
- temperature 1148-1149, 1154-1156, 2101
  - gene expression 1168
  - genetics 1151
  - heritability 2102
- thioredoxin, gene expression 1167
- thymidylate synthase, nucleotide sequences 9670

Oryza sativa *cont.*
- tillering 2100
  - gene mapping 5194
- *Tilletia barclayana* 7619, 8719
- tissue culture 2110, 2997, 2999, 5205, 6283-6286, 9694, 10842-10843, 10848-10849
- toxic substances 287, 4061, 4070, 7612
  - genetic markers 4060
  - genetics 9706
- transcription factors, genetic transformation 10587
- translocation 1140
- transposable elements
  - gene expression 2999
  - gene mapping 9664, 10818
  - genetic transformation 10802
  - nucleotide sequences 2999, 5163, 9664, 10818
  - polymerase chain reaction 5163
- *Tribolium confusum* 8723, 12263
- trigonelline 7588
- trihydroxystilbene synthase, genetic transformation 10866
- tryptophan synthase
  - gene expression 2090
  - genetic transformation 2090
  - nucleotide sequences 2090
- ultraviolet radiation, genetics 9711
- *Ustilaginoidea virens* 12245
- variety classification 1169, 6275, 10815-10816
  - microsatellites 12189
  - molecular genetics 6252
- variety trials 239-243, 1116, 6248-6250, 7537, 9656-9657
- vascular system, gene mapping 10827
- volatile compounds 9698
- waxes, genetics 6270
- weeds 294, 9717, 12270
- wide hybridization 259, 261-262, 1174, 2092-2093, 7565, 9655, 9692, 9715, 10821, 10841, 10850, 10854, 12206, 12208
  - genetics 5178
- wind 10861
- wines 8711
- *Xanthomonas oryzae* 3019, 3022, 7620-7621, 8715-8716, 12238-12241
  - DNA hybridization 9713
  - fluorescence *in situ* hybridization 3027
  - gene expression 2120, 7623, 9713
  - gene mapping 2121, 3027, 6080, 7624, 8717, 10867-10868
  - genetic markers 10868
  - genetic transformation 3020, 5219, 7623, 10865
  - genetics 290, 3021, 4072, 5220, 6296, 7622, 7624, 10868, 12237
  - nucleotide sequences 2120
  - restriction fragment length polymorphism 2121, 3027, 6080, 8717, 10867
  - yeast artificial chromosomes 3027
- yield components 1165, 7577-7578, 8681, 8703
  - artificial selection 5198, 9687, 10824
  - combining ability 1173, 2109, 4049, 9688, 12206, 12208-12210, 12231
  - computer simulation 9686
  - gene mapping 2984, 7596
  - genetic markers 275
  - genetic variance 2109, 10841, 12208-12210, 12231
  - genetics 12206
  - genotype environment interaction 6278, 9691, 10858, 12207
  - heritability 274, 2992, 2996, 4068, 5198, 5200, 10840-10841, 10863, 12213, 12215
  - heterosis 1141, 1171, 1174-1178, 2991, 2995, 4049-4050, 5199, 5203, 7585, 10833-10834, 10837
  - induced mutations 8698
  - multivariate analysis 2107, 5201, 6279, 9691, 10832, 10835-10836, 12212

Oryza sativa *cont.*
- yield components *cont.*
  - restriction fragment length polymorphism 2984
  - somaclonal variation 4051, 8706, 10863, 12216
  - stability 8713
- yield correlations 274, 276, 1165, 1172, 1178, 2108, 2990, 2992-2994, 4053, 4068, 6278, 9689-9690, 10829-10831, 10838-10839, 12211, 12214
- yields 10786, 10825
  - heterosis 5195, 5202, 7595
  - stability 1190, 3010, 12228-12229
- zinc 5215, 6293
- *Zizania caduciflora,* protoplast fusion 8696

Oryzacystatin
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 11781
  - genetic transformation 11781
- *Oryza sativa,* gene expression 1167

Osmanthus fragrans, variety classification 1720

Osmotin
- *Nicotiana tabacum*
  - genetic engineering 10200
  - promoters 10200
- *Solanum tuberosum*
  - gene expression 11036
  - genetic transformation 11036

Osmotin-like proteins, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 8121

Osmunda japonica, chromosome number, fluorescence *in situ* hybridization 8347

Osteospermum ecklonis, *Agrobacterium rhizogenes,* genetic transformation 12912

Ostrinia furnacalis, *Zea mays, Bacillus thuringiensis,* genetic engineering 1095

Ostrinia nubilalis
- *Cannabis* 5796
- *Zea mays* 12136, 12139
  - *Bacillus thuringiensis,* genetic engineering 1095
  - biosafety 3988
  - combining ability 223
  - economics 1093
  - genetic transformation 3988-3989, 12129
  - genetics 2053, 3992
- *Zea mays* (sweetcorn) 3991, 12137

Otiorhynchus sulcatus, *Fragaria ananassa,* genetic transformation, reviews 11208

Ottleya, taxonomy 7693

Oulema melanopus, *Triticum aestivum,* chromosome substitution 11930

Outcrossing
- *Anacardium occidentale* 3413
- *Aquilegia caerulea* 1729
- *Aquilegia canadensis* 9172
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 2487
- *Brassica napus* (rape) 5667, 9042
- *Cedronella canariensis* 2627
- *Centrosema virginianum* 326
- *Chamaecrista rotundifolia* 326
- *Codariocalyx gyroides* 326
- *Desmodium heterocarpon* 326
- *Eucalyptus* 3559
- *Eucalyptus rameliana* 737
- *Festuca pratensis,* mathematics 306
- *Galactia striata* 326
- *Gossypium* 11413
- *Mangifera indica* 1523
- *Nicotiana tabacum* 3526
- *Oryza sativa* 1153, 12195
- *Pinus sylvestris* 2597
- *Populus,* mathematics 6998
- *Raphanus sativus* 2259
- *Sinapis arvensis* 2259
- *Tamarindus indica* 8025
- *Triticum aestivum* 11849
- *Zea mays* 3967

Overdominance 3772
(*see* Heterosis)

Ovule culture
- *Allium cepa* 9935
- *Allium tuberosum* 7842
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 678
- *Cicer* 5411
- *Cicer arietinum* 5411

Ovule culture *cont.*
- *Citrus sinensis* 2422
- *Cymbidium* 2660
- *Gladiolus* 4749, 7117
- *Gossypium hirsutum* 6964, 11424
- *Larix eurolepis* 3566
- *Lilium* 11564
- *Lycopersicon esculentum* 11110
- *Nicotiana tabacum* 4589
- *Oryza sativa* 1158, 3002, 8706
- *Pisum sativum* 9843
- *Populus alba* 8207
- *Populus euphratica* 8207
- *Prunus domestica* 8958
- *Pseudotsuga menziesii* 3566
- *Solanum melongena* 6584
- *Tulipa* 12937
- *Vitis labrusca* 3328
- *Vitis vinifera* 3328, 9000, 10055-10056

Ovules
- *Arabidopsis thaliana* 10519
  - genetics 8465
  - mutations 3737
- *Lilium,* ultrastructure 11561
- *Panicum maximum* 7517
- *Prunus dulcis* 579
- *Pseudotsuga menziesii* 5828
- *Zea mays,* mutations 7485

Oxalate decarboxylase, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 4081

Oxalate oxidase, *Hordeum vulgare,* gene expression 1046

Oxalates
- *Actinidia arguta* 1496
- *Actinidia deliciosa* 1496
- *Actinidia rufa* 1496

Oxalic acid
- *Brassica napus* (rape), pollen germination 5686
- *Trifolium pratense,* artificial selection 4143

Oxidation
- *Arabidopsis thaliana,* gene expression 4900
- *Glycine max* 4900, 6402

Oxidative stress
- *Arabidopsis thaliana,* genetic engineering 10715
- *Capsicum annuum*
  - gene expression 3255
  - nucleotide sequences 3255
- *Medicago sativa,* genetic transformation 5255
- *Saccharum officinarum,* genetic transformation 8105
- *Zea mays*
  - gene expression 10715
  - genetic transformation 10715

Oxidoreductases
- *Arabidopsis thaliana*
  - mutations 11776
  - nucleotide sequences 3745, 3747
- *Liriodendron tulipifera*
  - gene expression 10304
  - nucleotide sequences 10304
- *Nicotiana tabacum*
  - genetic transformation 9107
  - mitochondrial genetics 6936
- *Triticum aestivum* 6149

Oxophytodienoic acid reductase
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 7222
  - nucleotide sequences 7222
- *Nicotiana tabacum,* gene expression 7222

Oxycoccus (*see Vaccinium)*

Oxyfluorfen, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 9107

Oxygen, *Nicotiana tabacum,* gene expression 5759

Oxygenases
- *Arabidopsis thaliana*
  - genetic transformation 921
  - mutations 921
- *Malus pumila*
  - gene expression 5572
  - nucleotide sequences 5572
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 688
  - nucleotide sequences 688

Oxytropis, chromosome number 7690

Ozone
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 927, 4898, 11774
    nucleotide sequences 927
  Hordeum vulgare, mutations 3920
  Nicotiana tabacum 9105
    gene expression 2535
  Picea abies, gene expression 4677
  Populus 9134-9135, 11473
    gene expression 6999
  Populus canescens 5806
  Populus interamericana 4650
  Populus tremuloides 11474-11475
  Trifolium repens 6361
Pachycereus tepamo, taxonomy 3631
Pachymetra chaunorhiza, *Saccharum officinarum* 672
Pachypodium lamerei
  chromosome morphology 10410
  DNA 10410
Pachypodium namaquanum
  chromosome morphology 10410
  DNA 10410
Pachypodium rosulatum
  chromosome morphology 10410
  DNA 10410
Pachyrhizus
  genetic resources 2261
  morphology, multivariate analysis 2271
  random amplified polymorphic DNA 2269
  variety trials 2267
Pachyrhizus ahipa
  breeding 2270
  development 3192
  drought resistance 2277
  genetic resources 2262
  inflorescences 3196
  interspecific hybridization 2270
  pruning 2273, 3196
Pachyrhizus erosus
  Bradyrhizobium 2276
  breeding 2270
  cold resistance 427
  development 3192
  drought resistance 3198
  flowers 2274
  inflorescences 3195, 3197
  interspecific hybridization 2270
  molecular genetics 2268
  pruning 2274, 3195, 3197
  quality 2272
  Rhizobium 2276
  stability 2275
  storage 427
  tissue culture 3193
  variety trials 2265-2266, 2272
Pachyrhizus tuberosus
  breeding 2270
  development 3192
  drought resistance 3198
  genetic resources 2264
  inflorescences 3195, 3197
  interspecific hybridization 2270
  pruning 3195, 3197
  quality 2264
Pachysphinx modesta, *Populus tremuloides* 9136
Paeonia
  alcohol dehydrogenase, nucleotide sequences 12924
  phylogeny, nucleotide sequences 12924
  ribosomal DNA
    evolution 10363
    gene mapping 10363
Paeonia brownii
  chromosome translocation 5849
  fluorescence *in situ* hybridization 5849
Paeonia californica
  chromosome translocation 5849
  fluorescence *in situ* hybridization 5849
Paeonia delavayi, taxonomy 4701
Paeonia jishanensis
  pollination 9157
  self incompatibility 9157
Paeonia lactiflora, cultivars, Sagokjakyak 8300
Palatability
  Atriplex canescens 4086
  Dactylis glomerata 301-302, 8737-8739
    multivariate analysis 8736
Palatability *cont.*
  Leucaena 9776
  Lolium perenne 7660
  Lotus corniculatus 7684
  Trifolium pratense 7684
Palmaria palmata, ribosomal RNA, nucleotide sequences 5921
Palmitic acid
  Glycine max
    artificial selection 12349
    genetic transformation 10954
    genetic variance 4192
    genetics 3084, 4192, 12349
    germplasm releases 4191
    mutations, genetics 8771
    techniques 10954
  Helianthus annuus
    dominance 6849
    genetics 8067
    induced mutations 8067
    mutations 5695, 6849, 6853
Palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase
  Gossypium
    gene expression 11410
    nucleotide sequences 11410
Panax
  nucleotide sequences 5898
  restriction fragment length polymorphism 5898
Panax ginseng, random amplified polymorphic DNA 10421
Panax pseudoginseng
  flowers
    gene expression 1774
    nucleotide sequences 1774
  genetic transformation 3636
  protoplast culture 3636
  random amplified polymorphic DNA 8357
  roots, artificial selection 4770
  somatic embryogenesis 3636, 5901
  storage, seeds 3637
  transcription factors
    gene expression 1774
    nucleotide sequences 1774
  yields, artificial selection 4770
Panax quinquefolius, random amplified polymorphic DNA 8357
Panicum infestum
  hermaphroditism, genetics 6242
  interspecific hybridization 6242
Panicum maximum
  acid phosphatase 5143
  apomixis
    gene expression 8675
    nucleotide sequences 8675
  embryo sac
    gene expression 8675
    nucleotide sequences 8675
  esterases 5143
  hermaphroditism, genetics 6242
  interspecific hybridization 6242
  ovules 7517
  pollen 7517
  shedding 8676
  tissue culture 5143
  yield components, heritability 5147
  yield correlations 8676
Panicum miliaceum
  cold resistance 12164
  cultivars, characteristics 10765
  genetic resources 2949
  nutritive value 3028
  roots 12164
  yield components, heritability 12163
Panicum trichocladum, hermaphroditism, genetics 6242
Panicum virgatum
  seedlings, artificial selection 10766
  shedding 8676
  somatic embryogenesis 6243
  tissue culture 8677
  variety trials 6241
  yield correlations 8676
Papaver nudicaule, self incompatibility, nucleotide sequences 1773
Papaver rhoeas
  self incompatibility 817
    nucleotide sequences 1773
Papaver setigerum
  fatty acids, multivariate analysis 7145
Papaver setigerum *cont.*
  interspecific hybridization 7145
Papaver somniferum
  alkaloids 8363
    gene expression 10426
    nucleotide sequences 10426
  codeinone reductase
    gene expression 10428
    genetic engineering 10428
    nucleotide sequences 10428
  cryopreservation 3638
  fatty acids
    combining ability 5903
    multivariate analysis 7145
  genetic transformation 3638
  inbreeding 10416
  interspecific hybridization 7145
  methionine adenosyltransferase, gene expression 10425
  morphine 2669, 7146
    genetics 2668
  papaverine, genetic variance 7147
  pathogenesis-related proteins, nucleotide sequences 3634
  Peronospora arborescens, cytoplasmic inheritance 2672
  polyamines, gene expression 10425
  ribosomal RNA, gene mapping 815
  tyrosine decarboxylase
    gene expression 1770
    genetic engineering 11260
    nucleotide sequences 1770
  yield components
    heterosis 11591
    inbreeding depression 11591
Papaverine, *Papaver somniferum,* genetic variance 7147
Papaya ringspot potyvirus
  Carica papaya, genetic transformation 4487, 12700
  Prunus domestica
    gene expression 12647-12648
    genetic transformation 12647-12648
Papilio canadensis, *Populus tremuloides* 9136
Paraquat
  Arabidopsis thaliana, mutations 3765
  Nicotiana tabacum 9105
  Solanum commersonii 409
  Solanum tuberosum 409
Parasponia, haemoglobin, genetic engineering 9659
Parasponia andersonii
  haemoglobin
    gene expression 11489
    promoters 11489
Paris
  fluorescence *in situ* hybridization 12951
  ribosomal DNA, gene mapping 12951
Parkinsonia aculeata, random amplified polymorphic DNA 2156
Parthenium argentatum
  crop density 3556
  germplasm releases 6985
  variety trials 3556
Parthenocarpy
  Capsicum annuum 12572
  Cucumis sativus, combining ability 6613
  Lycopersicon esculentum, genetics 476
  Malus pumila 6638
  Pyrus communis 8929
  Solanum melongena 6584
    genetic transformation 2309, 4368
  Solanum muricatum, genetics 1535
Parthenogenesis
  Actinidia deliciosa 4467
  Beta vulgaris (sugarbeet), linkage 8110
  Poa pratensis
    gene mapping 2136
    genetics 2136
  Zea mays 12043
    techniques 12029
Parthenolide
  Tanacetum parthenium 5905
  Tanacetum vulgare 5905
Paspalum
  anatomy 2143
  leaves 2143
  taxonomy 2143, 6341
    restriction fragment length polymorphism 1229

- ***Paspalum** cont.*
  - unreduced gametes 12294
- ***Paspalum notatum***
  - polyploidy 5239
  - somaclonal variation 4119
  - unreduced gametes 5239
- ***Paspalum rufum***
  - apomixis 4118
  - polyploidy 4118
- ***Paspalum subciliatum***
  - chromosome elimination 3041
  - chromosome pairing 3041
- ***Paspalum vaginatum*,** herbicides 1231-1232
- ***Passiflora*,** taxonomy, multivariate analysis 3368
- ***Passiflora aimae*,** taxonomy 3369
- ***Passiflora edulis***
  - *Agrobacterium rhizogenes,* genetic transformation 577
  - ripening, gene expression 6759
  - self incompatibility, genetics 6757
- ***Passiflora foetida*,** pollination 6758
- ***Passiflora giberti*,** protoplast culture 4495
- ***Passiflora incarnata*,** self incompatibility 12704
- ***Passiflora miersii***
  - chromosome morphology 4931
  - chromosome number 4931
- **Patatin**
  - *Solanum tuberosum*
    - genetic engineering 10200
    - promoters 10200
- **Patents,** crops, nucleotide sequences 9243
- **Paternal effects,** *Eucalyptus rameliana* 737
- **Pathogenesis-related proteins**
  - *Allium cepa*
    - gene expression 8229
    - genetic transformation 8229
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1828, 2783, 2785, 3763, 4874, 4908, 9360, 9377, 11778
    - mutations 4908
    - nucleotide sequences 1877, 3634, 9360
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), genetic transformation 10200
  - *Brassica oleracea* (broccoli), genetic transformation 9952
  - *Camellia sinensis*
    - gene expression 11354
    - nucleotide sequences 11354
  - *Capsicum annuum,* gene expression 503
  - *Dioscorea bulbifera*
    - gene expression 8851
    - nucleotide sequences 8851
  - *Fagus sylvatica,* nucleotide sequences 11468
  - gene expression 9251
  - *Lactuca sativa,* nucleotide sequences 2287
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 493, 11123, 12542
    - genetic transformation 493
    - nucleotide sequences 2305, 11123
  - *Lycopersicon pimpinellifolium,* nucleotide sequences 2305
  - molecular genetics 9251
  - *Nicotiana glutinosa*
    - gene expression 10238
    - nucleotide sequences 10238
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 701, 704, 1607, 3520, 4593, 8156, 8229, 11391-11392
    - genetic transformation 1607, 8229, 11392
  - *Oryza sativa,* genetic transformation 8718
  - *Papaver somniferum,* nucleotide sequences 3634
  - *Phaseolus vulgaris*
    - gene expression 7747
    - nucleotide sequences 7747
  - *Phytolacca americana,* nucleotide sequences 11598
  - *Pinus*
    - gene expression 8229
    - genetic engineering 8229
  - *Sorghum bicolor,* gene expression 12157
- **Pathogenesis-related proteins** *cont.*
  - *Triticum aestivum*
    - gene expression 3883, 8587
    - gene mapping 3879
- **Pathogens**
  - conferences 4789
  - crops, molecular genetics 7202
  - gene expression 7196-7197, 7201
  - genetic transformation 3694
  - genetics 7195
  - *Hordeum vulgare,* gene mapping 957
  - *Malus pumila* 6649
  - molecular genetics 3695, 7199-7200
  - *Nicotiana tabacum,* gene expression 10231
  - *Oryza sativa*
    - gene mapping 12236
    - nucleotide sequences 12236
  - *Solanum tuberosum* 3173
  - *Triticum aestivum*
    - gene mapping 957, 5026, 9520-9521
    - genetic markers 9520-9521
- ***Paullinia cupana***
  - theobromine 578
  - theophylline 578
- ***Paulownia***
  - random amplified polymorphic DNA 5808
  - seeds 5808
- ***Paulownia elongata***
  - *Agrobacterium rhizogenes,* genetic transformation 11482
  - *Agrobacterium tumefaciens,* genetic transformation 11482
- ***Paulownia fortunei***
  - interspecific hybridization 754, 5808
  - tissue culture 754
- ***Paulownia tomentosa***
  - interspecific hybridization 754, 5808
  - tissue culture 754
  - yield components, artificial selection 4664
- ***Pavetta tshikondeni*,** taxonomy 11488
- **Pea enation enamovirus,** *Pisum sativum,* genetic transformation 8800
- **Pea seed-borne mosaic potyvirus**
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 10993
    - genetic transformation 10993
- **Peach mosaic virus,** *Prunus persica* 12660
- **Peanut bud necrosis tospovirus,** *Glycine max* 12360
- **Peanut clump furovirus,** *Nicotiana benthamiana,* genetic transformation 6944
- **Peanut stripe potyvirus,** *Arachis hypogaea* 6874
- **Pectate lyase**
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 4292
    - genetic transformation 4292
- **Pectinesterase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 8472
    - gene mapping 8472
    - nucleotide sequences 8472
  - *Citrus sinensis,* nucleotide sequences 2419
  - *Lycopersicon esculentum,* mutations 477
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 10987
    - genetic transformation 10987
    - nucleotide sequences 10987
- ***Pectinophora gossypiella*,** *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 12852
- **Pectins,** *Capsicum annuum* 4374
- ***Pelargonium***
  - anthocyanins
    - gene expression 4684
    - genetic transformation 4684
  - *Botrytis cinerea* 8294, 12909
    - gene expression 10357
    - genetic transformation 10357
  - colour
    - gene expression 4684
    - genetic transformation 4684
  - essential oils 2681
    - clonal variation 7157
  - phylogeny, chloroplast genetics 8287
  - taxonomy 9166
  - variety trials 9155
- ***Pelargonium** cont.*
  - *Xanthomonas hortorum* 12908
- ***Pelargonium angustipetalum*,** taxonomy 7104
- ***Pelargonium domesticum*,** genetic transformation 2612
- ***Pelargonium hortorum***
  - Acari 12910
  - fatty acids 12910
  - somatic embryogenesis, tissue culture 7075
- ***Pelargonium parvipetalum*,** taxonomy 7104
- ***Pelargonium peltatum*,** amplified fragment length polymorphism 10341
- ***Pelargonium rubiginosum*,** taxonomy 7104
- ***Pelargonium zonale*,** pollen 3586
- ***Pellicularia*** (*see also Thanatephorus)*
- **Pendochitinase**
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 2243
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 2243
- ***Penicillium expansum*,** *Malus pumila,* gene expression 10017
- ***Pennisetum***
  - apomixis 4014
  - isoenzymes 4014
  - spikelets, genetics 2952
  - taxonomy 4014
  - tillering, genetics 2952
- ***Pennisetum alopecuroides*,** pollen, storage 1923
- ***Pennisetum americanum*** (*see Pennisetum glaucum)*
- ***Pennisetum flaccidum*,** cold resistance 236
- ***Pennisetum glaucum***
  - aluminium, artificial selection 9653
  - apomixis 10770
    - artificial selection 1105
  - arachidonic acid 8679
  - breeding 4010-4011, 9652, 10767
  - chlorophyll, mutations 6245
  - cytology, reviews 234
  - cytoplasmic male sterility 1106, 2064, 10771
    - germplasm releases 4012-4013
  - domestication 2952
  - drought resistance, artificial selection 9653
  - forage 9651, 10780
    - combining ability 7521
    - heterosis 7521
  - genetics, reviews 234
  - germination 3799
  - germplasm releases 10768
  - gibberellins, heterosis 2950
  - growth period, germplasm releases 4012, 10772
  - growth regulators, heterosis 2950
  - harvest index, combining ability 12168
  - height
    - genetic variance 12167
    - germplasm releases 10773-10776
  - hybrid seed production 10771
  - interspecific hybridization 2952, 10770
  - mitochondrial genetics 1106
  - nutritive value 5150
  - peroxidases 10781
  - photoperiodism, germplasm releases 4012
  - plant composition 12169
  - *Puccinia substriata* 12171
  - quality 10781
  - restriction fragment length polymorphism 1106
  - ribosomal RNA, fluorescence *in situ* hybridization 5145
  - salinity, artificial selection 9653
  - *Sclerospora graminicola* 2064, 3806, 8679, 12169
    - genetics 12170
  - seed production 1105
  - seed treatment 3799
  - somatic embryogenesis, tissue culture 10779
  - sowing date 1108
  - toxic substances, artificial selection 9653
  - triticale, intergeneric hybridization 975
  - *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 975, 3836
  - *Triticum durum,* intergeneric hybridization 975

- ***Pennisetum glaucum*** *cont.*
  - wide hybridization 10780
  - yield components
    - artificial selection 9651
    - combining ability 2951, 5148, 7523, 10778
    - dominance 9650
    - genetic variance 2951, 5148, 7522-7523
    - genotype environment interaction 7524
    - heritability 9651, 10777
    - heterosis 5149, 7523
  - yield correlations 235, 5146, 9649, 9651
  - yields
    - combining ability 12168
    - genetic variance 12167
- ***Pennisetum mezianum,*** cold resistance 236
- ***Pennisetum mollissimum,*** interspecific hybridization 2952
- ***Pennisetum orientale,*** cold resistance 236
- ***Pennisetum purpureum***
  - nitrogen 7525
  - nutrients 7525
  - stability 7525
  - tissue culture 1107
- ***Pennisetum squamulatum***
  - apomixis 10769
    - genetic markers 12166
    - restriction fragment length polymorphism 12166
  - embryology 10769
  - interspecific hybridization 10770
- ***Penstemon,*** cultivars, Prairie Palette 8302
- ***Penstemon pseudospectabilis,*** pollination 10366
- **Pentachlorophenol,** *Allium ascalonicum* 8858
- ***Pentaschistis***
  - apomixis 10895
  - sexual reproduction 10895
- **Pentoses,** *Fagopyrum esculentum* 3029
- **Pepper leaf curl geminivirus,** *Capsicum annuum* 12580
- **Pepper mild mottle tobamovirus**
  - *Capsicum chinense,* genetic transformation 4375
  - *Nicotiana benthamiana*
    - gene expression 12828
    - genetic transformation 12828
- **Pepper mottle potyvirus**
  - *Capsicum annuum*
    - gene mapping 2316
    - genetics 12578
  - *Capsicum chinense,* gene mapping 2316
- **Pepper veinal mottle potyvirus,** *Capsicum annuum* 12581-12582
- **Peptidases,** *Lentinula edodes,* nucleotide sequences 8392
- **Peptidylprolyl isomerase**
  - *Triticum aestivum*
    - gene expression 2828, 9504
    - nucleotide sequences 9504
    - restriction fragment length polymorphism 2828
  - *Vicia faba*
    - gene expression 9815
    - nucleotide sequences 9815
- ***Perileucoptera coffeella,*** *Coffea racemosa,* genetics 4564
- ***Perilla frutescens***
  - anthocyanidin synthase, nucleotide sequences 4545
  - cultivars
    - Areumdlkkae 8094
    - Baekkwangdlkkae 8095
    - Younghodlkkae 8096
  - essential oils, genetics 12973
  - fatty acid desaturases
    - gene expression 5723
    - nucleotide sequences 5723
  - UDP-glucose:anthocyanin 5-*O*-glucosyltransferase
    - gene expression 6884
    - nucleotide sequences 6884
- **Permease**
  - *Ricinus communis*
    - gene expression 12757
    - nucleotide sequences 6876
- ***Peronosclerospora sorghi,*** *Zea mays* 12117
- ***Peronospora arborescens,*** *Papaver somniferum,* cytoplasmic inheritance 2672
- ***Peronospora destructor,*** *Allium cepa* 6523
- ***Peronospora manshurica,*** *Glycine max* 5327
- ***Peronospora parasitica***
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 2783, 3763, 4874, 10554
    - gene mapping 11780
    - genetics 70
    - mutations 67, 1878, 10554
    - nucleotide sequences 67, 1876-1877, 10554
  - *Brassica oleracea* 452
    - genetics 453
  - *Brassica oleracea* (cabbages) 3223
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers) 12514
- ***Peronospora tabacina***
  - *Nicotiana debneyi* 6943
  - *Nicotiana tabacum* 6943
- **Peroxidases**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 10501
    - genetic transformation 6034
    - nucleotide sequences 10501
  - *Arachis hypogaea* 6874
  - *Brassica chinensis* 6531
  - *Cucumis melo,* polymorphism 1404
  - *Cucurbita pepo,* gene expression 11164
  - *Festuca pratensis*
    - polymorphism 7654
    - somaclonal variation 4105
  - *Gossypium hirsutum,* nucleotide sequences 12840
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 9555
    - genetics 7432
  - *Liquidambar styraciflua,* genetic transformation 12829
  - *Lolium multiflorum,* polymorphism 7654
  - *Lolium perenne,* polymorphism 7654
  - *Lycopersicon esculentum*
    - cell culture 6569
    - gene expression 6569, 11141
    - genetic transformation 11141, 12829
    - polymorphism 7885
  - *Nicotiana tabacum* 10230
    - gene expression 2260
    - genetic engineering 11141, 12829
    - genetic transformation 2260
    - nucleotide sequences 12800
  - *Olea europaea* 1568
  - *Oryza,* heterosis 10826
  - *Oryza sativa* 4073
  - *Pennisetum glaucum* 10781
  - *Petroselinum crispum,* gene expression 828
  - *Platanus occidentalis,* genetics 1679
  - *Pleurotus eryngii*
    - gene expression 7173
    - molecular genetics 7173
  - *Prunus cerasifera,* genetics 7965
  - *Prunus domestica,* genetics 7965
  - *Prunus spinosa,* genetics 7965
  - *Raphanus sativus*
    - gene expression 2260
    - genetic engineering 2260
  - *Saccharum officinarum,* genetic variation 5729
  - *Setaria italica,* gene expression 5144
  - *Trifolium repens,* gene expression 12318
  - *Triticum aestivum* 6143
    - genetics 2869, 9529
  - *Vitis* 8999
  - *Zea mays*
    - DNA amplification 12000
    - polymorphism 6221, 9609
    - somaclonal variation 12000
- **Peroxiredoxin**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 8489
    - genetic transformation 8489
- **Peroxisomes,** *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 6014, 9341
- ***Persea americana***
  - chitinase
    - gene expression 4488
    - nucleotide sequences 4488
  - dienes 11245
  - fruits 3365
- ***Persea americana*** *cont.*
  - lipoxygenase, nucleotide sequences 6752
  - naringenin-chalcone synthase, nucleotide sequences 6751
  - protoplast culture 8020
  - quality 3365
  - yield components, genetic markers 5651
- **Persistence**
  - *Desmanthus virgatus* 6379
  - *Lolium perenne* 298
  - *Medicago sativa*
    - artificial selection 2148
    - germplasm releases 2148
  - *Trifolium repens* 298
  - *Trifolium subterraneum* 9757
- ***Persoonia mollis,*** amplified fragment length polymorphism 7061, 7063
- ***Pestalotiopsis longiseta,*** *Camellia sinensis,* induced mutations 681
- ***Pestalotiopsis theae,*** *Camellia sinensis* 1603
- **Pesticides**
  - *Allium ascalonicum* 8858
  - *Cucurbita pepo* 11166
  - *Zea mays* 10725
- **Pests**
  - books 11654
  - crops
    - genetic engineering, conferences 12993
    - genetics 5952
  - gene expression, reviews 7
  - *Gossypium,* conferences 11649
  - *Gossypium hirsutum*
    - biotechnology 6970
    - genetic resources 6970
    - germplasm releases 4616-4617
  - *Malus* 10019
  - *Populus* 749
  - *Solanum tuberosum* 11037
  - *Vitis vinifera,* history 3332
  - *Zea mays,* genetic transformation 6072
- ***Petasites***
  - population genetics 5509
  - taxonomy 5509
- ***Petroselinum crispum***
  - benzothiadiazole, gene expression 828
  - benzoyltransferases
    - gene expression 3598
    - genetic engineering 3598
  - caffeate *O*-methyltransferase, gene expression 10446
  - caffeoyl-CoA *O*-methyltransferase, gene expression 10446
  - diseases, gene expression 828
  - peroxidases, gene expression 828
  - phenylalanine ammonia-lyase, gene expression 828
  - phenylpropanoid enzyme 4-coumarate:coenzyme A ligase
    - gene expression 8375
    - genetic engineering 8375
  - *trans*-cinnamate 4-monooxygenase
    - gene expression 4778
    - nucleotide sequences 4778
- ***Petunia***
  - anthocyanins 8326
    - genetic transformation 4743
  - chemotaxonomy 8326
  - colour
    - gene expression 5864, 7108
    - genetic transformation 7108
    - nucleotide sequences 5864
  - corolla, gene expression 11549
  - cytochrome P-450
    - gene expression 5864
    - nucleotide sequences 5864
  - cytoplasmic male sterility, mitochondrial genetics 9189
  - DNA methylation, genetic transformation 12002
  - flavonoids, genetic transformation 4743
  - genetic transformation 2640
  - gibberellic acid, gene expression 11549
  - growth regulators, gene expression 11549
  - morphology 5863
  - naringenin-chalcone synthase
    - gene expression 1747
    - genetic transformation 1747
  - phylogeny 5863
  - quality
    - artificial selection 5857

- ***Petunia** cont.*
  - quality *cont.*
    - combining ability 8325
  - seeds 5863
  - transposable elements, genetic transformation 12002
- ***Petunia axillaris***
  - flavonoids, gene dosage 7110
  - interspecific hybridization 2641, 8325
  - self incompatibility 8323
- ***Petunia bajeensis,*** taxonomy 5865
- ***Petunia hybrida***
  - ACC
    - gene expression 10379
    - nucleotide sequences 10379
  - anthocyanins, gene expression 4744
  - antibodies, genetic transformation 10377
  - brassinolide 795
  - calmodulin
    - genetic engineering 7109
    - nucleotide sequences 7109
  - cell division 795
  - chalcone isomerase, nucleotide sequences 794
  - cultivars
    - Adventurer 7105
    - Silk Road 7106
    - Traveller 7107
  - cytoplasmic male sterility, protoplast fusion 11548
  - dihydrokaempferol 4-reductase
    - gene expression 11568
    - genetic transformation 10377, 11568
  - DNA methylation 8322
  - flavonoids
    - gene expression 8324
    - genetic transformation 8324
  - flavonols, genetic transformation 5862
  - fluorescence *in situ* hybridization 4742
  - gene expression 12929
  - interspecific hybridization 8325
  - naringenin-chalcone synthase
    - gene expression 8322
    - genetic transformation 8322
    - induced mutations 10378
  - *Nicotiana tabacum,* intergeneric hybridization 11548
  - pollen
    - gene expression 10379
    - nucleotide sequences 10379
  - pollen germination, genetic transformation 5862
  - pollination 2642
  - protein kinase
    - gene expression 10516
    - nucleotide sequences 10516
  - random amplified polymorphic DNA 4742
  - recombination 12929
  - self incompatibility 2642
    - gene mapping 3611
  - transposable elements, genetic transformation 4744
- ***Petunia inflata***
  - kinases, genetic transformation 2639
  - pollen, genetic transformation 2639
- ***Petunia integrifolia***
  - interspecific hybridization 2641, 8325
  - wide hybridization 2641
- ***Petunia occidentalis,*** taxonomy 2641
- ***Petunia riograndensis,*** taxonomy 5865
- ***Peumus boldus***
  - alkaloids 9207
  - essential oils 9207
- ***Peziza,*** exo-α-1,4-glucan lyase, nucleotide sequences 11626
- ***Phacelia campanularia***
  - pollination 9057
  - ultraviolet radiation 9057
- ***Phacelia dubia,*** genetic drift 9169
- ***Phacelia tanacetifolia***
  - forage 1214
  - variety trials 1214
- ***Phaeoisariopsis griseola***
  - *Phaseolus vulgaris* 7750
    - genetic markers 8791
    - genetic resources 367
- ***Phaeoramularia angolensis,*** *Citrus* 10077
- ***Phaeosphaeria maydis,*** *Zea mays* 5129, 12115
- ***Phalaenopsis***
  - aspartate aminotransferase, somaclonal variation 3621
  - biotechnology 2803
  - *Cymbidium goeringii,* intergeneric hybridization 3618
  - ethylene
    - gene expression 7121
    - nucleotide sequences 7121
  - flowers, somaclonal variation 3621
  - phosphoglucomutase, somaclonal variation 3621
  - random amplified polymorphic DNA 3621
- ***Phalaenopsis violacea***
  - breeding 1755
  - taxonomy 1755
- ***Phalaris aquatica***
  - cultivars
    - Atlas PG 9740
    - Australian II 9741
  - polyploidy 10893
- ***Pharbitis nil***
  - adenosylmethionine decarboxylase, gene expression 5856
  - ion transport, nucleotide sequences 7093
  - light 5856
  - photoperiodism, molecular genetics 4731
  - pollen 3586
- ***Pharbitis purpurea***
  - colour
    - induced mutations 5848
    - nucleotide sequences 2631
  - ethyl methanesulfonate 5848
  - flowers
    - induced mutations 5848
    - nucleotide sequences 2631
  - mutagens 5848
  - sodium azide 5848
- **Pharmaceutical proteins,** genetic transformation 9264
- **Phaseolin**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 9818, 11364
    - genetic transformation 9818, 11364
  - *Phaseolus vulgaris*
    - gene expression 9818, 11364
    - genetic engineering 9818
    - promoters 11364
- ***Phaseolus***
  - chloroplast genetics, techniques 10963
  - heat resistance 2161
  - phylogeny 5358
    - chloroplast genetics 4205
  - random amplified polymorphic DNA 5358
  - restriction fragment length polymorphism 5358
    - techniques 10963
- ***Phaseolus acutifolius***
  - arcelins, genetic transformation 12377
  - *Xanthomonas axonopodis*
    - genetics 7746
    - random amplified polymorphic DNA 2201
  - *Xanthomonas campestris* 6430
    - genetic markers 366
  - yield components, heritability 5355
- ***Phaseolus coccineus***
  - α-amanitin, gene expression 10964
  - DNA methylation 5350
  - fungi 10975
  - genetic resources 5349
  - phenolic compounds 10975
  - plant embryos, gene expression 10964
  - RNA polymerase, gene expression 10964
  - *Xanthomonas campestris* 6430
    - genetic markers 366
- ***Phaseolus lunatus***
  - *Acanthoscelides obtectus,* gene expression 12390
  - chloroplast genetics, techniques 10963
  - chromosome morphology 4931
  - chromosome number 4931
  - cytokinins
    - gene expression 5353
    - nucleotide sequences 5353
  - evolution, restriction fragment length polymorphism 6421
  - gamma radiation 10969
- ***Phaseolus lunatus** cont.*
  - isoenzymes
    - genetic variation 3100, 7745
    - polymorphism 7745
  - lectins
    - gene expression 10965
    - nucleotide sequences 10965
  - morphology, induced mutations 10969
  - mutagens 10969
  - phylogeny
    - chloroplast genetics 4205
    - restriction fragment length polymorphism 3100
  - proteins 6421
  - restriction fragment length polymorphism, techniques 10963
  - Retroviridae, nucleotide sequences 11801
  - seeds 6421
    - storage 6382
  - *Xanthomonas campestris* 6430
  - zeatin glucosyltransferase
    - gene expression 5353
    - nucleotide sequences 5353
- ***Phaseolus polyanthus***
  - embryo culture 5357
  - interspecific hybridization 5357
- ***Phaseolus spectabilis,*** nomenclature 3144
- ***Phaseolus stenolobus,*** nomenclature 3144
- ***Phaseolus vulgaris***
  - actin, gene expression 5351
  - aluminium 4208
  - *Aphis craccivora* 12391
  - arcelins
    - gene expression 12377
    - genetic engineering 12377
  - artificial selection 5356
  - asparagine synthase
    - gene expression 10962
    - nucleotide sequences 10962
  - bean common mosaic necrosis potyvirus, germplasm releases 4209
  - bean common mosaic potyvirus, germplasm releases 2200, 2204, 4209, 4214
  - bean curly top virus, germplasm releases 2204
  - bean golden mosaic bigeminivirus 12389
    - genetic transformation 3104
  - binding proteins, genetic engineering 1287
  - breeding 8781, 8789
  - calcium, heritability 7743
  - centres of origin 3099
  - chlorophyll, induced mutations 8782, 9820
  - chlorosis
    - artificial selection 4160
    - genetics 5363
  - *Colletotrichum lindemuthianum* 2203, 12383, 12386
    - evolution 12387
    - gene mapping 8792
    - genetics 4211, 5361, 12387
    - nucleotide sequences 8792
  - colour 361, 1289
    - genetics 5352, 7742
  - competitive ability 2198
  - crop mixtures, artificial selection 3101
  - cultivars
    - AC Alberta Pink 7737, 9817
    - AC Earlired 7736
    - Beluga 6414
    - characteristics 6415-6419
    - Chinook-2000 6413
    - Diamante Negro 1286
    - Frontier 12376
    - Kodiac 6412
    - Matterhorn 7738
    - Pérola 1286
    - UEL-2 2194
  - curly top virus, germplasm releases 4214
  - cytoplasmic male sterility
    - mitochondrial genetics 8783
    - mutations 8783
  - determinate and indeterminate habit 10966
  - drought resistance 364, 6429, 8788
    - artificial selection 2199
  - embryo culture 5357
  - *Empoasca fabae* 2205
  - *Empoasca kraemeri* 2205, 10977

- ***Phaseolus vulgaris*** *cont.*
  - *Erysiphe polygoni,* genetics 12388
  - ethyl methanesulfonate 8782, 9820
  - evolution 4204
  - fungi
    - gene expression 7747
    - nucleotide sequences 7747
  - *Fusarium* 12384
  - *Fusarium oxysporum* 4212, 8790
    - germplasm releases 2200
  - gamma radiation 360, 8782, 9820
  - gene mapping 1288
  - genetic resources 3096, 5349, 6411, 7748
  - germination 8784
  - glycoproteins, nucleotide sequences 10976
  - growth period, heritability 1290
  - habit
    - artificial selection 5354
    - genetic markers 5362
  - heat resistance 2161
  - heavy metals
    - gene expression 3102
    - molecular genetics 3102
  - hydrazine 8782
  - incompatibility 12378
  - induced mutations 360
  - insects, artificial selection 12392
  - interspecific hybridization 5357
  - isoenzymes
    - genetic variation 3099
    - polymorphism 3099
  - leaves 2197, 10967
  - lipid transfer proteins, gene expression 2195
  - *Macrophomina phaseolina* 8790
  - manganese 9824, 10973
  - mechanical harvesting 363
  - microsatellites 6381
  - mutagens 8782, 9820
  - nitrogen fixation 5359, 8786, 10972
    - artificial selection 9823
  - nodulation 5359
    - gene expression 7747
    - gene mapping 10971
    - nucleotide sequences 7747
  - nodulins 10972
  - nutrients 4207, 6426, 8786
  - *Ophiomyia phaseoli* 10978
  - pathogenesis-related proteins
    - gene expression 7747
    - nucleotide sequences 7747
  - *Phaeoisariopsis griseola* 7750
    - genetic markers 8791
    - genetic resources 367
  - phaseolin
    - gene expression 9818, 11364
    - genetic engineering 9818
    - promoters 11364
  - phosphorus 4207, 6426, 8786
  - photosynthesis 5359
    - gene mapping 7744
  - pollination 6420, 7740
  - protein kinase
    - gene expression 7747
    - nucleotide sequences 7747
  - proteins, gene expression 8787
  - *Pseudomonas syringae* 1292, 4210
    - artificial selection 5360
  - quality 6425, 9407, 12380
    - artificial selection 5360
  - random amplified polymorphic DNA 359
  - restriction fragment length polymorphism 1288
  - *Rhizobium* 4206
  - *Rhizoctonia solani* 6384
  - *Sclerotinia sclerotiorum* 7748
    - germplasm releases 4213
  - seed production 1291, 7740
  - seeds 361, 1289, 6420, 8784
    - artificial selection 2196, 5354
    - gene expression 5351
    - genetics 5352, 7742
    - heritability 1290
    - storage 6382
  - soil water 10966
  - stability 6428
    - mathematics 6427
  - tannins 361
  - *Thanatephorus cucumeris* 12385
  - toxic substances 4208, 9824, 10973
- ***Phaseolus vulgaris*** *cont.*
  - *trans*-cinnamate 4-monooxygenase
    - gene expression 9819
    - nucleotide sequences 9819
  - transposable elements, nucleotide sequences 7739
  - trehalose 364
  - *Uromyces appendiculatus* 9826, 10974
    - DNA hybridization 6431
    - gene mapping 368, 6431
    - genetic markers 5362
    - random amplified polymorphic DNA 368
  - variety classification, multivariate analysis 6423
  - variety trials 1285, 3097-3098
  - viruses, germplasm releases 7751
  - water balance 10967
  - wide hybridization 362, 12379
  - *Xanthomonas axonopodis* 12381
    - gene mapping 1293, 10971
    - genetic markers 3103
    - genetic variance 2202
    - genetics 12382
    - heterosis 2202
    - random amplified polymorphic DNA 3103
  - *Xanthomonas campestris* 6430, 8790
    - genetic markers 366
    - germplasm releases 7749
    - heritability 365
  - yield components 5356
    - artificial selection 362
    - combining ability 9822, 12379
    - heritability 5355
    - heterosis 6422
    - multivariate analysis 7741
  - yield correlations 1291, 6424, 9821, 10970
  - yields
    - artificial selection 7735, 9823
    - stability 8785
  - zeatin O-β-D-xylosyltransferase, gene expression 10968
- **Phenolic acids**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 2530
    - genetic transformation 2530
  - *Triticum aestivum* 7402
- **Phenolic compounds**
  - *Arachis hypogaea* 10174
  - *Betula pendula* 11459
  - *Camellia sinensis* 1603
  - *Ficus carica* 6730
  - *Gossypium hirsutum* 4618
  - *Helianthus annuus* 11293
  - *Malus pumila* 11180
  - *Nicotiana gossei* 4597
  - *Nicotiana tabacum* 4597
  - *Olea europaea* 10166
  - *Oryza sativa* 12264
  - *Phaseolus coccineus* 10975
  - *Populus tremuloides* 9136
  - *Quercus suber* 6993
  - *Solanum tuberosum* 1331, 3170
  - *Sorghum bicolor* 10753
  - *Vicia faba* 4203
  - *Zea mays* 3986
    - mutations 5122
- **Phenotypic variation**
  - *Arabidopsis thaliana* 3752
  - *Bromus catharticus* 5241
- **Phenylalanine ammonia-lyase**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 2771
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 1614, 8206
    - genetic transformation 8206, 12818
  - *Oryza sativa,* gene expression 2962
  - *Petroselinum crispum,* gene expression 828
  - *Pisum sativum* 5391
  - *Populus*
    - gene expression 8206
    - genetic engineering 8206
    - nucleotide sequences 8206
    - promoters 8206
  - *Ulmus* 11480
- **Phenylcoumaran benzylic ether reductase,** *Populus balsamifera,* nucleotide sequences 12874
- **Phenylpropanoid enzyme 4-coumarate:coenzyme A ligase**
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 8375
  - *Petroselinum crispum*
    - gene expression 8375
    - genetic engineering 8375
- **Phenylpropanoids**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 905
    - induced mutations 905
  - gene expression 7309
- ***Phialophora gregata***
  - *Glycine max*
    - amplified fragment length polymorphism 4197
    - gene mapping 4197
    - restriction fragment length polymorphism 4197
- ***Philodendron,*** chromosome number 12897
- ***Philodendron hastatum***
  - leaves, molecular genetics 949
  - senescence, molecular genetics 949
- ***Phleum pratense***
  - allergens
    - gene expression 8751
    - molecular genetics 12297
    - nucleotide sequences 8751
  - amplified fragment length polymorphism 8732
  - crop mixtures 9730
  - cultivars 9732
  - nitrogen, artificial selection 3046
  - nutrients, artificial selection 3046
  - pollen
    - gene expression 8751
    - molecular genetics 12297
    - nucleotide sequences 8751
  - variety trials 9730
- **Phloem,** *Oryza sativa,* gene expression 1167
- ***Phlox drummondii***
  - chromosome aberrations 787
  - gamma radiation 787
  - induced mutations 787
- ***Phlox paniculata***
  - benzyladenine 9406
  - tissue culture 9406
- ***Phoenix,*** taxonomy 4491
- ***Phoenix dactylifera***
  - biotechnology 1529
  - *Ceratocystis paradoxa* 4492
  - chromosome pairing 4490
  - DNA, techniques 11246
  - genetics 576
  - hermaphroditism 8021
  - *in vitro* culture 576, 8023
  - isoenzymes 575
  - plant introduction, history 10080
  - pollen, storage 4489
  - pollen germination 4489
  - tissue culture 1528-1529, 8022
  - variety classification 575
- ***Phoma*** *(see also Leptosphaeria)*
  - *Dendranthema grandiflora* 12926
- ***Phomopsis*** *(see also Diaporthe)*
- ***Phomopsis longicolla***
  - *Glycine max*
    - genetic markers 12359
    - restriction fragment length polymorphism 12359
- ***Phomopsis vexans,*** *Solanum melongena,* genetics 4367
- **Phosphate transporters**
  - *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 10583
  - *Glycine max,* nucleotide sequences 10583
  - *Oryza sativa,* nucleotide sequences 10583
  - *Zea mays,* nucleotide sequences 10583
- **Phosphates**
  - *Arabidopsis thaliana* 8475, 10529
  - *Daucus carota*
    - gene expression 11046
    - genetic transformation 11046
  - *Festuca pratensis* 8742-8743
  - *Medicago truncatula*
    - gene expression 7678
    - nucleotide sequences 7678
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 10233
    - nucleotide sequences 10233

Phosphatidylcholine desaturase
Arabidopsis thaliana
genetic transformation 921
mutations 921
Phosphatidylglycerol, *Arabidopsis thaliana* 10529
Phosphatidylinositol-transfer protein, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 9299
Phosphinothricin acetyltransferase
Agrostis stolonifera, genetic transformation 311
Beta maritima, genetic transformation 3492
Beta vulgaris, genetic transformation 3492
Brassica napus (rape), genetic transformation 627
Oryza sativa
gene expression 2964
genetic transformation 2964
Triticum aestivum, genetic transformation 6090
Phosphoenolpyruvate carboxykinase
Urochloa panicoides, gene expression 12296
Zea mays, gene expression 8641
Phosphoenolpyruvate carboxylase
Amaranthus edulis, mutations 7881
Brassica napus (rape)
gene expression 10106
genetic transformation 10106
Lotus corniculatus, nucleotide sequences 10937
Medicago sativa
gene expression 316
genetic transformation 316
Oryza sativa
gene expression 2912
genetic transformation 2912
Solanum tuberosum
gene expression 11028, 12444
genetic transformation 11028, 12444
Vanilla planifolia
gene expression 3640
nucleotide sequences 3640
Vicia faba
gene expression 9816
nucleotide sequences 9816
Zea mays
gene expression 1074, 7490, 9608, 11985
genetic engineering 2912
mutations 200
nucleotide sequences 1074
Phosphofructokinase
Nicotiana tabacum
gene expression 8142
genetic transformation 8142
Solanum tuberosum
gene expression 7801
nucleotide sequences 7801
Phosphoglucomutase
Brassica pekinensis, genetic markers 451
Phalaenopsis, somaclonal variation 3621
Phosphogluconate dehydrogenase, *Silene acaulis,* genetic variation 11531
Phosphoglycerate dehydrogenase
Arabidopsis thaliana
gene expression 4870
nucleotide sequences 4870
Phosphoglycerate mutase, *Zea mays,* genetic markers 5127
Phospholipase A2
Cucumis sativus
gene expression 6611
nucleotide sequences 6611
Phospholipase D
Arabidopsis thaliana
gene expression 6033
nucleotide sequences 9308
Brassica oleracea (cabbages)
gene expression 11068
nucleotide sequences 11068
Gossypium hirsutum, nucleotide sequences 12833
Pimpinella brachycarpa
gene expression 826
nucleotide sequences 826
Vigna unguiculata
gene expression 9873
Phospholipase D *cont.*
Vigna unguiculata cont.
nucleotide sequences 9873
Phospholipid-hydroperoxide glutathione peroxidase
Arabidopsis thaliana
gene expression 24
nucleotide sequences 24
Phospholipids, *Glycine max,* genetic transformation 10953
Phosphoprotein phosphatase
Arabidopsis thaliana
molecular genetics 6016, 8471
nucleotide sequences 1842
Hevea brasiliensis, nucleotide sequences 5799
Mesembryanthemum crystallinum, gene expression 12943
Nicotiana tabacum, genetic transformation 6940
Phosphoproteins
Arabidopsis thaliana
gene expression 7225
genetic transformation 7225
nucleotide sequences 7225
Phosphopyruvate hydratase
Zea mays
gene expression 2939
nucleotide sequences 2939
Phosphoribosyl-AMP cyclohydrolase, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 884
Phosphoribosyl-ATP pyrophosphatase, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 884
Phosphoribosyl diphosphate synthase
Spinacia oleracea
gene expression 9954
nucleotide sequences 9954
Phosphoribulokinase, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 6938
Phosphoric monoester hydrolases
Arabidopsis thaliana, nucleotide sequences 4869
Cucurbita moschata, nucleotide sequences 2320
evolution 9398
Triticum aestivum, cytoplasmic male sterility 2871
Phosphorus
Arabidopsis thaliana, gene expression 3759, 3792
Camellia sinensis 10208
Capsicum annuum 7914
Glycine max 353
gene expression 3792
Hordeum vulgare 1043
Lycopersicon esculentum 6565
gene expression 7888
Medicago truncatula, gene expression 3792
Oryza sativa 1187, 1191, 4057
gene mapping 1189, 3012
restriction fragment length polymorphism 1189
Phaseolus vulgaris 4207, 6426, 8786
Pisum sativum, gene expression 9847
Saccharum officinarum 12767
Sorghum bicolor 1101
Trifolium repens 10909
heritability 2151
Triticum aestivum 1006, 1968, 6130-6131, 8579-8580
techniques 140
Vigna aconitifolia 1323
Zea mays 214, 1086
combining ability 2938
gene expression 3792
genetics 2047
Phosphorylation
Arabidopsis thaliana
gene expression 4879
nucleotide sequences 4879
Phosphoserine aminotransferase
Arabidopsis thaliana
gene expression 1832
nucleotide sequences 1832
Phosphoserine phosphatase
Arabidopsis thaliana
gene expression 8485
nucleotide sequences 8485
Phosphotransferases
Arabidopsis thaliana
gene expression 11725
nucleotide sequences 11725
Photoperiodism
Adiantum capillus-veneris, nucleotide sequences 807
Arabidopsis thaliana 6023
gene expression 918
Arachis hypogaea 3469
Astilbe 1731
Brassica juncea, genotype environment interaction 447
Brassica pekinensis, genotype environment interaction 447
Cicer arietinum, genetics 7769
Dendranthema, induced mutations 3600
Fragaria ananassa 3313
genetics 11786
Glycine max 346, 1268, 5308
epistasis 4182-4183
genetics 4182-4183
Gossypium hirsutum 4604-4605
Hibiscus cannabinus 8191
Hordeum vulgare
gene mapping 1037
mutations 6166
restriction fragment length polymorphism 1037
Oryza sativa 1148, 2098, 2101, 5184, 6267, 8699, 12203
gene mapping 1166, 7625, 8534
genetics 2980, 5179
heritability 2102
restriction fragment length polymorphism 7625
reviews 7573
Pennisetum glaucum, germplasm releases 4012
Pharbitis nil, molecular genetics 4731
Pisum sativum
gene expression 374
genetics 5372
Raphanus sativus, genotype environment interaction 447
Silene coeli-rosa, molecular genetics 4731
Sorghum bicolor 229, 6073, 9637
combining ability 6236
gene mapping 10750
genetics 6237-6238, 7514
germplasm releases 10749
Triticum aestivum 10608
chloroplast genetics 8559
gene expression 6112
genetics 964, 4949, 8560, 9470
pleiotropy 4964
Viola 790
Photoreceptors, *Arabidopsis thaliana,* genetic engineering 1860
Photorespiration
Amaranthus edulis, mutations 5062
Arabidopsis thaliana, mutations 9336
Hordeum vulgare, mutations 5062
Photosynthesis 3669
Aegilops 3900, 9464
evolution 7369
Aegilops tauschii 7424
Amaranthus edulis
induced mutations 7636
mutations 4084
Amaranthus hybridus 10877
Amblyopyrum 3900
Anthoxanthum odoratum 1227
Arabidopsis, mutations 4886
Arabidopsis thaliana
gene expression 1851, 8479-8480, 8484, 9361, 9546, 12532
genetic transformation 4894, 8479, 8484, 9361
induced mutations 7257
molecular genetics 7249
mutations 10544
nucleotide sequences 39, 889
Asparagus officinalis 7867, 7869-7870
Azadirachta indica 9210
Camellia sinensis, clonal variation 679
chloroplast genetics 3705
Coffea canephora 3505
conferences 8414-8418
Flaveria bidentis, mutations 4084

- **Photosynthesis** *cont.*
  - gene expression 3705
    - books 862
    - reviews 11804
  - *Glycine max* 1269, 5304
  - *Gossypium hirsutum* 6969
  - *Hordeum vulgare* 9558
    - artificial selection 8536
    - chloroplast genetics 9557, 11943
    - gene expression 8603, 9546, 10663, 11943
    - genetic transformation 8603
    - heritability 8536
    - mutations 3929, 8606
    - promoters 11943
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 9971, 12532
    - genetic transformation 9971
    - heterosis 3240
  - molecular genetics, reviews 11689, 11806
  - *Musa* 1504
  - *Nicotiana tabacum* 6938, 6941, 8137, 10236
    - chloroplast genetics 9100
    - gene expression 9091
    - genetic transformation 9091, 9096
  - *Oryza sativa* 5190, 7583
    - chloroplast genetics 271
    - gene expression 271, 7591, 7594
    - genetic transformation 7591, 7594
    - heterosis 4047, 7585
    - polyploidy 12202
    - wide hybridization 8701
  - *Phaseolus vulgaris* 5359
    - gene mapping 7744
  - *Picea engelmannii* 7025, 7029
  - *Picea glauca* 7025, 7029
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 9835
    - mutations 9835
  - *Poncirus trifoliata*
    - gene expression 9012
    - genetic transformation 9012
  - *Populus* 11472
  - *Populus canadensis* 3560
  - *Populus deltoides* 3560
  - *Saccharum officinarum* 662
    - heritability 6897
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 5467, 11028, 12444
    - genetic engineering 5467
    - genetic transformation 2236, 9902, 11028, 12444
    - history 7803
  - *Sorghum bicolor* 9643
  - *Spinacia oleracea,* nucleotide sequences 889
  - *Trifolium repens* 2150
  - *Triticum* 9464
    - evolution 7369
  - *Triticum aestivum* 982, 1975, 3846
    - gene expression 9462, 10613
    - genetics 7370
    - heritability 6134
    - heterosis 117, 9469
  - *Triticum durum* 6105, 10628
    - artificial selection 8536
    - heritability 8536
  - *Vetiveria zizanioides* 843
  - *Vigna aconitifolia* 1323
  - *Zea mays* 196, 9615, 10706, 10717
    - artificial selection 9616
    - gene expression 7594, 9971
    - genetic engineering 7594, 9971
    - heterosis 12054
    - mutations 12055
- ***Phragmenthera capitata,*** *Hevea brasiliensis* 4628
- ***Phthorimaea operculella***
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 705
    - genetic transformation 705
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 7815
    - genetic transformation 4308, 7815
- ***Phyllachora torrendiella,*** *Cocos nucifera* 12747
- ***Phyllanthus niruri,*** cultivars, Navyakrit 11581
- ***Phyllocnistis citrella,*** *Citrus* 11238
- ***Phyllocoptruta oleivora,*** *Citrus* 4484
- ***Phyllostachys heteroclada,*** taxonomy 4786
- ***Phyllosticta*** (*see also Ascochyta; Mycosphaerella)*
- **Phylogeny** (*see also* Evolution)
  - *Acacia*
    - chloroplast genetics 4658
    - proteins 8210
    - restriction fragment length polymorphism 4658
  - *Acorus calamus*
    - DNA fingerprinting 11596
    - mitochondrial genetics 1769
    - nucleotide sequences 1769
  - *Acorus gramineus,* DNA fingerprinting 11596
  - *Aegilops* 150
    - polymerase chain reaction 6128
    - ribosomal DNA 6128
  - *Aegilops tauschii,* nucleotide sequences 1002
  - *Agave angustifolia* 5793
  - *Agave fourcroydes* 5793
  - *Allium*
    - chloroplast genetics 7845
    - nucleotide sequences 434, 6522
    - ribosomal DNA 434, 6522
  - *Alopecurus vaginatus,* nucleotide sequences 3044
  - *Alstroemeria,* transposable elements 1748
  - angiosperms 1744, 11788, 11790
    - nucleotide sequences 3784
  - *Arabidopsis thaliana,* microsatellites 28
  - *Arachis*
    - DNA hybridization 3471
    - random amplified polymorphic DNA 1574
    - restriction fragment length polymorphism 1574
  - *Arachis hypogaea,* DNA hybridization 3471
  - Arecaceae 8222
  - *Armoracia,* chloroplast genetics 3793
  - *Arrhenatherum elatius,* nucleotide sequences 3044
  - *Artemisia,* nucleotide sequences 3031
  - Arundinoideae 10880
  - *Asarum* 1738
  - *Aster*
    - nucleotide sequences 7100
    - ribosomal DNA 7100
  - *Avena,* nucleotide sequences 3044
  - *Beta,* molecular genetics 1600
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), molecular genetics 1600
  - *Brachycome,* chloroplast genetics 11541
  - *Brassica* 4333
  - *Brassica oleracea* 4333
  - Brassicaceae, albumins 5682
  - *Camellia,* random amplified polymorphic DNA 2615
  - *Cantharellus* 8400
  - *Cantharellus cibarius*
    - nucleotide sequences 5915
    - ribosomal DNA 5915
  - *Cardamine,* chloroplast genetics 3793
  - *Citrus*
    - microsatellites 2413
    - nucleotide sequences 4479
  - computer programming 3782
  - *Crambe,* nucleotide sequences 11340
  - *Craterellus* 8400
  - *Cynodon,* molecular genetics 10891
  - *Daucus*
    - chloroplast genetics 5479
    - mitochondrial genetics 5479
    - restriction fragment length polymorphism 5479-5480
  - *Daucus carota*
    - chloroplast genetics 5479
    - mitochondrial genetics 5479
    - restriction fragment length polymorphism 5479-5480
  - *Dendranthema indicum* 786
  - *Dendranthema morifolium* 786
  - *Dendranthema vestitum* 786
  - *Disa,* pollination 1758
  - *Drosera,* ribulose-bisphosphate carboxylase 1676
  - *Durio,* restriction fragment length polymorphism 1533
- **Phylogeny** *cont.*
  - *Durio zibethinus,* restriction fragment length polymorphism 1533
  - *Enteromorpha,* nucleotide sequences 12982
  - *Eucalyptus,* nucleotide sequences 11465
  - *Eucalyptus horistes,* restriction fragment length polymorphism 5803
  - *Eucalyptus kochii,* restriction fragment length polymorphism 5803
  - *Fagopyrum*
    - acetyl-CoA carboxylase 1208
    - nucleotide sequences 3030
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 1208
  - *Faidherbia*
    - chloroplast genetics 4658
    - restriction fragment length polymorphism 4658
  - *Festuca arundinacea,* molecular genetics 3034
  - *Gentiana,* random amplified polymorphic DNA 792
  - *Gleditsia,* chloroplast genetics 3565
  - *Glycine,* nucleotide sequences 2170
  - *Glycine max*
    - mitochondrial genetics 3086
    - restriction fragment length polymorphism 3086
  - *Glycine soja*
    - mitochondrial genetics 3086
    - restriction fragment length polymorphism 3086
  - *Glycyrrhiza,* nucleotide sequences 821
  - Gnetopsida 11788
  - *Gomphus* 8400
  - *Gossypium,* nucleotide sequences 86
  - *Gossypium hirsutum,* DNA hybridization 5788
  - *Gracilaria chilensis* 11636
  - Hamamelidaceae, techniques 7297
  - Hamamelidoideae 8285
  - *Hamamelis,* ribosomal DNA 2614
  - *Hebe,* nucleotide sequences 1722
  - *Helianthus*
    - nucleotide sequences 4531
    - random amplified polymorphic DNA 4532, 11291
  - *Helianthus annuus,* random amplified polymorphic DNA 4532
  - *Helictotrichon* 1225
    - nucleotide sequences 3044
  - *Herrania,* nucleotide sequences 12796
  - *Hibiscus* 10340
  - *Hibiscus syriacus* 10340
  - *Holcus lanatus,* nucleotide sequences 3044
  - *Hordeum*
    - DNA hybridization 3908
    - nucleotide sequences 3935
    - ribosomal DNA 3908
  - *Hordeum marinum,* nucleotide sequences 1993
  - *Hordeum vulgare,* spikelets 7439
  - *Ilex,* ribulose-bisphosphate carboxylase 1676
  - *Ipomoea,* nucleotide sequences 12487
  - *Koeleria,* nucleotide sequences 3044
  - *Lactuca,* nucleotide sequences 2286
  - *Lactuca sativa,* nucleotide sequences 2286
  - *Larix* 11507
  - *Lathyrus sativus,* random amplified polymorphic DNA 12340
  - *Lentinula,* ribosomal DNA 852
  - Liliaceae 8524
  - *Lilium,* ribosomal DNA 9197
  - *Lilium concolor,* ribosomal DNA 4754
  - *Lilium maculatum,* ribosomal DNA 4754
  - *Lilium pensylvanicum,* ribosomal DNA 4754
  - *Liquidambar* 10310
  - *Lolium multiflorum,* molecular genetics 3034
  - *Lupinus* 10932
    - nucleotide sequences 8762
    - repetitive DNA 10931
  - Magnoliaceae, maturase 8286
  - *Mangifera*
    - chloroplast genetics 5647

Phylogeny *cont.*
- *Mangifera cont.*
  - restriction fragment length polymorphism 5647
- mangroves
  - random amplified polymorphic DNA 755
  - restriction fragment length polymorphism 755
- *Manihot esculenta* 10475
  - nucleotide sequences 7826
- mathematics 3782
- *Medicago*
  - chloroplast genetics 1234
  - nucleotide sequences 1234, 5253
  - ribosomal DNA 4133
- *Michelia,* maturase 8286
- *Nasturtium,* chloroplast genetics 3793
- *Nelumbo nucifera* 7838
- nodulation 1908
- *Nothofagus,* ribulose-bisphosphate carboxylase 1676
- nucleotide sequences 4925, 11793
  - statistics 2796
- Nymphaeales, techniques 7297
- Orchidaceae 5882
  - ribosomal DNA 10405
- organelles 4922, 8443
- *Oryza* 12226
  - amplified fragment length polymorphism 9700
  - catalase 8712
  - chloroplasts 12227
  - random amplified polymorphic DNA 4028, 4056
- *Paeonia,* nucleotide sequences 12924
- *Pelargonium,* chloroplast genetics 8287
- *Petunia* 5863
- *Phaseolus* 5358
  - chloroplast genetics 4205
- *Phaseolus lunatus*
  - chloroplast genetics 4205
  - restriction fragment length polymorphism 3100
- *Picea* 12894
- Pinopsida 11788
- *Pinus devoniana,* chloroplast genetics 7014
- *Pistacia* 3416
  - chloroplast genetics 10099
  - restriction fragment length polymorphism 10099
- Poaceae
  - amino acids 7298
  - ribosomal DNA 7650
  - seeds 7298
- *Portulaca,* diterpenoids 5892
- *Potamophila parviflora,* nucleotide sequences 285
- *Potentilla* 12905
- *Prosopis,* proteins 8210
- Proteaceae, conferences 7179
- *Prunus* (peaches), proteins 6695
- Pteridopsida
  - mitochondrial genetics 7130
  - NADH dehydrogenase 7130
- *Quercus*
  - chloroplast genetics 12872
  - nucleotide sequences 12872
- *Raphanus sativus,* esterases 8854
- *Rhododendron,* nucleotide sequences 8284
- *Ribes,* chloroplast genetics 11200
- *Rorippa,* chloroplast genetics 3793
- *Rosa,* nucleotide sequences 2617
- Rubiaceae, ribulose-bisphosphate carboxylase 1676
- *Rubus* 5605
  - molecular genetics 5604
- *Saccharum* 10186
  - random amplified polymorphic DNA 6893
- *Saccharum arundinacearum*
  - fluorescence *in situ* hybridization 1590
  - repetitive DNA 1590
- *Saxifraga,* chloroplast genetics 12923
- *Solanum tuberosum,* pyrophosphatases 5468
- *Sorghum*
  - chloroplast genetics 12156

Phylogeny *cont.*
- *Sorghum cont.*
  - nucleotide sequences 12156
- *Stylosanthes,* chloroplast genetics 12339
- *Syringa,* chloroplast genetics 780
- temperate fruits, molecular genetics 2328
- *Theobroma,* nucleotide sequences 12796
- *Trifolium* 10908
- Trilliaceae 11540
- *Trisetum,* nucleotide sequences 3044
- Triticeae 2813
- *Triticum*
  - polymerase chain reaction 6128
  - ribosomal DNA 6128
- *Triticum aestivum,* nucleotide sequences 1002, 8577
- *Ulva,* nucleotide sequences 12982
- *Vicia,* chloroplast genetics 2193, 6410
- *Vigna,* isoenzymes 7789
- *Vitis* 6716-6717

Physalis, taxonomy 3367

Physalospora *(see also Glomerella)*

Physaria, nomenclature 5724

Physiology
- *Betula papyrifera* 9125
- *Cocos nucifera* 12746
- *Gossypium hirsutum,* heterosis 10250
- *Oryza sativa* 1161
- *Saccharum officinarum* 12767
- *Triticum aestivum* 147, 6113
- *Zea mays* 12149

Phytase
- *Zea mays*
  - gene expression 5109
  - nucleotide sequences 5109

Phyteuma spicatum, pollination 941

Phytic acid
- *Hordeum vulgare* 6077
  - gene location 11815
  - induced mutations 3927
  - mutations 11815
- *Vigna unguiculata,* genotype environment interaction 6460
- *Zea mays* 6077
  - gene location 11815
  - mutations 11815

Phytoalexins, *Musa* 2406, 8001

Phytochelatins
- molecular genetics 11717
- *Triticum aestivum*
  - gene expression 10632
  - nucleotide sequences 10632

Phytochrome
- *Adiantum capillus-veneris,* nucleotide sequences 3630
- angiosperms, genetics 4924
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 29, 38, 55, 915, 5191, 6008, 6029, 7260, 8460, 8497, 8821, 9327, 9343, 11749, 11770
  - genetic engineering 8460
  - genetic transformation 5191, 9327
  - genetics 907
  - molecular genetics 1857
  - mutations 29, 38, 55, 907-908, 915, 926, 1852, 1857, 6008, 6019, 6024, 7260, 11770
  - nucleotide sequences 38, 6029, 9320
- *Armoracia rusticana*
  - gene expression 8460
  - genetic transformation 8460
- *Avena sativa,* genetic engineering 3944
- gene expression 1821
- genetic engineering 1821
- *Hordeum vulgare,* mutations 6166
- *Lycopersicon esculentum* 4350
  - alternative splicing 3237
  - gene expression 11109
  - genetic transformation 11109
  - mutations 2299, 4352, 8528, 8887, 11109
  - nucleotide sequences 3237
- *Nicotiana sylvestris,* genetic transformation 2526
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 3944, 5191
  - genetic engineering 9327
  - genetic transformation 2526, 3944, 5191
  - promoters 9327

Phytochrome *cont.*
- *Oryza sativa*
  - gene expression 5191
  - gene mapping 7556
  - genetic engineering 5191
- *Pisum sativum*
  - gene expression, gene expression 9838
  - guanosinetriphosphatase, gene expression 9838
- *Populus balsamifera,* molecular genetics 12875
- protoplasts, *Arabidopsis thaliana* 34
- *Satureja douglasii* 827
- *Solanum tuberosum*
  - gene expression 8821
  - genetic engineering 3944
  - genetic transformation 8528, 8821
- *Sorghum bicolor,* mutations 10748
- *Triticum aestivum,* gene expression 6112

Phytoene desaturase, *Oryza sativa,* nucleotide sequences 12185

Phytoene synthase, *Lycopersicon esculentum,* gene expression 4351

Phytolacca americana
- antifungal proteins, nucleotide sequences 1777
- antiviral proteins
  - gene expression 1776
  - genetic engineering 1776, 3535
- pathogenesis-related proteins, nucleotide sequences 11598

Phytolacca dodecandra, tissue culture 11600

Phytophthora, *Theobroma cacao* 5748, 9083

Phytophthora cactorum, *Fragaria virginiana* 6706

Phytophthora capsici
- *Capsicum annuum* 2315
  - genetics 7916

Phytophthora cryptogea
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 5770
  - genetic transformation 5770

Phytophthora fragariae, *Fragaria ananassa,* genetics 5616

Phytophthora infestans
- *Glycine max,* genetic transformation 12461
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 5476
  - genetic engineering 5476
- *Solanum circaeifolium,* restriction fragment length polymorphism 4295
- *Solanum tuberosum* 1344, 3168, 4294, 4296, 6493, 8840, 12455, 12464
  - gene expression 11039-11040, 12463
  - genetic transformation 5476
  - genetics 4297, 11041-11042
  - germplasm releases 5475
  - *in vitro* selection 8839
  - restriction fragment length polymorphism 4295
  - stability 411

Phytophthora melonis, *Cucumis melo* 12598

Phytophthora nicotianae
- *Citrus* 4483
- *Lycopersicon esculentum* 2303
- *Nicotiana benthamiana*
  - gene expression 3524
  - genetic transformation 3524
- *Nicotiana tabacum* 6919-6920, 12819
  - genetic transformation 12818

Phytophthora palmivora, *Theobroma cacao* 8118

Phytophthora sojae
- *Glycine max* 2186, 3090
  - genetics 1280, 5329-5330
  - heritability 4198
  - induced mutations 6404
  - linkage 7725

Phytoplasmas
- *Cocos nucifera* 3457
  - artificial selection 3456
  - genetics 3456
- *Lycopersicon esculentum,* germplasm releases 2306
- *Pyrus* 12634

Phytosterols
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 61
  - mutations 61

Phytosterols *cont.*
- *Avena sativa* 10679

Picea
- artificial selection 10325
- chromosome morphology 12894
- DNA, techniques 11502
- morphology 7026
- phylogeny 12894
- population genetics, genetic markers 11491
- random amplified polymorphic DNA 11502, 12894
  - interspecific hybridization 4675
- somatic embryogenesis 9147

Picea abies
- air pollution, gene expression 4677
- bark 1698
- breeding 2586, 10324
- cell division 11505
- chloroplast genetics 758
- cinnamyl-alcohol dehydrogenase, nucleotide sequences 765
- clines 8255
- cold resistance 11505
  - artificial selection 11504
- cryopreservation 766
- decline 11506
- gene mapping 8250
- genetic markers 764
- genetic resources 757
- genetic transformation 1682, 5812
- height, artificial selection 3581
- homeotic genes
  - genetic engineering 3580
  - nucleotide sequences 3580
- inbreeding 8247
- isoenzymes, genetic variation 1695, 8253
- microsatellites 758, 8252
- mitochondrial genetics, nucleotide sequences 10326
- NADH dehydrogenase
  - cytoplasmic inheritance 12892
  - mitochondrial genetics 12892
- *Ophiostoma polonicum* 1698
- ozone, gene expression 4677
- pollination 1682
- polymerase chain reaction 8249
- quantitative traits
  - genotype environment interaction 8256
  - heritability 8256
- random amplified polymorphic DNA 2587, 8248, 8250-8251
- ribulose-bisphosphate carboxylase, molecular genetics 9146
- salinity 11506
- seeds, storage 766
- somatic embryogenesis 3582, 10328
- wood properties, heritability 11503

Picea engelmannii
- drought resistance 7029
- interspecific hybridization 7025, 7029
- photosynthesis 7025, 7029

Picea glauca
- artificial selection 11501
- breeding 10324
- chimaeras, DNA fingerprinting 729
- cold resistance 1697
- cryopreservation 5823, 12893
- drought resistance 7029
- flowering 7024
- genetic markers 1683
- germination 1697
- interspecific hybridization 7025, 7029
- isoenzymes, genetics 7024
- photosynthesis 7025, 7029
- population genetics 1683
- random amplified polymorphic DNA 12893
- repetitive DNA 1683
  - nucleotide sequences 1693
- seeds 1697
- somaclonal variation 12893
- somatic embryogenesis 5823
  - gene expression 8254
  - nucleotide sequences 8254
- taxonomy, chloroplast genetics 12895

Picea glehnii
- height 1694
  - artificial selection 5822
- provenance trials 1696

Picea glehnii *cont.*
- soil types 1696

Picea mariana
- breeding 10324
  - techniques 10323
- taxonomy, chloroplast genetics 12895
- wood properties 767

Picea obovata, morphology 7026

Picea orientalis, pollen 10327

Picea rubens, taxonomy, chloroplast genetics 12895

Picea sitchensis
- genetic transformation 4674
- *Larix eurolepis,* intergeneric hybridization 1684
- *Pinus monticola,* intergeneric hybridization 1684
- pollination 1684
- protoplasts 4676
- *Pseudotsuga menziesii,* intergeneric hybridization 1684
- wood properties
  - clonal variation 7027
  - heritability 7028

Picloram, *Oryza sativa* 7603

Pimpinella brachycarpa
- phospholipase D
  - gene expression 826
  - nucleotide sequences 826

Pinaceae, chromosome number 8223

Pinopsida
- genetic markers 1683
- homeotic genes 11788
- phylogeny 11788
- population genetics 1683
- repetitive DNA 1683

Pinosylvin
- *Pinus sylvestris*
  - gene expression 4671
  - nucleotide sequences 4671

Pinus
- chemotaxonomy 763
- chitinase
  - gene expression 8229
  - genetic engineering 8229
- cryopreservation 3568
- evolution, chloroplast genetics 3572
- genetic markers, chloroplast genetics 3572
- germination 3568
- isoenzymes
  - chemotaxonomy 5821
  - gene mapping 8241
  - genetic variation 10316
- microsatellites 7017
- NADH dehydrogenase, mitochondrial genetics 7017
- pathogenesis-related proteins
  - gene expression 8229
  - genetic engineering 8229
- population genetics, genetic markers 11491
- random amplified polymorphic DNA 10316
- ribosomal RNA, nucleotide sequences 7023

Pinus albicaulis, isoenzymes, genetic variation 12889

Pinus attenuata
- evolution
  - mitochondrial genetics 5814
  - restriction fragment length polymorphism 5814

Pinus banksiana
- breeding 8224
- embryo culture 1692

Pinus brutia
- interspecific hybridization 2600
- isoenzymes
  - genetic distance 2601
  - genetic variation 2599
  - taxonomy 2601
- monoterpenes 2600

Pinus caribaea
- chloroplast genetics 8232
- germins
  - gene expression 3571
  - nucleotide sequences 3571
- polymorphism, isoenzymes 8232
- restriction fragment length polymorphism 8232

Pinus caribaea *cont.*
- somatic embryogenesis
  - gene expression 3571
  - nucleotide sequences 3571

Pinus contorta
- breeding 2591
- climate, genetics 12890
- *Endocronartium harknessii*
  - genetic variance 2604
  - heritability 2604
- glucosidases
  - gene expression 10317
  - nucleotide sequences 10317
- height, genetics 12890
- microsatellites 5815, 8227
- random amplified polymorphic DNA 5815, 8227
- repetitive DNA 8227
- roots
  - gene expression 9404
  - genetic transformation 9404

Pinus densiflora, fertility, mathematics 3575

Pinus devoniana
- gene flow 7014
- phylogeny, chloroplast genetics 7014

Pinus echinata, inbreeding 8230

Pinus edulis
- amplified fragment length polymorphism 1686
- gene mapping 1686

Pinus elliottii
- genetic markers 8226
- interspecific hybridization 8226

Pinus halepensis
- chloroplast genetics 758
- flavonoids 761
- geography 761
- interspecific hybridization 2600
- microsatellites 758
- monoterpenes 2600

Pinus kesiya
- gamma radiation 3574
- growth regulators 3574
- pollen germination 3574

Pinus koraiensis
- fertility, mathematics 3575
- isoenzymes, genetic variation 3576

Pinus lambertiana
- *Cronartium ribicola* 12891
  - gene mapping 3579
  - random amplified polymorphic DNA 3579
- DNA 2588
- proteins 12891
- sugars 12891
- transposable elements, evolution 5818

Pinus massoniana
- amino acids 11500
- *Bursaphelenchus xylophilus* 11500
- cones
  - clonal variation 11494
  - heritability 11494

Pinus maximartinezii
- heterozygosity 12888
- polymorphism 12888

Pinus merkusii, embryo culture 5820

Pinus montana
- interspecific hybridization 8240
- isoenzymes, genetics 8240
- proteins, genetics 8240

Pinus monticola
- height 1688
- *Larix occidentalis,* intergeneric hybridization 1684
- *Picea sitchensis,* intergeneric hybridization 1684
- pollination 1684
- *Pseudotsuga menziesii,* intergeneric hybridization 1684

Pinus muricata
- evolution
  - mitochondrial genetics 5814
  - restriction fragment length polymorphism 5814

Pinus nigra
- manganese 10322
- nutrients 10322
- somatic embryogenesis 11497

Pinus oocarpa, provenance trials 2590, 4667

Pinus palustris
- genetic markers 8226

Pinus palustris cont.
- interspecific hybridization 8226
- isoenzymes, genetic variation 7019

Pinus parviflora, isoenzymes, genetic variation 11810

Pinus patula
- genetic load 9145
- provenance trials 1685, 2590
- tissue culture 1691

Pinus pinaster
- *Dioryctria sylvestrella,* heritability 8246
- drought resistance 11498
- genetic markers 4669
- polymerase chain reaction 4669
- RNA, techniques 8234
- water balance 11498
- yield components, heritability 2603

Pinus pinea
- artificial selection 10315
- benzyladenine 9406
- tissue culture 9406

Pinus pityusa
- isoenzymes
  - genetic distance 2601
  - taxonomy 2601

Pinus ponderosa
- gene flow 759, 12887
- seed dispersal 759

Pinus radiata
- amplified fragment length polymorphism 8228
- caffeate *O*-methyltransferase, nucleotide sequences 7016
- development
  - inbreeding 3570
  - inbreeding depression 3567
  - nucleotide sequences 2594, 5817
- DNA, techniques 8233
- evolution
  - mitochondrial genetics 5814
  - restriction fragment length polymorphism 5814
- flowering
  - gene expression 2598
  - nucleotide sequences 2598
- *Fusarium subglutinans* 11499
- gene mapping 8231
- homeotic genes, nucleotide sequences 5817
- inbreeding depression 8231, 12884
- plant embryos 11496
- polyamines 11496
- quantitative traits
  - gene mapping 2595-2596
  - random amplified polymorphic DNA 2595-2596
- random amplified polymorphic DNA 5816, 12884
- somatic embryogenesis 11496
- transposable elements, evolution 5818
- yield components
  - genetic variance 2602
  - heritability 2602

Pinus roxburghii, isoenzymes, polymorphism 8238

Pinus sibirica, esterases, polymorphism 8242

Pinus strobus
- random amplified polymorphic DNA 7015
- somatic embryogenesis 3578

Pinus sylvestris
- amplified fragment length polymorphism 7018
- breeding 2586, 12886
- competitive ability 8245
- cryopreservation 2592
- DNA repair 8235
- evolution
  - mitochondrial genetics 4673
  - restriction fragment length polymorphism 4673
- gamma radiation 8235, 11493
- gene mapping 4668
- genetic markers 4669, 7018
- genetic transformation 1682, 2593
- genetic variation, chloroplast genetics 11492
- height, genetics 3577
- inbreeding depression 9144, 12885
- induced mutations 11493
- interspecific hybridization 8240

Pinus sylvestris cont.
- isoenzymes
  - genetic variation 2597, 7021
  - genetics 8240
- nitrogen 8244
- nutrients 8244
- outcrossing 2597
- pinosylvin
  - gene expression 4671
  - nucleotide sequences 4671
- plant embryos 4670
- pollination 1682, 8236
- polymerase chain reaction 4669
- population genetics 9144
- proteins, genetics 8240
- quality, genetics 3577
- random amplified polymorphic DNA 2587, 4668
- RNA, techniques 8234
- stilbene synthase
  - gene expression 4671
  - nucleotide sequences 4671
- tissue culture 2593
- wood properties 10321
  - genetic variance 10320
  - heritability 10320
- X radiation 8235
- yield components, heritability 7022, 8243
- yield correlations 7022

Pinus taeda
- amplified fragment length polymorphism 10318
- breeding 3569
- canopy 760
- embryo culture 1690
- expansins, gene expression 11495
- gene mapping 1687, 5813, 10318
- genetic markers 1687
- genetic transformation 5812
- IBA, gene expression 11495
- isoenzymes, genetic variation 10319
- light, gene expression 5819
- protochlorophyllide reductase
  - gene expression 1689, 5819
  - nucleotide sequences 1689
- quantitative traits
  - gene mapping 7020
  - random amplified polymorphic DNA 7020
  - restriction fragment length polymorphism 7020
- seed production 762
- solar radiation 760
- tissue culture 4672
- yield correlations 762

Pinus tecunumanii, quantitative traits, heritability 8239

Pinus thunbergii
- fertility, mathematics 3575
- proteins, chloroplast genetics 10585
- random amplified polymorphic DNA 8225
- tissue culture 8225

Pinus yunnanensis
- chromosome morphology 3573
- isoenzymes, genetic variation 8237

Pinyangmycin
- *Tradescantia pallida* 938
- *Tradescantia paludosa* 938
- *Vicia faba* 938

Piper
- chromosome morphology 8371
- taxonomy 10443

Piper attenuatum, interspecific hybridization 8369

Piper barberi, interspecific hybridization 8369

Piper betle
- *Lepidosaphes cornutus* 9211
- *Tetranychus cinnabarinus* 11605

Piper colubrinum
- protoplast culture 12967
- tissue culture 4775

Piper nigrum
- interspecific hybridization 8369
- protoplast culture 12967
- quality, germplasm releases 12963
- tissue culture 4775
- variety trials 12961
- yields, germplasm releases 12963

Piperaceae
- pollen 3643
- taxonomy 3643

Pisolithus tinctorius, Eucalyptus globulus, gene expression 4637

Pistacia
- development 3411
- gene banks 3398
- genetic resources 3397
- phylogeny 3416
  - chloroplast genetics 10099
  - restriction fragment length polymorphism 10099
- restriction fragment length polymorphism 3416
- rootstocks 3411

Pistacia atlantica
- germination 3410
- interspecific hybridization 1543, 3406-3407
- pollination 1543, 3407
- rootstocks 3410

Pistacia integerrima
- interspecific hybridization 3407
- pollination 3407

Pistacia khinjuk
- germination 6773
- seed testing 6773

Pistacia lentiscus, genetic resources 87, 583

Pistacia mutica, tissue culture 4499

Pistacia terebinthus, interspecific hybridization 3406

Pistacia vera
- breeding 3399
  - conferences 3655, 9229
- chlorophyll 3412
- embryo culture 4498
- fatty acids 3415
- fertilization 584
- genetics 3399
- heterosis 3405
- interspecific hybridization 1543
- isoenzymes 9027
- juvenility, heterosis 9026
- morphology 3409
- oils 585
- pollination 584, 1543
- random amplified polymorphic DNA 3409
- seeds 3412, 3415
- somatic embryogenesis 6774
- tissue culture 4499
- variety classification 9027
- vigour, heterosis 9026

Pisum
- transposable elements
  - gene mapping 1296
  - genetic markers 1296

Pisum abyssinicum
- interspecific hybridization 5386
- *Pseudomonas syringae,* genetics 5386
- viruses 10994

Pisum fulvum, interspecific hybridization 377

Pisum sativum
- abscisic acid, mutations 7758
- *Agrobacterium rhizogenes* 371
- alfalfa mosaic alfamovirus, genetic transformation 5394
- 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
  - gene expression 3111
  - nucleotide sequences 3111
- *Aphanomyces euteiches* 5388, 12400
- apyrase
  - genetic engineering 9847
  - genetic transformation 9847
- aroma 6439
- *Ascochyta rabiei,* techniques 5387
- binding proteins, gene expression 9833
- brassinosteroids
  - molecular genetics 1920, 4934
  - mutations 1920, 4934, 6438
- breeding 3105
- *Callosobruchus maculatus* 12404
- cell culture 5379
- chitinase 7765
- chlormequat 1300
- chlorophyll
  - gene location 7759
  - genetics 7759

***Pisum sativum** cont.*
  chlorophyll *cont.*
    induced mutations 3110, 6437
  chlorophyll *a/b* binding protein, gene expression 2208, 12395
  chloroplasts 370
  chromosome aberrations 372
  chromosome morphology 371
  chromosome translocation 6434
  cold resistance 5385
  cultivars
    Adet-1 1295
    Daehyupwandu 7753
    Paravic 9828
    Sefinesh 1295
    Shijiatiancuiwan-1 10979
    Sweet and Crisp 3107
    Taichung-14 7752
  cytochromes
    mitochondrial genetics 9830
    nucleotide sequences 9830
  desiccation 5373
  development 1299, 4219
    gene expression 4218, 7757
    mutations 3112, 5371
    nucleotide sequences 7757
  digestibility 6441
  DNA 370
  DNA binding proteins
    gene expression 9829, 10982
    nucleotide sequences 5367, 9829, 10983
  DNA polymerase, nucleotide sequences 10983
  DNA replication 9831
  dormancy, gene expression 373, 2210
  drought resistance 6443, 10991
  dry matter 9834
  endoxyloglucan transferase, gene expression 10985
  Erysiphe 7765
  Erysiphe pisi
    genetic markers 5393
    induced mutations 5392
    random amplified polymorphic DNA 1305
  Erysiphe polygoni 9848, 12403
    genetics 8799
  ethyl methanesulfonate 376, 5375
  N-ethyl-*N*-nitrosourea 3110, 5392
  ethylene, gene expression 6436
  fertility 5366
  flowering 5447
    genetics 12396
  forage 2206
  fruits 6383
  fungi, nucleotide sequences 5367
  Fusarium, in vitro selection 5390
  Fusarium oxysporum 7764
  G proteins
    gene expression 4217, 12398
    nucleotide sequences 4217
  gamma radiation 3110
  gene mapping 369, 1297-1298
  genetic resources 5365
  genetic transformation 5366
  germination 1299, 5373
  gibberellic acid 1300
    gene expression 374
    mutations 2209
  gibberellins
    gene expression 9837, 10988
    genetics 9405
    mutations 7758, 9837
    nucleotide sequences 10988
  glutathione reductase
    gene expression 11426
    genetic engineering 11426
  glycoproteins, mutations 6442
  growth period 5447, 10984
    genetics 12396
  growth regulators 1300
    gene expression 10988
    genetics 9405
    molecular genetics 4934
    mutations 2209, 4934
    nucleotide sequences 10988
  habit
    genetic markers 1297
    random amplified polymorphic DNA 1297

***Pisum sativum** cont.*
  heavy metals 5369
  height 1300
  helicase 370
  Helicoverpa armigera
    gene expression 12816
    genetic transformation 12816
  histones
    chromosome substitution 8795
    gene expression 4217, 8795
    nucleotide sequences 4217
  induced mutations 5368
  internodes, mutations 2209
  interspecific hybridization 377, 5386
  iron, mutations 3114
  isoenzymes, gene expression 10986
  isovaleryl-CoA dehydrogenase, genetic transformation 9365
  kanamycin kinase, genetic transformation 3109
  leafless cultivars 1300, 10991
  leaves
    chromosome substitution 8795
    gene expression 8795
    heterozygosity 8795
    induced mutations 3110, 8795
    mutations 3112, 5371
  legumin, mutations 5381
  light
    gene expression 4221, 9835, 10981
    mutations 9835
  lipoxygenase
    DNA hybridization 7762
    gene expression 7756, 10986
    nucleotide sequences 7756, 9846
  morphology 5376
    induced mutations 6437
  mutagens 376, 3110, 5375, 5392, 6437
  mycorrhizas, gene expression 12397
  Mycosphaerella pinodes 377, 5391, 10992, 12401
    heritability 12402
    techniques 5389
  NADH dehydrogenase, gene expression 9832
  naringenin-chalcone synthase 5391
  nitrogen fixation 6383
    induced mutations 376
    mutations 2212, 5383
  nodulation
    gene mapping 8797
    genetic markers 8797
    genetics 10990
    induced mutations 376
    mutations 4222, 6442, 7763, 10990
  nuclei 5369
  nucleolus 5369
  nutrients 5290
    gene expression 9847
    mutations 3114
  nutritive value 6440-6441
  Orobanche crenata 5395
  ovule culture 9843
  pea enation enamovirus, genetic transformation 8800
  pea seed-borne mosaic potyvirus
    gene expression 10993
    genetic transformation 10993
  pectinesterase
    gene expression 10987
    genetic transformation 10987
    nucleotide sequences 10987
  phenylalanine ammonia-lyase 5391
  phosphorus, gene expression 9847
  photoperiodism
    gene expression 374
    genetics 5372
  photosynthesis
    gene expression 9835
    mutations 9835
  phytochrome
    gene expression, gene expression 9838
    guanosinetriphosphatase, gene expression 9838
  plant composition, induced mutations 5375
  plant embryos
    gene expression 5285
    nucleotide sequences 5285
  plant extracts 6437

***Pisum sativum** cont.*
  plastocyanins, gene expression 5570
  polyubiquitin
    gene expression 8793
    nucleotide sequences 8793
  proliferating cell nuclear antigen, nucleotide sequences 12394
  promoters 5391
    mitochondrial genetics 7754
  protein kinase, gene expression 4221
  protein-tyrosine phosphatase
    gene expression 5285
    nucleotide sequences 5285
  proteinase inhibitors
    gene expression 12816
    genetic transformation 12816
  proteinases, nucleotide sequences 6435
  proteins 1301, 4220
    mitochondrial genetics 9830
    nucleotide sequences 9830
  Pseudomonas syringae 8798, 12399
    genetics 5386
  quality 5377, 8796
    heritability 5380
    maternal effects 5380
  random amplified polymorphic DNA 1298, 6433
  replicase
    gene expression 10993
    genetic transformation 10993
  Retroviridae, nucleotide sequences 11801
  Rhizobium
    genetics 1304
    induced mutations 376
    mutations 3113
  ribosomal DNA, nucleotide sequences 9831
  ribosomes
    gene expression 10980
    nucleotide sequences 10980
  RNA, chloroplast genetics 8794
  roots 4219
    gene expression 4218, 10987
    genetic transformation 10987
    nucleotide sequences 10987
  seed aging 372
  seeds 1301, 4220, 12404
    gene expression 9833
    heritability 5380
    induced mutations 5375
    maternal effects 5380
    mathematics 9836
    storage 372
  somatic embryogenesis 5378
  sowing date 5385
  spermidine synthase
    gene expression 7755
    nucleotide sequences 7755
  starch, mutations 5383, 9845
  starch synthase, mutations 7760
  stress, gene expression 10980
  sucrose synthase
    mutations 5370, 10989
    nucleotide sequences 5370
  sugars 5373
  symbiosis, mutations 6442
  temperature 1299
    genetics 5372
  tissue culture 5287, 5378, 9844
  transcription factors
    gene expression 3108
    nucleotide sequences 3108
  transposable elements
    genetic markers 6432
    polymorphism 6432
  tropisms, gene expression 10985
  trypsin inhibitors 5374
    gene expression 5382
  UDPglucose 4-epimerase
    gene expression 2207
    nucleotide sequences 2207
  ultraviolet radiation 2208
    chloroplast genetics 8794
  Uromyces viciae-fabae, genetics 8799
  variety trials 1294, 2206, 3106, 4215-4216, 9827
  vicilin, mutations 5381
  viruses 10994
  volatile compounds 6439
  water balance 6443
  yield components 12393

Pisum sativum *cont.*
- yield components *cont.*
  - genetic variance 5364
  - genotype environment interaction 375, 1258
  - heritability 2211, 7761
  - heterosis 9839
- yield correlations 2211, 5286, 5377, 7761, 9841-9842, 9848
- yields 5376, 9834
  - artificial selection 9840
  - genotype environment interaction 5384

Pittosporum lanipetalum, taxonomy 3594

Pittosporum tenuifolium, cultivars, Screenmaster 4699

Plant collections (*see* Gene banks)

Plant composition
- *Aloe* 1652
- *Amaranthus* 10878
- *Arabidopsis thaliana* 919
- *Avena sativa* 10678
- *Brassica* 10150
- *Camellia sinensis* 5745
- *Cenchrus ciliaris* 6338
- *Cocos nucifera* 3450
- *Coffea canephora,* heritability 3506
- *Corchorus olitorius* 4622
- *Corylus avellana* 582
- crops, genetic engineering, conferences 11651
- *Cucumis melo* 5562
- *Cucurbita moschata* 6604, 6607
- *Dactylis glomerata* 8737-8738
- *Ficus carica* 11224
- gene expression, reviews 11700
- genetic transformation, reviews 11700
- *Glycine max* 6399
  - genotype environment interaction 354
- grain legumes 5284
- *Hippophae rhamnoides* 3353
- *Hordeum vulgare* 1039, 10665
  - techniques 8609
- *Lactuca sativa* 3230
- *Lens culinaris* 5284
- *Lonicera* 3354
- *Lupinus albus* 5284, 12330
- *Medicago sativa* 7675
- *Melissa officinalis* 7159
- *Nicotiana tabacum,* genetics 8149
- *Oryza sativa*
  - gene mapping 9697
  - somaclonal variation 7584
- *Pennisetum glaucum* 12169
- *Pisum sativum,* induced mutations 5375
- *Pouteria sapota,* multivariate analysis 10085
- *Prunus avium* 542, 5590
- *Prunus cerasus* 5590
- *Prunus dulcis* 3390, 10094
- *Raphanus sativus* 1361, 11058
- *Solanum tuberosum* 8844, 11032
- *Sorghum bicolor* 9642
- *Triticum durum* 6105, 9526
- *Vigna unguiculata,* genotype environment interaction 389
- *Vitis* 5619
- *Vitis vinifera* 12674
- *Zea mays* 8656
- *Zingiber officinale* 11602

Plant disorders
- *Asparagus officinalis* 7879
- *Capsicum annuum* 9990
- *Citrullus lanatus* 508
- *Gossypium* 11428
- *Lycopersicon esculentum* 6578
- *Malus pumila* 1427
- *Musa* 3356
- *Prunus dulcis* 3392
- *Pseudotsuga menziesii* 9149
- *Solanum tuberosum* 11043
  - combining ability 2248

Plant embryos 6056
- *Abies amabilis* 7030
- *Anthurium andraeanum* 4730
- *Antirrhinum majus*
  - gene expression 1745
  - nucleotide sequences 1745
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 3726, 5285, 9322, 9362, 10546

Plant embryos *cont.*
- *Arabidopsis thaliana cont.*
  - genetic engineering 3726
  - genetic transformation 894
  - genetics 2756, 8465
  - maternal effects 2755-2756
  - molecular genetics 9315
  - mutations 894, 10546
  - nucleotide sequences 3726, 5285, 9322, 9362
- *Brassica napus* (rape)
  - gene expression 1554
  - nucleotide sequences 1554
- *Brassica pekinensis* 3216
- *Cucumis sativus,* haploidy 11168
- *Daucus carota*
  - gene expression 2250, 3178, 11047
  - nucleotide sequences 2250, 3178
- *Eleusine coracana,* gene expression 6078
- *Eleutherococcus senticosus* 7137
- *Fragaria ananassa* 10042
- *Glycine max*
  - gene expression 5285
  - nucleotide sequences 5285
- *Helianthus annuus*
  - gene expression 5692
  - nucleotide sequences 5692
- *Hibiscus syriacus* 5844
- *Hordeum vulgare,* gene expression 160, 9559
- *Lupinus albus* 10922
- *Lupinus mutabilis* 10922
- *Mangifera indica* 6748
- *Nicotiana plumbaginifolia* 2525
- *Oryza sativa* 265, 5188
  - gene expression 2988, 4040, 6078
  - genetic transformation 2082
  - nucleotide sequences 4040
- *Phaseolus coccineus,* gene expression 10964
- *Pinus radiata* 11496
- *Pinus sylvestris* 4670
- *Pisum sativum*
  - gene expression 5285
  - nucleotide sequences 5285
- *Solanum incanum* 6583
- *Vicia faba* 1283
- *Vicia narbonensis* 1283
- *Vitis vinifera* 1487
- *Zea mays*
  - gene expression 9619
  - molecular genetics 9315
  - mutations 2921
  - nucleotide sequences 9619
  - techniques 12033

Plant extracts
- *Brassica campestris* (turnips) 9911
- *Pisum sativum* 6437

Plant glands
- *Cannabis sativa,* genetics 6981
- *Gossypium arboreum* 5778
- *Gossypium barbadense* 5778
- *Gossypium bickii* 5778
- *Gossypium hirsutum,* genetics 10260

Plant hairs
- *Aegilops tauschii,* genetics 11851
- *Arabidopsis*
  - development 8467
  - gene expression 8467-8468
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 2770, 7251, 11765
  - genetic transformation 11811
  - induced mutations 898, 8469
  - mutations 2770
  - nucleotide sequences 11765
- *Cajanus cajan* 7778
- *Cajanus platycarpus* 7778
- *Cajanus scarabaeoides* 7778
- *Cannabis sativa,* genetics 6981, 8190
- *Datura wrightii*
  - genetics 7139
  - natural selection 12957
- *Gossypium hirsutum*
  - gene mapping 6958
  - restriction fragment length polymorphism 6958
- *Nepeta cataria* 5899
- *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 11811
- *Primula obconica* 9178
- *Rubus idaeus* 1475

Plant hairs *cont.*
- *Salvia* 11610
- *Sesamum indicum,* genetics 5716
- *Triticum aestivum*
  - chromosome substitution 11930
  - genetics 11851
- *Zea mays*
  - gene location 12062
  - mutations 12062

Plant introduction
- *Allium cepa* 3206
- cereals 10591
- *Citrus* 2410
- Cucurbitaceae 12586
- *Fragaria ananassa* 7977
- *Gossypium hirsutum* 8165
- *Hippophae rhamnoides* 3350
- history 11665
- *Hordeum vulgare* 3903
- *Ocimum basilicum* 11607
- *Oryza glaberrima,* history 6246
- *Phoenix dactylifera,* history 10080
- *Prosopis* 10300
- *Prunus* (plums) 2350
- *Pyrus communis* 8922
- *Triticum aestivum,* history 963
- *Vaccinium vitis-idaea* 3307, 6699, 10039
- *Vitis vinifera* 1482, 3315, 3318

Plant pigments
- *Amaranthus* 1373
- *Beta vulgaris* (beetroots) 9924
- *Capsicum annuum* 1399
- *Zea mays* 219, 10717

Plantago ovata
- chromosome translocation 2665
- cultivars, Niharika 11590
- ethidium bromide 11590
- gamma radiation 11590
- mutagens 11590
- yield components, induced mutations 11590

Plasmodiophora brassicae
- *Arabidopsis thaliana,* mutations 9380
- *Brassica campestris* (turnips)
  - genetic markers 11074
  - genetics 4316
  - random amplified polymorphic DNA 11074
- *Brassica oleracea* (kale), genetics 9951
- *Brassica pekinensis*
  - gene mapping 1368, 1914
  - genetic markers 11074
  - genetics 12515
  - random amplified polymorphic DNA 11074
- Brassicaceae 454

Plasmopara halstedii
- *Helianthus annuus*
  - gene expression 2471
  - genetic transformation 3790
  - nucleotide sequences 2471

Plasmopara viticola
- *Vitis* 3334-3335
  - combining ability 7992
  - heritability 7992
- *Vitis amurensis* 3335
- *Vitis vinifera* 3335
  - genetics 1492

Plasmopara vitivola, *Vitis* 6718

Plastids
- *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 685, 12804
- *Oryza sativa,* genetic transformation 12804

Plastocyanins
- *Malus pumila*
  - alfalfa mosaic alfamovirus
    - gene expression 5570
    - genetic transformation 5570
  - human respiratory syncytial virus
    - gene expression 5570
    - genetic transformation 5570
- *Pisum sativum,* gene expression 5570
- *Silene*
  - mutations 11534
  - ultrastructure 11534

Plastoquinone, *Zea mays,* mutations 5105

Platanthera leucophaea, interspecific hybridization 11566

Platanthera psycodes, interspecific hybridization 11566

Platanus acerifolia
  nomenclature 7011
  taxonomy 7011
Platanus occidentalis, peroxidases, genetics 1679
Platanus orientalis
  nomenclature 7011
  taxonomy 7011
Pleckstrin
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 9311
    nucleotide sequences 9311
Plectranthus, nomenclature 1764
Plectranthus gillettii, taxonomy 8351
Plectranthus marrubatus, taxonomy 8351
Pleione, taxonomy 3628
Pleiotropy
  Gossypium hirsutum
    Bacillus thuringiensis 8185
    colour 8181
    quality 8181
  Lycopersicon cheesmanii, growth period 6567
  Lycopersicon esculentum, growth period 6567
  selection 3766
  statistics 4916
  Triticum aestivum
    amylose 8571
    flowers 1951
    height 1951, 7367, 8573
    photoperiodism 4964
    quality 8573
    quantitative traits 936
Pleosphaerulina sojicola, Glycine max 12356
Pleurothallis, taxonomy 11572
Pleurothallis llamachoi, taxonomy 5886
Pleurotus
  cryopreservation 4787
  DNA fingerprinting 11629
  genetic markers 11629
Pleurotus eryngii
  peroxidases
    gene expression 7173
    molecular genetics 7173
Pleurotus ostreatus
  cultivars, Wonhyeongneutaribeosut-3 8390
  hydrophobins
    gene expression 5916, 7172
    nucleotide sequences 5916
  incompatibility, genetic markers 8397
  population genetics 8394
  succinate dehydrogenase, nucleotide sequences 2686, 11625
  wide hybridization 8395
Pleurotus sajor-caju, cultivars, Yeulumneutaribeosut-2 8389
Plum pox potyvirus
  Nicotiana benthamiana, genetic transformation 12821, 12823
  Prunus 1432, 3277
    reviews 4410, 12636
  Prunus armeniaca 3281, 5580, 11191, 12640
  Prunus domestica 8972, 8974-8975, 12649
    artificial selection 8953, 8970, 8973
    gene expression 12643, 12646-12648
    genetic transformation 8971, 12643, 12646-12648
    genetics 12642, 12650
  Prunus persica 4444
    immunology 12661
  Prunus (plums) 12644-12645
Plumbago auriculata, pollen 3586
Plumbago zeylanica
  embryo sac 11588
  gametes 11588
  pollen, techniques 5894
Plumeria, taxonomy 10351
Plutella xylostella
  Brassica napus (rape) 2464
    gene expression 11268
    genetic transformation 11268
  Brassica oleracea (broccoli) 2464
    gene expression 5505, 12516
    genetic transformation 5505, 12516
  Brassica oleracea (kale) 2464
Poa, cultivars, Reveille 7651
Poa arachnifera, interspecific hybridization 7651
Poa pratensis
  apomixis 1946
    gene mapping 2136
    genetics 2136
  Claviceps purpurea, stability 12278
  cultivars 9732
    Livingston 6321
    Unique 6322
  databases, techniques 2135
  Drechslera poae, genetics 10884
  drought resistance 12277
  interspecific hybridization 7651
  lawns and turf 2135
  nitrate reductase 8735
  nitrogen 8735
  nomenclature 5234
  nutrients 8735
  parthenogenesis
    gene mapping 2136
    genetics 2136
  Puccinia striiformis, genetics 10884
  variety trials, techniques 2135
Poa schistacea, taxonomy 10881
Poa spania, taxonomy 10883
Poa xenica, taxonomy 10881
Poaceae
  alcohol dehydrogenase, nucleotide sequences 11822
  apomixis 12276
  breeders' rights 12274
  development 6337
  DNA 12275
  evolution, nucleotide sequences 11822
  phylogeny
    amino acids 7298
    ribosomal DNA 7650
    seeds 7298
  seed production 12989
  spikelets 6337
  stability 9729
  transposable elements, nucleotide sequences 11816
Podocarpus, taxonomy, random amplified polymorphic DNA 2610, 10332
Podochilus marsupialis, taxonomy 7126
Podosphaera leucotricha
  Malus 2340
  Malus pumila 2343, 5576, 6651-6652, 11183, 12624, 12626
    gene mapping 6653-6654
    genetics 6656, 6659
    random amplified polymorphic DNA 6655
Pogostemon, taxonomy 2684
Pogostemon peethapushpum, taxonomy 2683
Pokeweed antiviral protein, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 3535
Polianthes tuberosa, yield correlations 8383
Pollen 2794, 6053
  Actinidia deliciosa 4467
  Agapanthus africanus 799
  Amorphophallus 1362
  Arabidopsis thaliana 7243
    antibodies 10517
    gene expression 900, 3736, 10517
    genetic markers 4865
    genetic transformation 900
    induced mutations 4865
    mutations 37, 7242
    nucleotide sequences 3736
  Araceae 3191
  Artemisia annua, storage 816
  Atriplex 6319
  books 8421
  Brassica alboglabra
    gene expression 5501
    genetic transformation 5501
  Brassica campestris 2454
    molecular genetics 6790
  Brassica juncea 2454
  Brassica napus (rape) 2451
    gene expression 5673
    genetic transformation 6789
    techniques 10107
  Brassica nigra 2454
  Brassica oleracea 1366
  Brassica oleracea (cabbages) 2282
  Brassica pekinensis 2282
Pollen *cont.*
  Caesalpinioideae 330
  Camellia
    evolution 3500
    ultrastructure 3500
  Campanula punctata, natural selection 12914
  Ceiba insignis 753
  Citrus 11229
  Citrus nobilis 3362
  Citrus reticulata 3362
  crops 4933
    cytoplasmic inheritance 11803
  Cryptomeria japonica, storage 5829
  Cucumis melo, induced mutations 12591
  Cucumis sativus, gamma radiation 11168
  Cucurbita moschata 7920
  Dendranthema morifolium, induced mutations 2630
  Euryale ferox, meiosis 12946
  Exochorda 10025
  Fortunella 11229
  Gossypium arboreum 6957
  Gossypium barbadense, gene mapping 12836
  Gossypium hirsutum, gene mapping 12836
  Helianthus annuus 4526
    gene expression 8063
  Helianthus argophyllus 4526
  Helianthus bolanderi 4526
  Hordeum vulgare 5059
  Hyoscyamus 7138
  Ipomoea batatas, genetics 7830
  Lilium davidii 3617
  Lilium longiflorum 2656, 3586, 4753, 12936
    gene expression 5876-5877
    nucleotide sequences 5876-5877
  Lobivia rauschii 11574
  Lupinus luteus, storage 9767
  Lycopersicon esculentum, gene expression 6559
  Maddenia 10025
  Mimosoideae 331
  Momordica dioica, storage 11169
  monocotyledons 9392
  Musa 2395
  Nicotiana tabacum 5760
    gene expression 10227
    genetic transformation 2514, 6930
    nucleotide sequences 10227
  Nuphar rubrodisca 1765
  Olea europaea, ultrastructure 11319
  Oryza 1157
  Oryza officinalis 2095
  Oryza sativa 266, 2095
    gene expression 10812
    genetic engineering 10812
    storage 1923
  Panicum maximum 7517
  Pelargonium zonale 3586
  Pennisetum alopecuroides, storage 1923
  Petunia hybrida
    gene expression 10379
    nucleotide sequences 10379
  Petunia inflata, genetic transformation 2639
  Pharbitis nil 3586
  Phleum pratense
    gene expression 8751
    molecular genetics 12297
    nucleotide sequences 8751
  Phoenix dactylifera, storage 4489
  Picea orientalis 10327
  Piperaceae 3643
  Plumbago auriculata 3586
  Plumbago zeylanica, techniques 5894
  Poncirus 11229
  Potentilla 12905
  Prinsepia 10025
  Prunus 10025
  Prunus avium 5590
  Prunus cerasus 5590
  Prunus domestica, storage 8956
  Prunus dulcis 3386
  Prunus persica 533, 8984
  Prunus salicina 533
  Pseudodracontium 1362
  reviews 10574

Pollen *cont.*
  Setaria italica, genetic transformation 9412
  Silene latifolia 3586
    gene expression 1730
    nucleotide sequences 1730
    restriction fragment length polymorphism 1730
  Solanum (tuberous species) 12443
  Sorghum bicolor 10744
  Suaeda 6318
  Tilia platyphyllos 11485
  Tillandsia albida 11574
  Trapa 6619
  Triticum aestivum 1945, 1948
  Tulipa gesneriana 2656
  Vaccinium elliottii 8988
  Vaccinium macrocarpon 3305
  Vaccinium myrtilloides 8988
  Vaccinium tenellum 8988
  Vitis 6716-6717
  Zea mays 1090, 6209, 12041
    genetic transformation 9412
    mutations 12031
    storage 1923
    techniques 12033
Pollen competition
  Betula occidentalis 12868
  Betula papyrifera 12868
  Betula pendula 736
  Calluna vulgaris 10345
  Cucurbita pepo 3259
  Hibiscus laevis 5843
  Hibiscus moscheutos 5843
  Linum usitatissimum (linseed), artificial selection 11269
  Mirabilis jalapa 5853
  Quercus suber 5804
Pollen culture (*see also* Anther culture)
  Asparagus officinalis 11087
  Brassica (Chinese cabbages) 5496
  Brassica napus (rape) 1552, 4513
    gene expression 5673
    haploidy 4512
  Brassica oleracea 3220
  Brassica oleracea (broccoli) 9948
  Nicotiana tabacum 2533
  Pyrus pyrifolia 8932
  Triticum aestivum 9453, 10619
  Zea mays 9625
Pollen germination
  Alnus glutinosa 8216
  Alnus incana 8216
  Alstroemeria aurea 2645
  Arabidopsis thaliana 1917
    gene expression 11755
  Arecastrum romanzoffianum 10346
  Artemisia annua 816
  Banksia 7065
  Banksia coccinea 7065
  Brassica napus (rape) 9033
    oxalic acid 5686
    Sclerotinia sclerotiorum 5686
  Camellia 11520
  Convallaria majalis 11552
  Crataegus 8907
  Crataegus nelsonii 1430
  Crataegus pubescens 1430
  Crocus 4748
  Elaeis guineensis 11299
  Ficus carica 10061
  gene expression 8474
  Gossypium hirsutum 3543
  Helianthus annuus, in vitro selection 640
  Impatiens 789
  Lilium longiflorum 4752, 12935
  Malus pumila 1424, 6639, 8907
  Millettia atropurpurea 9222
  Nicotiana tabacum 697, 1917, 6066
    gene expression 696
    genetic transformation 696
  Petunia hybrida, genetic transformation 5862
  Phoenix dactylifera 4489
  Pinus kesiya 3574
  Prunus armeniaca 1433, 7949
  Prunus avium 5583, 7949, 8978
  Prunus cerasus 5587, 7949
  Prunus domestica 8956, 8960
  Prunus dulcis 3384, 6763
  Pseudotsuga menziesii 11509
Pollen germination *cont.*
  Punica granatum 2431
  Pyrus bretschneideri 8907
  Pyrus pyrifolia 8932, 10023
  Raphanus sativus, Brassica (Chinese cabbages) 9923
  Secale cereale 11973
  Secale montanum 11973
  Solanum tuberosum 9898
  Syagrus coronata 10346
  Tropaeolum majus 12915
  Vicia 5261
  Vicia galileae 7685
  Zea mays 6066, 12146
  Zingiber officinale 2674
Pollination 941, 2791, 4921, 6051, 7282, 7290-7291
  Acacia auriculiformis 1673
  Acacia mangium 1673
  Actinidia deliciosa 11221
  Aesculus 8217
  Alcea rosea 8309
  Alstroemeria aurea 2645
  Anemone patens 5852
  Anemone pulsatilla 5852
  Antirrhinum majus 8309
  Brassica napus (rape) 1547, 2453, 6789, 8035
  Brassicaceae 1549
  Bulbophyllum 5880, 11567
  Caesalpinia pulcherrima 11518
  Cajanus cajan 5438
  Calluna vulgaris 8282
  Campylocentrum aromaticum 10402
  Capsicum annuum 11151
  Cimicifuga nanchuanensis 11532
  Cimicifuga simplex 11532
  Citrus reticulata, xenia 6746
  Commiphora wightii 1771
  conifers 2589
  Consolida 8309
  Costaceae 10441
  Cucurbita pepo 509
  Cyclopogon diversifolius 10402
  Dimorphotheca pluvialis 650
  Diospyros kaki 6755
  Disa, phylogeny 1758
  Disa racemosa 805
  Disa venosa 805
  Durio zibethinus 1534
  Echeveria gibbiflora 1763
  Eucalyptus camaldulensis 2569
  Ficus carica 10060
  Fragaria virginiana 1479
  Gladiolus 11553
    books 4801
  Glycine 9794
  Glycine max 9794
  Helianthus annuus 5691
  Ipomopsis aggregata 10367
  Kalmia latifolia 2613
  Larix eurolepis 1684
  Larix occidentalis 1684
  Lilium longiflorum 1753, 12935
  Limnanthes alba 9057
  Lonicera japonica 5628
  Lotus scoparius 5269
  Lycopersicon esculentum 12529
  Malus pumila
    gene expression 3267
    nucleotide sequences 3267
  Mangifera indica 1524
  Nerium oleander 777
  Nicotiana tabacum 10229
  Olea europaea 11317
  Ophrys sphegodes 10401
  Orchidaceae 3619
  Orchis morio 7125
  Paeonia jishanensis 9157
  Passiflora foetida 6758
  Penstemon pseudospectabilis 10366
  Petunia hybrida 2642
  Phacelia campanularia 9057
  Phaseolus vulgaris 6420, 7740
  Phyteuma spicatum 941
  Picea abies 1682
  Picea sitchensis 1684
  Pinus monticola 1684
  Pinus sylvestris 1682, 8236
  Pistacia atlantica 1543, 3407
  Pistacia integerrima 3407
Pollination *cont.*
  Pistacia vera 584, 1543
  Prescottia densiflora 10402
  Prunus avium 5584-5586, 5589, 5591
  Prunus cerasus 5587
  Prunus (cherries) 11193
  Prunus domestica 1437, 8957
    random amplified polymorphic DNA 3283
  Prunus dulcis 3382
  Prunus salicina 6680
  Pseudotsuga menziesii 1684
  Pulsatilla pratensis 2628
  Pyrus communis 8926-8927, 8930
  reviews 7285
  Salvia pratensis 941
  Scabiosa columbaria 941
  Simmondsia chinensis 649
  Solanum sessiliflorum 10084
  Syringa oblata 1719
  Tagetes patula 8309
  Torenia fournieri 3601
  Triticum aestivum, techniques 4937
  Tropaeolum majus 8309
  Viola wittrockiana 8309
  Vitis coignetiae 1486
  Vitis vinifera 3324
  Zea mays 193, 2920, 5103, 9607
    techniques 4937
  Zingiberaceae 10441
Pollution
  Nicotiana tabacum
    gene expression 2887
    genetic transformation 2887, 8134
Poly-β-hydroxy-butyrate synthase, *Solanum tuberosum,* genetic transformation 11022
Polyamines
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 10425
    genetic transformation 10425
  Citrus reticulata 4481
  Lycopersicon esculentum 1388, 6576
  Lycopersicon pennellii 1388
  Oryza sativa 2972, 7570
  Papaver somniferum, gene expression 10425
  Pinus radiata 11496
Polyembryony
  Mangifera indica 571
    genetics 4486
  Zea mays, artificial selection 8638
Polyesters, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 12803
Polygalaceae, flowers 6052
Polygalacturonase
  Arabidopsis thaliana, genetic engineering 6010
  Brassica napus (rape), genetic transformation 6010
  crops, molecular genetics 947
  Glycine max, gene expression 12365
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 5539, 11116
    genetic transformation 11116
Polygalacturonase inhibitor, *Malus pumila,* gene expression 10017
Polygonum aviculare, cryopreservation 10435
Polygonum tinctorium
  glucosidases
    gene expression 8358
    nucleotide sequences 8358
Polyhaploidy (*see* Haploidy)
Polyhydroxyalkanoate synthase, *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 10262
Polyhydroxyalkanoates, *Arabidopsis thaliana,* genetic transformation 896
Polymerase chain reaction 866, 879, 10492
  Actinidia deliciosa, cytoplasmic inheritance 12680
  Aegilops, phylogeny 6128
  Aegilops tauschii
    domestication 8578
    glutenins 8578
  Arabidopsis thaliana 888
    cytochrome P-450 2745
    transposable elements 891
  Beta vulgaris (sugarbeet), cytoplasmic male sterility 6907
  books 858

Polymerase chain reaction *cont.*
- *Calamagrostis porteri* 6335
- *Capsicum annuum* 12564
  - hybrid seed production 499
- cereals, variety classification 2811
- *Cucumis sativus* 10001
- *Fritillaria,* taxonomy 9193
- *Glycine max* 10948
  - chromosomes 7715
  - glyphosate 3075
  - herbicides 3075
- *Helianthus annuus*
  - DNA 10584
  - glutamate-ammonia ligase 4525
- *Hordeum* 6157
  - taxonomy 6175
- *Hordeum vulgare* 6158, 8535
  - chromosome breakage 1032
- *Lolium perenne*
  - self incompatibility 4096
  - thioredoxin 4096
- *Lupinus albus* 8760
- *Oryza sativa* 12178
  - cytoplasmic male sterility 2974
  - genetic transformation 253
  - *Magnaporthe grisea* 291, 5223, 12246
  - transposable elements 5163
- *Picea abies* 8249
- *Pinus pinaster* 4669
- *Pinus sylvestris* 4669
- *Populus nigra* 8205
- *Pseudotsuga menziesii*
  - repetitive DNA 2606
  - ribosomal DNA 2606
- *Pyrus pyrifolia,* self incompatibility 8931
- ribosomal DNA, reviews 10498
- *Secale cereale* 1054, 4938, 7456
  - variety classification 1054
- *Secale montanum* 1054
- *Solanum tuberosum,* somaclonal variation 3162
- *Stylosanthes guianensis* 6371
- *Triticum*
  - domestication 8578
  - glutenins 8578
  - phylogeny 6128
- *Triticum aestivum* 4938, 8535, 11833
  - amylose 10604
  - chromosome pairing 3839
  - *Puccinia recondita* 9530
- *Tuber* 7170
  - taxonomy 8401
- *Zea diploperennis* 1060
- *Zea mays* 1060
  - DNA 10584
  - endotoxins 3075
  - RNA 2911
  - techniques 10697
- *Zea mexicana* 1060
- *Zea perennis* 1060

Polymers
- gene expression 11698
- genetic engineering 9277
- genetic transformation 11698

Polymorphism
- *Aconitum lycoctonum,* isoenzymes 9173
- *Aegilops speltoides,* isoenzymes 3899
- *Alnus acuminata,* isoenzymes 7009
- *Arabidopsis thaliana*
  - DNA methyltransferase 1833
  - glutamate dehydrogenase 3744
  - isoenzymes 3744
- *Arachis hypogaea*
  - arachins 8081
  - isoenzymes 5713
  - proteins 8081
- Arecaceae, isoenzymes 7010
- *Asparagus officinalis,* isoenzymes 7863, 7868
- *Cajanus cajan,* proteins 7774
- *Calluna vulgaris,* isoenzymes 11522
- *Campanula* 11543
- *Chionachne koenigii,* isoenzymes 2037
- *Citrus,* rootstocks 2428
- *Coix lacryma-jobi,* isoenzymes 2037
- *Colocasia esculenta,* isoenzymes 1356
- *Cucumis melo*
  - acid phosphatase 1404
  - peroxidases 1404
  - seeds 1404

Polymorphism *cont.*
- *Cucurbita pepo,* isoenzymes 7927
- *Cupressus sempervirens,* isoenzymes 11513
- *Elymus,* isoenzymes 4108, 4112
- *Elymus fibrosus,* microsatellites 6331
- *Eucalyptus,* isoenzymes 3559
- *Fagopyrum esculentum,* isoenzymes 7633
- *Festuca pratensis*
  - amylases 7654
  - peroxidases 7654
  - prolamins 7654
- *Glycine max,* proteins 6398
- *Gossypium,* seeds 2544
- *Helianthus annuus,* isoenzymes 11282
- *Hemerocallis thunbergii,* isoenzymes 8334
- *Hordeum,* isoenzymes 4112
- *Hordeum vulgare*
  - esterases 5070
  - hordein 5070
  - isoenzymes 2876, 7436
- *Lathyrus,* albumins 9773
- *Lolium multiflorum*
  - amylases 7654
  - peroxidases 7654
  - prolamins 7654
- *Lolium perenne*
  - amylases 7654
  - peroxidases 7654
  - prolamins 7654
- *Lycopersicon esculentum,* peroxidases 7885
- *Medicago,* isoenzymes 3050
- *Musa,* isoenzymes 1506
- *Olea europaea,* isoenzymes 11323
- *Phaseolus lunatus,* isoenzymes 7745
- *Phaseolus vulgaris,* isoenzymes 3099
- *Pinus caribaea,* isoenzymes 8232
- *Pinus maximartinezii* 12888
- *Pinus roxburghii,* isoenzymes 8238
- *Pinus sibirica,* esterases 8242
- *Pisum sativum,* transposable elements 6432
- *Prunus dulcis,* isoenzymes 9023
- *Pterocarpus indicus,* isoenzymes 8219
- *Robinia pseudoacacia,* isoenzymes 1680
- *Saccharum officinarum,* isoenzymes 11344
- *Salix alba,* isoenzymes 2579, 8208
- *Salix fragilis,* isoenzymes 2579, 8208
- *Sorbus aucuparia,* isoenzymes 532
- *Sorghum bicolor,* isoenzymes 2037, 12152
- *Stylosanthes,* isoenzymes 9770
- *Trichomanes speciosum,* isoenzymes 5888
- *Trifolium amoenum,* isoenzymes 5259
- *Triticum aestivum*
  - amylose 10604
  - gliadin 6119
- *Triticum boeoticum*
  - gliadin 3859
  - glutenins 3859
- *Triticum dicoccum*
  - gliadin 9497
  - glutenins 9497
- *Triticum durum,* glutenins 3860, 3862
- *Triticum spelta*
  - gliadin 9497
  - glutenins 9497
- *Triticum urartu*
  - gliadin 3859
  - glutenins 3859
  - isoenzymes 3899
- *Tulipa,* esterases 1754
- *Vigna,* isoenzymes 12435
- *Zea,* isoenzymes 2037
- *Zea mays*
  - isoenzymes 2037, 6221
  - peroxidases 6221, 9609

Polymyxa graminis, *Hordeum vulgare* 3938

Polypeptides, *Lens culinaris,* variety classification 1306

Polyphagotarsonemus latus
- *Capsicum annuum* 9991
- *Corchorus olitorius* 4622

Polyphenols, *Hordeum vulgare,* artificial selection 9569

Polyploidy 7278
- *Actinidia chinensis* 9003

Polyploidy *cont.*
- *Actinidia deliciosa* 9003
- *Aegilops* 9464, 11850
- *Aegilops tauschii* 10654
- *Agropyron cristatum* 10654
- *Allium cyaneum* 7841
- *Allium grayi* 6518
- *Allium nutans,* clonal variation 12494
- *Alstroemeria* 5867
- *Anthoxanthum odoratum* 5240
- *Arabidopsis thaliana,* gene expression 4862
- *Arachis* 3462
- *Asparagus officinalis* 2291
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 11350
  - techniques 1598
- *Betula pendula* 735
- *Brachiaria decumbens* 7669
- *Brassica campestris* 2454, 6527
- *Brassica juncea* 2454
- *Brassica maurorum, Raphanus sativus* 423
- *Brassica nigra* 2454
- *Brassica oleracea* (broccoli), anther culture 11071
- *Brassica pekinensis* 3216
- *Cajanus cajan* 9782
- *Camellia sinensis* 11353
  - somaclonal variation 3502
- *Capsicum annuum* 12571
- *Capsicum chinense* 12571
- *Citrullus lanatus* 8899-8900
- *Citrus* 8009, 9011
- *Citrus clementina* 2418
- *Citrus reticulata* 5636, 8010
- *Citrus sinensis* 5636
- *Coffea arabica* 12789
- *Coffea canephora* 12789
- *Colocasia esculenta* 12492
- *Cupressus sempervirens* 10331
- *Cyclamen persicum* 7112
- *Dactylis glomerata* 9733
  - artificial selection 7652
- *Dahlia* 12913
- *Datura stramonium* 11587
- *Dendrobium* 1757
- *Dioscorea* 6509
- *Dioscorea alata* 6509
- *Dioscorea cayenensis-rotundata* 6509
- ecology 10571
- evolution 7279, 10579
- *Festuca pratensis* 8742-8743
- *Fragaria* 1478, 11203
- genomes 1887
- *Gossypium,* repetitive DNA 1636
- *Hemarthria altissima* 10894
- *Ipomoea batatas* 6503
- *Kochia prostrata* 5231
- *Lolium perenne* 4099
- *Lycium chinense* 10436
- *Magnolia hypoleuca* 3589
- *Magnolia liliiflora* 3589
- *Malus pumila* 10015
- *Manihot esculenta* 12477
- mathematics 933
- *Medicago falcata* 5251
- *Morus* 3342-3343, 5624, 11222
- *Musa* 1500, 1503, 2395, 5631
  - techniques 4472
- *Opuntia spinosissima* 1536
- *Oryza sativa* 7529, 9675
  - photosynthesis 12202
- *Paspalum notatum* 5239
- *Paspalum rufum* 4118
- *Phalaris aquatica* 10893
- *Psathyrostachys juncea,* germplasm releases 4107
- *Ribes nigrum* 10037
- *Ribes rubrum* 10037
- *Ribes uva-crispa* 10037
- *Rubus* 3296
- *Rubus* (blackberries) 5602
- *Rubus* (raspberries) 5602
- *Sesleria* 2141
- *Solanum* 4267
- *Solanum surattense,* somaclonal variation 9206
- *Solanum tuberosum* 4267, 5471
- *Sorghum bicolor* 10738, 10743-10744
- *Sorghum subglabrescens* 10743
- techniques 81

- **Polyploidy** *cont.*
  - *Trifolium alexandrinum* 4141
  - *Trifolium pratense* 4140
  - triticale 6193
  - *Triticum* 977, 9464, 11850
    - nutrients 11880
    - zinc 11880
  - *Triticum aestivum,* seed production 9461
  - *Vicia amoena* 324
  - *Vigna unguiculata* 9782
  - *Vitis labrusca* 2380
  - *Vitis vinifera* 2380
  - *Xanthosoma sagittifolium* 3190
  - *Zea mays* 5101, 6209
- ***Polypogon,*** *Agrostis,* intergeneric hybridization 3040
- **Polysaccharides**
  - *Solanum tuberosum* 4291
  - *Triticum aestivum* 1967
- **Polysomaty** (*see* Mixoploidy)
- **Polysomics** (*see* Aneuploidy)
- **Polyubiquitin**
  - *Nicotiana tabacum,* nucleotide sequences 689
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 8793
    - nucleotide sequences 8793
- **Polyvinyl-pyrrolidone,** *Castanea sativa* 581
- ***Pomaria,*** taxonomy 333
- ***Poncirus***
  - *Citrus,* intergeneric hybridization 6743
  - DNA 5644
  - gene mapping 6743
  - pollen 11229
  - repetitive DNA 6743
  - taxonomy 5644
- ***Poncirus trifoliata***
  - *Citrus deliciosa*
    - intergeneric hybridization 2423
    - protoplast fusion 2423
  - *Citrus maxima,* intergeneric hybridization 8015
  - *Citrus paradisi,* intergeneric hybridization 2421
  - *Citrus sinensis,* intergeneric hybridization 2421, 5639, 8005
  - *Citrus sunki,* intergeneric hybridization 10074
  - Citrus tristeza closterovirus 1522
    - genetics 8015
  - gene mapping 1522
  - genetic transformation 3358, 5639
  - nucleotide sequences 1522
  - photosynthesis
    - gene expression 9012
    - genetic transformation 9012
  - random amplified polymorphic DNA 2425
  - restriction fragment length polymorphism 1522
  - rooting capacity, genetic transformation 12689
  - somaclonal variation 2425
  - variety classification, random amplified polymorphic DNA 2421
- ***Popillia japonica***
  - *Malus* 1725
  - *Rosa* 1725
  - *Tilia* 1725
- **Population genetics** 74-75, 929-930, 1883-1884, 3767, 3772, 4825, 10561
  - *Abeliophyllum distichum* 8220
    - reproduction 12903
  - *Abies* 8259
  - *Aconitum lycoctonum* 9173
  - *Aegilops geniculata* 10653
  - *Aegilops speltoides* 3899
  - *Alnus acuminata* 7009
  - *Arabidopsis thaliana,* flowering 4863
  - *Aster asa-grayi* 10364
  - *Beta maritima* 676
  - *Brassica oleracea* 4332
  - *Caladenia tentaculata,* multivariate analysis 9198
  - *Calluna vulgaris* 11522
  - *Clarkia springvillensis* 4728
  - conferences 12994
  - *Cryptomeria japonica* 7037
  - *Cymbidium goeringii* 5879
  - evolution 3770
- **Population genetics** *cont.*
  - *Fagopyrum homotropicum,* isoenzymes 12271
  - *Fagus crenata* 12873
  - *Fagus japonica* 12873
  - *Fagus sylvatica,* isoenzymes 8202
  - *Festuca pratensis* 7661
  - *Fraxinus excelsior* 4654
  - *Gleditsia japonica,* isoenzymes 10305
  - *Hosta* 2625
  - *Lesquerella fendleri* 1579
  - *Lilium martagon* 801
  - *Limonium dufourii* 8306
  - *Lycoris sanguinea* 8333
  - mathematics 7269-7270, 9382
  - *Medicago* 6346
  - *Melaleuca alternifolia* 8381
  - *Oryza glumaepatula* 255
  - *Oryza rufipogon* 10804
  - *Petasites* 5509
  - *Picea,* genetic markers 11491
  - *Picea glauca* 1683
  - Pinopsida 1683
  - *Pinus,* genetic markers 11491
  - *Pinus sylvestris* 9144
  - *Pleurotus ostreatus* 8394
  - *Prunus africana* 4766
  - *Pseudotsuga menziesii* 8263
  - *Rhododendron ferrugineum* 12901
  - *Silene acaulis* 11531
  - *Sorghum bicolor* 12152
  - statistics 4917, 8516
  - *Thymelaea hirsuta,* sex 10430
  - *Triticum boeoticum* 3859
  - *Triticum urartu* 3859, 3899
- ***Populus***
  - air pollution 9134-9135, 11473
    - gene expression 6999
  - biomass 11472
  - caffeoyl-CoA *O*-methyltransferase, nucleotide sequences 10296
  - carbon 11472
  - carbon dioxide 11473
  - cellulase, nucleotide sequences 10297
  - development 749
    - gene expression 2574
    - nucleotide sequences 2574
  - diseases 749
    - genetics 2577
  - drought resistance 749
  - evolution 745
  - gene expression, techniques 12876
  - gene flow, mathematics 6998
  - genetic engineering 7716
  - genetic transformation 5805
  - genotype environment interaction, genetic markers 4646
  - glutathione, genetic transformation 748
  - green fluorescent protein, genetic transformation 4634
  - injuries, gene expression 10298
  - inorganic pyrophosphatase, nucleotide sequences 11471
  - interspecific hybridization 6998
  - lignin, genetic engineering 4132
  - outcrossing, mathematics 6998
  - ozone 9134-9135, 11473
    - gene expression 6999
  - pests 749
  - phenylalanine ammonia-lyase
    - gene expression 8206
    - genetic engineering 8206
    - nucleotide sequences 8206
    - promoters 8206
  - photosynthesis 11472
  - quantitative traits, genetic markers 4646
  - random amplified polymorphic DNA 745
  - stress, genetic transformation 748
  - taxonomy 7002
    - random amplified polymorphic DNA 2576
  - variety classification, random amplified polymorphic DNA 2576
  - variety trials 1666
  - *Xanthomonas populi* 2578
  - xylem
    - gene expression 2574
    - nucleotide sequences 2574
- ***Populus alba***
  - cryopreservation 743
  - interspecific hybridization 8207
- ***Populus alba*** *cont.*
  - ovule culture 8207
- ***Populus balsamifera***
  - phenylcoumaran benzylic ether reductase, nucleotide sequences 12874
  - phytochrome, molecular genetics 12875
- ***Populus canadensis***
  - development 3560
  - laccase
    - gene expression 10294
    - nucleotide sequences 10294
  - photosynthesis 3560
  - wood properties 1669
- ***Populus canescens***
  - air pollution 5806
  - caffeate *O*-methyltransferase
    - gene expression 4648
    - genetic transformation 4648
  - cinnamyl-alcohol dehydrogenase
    - gene expression 4648
    - genetic transformation 4648
  - glutamate-cysteine ligase, gene expression 1668
  - glutathione reductase, genetic transformation 5806
  - glutathione synthase
    - gene expression 1668
    - genetic transformation 5806
  - ozone 5806
  - superoxide dismutase
    - gene expression 8136
    - genetic transformation 8136
- ***Populus deltoides***
  - amplified fragment length polymorphism 11470
  - chloroplast genetics 4645
  - competitive ability 9133
  - development 3560
    - genotype environment interaction 747
  - DNA fingerprinting 11470
  - genotype mixtures 9133
  - interspecific hybridization 747, 2575
  - nucleotide sequences 4645
  - photosynthesis 3560
  - quantitative traits
    - gene mapping 2575
    - heritability 747
- ***Populus euphratica***
  - interspecific hybridization 8207
  - ovule culture 8207
- ***Populus interamericana***
  - air pollution 4650
  - ozone 4650
- ***Populus maximowiczii,*** genetic transformation 746
- ***Populus nigra***
  - chloroplast genetics 8205
  - genetic transformation 746
  - homeoboxes
    - gene expression 10295
    - genetic transformation 10295
  - polymerase chain reaction 8205
- ***Populus tomentosa***
  - artificial selection 11469
  - wood properties 4649
- ***Populus tremula***
  - *Agrobacterium rhizogenes,* genetic transformation 744
  - chromosome number 4647
  - interspecific hybridization 5805
- ***Populus tremuloides***
  - air pollution 11474-11475
  - *Hypoxylon mammatum* 11476
  - interspecific hybridization 5805
  - lignin 11476
  - ozone 11474-11475
  - *Pachysphinx modesta* 9136
  - *Papilio canadensis* 9136
  - phenolic compounds 9136
  - superoxide dismutase, gene expression 11475
- ***Populus trichocarpa***
  - abscisic acid
    - gene expression 1667
    - nucleotide sequences 1667
  - development, genotype environment interaction 747
  - growth regulators
    - gene expression 1667
    - nucleotide sequences 1667
  - interspecific hybridization 747, 2575

Populus trichocarpa *cont.*
  quantitative traits
    gene mapping 2575
    heritability 747
Porphyra, ribosomal RNA, nucleotide sequences 11637
Porphyra yezoensis, ribosomal RNA, nucleotide sequences 11638
Porteresia coarctata
  histones, nucleotide sequences 6260
  isoenzymes, genetic variation 6274
  random amplified polymorphic DNA 6274
  tissue culture 8705
Portulaca
  diterpenoids
    chemotaxonomy 5892
    phylogeny 5892
Posidonia australis
  isoenzymes, genetic variation 7166
  random amplified polymorphic DNA 7166
Posidonia oceanica
  random amplified polymorphic DNA 2685
  ribosomal DNA, nucleotide sequences 3649
Potamophila parviflora
  phylogeny, nucleotide sequences 285
  ribosomal RNA, nucleotide sequences 285
Potassium
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 11758
    genetic engineering 7245
  Beta vulgaris (sugarbeet), combining ability 11351
  Hordeum vulgare
    gene expression 955
    genetics 9574
  Oryza sativa 4058
    genetic markers 4059
  Solanum tuberosum 11043
  Triticum aestivum 1969, 7388
    gene expression 955
  Zea mays 214
Potassium cyanide, *Nicotiana tabacum,* gene expression 704
Potato leaf roll luteovirus
  Solanum phureja, genetic transformation 12466
  Solanum tuberosum 4300
    artificial selection 3176
    gene expression 412
    genetic transformation 412, 2246
    genetics 3175
Potato M carlavirus
  Solanum gourlayi, genetics 7817
  Solanum megistacrolobum, genetics 7817
  Solanum tuberosum 1346
    genetics 7817
Potato mop-top furovirus, *Solanum tuberosum,* genetic transformation 2247
Potato stem necrosis tospovirus, *Solanum tuberosum* 12465
Potato X potexvirus
  Lycopersicon esculentum, gene expression 3246
  Nicotiana benthamiana, genetic transformation 11388
  Nicotiana tabacum
    gene expression 9908
    genetic transformation 3535, 9908
  Solanum tuberosum
    gene expression 7818, 9908
    genetic engineering 9908
    genetic transformation 3177
    genetics 12468
Potato Y potyvirus
  Capsicum annuum, genetics 12578-12579
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 703, 1632, 5774
  Solanum 4299
  Solanum etuberosum 4302
  Solanum tuberosum 3170, 3173, 4300, 4302
    gene expression 7815
    gene mapping 12467
    genetic transformation 3172, 4301, 7815
    nucleotide sequences 12467
Potato Y potyvirus *cont.*
  Solanum (tuberous species) 8842
Potentilla
  phylogeny 12905
  pollen 12905
Pouteria sapota
  fruits, multivariate analysis 10085
  gene banks 10085
  plant composition, multivariate analysis 10085
Pratylenchus coffeae, *Musa* 2409
Pratylenchus goodeyi, *Musa* 11227
Pratylenchus neglectus, cereals 11827
Pratylenchus penetrans
  Fragaria 12673
  Medicago sativa, gene expression 3055
  Prunus persica 2360
Pratylenchus thornei
  cereals 11827
  Triticum aestivum 11927
Precocity
  Ficus carica 6727
  Rubus (blackberries) 5602
  Rubus (raspberries) 5602
Prenyltransferases, molecular genetics 7310
Prescottia densiflora, pollination 10402
Primisulfuron, *Zea mays* 12147
Primula
  interspecific hybridization 4729
  self incompatibility 4729
  taxonomy 1739
Primula grignensis, taxonomy 2637
Primula mistassinica
  self incompatibility 8313
  sexual reproduction 8313
Primula obconica, plant hairs 9178
Primula recubariensis, taxonomy 4737
Primula vulgaris
  seed production
    artificial selection 4733
    heritability 4733
Prinsepia
  pollen 10025
  taxonomy 10025
Proanthocyanidins
  Hordeum vulgare
    genetic markers 169
    random amplified polymorphic DNA 169
  Lotus corniculatus
    gene expression 7688
    genetic transformation 7688
  Zea mays, genetic engineering 7688
Prodelphinidin, *Juniperus* 1706
Prolamins
  Festuca pratensis, polymorphism 7654
  Hordeum chilense
    genetic variation 11821
    genomes 11821
  Lolium multiflorum, polymorphism 7654
  Lolium perenne, polymorphism 7654
  Triticum durum
    genetic variation 11821
    genomes 11821
  Zea mays
    gene expression 190
    genetic transformation 190
    promoters 190
Proliferating cell nuclear antigen
  Nicotiana tabacum, nucleotide sequences 6928
  Pisum sativum, nucleotide sequences 12394
Proline
  Arabidopsis thaliana
    artificial selection 9356
    induced mutations 9356
    reviews 4906
  Lycopersicon esculentum, gene expression 6559
  Oryza sativa
    gene expression 2117
    genetic transformation 2117
Proline dehydrogenase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 3757
    genetic transformation 3757
Proline-rich proteins
  Cicer arietinum
    gene expression 1309
    nucleotide sequences 1309
Proline-rich proteins *cont.*
  Silene latifolia
    gene expression 1730
    nucleotide sequences 1730
    restriction fragment length polymorphism 1730
  Zea mays
    gene expression 7486
    nucleotide sequences 7486
Promoters
  Arabidopsis thaliana
    Alternaria brassicicola 2784
    Botrytis cinerea 2784
    circadian rhythm 4856
    defensins 2784
    dihydrodipicolinate synthase 7227
    DNA binding proteins 9304
    gene expression 9404
    genetic engineering 9404
    methyl jasmonate 2784
    protein kinase 4856
    ribulose-bisphosphate carboxylase 12816
    RNA polymerase 14
    salicylic acid 2784
    transcription factors 9304
  Brassica napus (rape), gynoecium 5670
  Catharanthus roseus
    aromatic-L-amino-acid decarboxylase 4765
    strictosidine synthase 10424
  Coix lacryma-jobi, coixins 2021, 4083
  crops
    mitochondrial genetics 9403
    nucleotide sequences 9403
  Cucumis sativus, hydroxypyruvate reductase 2324
  Daucus carota, extensin 8124
  gene expression 2732
  genetic transformation 2732
  Gerbera hybrida, dihydrokaempferol 4-reductase 1727
  Gladiolus
    elongation factors 10387
    mannopine synthase 10387
  Glycine max
    gene expression 5305
    genetic transformation 5305
    haemoglobin 11489
    nodulation 4177
  Hordeum vulgare
    abscisic acid 11945
    cysteine proteinases 11945
    DNA binding proteins 156
    gene expression 5071
    gibberellins 11945
    hordein 9547
    photosynthesis 11943
    stress 2887
    transcription factors 156
  Lotus corniculatus
    gene expression 5305
    genetic transformation 5305
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 4345, 9404
    genetic engineering 4345, 9404
  Medicago sativa, salinity 3053
  Musa, sugarcane bacilliform badnavirus 10066
  Nicotiana sylvestris
    gene expression 4579
    genetic transformation 4579
  Nicotiana tabacum
    Agrobacterium tumefaciens 2520
    DNA binding proteins 2527
    DNA methylation 4572
    5-epi-aristolochene synthase 690
    ethanol 1612
    ethylene 3521
    gene expression 9404
    gene tagging 1616
    genetic engineering 9404
    genetic transformation 1616, 4345
    glucanases 2527
    glutathione transferase 7241
    histones 11363
    leucine zipper 3534
    light 9327
    nitrite reductase 2524
    osmotin 10200
    phytochrome 9327

- **Promoters** *cont.*
  - *Nicotiana tabacum cont.*
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 12816
    - RNA polymerase 14, 3518
    - stress 3534
    - transcription factors 1612
  - *Oryza sativa*
    - actin 6090
    - alanine aminotransferase 4031
    - gene expression 1127
    - pyrophosphatases 10807
  - *Parasponia andersonii,* haemoglobin 11489
  - *Phaseolus vulgaris,* phaseolin 11364
  - *Pisum sativum* 5391
    - mitochondrial genetics 7754
  - *Populus,* phenylalanine ammonia-lyase 8206
  - *Saccharum officinarum* 3488
  - *Solanum tuberosum,* patatin 10200
  - *Spinacia oleracea,* RNA polymerase 14
  - *Trema tomentosa,* haemoglobin 11489
  - *Triticum aestivum*
    - DNA binding proteins 156
    - puroindoline-b 9429
    - transcription factors 156, 11836
  - *Vigna radiata,* 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 9875
  - *Zea mays*
    - adenosinetriphosphatase 10694
    - DNA binding proteins 190, 10694
    - flavonoids 3963
    - gene expression 9404
    - genetic engineering 9404
    - prolamins 190
    - RNA polymerase 3518
    - sucrose synthase 9598
- **Propanil,** *Oryza sativa* 12269
- ***Prosopis***
  - breeding 10300
  - isoenzymes, genetic markers 10302
  - plant introduction 10300
  - proteins
    - genetic variation 8210
    - phylogeny 8210
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 5810
- ***Prosopis glandulosa,*** genetic variance 11483
- **Prosystemin**
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 4345
    - genetic engineering 4345
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 4345
- **Proteaceae**
  - genetics, conferences 7180
  - phylogeny, conferences 7179
  - sexual reproduction 7066
    - conferences 7180
  - taxonomy, conferences 7179
- **Proteasomes**
  - *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 7239
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 4577
    - nucleotide sequences 4577
- **Protected cultivation,** *Fragaria ananassa* 3314
- **Protein disulfide isomerase**
  - *Datisca glomerata,* nucleotide sequences 7094
  - *Triticum aestivum*
    - gene mapping 6086
    - restriction fragment length polymorphism 6086
- **Protein kinase**
  - *Agapanthus africanus* 799
  - *Arabidopsis thaliana*
    - evolution 8455
    - gene expression 3732, 6020, 6026, 6041, 7255, 8505, 9306, 10516, 10530
    - gene mapping 8455
    - genetic engineering 1860, 9306
    - genetic transformation 6020, 9289
    - nucleotide sequences 3732-3733, 4856, 8455, 9306, 10516, 10530
    - promoters 4856
    - restriction fragment length polymorphism 3733
- **Protein kinase** *cont.*
  - *Brassica,* genetics 8043
  - *Brassica napus*
    - gene expression 10516
    - nucleotide sequences 10516
  - *Brassica napus* (rape)
    - gene expression 11254
    - nucleotide sequences 11254
  - *Citrus sinensis*
    - gene expression 3363
    - nucleotide sequences 3363
  - *Cucumis sativus*
    - gene expression 6610
    - nucleotide sequences 6610
  - *Cucurbita pepo*
    - gene expression 4382
    - nucleotide sequences 4382
  - gene expression 3703
  - *Glycine max*
    - molecular genetics 1267
    - nucleotide sequences 6391
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 5068
    - genetic transformation 5068
  - *Ipomoea batatas,* nucleotide sequences 12484
  - *Lilium longiflorum,* nucleotide sequences 10396
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 5542
    - genetic engineering 5542
  - *Medicago sativa,* gene expression 4127
  - *Nicotiana tabacum* 1620
    - gene expression 700, 1071, 2523, 5769, 8129, 10516
    - genetic transformation 1071, 5542, 5769
    - nucleotide sequences 700, 2523, 8129, 10516
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 2105, 2120, 4035, 7555, 9678, 10809
    - nucleotide sequences 2105, 2120, 7555, 10809
  - *Petunia hybrida*
    - gene expression 10516
    - nucleotide sequences 10516
  - *Phaseolus vulgaris*
    - gene expression 7747
    - nucleotide sequences 7747
  - *Pisum sativum,* gene expression 4221
  - *Sinapis alba,* gene expression 8056
  - *Solanum berthaultii*
    - gene expression 5459
    - nucleotide sequences 5459
  - *Solanum tuberosum*
    - gene expression 5460
    - nucleotide sequences 5460, 11020
  - *Sorghum bicolor*
    - gene expression 9636
    - nucleotide sequences 9636
  - *Zea mays*
    - gene expression 191, 1071, 6206, 9618
    - genetic transformation 1071
    - nucleotide sequences 191, 6206, 9618
- **Protein-tyrosine phosphatase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 5285
    - nucleotide sequences 5285
  - *Glycine max*
    - gene expression 5285
    - nucleotide sequences 5285
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 5285
    - nucleotide sequences 5285
- **Proteinase inhibitors**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 46, 3537
    - genetic engineering 46
    - genetic transformation 3537
  - *Brassica napus* (rape), genetic transformation 8055
  - *Castanea sativa,* nucleotide sequences 3395
  - *Cicer arietinum* 11003
  - genetic transformation 11683
  - *Glycine max*
    - gene expression 4201, 6396
    - genetic engineering 4201
    - nucleotide sequences 5298, 6396
- **Proteinase inhibitors** *cont.*
  - *Helianthus annuus*
    - gene expression 3440
    - nucleotide sequences 3440
  - *Hordeum vulgare* 7451
    - genetic engineering 3894
  - *Ipomoea batatas,* nucleotide sequences 6502
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 4353, 7892
    - genetic transformation 46
  - Nematoda, genetic transformation 11682
  - *Nicotiana alata,* genetic engineering 12816
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 3537, 12816
    - genetic transformation 3537, 12816
  - *Oryza sativa,* genetic transformation 4201
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 12816
    - genetic transformation 12816
  - *Saccharum,* genetic transformation 8107
  - *Solanum tuberosum* 12471
    - genetic engineering 8107
    - genetic transformation 6494
  - *Triticum aestivum*
    - gene expression 3894
    - genetic transformation 3894
  - *Vicia narbonensis*
    - gene expression 5262
    - genetic transformation 5262
- **Proteinases**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 8462, 9319, 10520
    - nucleotide sequences 10520
  - *Cicer arietinum* 11003
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 3919
    - nucleotide sequences 3919
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 5521
    - genetic transformation 5521
    - nucleotide sequences 5521
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 1622, 8123
    - genetic transformation 703, 1622, 8123
  - *Pisum sativum,* nucleotide sequences 6435
  - *Triticum aestivum,* gene expression 3842
  - *Zea mays*
    - gene expression 3919
    - nucleotide sequences 3919
- **Proteins**
  - *Acacia*
    - genetic variation 8210
    - phylogeny 8210
  - *Amaranthus hypochondriacus,* nucleotide sequences 10876
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 2752, 4868, 6032, 7235, 9313, 9343, 10539
    - genetic transformation 924, 6034
    - mutations 924, 1849
    - nucleotide sequences 2752, 4853, 4868, 4871, 4875, 5999, 7235, 8456, 10510, 11729, 11738, 11740, 11745
  - *Arachis hypogaea* 3465, 10174
    - artificial selection 1573
    - polymorphism 8081
  - *Brassica juncea,* genetics 12719
  - *Brassica napus* (rape)
    - gene expression 621
    - genetic transformation 621
  - *Brassica oleracea,* nucleotide sequences 11067
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers), gene expression 9313
  - *Cajanus cajan,* polymorphism 7774
  - *Canavalia gladiata*
    - gene expression 2222
    - nucleotide sequences 2222
  - *Capsicum annuum* 12571
    - variety classification 6591, 12573
  - *Capsicum chinense* 12571
  - *Capsicum frutescens,* variety classification 6591, 12573
  - *Carthamus tinctorius* 8069

Proteins *cont.*
- *Carya illinoinensis*
  - gene expression 2436
  - nucleotide sequences 2436
- *Catharanthus roseus,* gene expression 4769
- *Cicer* 1311
- *Cicer arietinum* 5414
  - artificial selection 5288
  - heritability 5415
- *Citrullus lanatus,* nucleotide sequences 2319
- *Citrus maxima,* genetic transformation 12695
- *Coffea arabica,* nucleotide sequences 10210
- *Coffea canephora,* nucleotide sequences 10210
- *Cucurbita moschata* 7920
- *Cucurbita pepo,* gene expression 1327
- dicotyledons, evolution 84
- *Elymus caninus* 4109
- *Elymus trachycaulus* 4110
- *Eragrostis tef* 1209
- *Flammulina velutipes,* nucleotide sequences 12978
- genetic engineering 10495
- *Glycine max* 5317
  - artificial selection 4194, 5307
  - gene expression 347, 12348
  - genetic engineering 12350
  - genetics 8770
  - polymorphism 6398
  - variety classification 6398
- *Glycine soja* 5318
  - artificial selection 5307
- *Gossypium* 9118
- *Gossypium hirsutum,* nucleotide sequences 11404
- *Helianthus annuus* 11284
- *Hevea brasiliensis*
  - gene expression 11454
  - genetic engineering 10273
  - nucleotide sequences 11454
- *Hordeum* 2878
- *Hordeum vulgare* 8602
  - gene expression 9571
  - genetic variation 161
  - genotype environment interaction 3933
  - mutations 8605
- *Ipomoea batatas,* nucleotide sequences 11054
- *Leucaena* 10944
- *Lilium longiflorum* 4753, 12936
- *Lycopersicon esculentum,* nucleotide sequences 6556, 12526
- *Malus pumila*
  - gene expression 11179
  - genetic transformation 6650
  - nucleotide sequences 11179
- *Medicago* 2147
- *Medicago sativa,* genetic distance 6352
- monocotyledons, evolution 84
- *Musa,* somaclonal variation 2398
- *Nicotiana benthamiana,* gene expression 11368
- *Nicotiana tabacum*
  - chloroplast genetics 10585
  - gene expression 12350
  - genetic transformation 12350, 12621
- nucleotide sequences 11808
- *Olea europaea* 1569
- *Oryza,* heterosis 10826
- *Oryza sativa* 284, 1169, 6262, 12191, 12220, 12239
  - chloroplast genetics 10585
  - gene expression 2965, 4063
  - genetics 5192
  - heritability 9696
  - nucleotide sequences 2965, 10811
- *Phaseolus lunatus* 6421
- *Phaseolus vulgaris,* gene expression 8787
- *Pinus lambertiana* 12891
- *Pinus montana,* genetics 8240
- *Pinus sylvestris,* genetics 8240
- *Pinus thunbergii,* chloroplast genetics 10585
- *Pisum sativum* 1301, 4220
  - mitochondrial genetics 9830
  - nucleotide sequences 9830

Proteins *cont.*
- *Prosopis*
  - genetic variation 8210
  - phylogeny 8210
- *Prunus* (peaches), phylogeny 6695
- *Pseudotsuga menziesii,* nucleotide sequences 7032-7033
- *Ribes nigrum*
  - gene expression 2362
  - nucleotide sequences 2362
- *Ricinus communis,* variety classification 12758
- *Sesamum indicum* 5714
- *Setaria* 7520
- *Setaria italica* 7520
- *Solanum,* variety classification 12556
- *Solanum melongena,* variety classification 12556
- *Solanum tuberosum*
  - gene expression 1327
  - genetic transformation 1327
- *Sorghum bicolor,* genetic transformation 3790
- *Triticum*
  - gene mapping 7375
  - restriction fragment length polymorphism 7375
- *Triticum aestivum* 3863
  - artificial selection 9483
  - gene location 4979
  - gene mapping 11868
  - genetic transformation 1934
  - genetics 1001, 1963
  - microsatellites 11868
- *Triticum dicoccoides,* genotype environment interaction 5016
- *Triticum dicoccum* 3848
- *Triticum durum* 6135
  - gene dosage 985
  - genotype environment interaction 5016
- *Tuber borchii,* gene expression 9225
- *Vicia faba*
  - artificial selection 5288
  - combining ability 5343
  - genetics 5343
- *Vicia sativa,* genetic variation 10912
- *Vigna radiata,* genetics 3138
- *Vigna subterranea,* genetic variation 391
- *Vigna unguiculata* 4232
- *Zea mays* 12095
  - chloroplast genetics 10585
  - genetic distance 12008
  - genetic markers 5127, 12008
  - molecular genetics 12004
  - mutations 1068
  - nucleotide sequences 2913, 9594, 10696

Protochlorophyllide reductase
- *Arabidopsis thaliana,* gene expression 8481
- *Pinus taeda*
  - gene expression 1689, 5819
  - nucleotide sequences 1689

Protoplast culture
- *Allium tuberosum* 7843
- *Brassica* 3432
- *Brassica napus* (rape) 1551
- *Citrus* 11234
- *Citrus limonia* 11235
- *Citrus reshni* 11235
- *Cucumis sativus* 6616
- *Dioscorea alata* 422
- *Dioscorea bulbifera* 422
- *Dioscorea cayenensis* 422
- *Dioscorea rotundata* 422
- *Eriobotrya japonica* 12635
- *Gossypium hirsutum* 8177, 10256
- *Helianthus* 11290
- *Helianthus annuus* 1562
- *Helianthus giganteus* 8065
- *Helianthus nuttallii* 8065
- *Hibiscus syriacus* 7073
- *Hordeum brevisubulatum* 3930
- *Lycopersicon esculentum* 8888
- *Lycopersicon glandulosum* 8888
- *Lycopersicon peruvianum* 3242, 8888
- *Manihot esculenta* 3182
- *Mentha piperita* 11611
- *Moricandia nitens* 11338
- *Musa* 2401

Protoplast culture *cont.*
- *Nicotiana africana* 5768
- *Nicotiana tabacum* 4588
- *Oryza meyeriana* 1180
- *Oryza sativa* 2087, 3003
- *Panax pseudoginseng* 3636
- *Passiflora giberti* 4495
- *Persea americana* 8020
- *Piper colubrinum* 12967
- *Piper nigrum* 12967
- *Sideritis angustifolia* 818
- *Solanum tuberosum* 1334, 9903
- *Spinacia oleracea* 12518
- vegetables 6055

Protoplast fusion
- *Amaranthus retroflexus, Triticum aestivum* 1957
- *Arabidopsis thaliana*
  - *Brassica napus* (rape) 4502
  - *Brassica oleracea* (cabbages) 11069
- *Brassica juncea* 8053
  - *Moricandia arvensis* 2456
  - *Trachystoma ballii* 2448
- *Brassica napus* 8053
- *Brassica napus* (rape) 2452, 6807
  - *Lesquerella fendleri* 2449, 12720
- *Brassica nigra* 8053
- *Brassica oleracea*
  - *Camelina sativa* 3221, 4336
  - *Capsella bursa-pastoris* 5503
- *Brassica oleracea* (broccoli) 10146
  - *Sinapis alba* 9950
- *Brassica pekinensis* 10146
- *Brassica tournefortii* 2452
- *Citrus* 2424, 4476-4477, 8014, 12693
  - *Murraya paniculata* 8007
- *Citrus clementina* 2418
- *Citrus deliciosa, Poncirus trifoliata* 2423
- *Citrus ichangensis* 3361
- *Citrus jambhiri* 3361
- *Citrus limon* 5640, 11237
- *Citrus sinensis* 3361, 5640
  - *Clausena lansium* 6744
  - *Fortunella crassifolia* 3361
- *Cucumis sativus* 6616
  - *Cucurbita ficifolia* 6614
  - *Cucurbita moschata* 6614
- *Dasypyrum villosum, Triticum aestivum* 121
- *Diospyros glandulosa* 5654
- *Diospyros kaki* 5654
- *Helianthus annuus* 8060, 11289
- *Helianthus giganteus* 8060
- *Helianthus maximiliani* 8060
- *Helianthus nuttallii* 8060
- *Hyoscyamus muticus, Nicotiana tabacum* 6929
- *Ipomoea batatas* 420
- *Ipomoea lacunosa* 420
- *Iris ensata* 10389
- *Iris germanica* 10389
- *Larix eurolepis* 5827
- *Larix laricina* 5827
- *Larix leptolepis* 5827
- *Lentinula edodes* 11631
- *Lupinus albus* 10930
- *Lycopersicon esculentum* 12530
  - *Solanum etuberosum* 4261
  - *Solanum tuberosum* 6477
- *Lycopersicon peruvianum* 12530
- *Nicotiana alata* 1621
- *Nicotiana tabacum* 1621
  - cytoplasmic male sterility 11548
- *Oryza punctata* 2086
- *Oryza sativa* 2086
  - cytoplasmic male sterility 12197
  - *Zizania caduciflora* 8696
- *Petunia hybrida,* cytoplasmic male sterility 11548
- *Solanum* 4256-4257, 4264, 4275, 12441
- *Solanum acaule* 3157, 5461
- *Solanum brevidens* 5472
- *Solanum bulbocastanum* 3156
- *Solanum chenopodioides* 6477
- *Solanum circaeifolium* 3156, 4295
- *Solanum commersonii* 4262, 4266, 5463, 9907
- *Solanum etuberosum* 4261
- *Solanum melongena* 8892
- *Solanum nigrum* 4265, 6477
- *Solanum phureja* 4258, 4263

Protoplast fusion *cont.*
- *Solanum pinnatisectum* 4261
- *Solanum polyadenium* 4260
- *Solanum torvum* 8892
- *Solanum tuberosum* 1329, 2230-2231, 3156-3157, 4249, 4256-4258, 4260-4266, 4275, 4295, 5461, 5463, 5472, 6477, 8823, 9907, 11024, 12441
- *Tanacetum cinerariifolium* 10440
- *Tanacetum vulgare* 10440
- vegetables 6055
- *Vicia faba* 11289
- *Viola patrinii* 8315
- *Viola wittrockiana* 8315
- woody plants 3781

Protoplasts
- *Arabidopsis thaliana* 1869
  - gene expression 25
  - genetic transformation 25
  - techniques 25
- *Citrus* 11236
- cryptochrome, *Arabidopsis thaliana* 34
- *Cyclamen persicum* 11555
- *Daucus carota* 9909
- *Dioscorea alata* 422
- *Dioscorea bulbifera* 422
- *Dioscorea cayenensis* 422
- *Dioscorea rotundata* 422
- *Fortunella* 11236
- *Ganoderma tsugae* 5920
- light, *Arabidopsis thaliana* 34
- *Lolium perenne,* genetic transformation 2138
- *Nicotiana tabacum* 5758
  - gene expression 1623
  - nucleotide sequences 1623
- phytochrome, *Arabidopsis thaliana* 34
- *Picea sitchensis* 4676
- *Solanum tuberosum* 8823
- *Triticum aestivum* 4978
- woody plants 3781

Protoporphyrin, *Hordeum vulgare,* mutations 5069

Protoporphyrinogen oxidase
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 4874
  - genetic engineering 4874
- *Nicotiana tabacum,* gene expression 3538

Provenance trials
- *Abies grandis* 768
- *Abies procera* 8257
- *Acacia auriculiformis* 4656
- *Acacia crassicarpa* 11481
- *Atriplex canescens* 1210
- *Azadirachta indica* 7008
- *Dalbergia sissoo* 7008
- *Gliricidia sepium* 1248
- *Picea glehnii* 1696
- *Pinus oocarpa* 2590, 4667
- *Pinus patula* 1685, 2590
- *Quercus petraea* 11466
- *Quercus robur* 11466
- *Sterculia apetala* 9143

Pruning
- *Medicago sativa* 6357
- *Pachyrhizus ahipa* 2273, 3196
- *Pachyrhizus erosus* 2274, 3195, 3197
- *Pachyrhizus tuberosus* 3195, 3197
- *Prunus dulcis* 3389

Prunus
- diseases 2329
- embryo culture 7955
- genetic resources 3372, 5568, 6060
  - databases 1431
- germplasm releases 10031
- interspecific hybridization 3380, 7955
- *Mesocriconema xenoplax* 12637
- microsatellites 12658
- molecular genetics 1459
- nomenclature 4421
- plum pox potyvirus 1432, 3277
  - reviews 4410, 12636
- pollen 10025
- *Prunus mume,* random amplified polymorphic DNA 7954
- self compatibility 3380
- taxonomy 10025
- variety classification 7958

Prunus africana
- population genetics 4766

Prunus africana *cont.*
- random amplified polymorphic DNA 4766

Prunus **(almonds),** genetic resources 10089

Prunus **(apricots)**
- fruits 3278
- hybrid varieties 3278
- quality 3278

Prunus armeniaca
- 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
  - gene expression 11190
  - nucleotide sequences 11190
- amygdalin 1435
- anthers 11188
- breeding 2348
- catechol oxidase
  - gene expression 6673
  - nucleotide sequences 6673
- cell culture 536
- cold resistance 7962
- cultivars 11189
  - Earlicot 4411
  - Kompakta 6670
  - Muhongxing 12638
- development, heritability 3279
- flowers 12639
- fruits, genetics 6672
- genetic resources 535
- growth period, genetics 6672
- intergeneric hybridization 3277
- interspecific hybridization 7965
- plum pox potyvirus 3281, 5580, 11191, 12640
- pollen germination 1433, 7949
- quality 535
  - techniques 1436
- seeds, multivariate analysis 10028
- self incompatibility 1433
  - genetics 6671
- yield components, heritability 3280
- yield correlations 3280

Prunus avium
- aspartate aminotransferase
  - genetics 6684
  - linkage 6684
- *Blumeriella jaapii* 12655
- breeding 1441-1442, 1444, 1447
  - economics 4416
  - history 1443
- cold resistance 1466-1467
- colour, genetics 1463
- compatibility 5585
- cultivars
  - Samba 6682
  - Santina 4417
  - Sumnue Cristalina 4417
  - Sumpaca Celeste 4417
  - Sumsete 6682
  - Sumtare 6681, 7966
  - Sweetheart 6681, 7966
  - Vigred 1458, 3287
- DNA, techniques 11457
- embryo culture 1465, 12654
- flowering 5591
- fruits, genetics 1463
- genetic resources 1445-1446, 6621
- genetic transformation 1460, 4418
- incompatibility 8979
  - genetics 1461
- interspecific hybridization 540, 7968
- plant composition 542, 5590
- pollen 5590
- pollen germination 5583, 7949, 8978
- pollination 5584-5586, 5589, 5591
- *Pseudomonas* 1467
- quality 542, 5592
- quantitative traits
  - combining ability 7970
  - genetic variance 7970
  - heritability 7970
- random amplified polymorphic DNA 515, 1462
- regenerative ability 541
- ribonucleases
  - genetics 6686
  - nucleotide sequences 7969, 12653
- rootstocks 7968
- self compatibility, genetics 6685-6686
- self incompatibility
  - genetics 6683-6684

Prunus avium *cont.*
- self incompatibility *cont.*
  - linkage 6684
  - nucleotide sequences 7969
- tissue culture 1465, 4418-4419, 7968
- *Valsa* 1467
- variety classification 1462
- variety trials 1449-1455
- vegetative propagation 7968
- yield components
  - heritability 2353
  - stability 2353
- yield correlations 2353

Prunus cerasifera
- apricot chlorotic leaf roll phytoplasma 12651
- genetic resources 3282
- *Meloidogyne*
  - gene mapping 12652
  - genetic markers 8976
  - genetics 3285, 8976
  - random amplified polymorphic DNA 12652
- peroxidases, genetics 7965

Prunus cerasus
- *Blumeriella jaapii* 12655
- breeding 1448
- compatibility 5588
- embryo culture 1465
- gene mapping 3288
- genetic resources 2351
- hybrid varieties 1457
- plant composition 5590
- pollen 5590
- pollen germination 5587, 7949
- pollination 5587
- tissue culture 1465, 4419
- yield components, genetics 1464

Prunus **(cherries)**
- breeding
  - conferences 1794
  - history 2352
- cultivars 11192
- embryo culture 7967
- interspecific hybridization 7968
- isoenzymes
  - gene mapping 540
  - genetics 540
  - linkage 540
- pollination 11193
- random amplified polymorphic DNA 7967
- rootstocks 7968
- somatic embryogenesis 4420
- tissue culture 7968
- variety trials 1456
- vegetative propagation 7968

Prunus davidiana, *Myzus persicae* 12663

Prunus domestica
- breeding 2348, 8944, 8947
- clonal variation 8946, 8962
- cold resistance 8968
- cultivars 8953, 8966
  - Carpatin 6679
  - Ferbleue 8952
  - Opal 6678
  - Top 8951
  - Tophit 8951
  - Topper 8951
  - Valjevka 6677
- domestication 3284
- drought resistance 8967
- fertilization 8958
- flowers 8960
- fruits 5582
  - genetics 8959
  - heritability 8959
- genetic distance, random amplified polymorphic DNA 8954
- genetic resources 2349, 7964, 8948
- genetics 8959
- heritability 8959
- interspecific hybridization 7965, 8971
- male sterility
  - genetics 8959
  - heritability 8959
- ovule culture 8958
- papaya ringspot potyvirus
  - gene expression 12647-12648
  - genetic transformation 12647-12648
- peroxidases, genetics 7965

***Prunus domestica** cont.*
  plum pox potyvirus 8972, 8974-8975, 12649
    artificial selection 8953, 8970, 8973
    gene expression 12643, 12646-12648
    genetic transformation 8971, 12643, 12646-12648
    genetics 12642, 12650
  pollen, storage 8956
  pollen germination 8956, 8960
  pollination 1437, 8957
    random amplified polymorphic DNA 3283
  quality 1439, 5582, 8963, 8965-8966
  self compatibility 1437
  variety classification, random amplified polymorphic DNA 1438
  variety trials 8949-8950
  yield correlations 5582
Prunus dulcis
  amino acids 1539, 6764
  anthers 11188
  artificial selection 9018-9019
  biotechnology 3376, 10091
  breeding 3371, 9020, 10090-10091
    conferences 3655, 9229
  buds 3392
  Capnodis tenebrionis 10094
  cultivars 11248
    Blanquerna 12707
    Cambra 12707
    Felisia 12707
  domestication 6767
  drought resistance 3391, 10093
    in vitro selection 544
  fatty acids 5658
  fertilization 579
  flowering 3390
    genetics 9024
  flowers 3389
  fruits, heritability 10092
  gamma radiation 5659
  gene mapping 2433, 6762
  genetic transformation 5657
  genetics 3374
  growth period, genetics 6766, 9024
  ideotypes 3387
  incompatibility, genetics 9022
  interspecific hybridization 2433, 3377, 3380, 11188
  isoenzymes 3390
    polymorphism 9023
  morphology 3386, 3388
  Nematoda 3377
  ovules 579
  plant composition 3390, 10094
  plant disorders 3392
  pollen 3386
  pollen germination 3384, 6763
  pollination 3382
  pruning 3389
  random amplified polymorphic DNA 3375, 9021
  ribonucleases
    evolution 2434
    nucleotide sequences 2434, 12708
  rootstocks 3377, 3383
    ideotypes 3385
  self compatibility 3378-3380, 3390, 9018
    genetics 3381
  self incompatibility 3382
    evolution 2434
    nucleotide sequences 2434
  taxonomy 9025
  temperature 3384
  triacylglycerols, variety classification 6765
  variety classification 3390
  variety trials 3373
  yield components, heritability 8030
Prunus incisa, interspecific hybridization 540
Prunus insititia, cold resistance 4414
Prunus katonis, taxonomy 4421
Prunus laurocerasus, organic acids 8943
Prunus mahaleb, inbreeding 1440
Prunus mume
  breeding 7950-7951
  chromosome number 7956
  cold resistance 7963
  cultivars, Choha 10027
***Prunus mume** cont.*
  embryo culture 7955
  enzymes 7960
  flowers 6675, 7961
  genetic resources 10026
  interspecific hybridization 534, 7955
  morphology 534
  ornamental value 6675
  Prunus, random amplified polymorphic DNA 7954
  quality 7961
  variety classification 1434, 7957-7959
    random amplified polymorphic DNA 6674
  variety trials 7952-7953
Prunus nipponica, interspecific hybridization 540
Prunus padus
  cultivars 3286
  genetic transformation 4418
  tissue culture 4418
***Prunus* (peaches),** phylogeny, proteins 6695
Prunus persica
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase, nucleotide sequences 4436
  amplified fragment length polymorphism 6690
  Anastrepha fraterculus 8985
  anthers 11188
  Armillaria tabescens 4409, 4443
  breeding 2327, 2348, 4423
    history 3289, 6688
  carotenoids 1472
  Ceratitis capitata 8985
  chilling requirement 4439
  chlorophyll *a/b* binding protein
    gene expression 4434-4435
    nucleotide sequences 4434-4435
  chromosome banding 8983
  cold resistance 3293, 6696
  colour 1472
    genetics 4437
  Criconemella xenoplax 4409
  cultivars 5595-5596, 11194
    7GC153 4428
    99LB329 4425
    Annong Shuimi 5593
    Arctic Jay 4426
    Arctic Sweet 4427
    Baekhyang 10033
    Cavel-Spring White 2355
    characteristics 5598
    Cheonhong 10032
    Chunjiang Zaohong 1469
    Dongxuemitao 6689
    Early May Crest 3290
    Jinmi 10034
    King Alvise 4429
    Lara 5597
    Monco-Coraline 2356
    Monnaze-Topaze 8981
    Percoca di S. Arcangelo 1468
    Perfect Day 543
    Polaris 5597
    Ruiguang-1 5594
    Ruiguang-5 5594
    Ruiguang-7 5594
    Ruiguang-11 5594
    September Snow 4430
    Snow King 4431
    Spring Gem 4424
    Summer Sweet 4432
    UFQueen 11195
    Vista 4433
    Vistarich 4433
    Zaipeo-Royal Prince 8982
    Zaomei 7971
    Zhengyoupan-1 8980
    Zhonghua Shoutao 12657
  databases 9048
  development, gene expression 4440
  drought resistance, *in vitro* selection 544
  embryo culture 6693
  ethylene 11197
  flowering 4439
  flowers, heritability 4438
  fruits 1471, 6694, 11197
    genetics 4437, 6692
    heritability 4438, 4441
  gene banks 2354
***Prunus persica** cont.*
  gene mapping 1470, 2433
  genetic resources 9048
  genetic transformation 2357
  growth period 3289
    mutations 3291
    random amplified polymorphic DNA 3291
  growth regulators 11197
  heat shock 533
  intergeneric hybridization 3277
  interspecific hybridization 2433, 3377, 11188
  isoenzymes 11196
  leaves, gene expression 4440
  linkage, genetic markers 1470
  Meloidogyne, amplified fragment length polymorphism 12662
  Meloidogyne incognita, genetics 4445
  Meloidogyne javanica, genetics 4445
  metallothionein
    gene expression 12659
    nucleotide sequences 12659
  microsatellites 12658
  Myzus persicae 4446, 12663
  Nematoda 3377
  peach mosaic virus 12660
  plum pox potyvirus 4444
    immunology 12661
  pollen 533, 8984
  Pratylenchus penetrans 2360
  quality 1471-1473, 3292, 6694, 11198
    artificial selection 5599
    gene mapping 4442
    genetics 6692
    multivariate analysis 5600
  quantitative traits, gene mapping 4442
  RNA, gene mapping 6691
  rootstocks 2360, 3377, 4443, 11196, 12662
  sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogenase, gene expression 4440
  Sphaerotheca pannosa 2359
  storage 1473
  Taphrina deformans 2358
  tissue culture 2357
  variety classification 11196
    random amplified polymorphic DNA 7972
  variety trials 5595
  yield correlations 4441
***Prunus* (plums)**
  Agrobacterium tumefaciens 8969
  Armillaria tabescens 4409, 4443
  breeding, conferences 9228
  cold resistance 4415
  Criconemella xenoplax 4409
  cultivars, Golden Plum 537
  genetic resources 4415
  genetics, conferences 9228
  interspecific hybridization 4413
  plant introduction 2350
  plum pox potyvirus 12644-12645
  quality 8964
  rootstocks 4443, 8955
  variety classification 10029
  variety trials 2350, 6676
Prunus pseudocerasus, viruses, *in vitro* selection 12656
Prunus salicina
  apricot chlorotic leaf roll phytoplasma 12651
  breeding 8945
  compatibility 6680
  cultivars 10030
    Betty Anne 4412
    Honey Heart 12641
    Honey Rosa 5581
  domestication 3284
  genetic distance, random amplified polymorphic DNA 8954
  growth period, heritability 8961
  heat shock 533
  interspecific hybridization 534
  morphology 534
  pollen 533
  pollination 6680
  tissue culture 539
  yield correlations 538
Prunus sargentii
  air pollution 4422

- ***Prunus sargentii cont.***
  - interspecific hybridization 541
  - isoenzymes, genetic variation 4422
- ***Prunus serotina***
  - interspecific hybridization 541
  - mandelonitrile lyase, nucleotide sequences 6687
  - regenerative ability 541
- ***Prunus spinosa***
  - interspecific hybridization 8971
  - peroxidases, genetics 7965
- ***Psathyrostachys huashanica,*** *Puccinia striiformis,* genetics 11916
- ***Psathyrostachys juncea,*** polyploidy, germplasm releases 4107
- ***Pseudocercosporella herpotrichoides,*** *Dasypyrum villosum,* gene location 310
- ***Pseudodracontium,*** pollen 1362
- ***Pseudomonas***
  - *Arabidopsis thaliana,* genetics 70, 11779
  - *Casuarina* 2585
  - *Prunus avium* 1467
  - *Solanum tuberosum* 1341
- ***Pseudomonas fluorescens,*** *Arabidopsis thaliana,* gene expression 68
- ***Pseudomonas savastanoi***
  - *Glycine max* 7724
  - grain legumes 9825
  - *Nicotiana tabacum* 702
  - *Olea europaea* 11329
- ***Pseudomonas solanacearum*** (*see Ralstonia solanacearum*)
  - *Lycopersicon esculentum* 12538
- ***Pseudomonas syringae***
  - *Arabidopsis thaliana* 7266-7267
    - evolution 4912
    - gene expression 68, 4911, 8505, 9379
    - genetics 8052
    - mutations 67, 3762, 9379
    - nucleotide sequences 67
  - *Brassica napus,* genetics 8052
  - *Coriandrum sativum,* genetics 4776
  - *Corylus avellana* 1542
  - *Cucumis sativus,* artificial selection 3261
  - *Glycine max*
    - gene expression 3089
    - induced mutations 6404
    - nucleotide sequences 3089
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 489-490, 3246, 4359, 11122-11123
    - genetic transformation 4359, 11122
    - nucleotide sequences 11123
  - *Nicotiana benthamiana*
    - gene expression 11122
    - genetic transformation 11122
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 1630
  - *Phaseolus vulgaris* 1292, 4210
    - artificial selection 5360
  - *Pisum abyssinicum,* genetics 5386
  - *Pisum sativum* 8798, 12399
    - genetics 5386
  - *Trifolium repens,* gene expression 12318
- ***Pseudomonas tolaasii,*** *Agaricus bisporus,* recombination 3650
- ***Pseudoperonospora cubensis***
  - *Cucumis* 12587
  - *Cucumis melo* 12595
  - *Cucumis sativus* 2325
    - artificial selection 3261
  - *Luffa acutangula* 12616
- ***Pseudotaxus chienii,*** chromosome morphology 1703
- ***Pseudotsuga menziesii***
  - cold resistance 9148, 10329, 11512
  - gene mapping 1701
  - *in vitro* culture 11509
  - isoenzymes, genetic variation 4679, 8263
  - late-embryogenesis-abundant proteins, nucleotide sequences 7035
  - nucleotide sequences 1700
  - ovule culture 3566
  - ovules 5828
  - *Picea sitchensis,* intergeneric hybridization 1684
  - *Pinus monticola,* intergeneric hybridization 1684
  - plant disorders 9149
  - pollen germination 11509
  - pollination 1684
- ***Pseudotsuga menziesii cont.***
  - population genetics 8263
  - proteins, nucleotide sequences 7032-7033
  - random amplified polymorphic DNA 1701
  - repetitive DNA
    - gene mapping 2606
    - polymerase chain reaction 2606
  - restriction fragment length polymorphism 1700-1701
  - ribosomal DNA
    - gene mapping 2606
    - polymerase chain reaction 2606
  - seeds
    - gene expression 2605
    - nucleotide sequences 2605
  - silviculture 4679
  - stress 9149
  - thaumatin, nucleotide sequences 7034
  - ubiquitin-conjugating enzyme, nucleotide sequences 7031
  - wood properties 11510-11511
  - xylem 9149
  - yield components, artificial selection 7036
- ***Psidium guajava***
  - aroma 6753
  - development 1531
  - fruits 2429
  - growth period 1531
  - *Puccinia psidii* 9014
  - quality 2429
  - variety trials 1530
  - volatile compounds 6753
- ***Psophocarpus tetragonolobus,*** chymotrypsin inhibitors, molecular genetics 5455
- ***Psoralea peratica,*** taxonomy 332
- ***Psychotria rhombibractea,*** taxonomy 11597
- **Pteridophyta,** ribosomal DNA, nucleotide sequences 3585
- **Pteridopsida**
  - phylogeny
    - mitochondrial genetics 7130
    - NADH dehydrogenase 7130
- ***Pterocarpus indicus,*** isoenzymes, polymorphism 8219
- ***Pterocarpus santalinus,*** tissue culture 10286
- ***Pterostylis alveata***
  - enzymes 7124
  - interspecific hybridization 7124
- ***Pterostylis ophioglossa***
  - enzymes 7124
  - interspecific hybridization 7124
- ***Puccinia***
  - *Hordeum vulgare,* genetics 11965
  - *Secale cereale,* artificial selection 6189
  - *Secale montanum*
    - artificial selection 6189
    - genetic markers 11975
  - Triticeae 3807
  - *Triticum aestivum,* genetics 7414
- ***Puccinia allii,*** *Allium porrum* 7846
- ***Puccinia arachidis,*** *Arachis hypogaea* 6868
- ***Puccinia coronata***
  - *Avena sativa* 1053, 8623
    - genotype mixtures 1052
  - *Avena sterilis* 1053
  - *Festuca pratensis,* somaclonal variation 4105
  - *Lolium hybridum* 6325
  - *Lolium multiflorum*
    - cytoplasmic inheritance 4103
    - genetic markers 4103
  - *Lolium perenne* 6325
    - artificial selection 12280
    - genetics 12280
- ***Puccinia graminis***
  - *Avena sativa* 1053, 2006
    - genetics 5083
  - *Avena sterilis* 1053
  - *Hordeum vulgare,* gene mapping 1030
  - triticale
    - gene location 2903
    - genetics 2903
  - *Triticum* 10648
  - *Triticum aestivum* 2861, 3889, 9531
    - backcrossing 11923
    - genetics 10644
  - *Triticum durum* 2861
- ***Puccinia hordei***
  - *Hordeum spontaneum*
    - gene mapping 2889
    - genetics 2889
  - *Hordeum vulgare*
    - gene mapping 6080
    - restriction fragment length polymorphism 6080
- ***Puccinia melanocephala***
  - *Saccharum officinarum* 1594
    - genetic markers 3490
- ***Puccinia psidii,*** *Psidium guajava* 9014
- ***Puccinia purpurea,*** *Sorghum bicolor,* gene mapping 233
- ***Puccinia recondita***
  - *Aegilops* 5039
  - *Aegilops speltoides,* gene mapping 3880
  - *Elymus,* chromosome translocation 6145
  - *Hordeum vulgare,* gene mapping 959
  - *Oryza sativa,* gene mapping 959
  - *Triticum* 5039
    - backcrossing 9527
    - gene location 2867
    - genetics 2867
  - *Triticum aestivum* 2861, 3888, 5030, 6146, 7409, 8563, 10645-10646, 11829, 11914-11915, 11918-11919
    - backcrossing 5044, 11922-11923
    - chromosome addition 2865, 5041
    - chromosome translocation 6145, 7405, 7415, 10649
    - combining ability 5040
    - gene location 5047, 8586
    - gene mapping 1985, 3880, 9530
    - genetic markers 148
    - genetics 1018, 1984, 2863-2864, 2866, 5042, 5045, 8586, 11917, 11920-11921
    - genotype environment interaction 3886
    - germplasm releases 7415-7416
    - induced mutations 8592
    - linkage 148
    - polymerase chain reaction 9530
    - random amplified polymorphic DNA 148
    - restriction fragment length polymorphism 1985, 9530
  - *Triticum durum* 2861, 5029
  - *Triticum militinae*
    - gene location 8586
    - genetics 8586
  - *Triticum timopheevii*
    - gene location 2867, 8586
    - genetics 2867, 8586
- ***Puccinia sorghi***
  - *Zea mays* 12123
    - gene expression 12126
    - gene mapping 10723
    - mutations 12126
    - restriction fragment length polymorphism 6225
- ***Puccinia striiformis***
  - *Aegilops* 5039
  - *Aegilops tauschii* 152
  - *Dasypyrum villosum,* genetics 11916
  - *Elymus elongatus,* genetics 11916
  - *Poa pratensis,* genetics 10884
  - *Psathyrostachys huashanica,* genetics 11916
  - *Triticum* 5039
  - *Triticum aestivum* 2861, 3890, 5030, 5043, 7409, 8591, 11898, 11914, 11918-11919
    - chromosome translocation 7405
    - combining ability 3887
    - gene location 11913
    - genetic markers 5048
    - genetic variance 5046, 6147
    - genetics 10647, 11916
    - heritability 3891, 5046
  - *Triticum dicoccoides*
    - gene mapping 8593
    - microsatellites 8593
  - *Triticum durum* 2861
    - gene mapping 8593
    - microsatellites 8593
- ***Puccinia substriata,*** *Pennisetum glaucum* 12171
- **Pullulanase,** *Zea mays,* molecular genetics 3959

Pulsatilla pratensis
  pollination 2628
  self incompatibility 2628
Pulses (*see* Grain legumes)
Punica granatum
  pollen germination 2431
  quality 12705
  tissue culture 1538
  yield correlations 8026
Pure lines (*see* Inbreeding)
Puroindoline-b
  Oryza sativa
    gene expression 9429
    genetic transformation 9429
  Triticum aestivum
    genetic engineering 9429
    nucleotide sequences 9429
    promoters 9429
Putrescine *N*-methyltransferase
  Atropa belladonna
    gene expression 10420
    genetic transformation 10420
  Nicotiana tabacum
    cell culture 3529
    gene expression 3529
Pyraflufen
  Nicotiana tabacum 12832
    in vitro selection 12831
Pyrenochaeta lycopersici
  Lycopersicon esculentum
    gene mapping 1389
    random amplified polymorphic DNA 1389
    restriction fragment length polymorphism 1389
Pyrenopeziza brassicae
  Brassica napus (rape) 12723
    genetics 12727
Pyrenophora dictyoides, *Festuca pratensis* 6330
Pyrenophora graminea
  Hordeum vulgare 11956
    gene expression 2001
    gene mapping 6177
    restriction fragment length polymorphism 6177
Pyrenophora teres
  Hordeum vulgare 1045, 8617, 11955
    gene mapping 2888, 11959
    genetics 10674-10675
    restriction fragment length polymorphism 11959
Pyrenophora tritici-repentis
  Triticum aestivum 11886, 11894
    genetic markers 11895
    genetics 11892
    germplasm releases 7404
  Triticum durum, genetics 11893
Pyricularia (*see also Magnaporthe*)
Pyridazine, *Triticum aestivum* 3841
Pyrilla perpusilla, *Saccharum officinarum* 8106, 11347
2-Pyrone synthase, *Gerbera hybrida,* genetic transformation 1735
Pyrophosphatases
  Oryza sativa
    nucleotide sequences 10807
    promoters 10807
  Solanum tuberosum
    gene expression 5468
    nucleotide sequences 5468
    phylogeny 5468
Pyrroline-5-carboxylate synthetase
  Arabidopsis thaliana, genetic transformation 9317
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 1380
    nucleotide sequences 1380
  Medicago sativa
    gene expression 2146
    nucleotide sequences 2146
  Oryza sativa
    gene expression 2117
    genetic transformation 2117
  Vigna aconitifolia, genetic engineering 2117
Pyrus
  breeding, conferences 9227
  chloroplast genetics 2344
  cultivars, Hongnanguo 12628
  diseases 2329
Pyrus *cont.*
  Erwinia amylovora 11186
  gene banks 5578
  genetic resources 3271, 5568, 6621
  nomenclature 7076
  phytoplasmas 12634
  restriction fragment length polymorphism 2344
Pyrus bourgaeana, random amplified polymorphic DNA 7946
Pyrus bretschneideri
  pollen germination 8907
  Venturia pirina, genetics 8940
Pyrus communis
  biotechnology 4389
  breeding 3272-3273, 6662, 8920
  chromosome number 6624
  colour 8934
  cryopreservation 3274
  cultivars 8925
    Abate Light 3275
    Agata 528
    Angelys 10021
    Armida 528
    Conference Light 3275
    David 528
    Elektra 528
    Hermann 528
    Hortensia 528
    Isolda 528
    Luli-1 12627
    Manon 528
    Pyrodwarf 8928
    Reglindis 528
    Tristan 528
    Uta 528
  Erwinia amylovora 6668, 12632
  fertility 8930
  flowering 8935
  flowers 8926, 8935
  fruits 8933
  gamma radiation 8936
  gene banks 8924
    information processing 8921
  genetic markers 529
  genetic resources 8923
  genetic transformation 7947
  growth period, genetics 12631
  habit 8937
    induced mutations 8936
  mutations 3273
  parthenocarpy 8929
  plant introduction 8922
  pollination 8926-8927, 8930
  quality, heterosis 6667
  random amplified polymorphic DNA 515, 7946
  rootstocks, artificial selection 8928
  seeds 8927
  tissue culture 3274, 8937
  variety classification 529
  Venturia pirina 8939
    genetics 8940
  vigour, genetics 12631
  volatile compounds 8938
  yields, genetics 12631
Pyrus cordata, random amplified polymorphic DNA 7946
Pyrus pyraster, random amplified polymorphic DNA 7946
Pyrus pyrifolia
  Alternaria alternata
    induced mutations 12633
    linkage 8941
    random amplified polymorphic DNA 8941
  compatibility 10023
  cultivars
    Ciyuesu 6664
    Cui Xiang Li 7945
    Huanghua 6666
    Osa Gold 4403
    Zaosu 6665
  ethylene, restriction fragment length polymorphism 11185
  gamma radiation 12633
  growth regulators, restriction fragment length polymorphism 11185
  pollen culture 8932
  pollen germination 8932, 10023
Pyrus pyrifolia *cont.*
  random amplified polymorphic DNA 7946
  ribonucleases 12629
    nucleotide sequences 7937
  ripening
    gene expression 10024
    nucleotide sequences 10024
    restriction fragment length polymorphism 11185
  RNA polymerase, nucleotide sequences 10022
  self compatibility, gene expression 11184
  self incompatibility 12629
    gene expression 11184
    homozygosity 12630
    nucleotide sequences 7937
    polymerase chain reaction 8931
  senescence
    gene expression 10024
    nucleotide sequences 10024
  tissue culture 2345
  UTP-glucose-1-phosphate uridylyltransferase, nucleotide sequences 5579
  variety trials 4404, 6663
  Venturia pirina, genetics 530, 2346, 8940
Pyrus ussuriensis, *Venturia pirina,* genetics 530, 2346
Pyruvate decarboxylase
  Oryza sativa
    gene expression 7614
    gene mapping 7614
    nucleotide sequences 7614
Pyruvate dehydrogenase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 9363
    nucleotide sequences 9363, 11743
  Zea mays
    gene expression 9610
    nucleotide sequences 9610
Pyruvate kinase, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 11380
Pyruvate,orthophosphate dikinase
  Oryza sativa
    gene expression 8695
    genetic transformation 8695
  Solanum tuberosum, genetic transformation 2236
  Zea mays, genetic engineering 2236
Pythium irregulare, *Arabidopsis thaliana,* mutations 69
Pythium myriotylum
  Arachis hypogaea 4538
  Xanthosoma sagittifolium 3187
Pythium violae, *Daucus carota* 2251
Quality 7183, 9976
  Actinidia deliciosa 4468
  Aegilops tauschii, gene expression 3866
  Aegle marmelos 12706
  Allium cepa 6521
  Allium sativum 6069
  Amaranthus 10878
  Amaranthus tricolor
    combining ability 11089
    heterosis 11089
  Arachis hypogaea 6873
    epistasis 6870
    genetic variance 6870
  Avena sativa 9580, 10681
    artificial selection 6186
    heritability 6186
  Averrhoa carambola 8027
  Beta vulgaris (sugarbeet) 1599
    combining ability 4560
    genetic variance 4560
  Brassica 624, 4514
  Brassica carinata 620, 4515
  Brassica chinensis
    combining ability 6536
    heritability 6535
    heterosis 6536
  Brassica juncea
    combining ability 10126
    gene mapping 619
    genetic variance 10126
  Brassica napus (rape) 616, 624, 4514-4515, 6822, 9038, 10100
  Brassica oleracea 4335
  Brassica oleracea (cauliflowers) 449
  Brassica pekinensis 6069, 6534, 11073
  Brassica tournefortii 4515

Quality *cont.*
Camellia sinensis, artificial selection 1602
Capsicum annuum 1400, 6069, 7913, 9407
  combining ability 6594
cereals, genotype environment interaction 11819
Cicer arietinum 1257, 3126, 9860, 12413
Citrullus lanatus 508
Citrus reticulata, xenia 6746
Citrus sinensis 1521
Coffea canephora, heritability 3506
Cornus mas 8977
crops 3670
  gene mapping, reviews 3709
  genetic transformation 10588
Cucumis melo 5563, 6600
Cucurbita 7922
Cucurbita moschata 6607
  germplasm releases 7923
Cucurbita pepo 12602
Cuphea viscosissima, induced mutations 3481
Cyclamen
  genetic variance 2647
  heritability 2647
Dactylis glomerata 4091
Dahlia pinnata
  genotype environment interaction 9192
  multivariate analysis 9192
Daucus carota 3180, 6497
Dendranthema, induced mutations 7099
Dimorphotheca pluvialis, heritability 6887
Diospyros kaki 6756
Eleocharis tuberosa 8855
Elettaria cardamomum 12970
Fagopyrum esculentum 3029
Ficus carica 6732-6736
Fragaria 10045
Fragaria ananassa 8997, 10044, 11206
fruit crops, conferences 10465
Galega orientalis 328
genetics 10
Gerbera hybrida 2635
Glycine max 350, 4190, 7720, 8769
  artificial selection 4194, 7719
  genetic engineering 9800
  genetic variance 4192-4193
  genetics 4192-4193
  germplasm releases 2178
  linkage 6406
  restriction fragment length polymorphism 6406
Glycine soja 4190
Gossypium 721-722
  artificial selection 8179
  conferences 853
  heritability 8179
  reciprocal effects 10261
  techniques 719, 3549
Gossypium arboreum 3539
  genotype environment interaction 11423
Gossypium barbadense 720
  germplasm releases 4614
  heterosis 10245
Gossypium herbaceum 3539
Gossypium hirsutum 720, 5786, 6965, 10249, 10259, 11421
  artificial selection 8180
  combining ability 8176, 10251
  gene mapping 5785
  genetic transformation 10262
  genetic variance 10260
  genetics 4613, 8181
  heritability 718
  heterosis 8176, 10245, 10251, 10260
  induced mutations 6954
  pleiotropy 8181
Helianthus 6857
Helianthus annuus 6857
  heritability 4530
Helianthus petiolaris 6857
Hordeum spontaneum 1997
Hordeum vulgare 170-171, 1040, 1997, 1999, 3934, 5078, 7445, 8612, 10668, 11950
  artificial selection 1041

Quality *cont.*
Hordeum vulgare cont.
  gene mapping 1030
  genetic markers 5079, 6173
  genetics 7444
  genotype environment interaction 1042, 8610, 10667
  heritability 3928
  restriction fragment length polymorphism 10669
Humulus lupulus 12977
Lens culinaris 1257
Lilium 2657
  combining ability 10398
  heritability 10398
Linum usitatissimum (flax) 8186
  genotype environment interaction 8187
Lycopersicon
  gene mapping 7898, 11115
  genetic markers 7898
Lycopersicon cheesmanii, genotype environment interaction 11114
Lycopersicon esculentum 470, 483, 4355, 5516-5518, 6563, 7893, 9973, 9975, 11118-11119
  artificial selection 2301
  combining ability 5534-5535, 6561
  gene mapping 11115
  genotype environment interaction 11114
  heritability 6561
  heterosis 481, 5536, 6561
  induced mutations 6557
Lycopersicon pimpinellifolium 4355
  genetic markers 11117
Malus 7943
Malus pumila 521, 2338, 5573, 6645-6646, 8917
Mangifera indica 1526
Manihot esculenta 2253
mathematics 10
Medicago sativa 4129, 4131
Melissa officinalis 7159
Mentha arvensis, heritability 2679
Musa 2405, 8000
  books 3663
Nicotiana tabacum, heterosis 2531
Olea europaea 3458, 5706, 11328
  clonal variation 11326
Oryza sativa 238, 280, 282-283, 1184-1185, 2111, 4053, 5210, 6290-6291, 7604, 7606, 7608-7609, 8709, 9699, 10852-10853, 10855, 10857, 12219
  combining ability 3008
  gene mapping 6289
  genetic variance 7607
  genetics 5213, 6288, 12221
  heritability 3007, 7607
  heterosis 10854
  induced mutations 8710, 12224
  maternal effects 3007, 8708
  multivariate analysis 9685, 12223
  restriction fragment length polymorphism 6289
  stability 12225
Pachyrhizus erosus 2272
Pachyrhizus tuberosus 2264
Pennisetum glaucum 10781
Persea americana 3365
Petunia
  artificial selection 5857
  combining ability 8325
Phaseolus vulgaris 6425, 9407, 12380
  artificial selection 5360
Pinus sylvestris, genetics 3577
Piper nigrum, germplasm releases 12963
Pisum sativum 5377, 8796
  heritability 5380
  maternal effects 5380
Prunus (apricots) 3278
Prunus armeniaca 535
  techniques 1436
Prunus avium 542, 5592
Prunus domestica 1439, 5582, 8963, 8965-8966
Prunus mume 7961
Prunus persica 1471-1473, 3292, 6694, 11198
  artificial selection 5599
  gene mapping 4442

Quality *cont.*
Prunus persica cont.
  genetics 6692
  multivariate analysis 5600
Prunus (plums) 8964
Psidium guajava 2429
Punica granatum 12705
Pyrus communis, heterosis 6667
Raphanus sativus 1358
Rosa hybrida 8298
Rubus arcticus 3298
Rubus stellatus 3298
Saccharum 9061
Saccharum officinarum 668
  genotype environment interaction 12766
  techniques 667
Sagittaria trifolia 6511
Secale cereale, genotype environment interaction 182
small fruits, artificial selection 10035
Solanum tuberosum 4278-4279, 6486, 7809-7810, 8828-8829, 9905
  gene mapping 1333
  genetic transformation 12451
  restriction fragment length polymorphism 1333
  techniques 1340
Sorghum bicolor 230-231, 4003, 5142, 9639
  combining ability 2060
  genetic variance 8670
  germplasm releases 10755
  heterosis 8670
triticale 184, 9587, 10685
  DNA hybridization 6194
  gene mapping 6194
  restriction fragment length polymorphism 6194
Triticum 137
Triticum aestivum 129, 131, 133-134, 139, 993, 998, 1965-1966, 2849, 2851, 2854, 3863, 3865, 3867, 5006, 6121-6122, 6124, 7378-7379, 7381-7382, 7384-7385, 8569, 8574-8575, 9484, 10625
  artificial selection 7377
  chromosome substitution 8572
  chromosome translocation 1962, 7420, 8572, 11866, 11869, 11873
  computer programming 7380
  gene expression 9487
  gene mapping 9496
  genetic markers 136, 6120
  genetic transformation 7376, 9489
  genetics 2853, 5010, 9498, 10622, 11875
  genotype environment interaction 132
  heritability 2846, 11877
  heterosis 130, 1938
  history 7383
  induced mutations 2853
  linkage 11865
  pleiotropy 8573
  restriction fragment length polymorphism 6120
Triticum boeoticum, gene expression 3866
Triticum dicoccum 994, 8576
Triticum durum 139, 994, 1959, 3865, 5012, 6123, 7381, 10623, 11870, 11874
  chromosome translocation 2850
  gene mapping 995, 5008
  genetics 3861
  genotype environment interaction 3868, 8568, 11872
  restriction fragment length polymorphism 995, 5008
Triticum monococcum 994, 5007
Triticum spelta 8567, 8576
  gene mapping 9496
Vaccinium macrocarpon 3306
Vaccinium oxycoccus 3306
vegetables 6070
  conferences 10465
Vigna angularis 2220
Vigna unguiculata 390
Vitis vinifera 3324, 3329, 6715, 7988-7989, 9001, 11217-11218, 12676

Quality *cont.*
  Vitis vinifera cont.
    clonal variation 10057
  Zea mays 5119, 7499-7500, 12096
    combining ability 2937
    dominance 7491
    economics 9599
    epistasis 7491
    genetic transformation 9599
    genetics 12098
    heritability 5123
    heterosis 2044, 2937
    induced mutations 5120
Quantitative genetics 6045, 10558
  Arabidopsis thaliana 1843
  books 4798
  computer programming 931
  forest trees 731
  mathematics 9383
Quantitative traits
  Arabidopsis thaliana, statistics 7264
  artificial selection 5935-5936, 10562
  Azadirachta indica, genotype environment interaction 8368
  backcrossing 76
  Cajanus cajan, heritability 5439
  Eucalyptus grandis, random amplified polymorphic DNA 8197
  Eucalyptus nitens, dominance 8198
  Eucalyptus urophylla
    heritability 2570
    random amplified polymorphic DNA 8197
  forest trees
    computer programming 5800
    statistics 5800
  gene mapping 78, 80, 1885, 1889, 3769, 3771, 8510, 8512-8513, 10559, 10565, 11707
    books 4800
    statistics 10566
  genetic markers 80, 8514, 10562, 11707
  genetics 5935-5936
  Hordeum vulgare 8607
    gene mapping 7429
    restriction fragment length polymorphism 7429
  Larix, heterosis 8262
  linkage 73
  Nassella pulchra, genetic variation 308
  Oryza rufipogon, restriction fragment length polymorphism 1131
  Oryza sativa
    gene mapping 5171, 6289
    restriction fragment length polymorphism 6289
    seeds 1159
  Picea abies
    genotype environment interaction 8256
    heritability 8256
  Pinus radiata
    gene mapping 2595-2596
    random amplified polymorphic DNA 2595-2596
  Pinus taeda
    gene mapping 7020
    random amplified polymorphic DNA 7020
    restriction fragment length polymorphism 7020
  Pinus tecunumanii, heritability 8239
  Populus, genetic markers 4646
  Populus deltoides
    gene mapping 2575
    heritability 747
  Populus trichocarpa
    gene mapping 2575
    heritability 747
  Prunus avium
    combining ability 7970
    genetic variance 7970
    heritability 7970
  Prunus persica, gene mapping 4442
  Saccharum 10186
  Saccharum officinarum, multivariate analysis 665
  Salix viminalis, genetic variance 7001
  Secale cereale
    dominance 8625
    gene mapping 8625
Quantitative traits *cont.*
  selection 73, 76
  Solanum, gene mapping 5462
  Sorghum bicolor, gene mapping 227
  statistics 1889
  Triticum aestivum
    gene mapping 3885, 8571
    linkage 936
    pleiotropy 936
    restriction fragment length polymorphism 8571
  Triticum durum
    gene mapping 5008
    restriction fragment length polymorphism 5008
  Zea mays, restriction fragment length polymorphism 6205
Quassia simarouba
  rooting capacity 10308
  tissue culture 10308
Quercus
  interspecific hybridization 9131
  nomenclature 742
  phylogeny
    chloroplast genetics 12872
    nucleotide sequences 12872
  seasonal growth 741
Quercus havardii
  clonal variation 6994
  isoenzymes, genetic variation 6994
Quercus ilex
  desiccation 10292
  drought resistance 9132
  tissue culture 10292
Quercus liaotungensis
  DNA fingerprinting 8201
  random amplified polymorphic DNA 8201
Quercus petraea
  amplified fragment length polymorphism 739
  DNA, techniques 4643, 11457
  interspecific hybridization 4642
  microsatellites 9129
  multivariate analysis 739
  provenance trials 11466
  random amplified polymorphic DNA 739
  taxonomy, random amplified polymorphic DNA 10291
Quercus pubescens
  chloroplast genetics 9130
  microsatellites 9129
  restriction fragment length polymorphism 9130
Quercus robur
  chimaeras, DNA fingerprinting 729
  chloroplast genetics 12871
  DNA, techniques 4643, 11457
  gene mapping 2571
  interspecific hybridization 4642
  microsatellites 4641, 8200, 12870
  mitochondrial genetics 12871
  provenance trials 11466
  somatic embryogenesis, tissue culture 6995
  taxonomy, random amplified polymorphic DNA 10291
Quercus rubra, seeds, heritability 11467
Quercus suber
  cork 6993
  desiccation 10292
  genetic resources 738
  heat shock proteins
    gene expression 2573
    nucleotide sequences 2573
  isoenzymes, genetic variation 740
  phenolic compounds 6993
  pollen competition 5804
  sexual reproduction 5804
  somatic embryogenesis 2572
  stress
    gene expression 2573
    nucleotide sequences 2573
  tissue culture 10292
Radiation (*see also* Gamma radiation; Lasers; Neutron radiation; Ultraviolet radiation)
  Tradescantia 10414
Radioactive nuclides (*see* Radionuclides)
Radionuclides, *Arabidopsis thaliana,* genetic transformation 899
Radopholus similis
  Cocos nucifera 12749
  Musa 2409, 12685
Raffinose, *Lens culinaris,* genetics 5404
Ralstonia solanacearum
  Anthurium andraeanum 2638
  Arachis hypogaea 8084-8085
  Capsicum annuum 2313, 12575-12576
  Lycopersicon esculentum 488, 4358, 5538, 6573
    artificial selection 7901
    gene mapping 1914, 6574
    genetic markers 8891
    genetics 12539
    linkage 6574
    random amplified polymorphic DNA 8891
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 12817
  Solanum 11038
  Solanum commersonii 9907
  Solanum melongena 11148, 12557-12559
  Solanum tuberosum 9907
Random amplified polymorphic DNA
  Abies alba 2587
  Abies cephalonica 8260
  Actinidia chinensis 562
  Actinidia deliciosa 562
  Aegilops 150, 11935
  Aegilops geniculata 10653
  Aegilops longissima, Erysiphe graminis 6144
  Aegilops tauschii 7423
  Agaricus bisporus 5919
  Agaricus bitorquis 5919
  Allium 2278
  Allium altaicum, genetic distance 8863
  Allium fistulosum
    evolution 8863
    genetic distance 8863
  Allium sativum, somaclonal variation 4326
  Allium victorialis 3200
  Alstroemeria 796
  Amelanchier bartramiana 4407
  Amelanchier laevis 4407
  Anacardium occidentale 3404
  Andrographis paniculata 8356
  Angelica acutiloba 8380
  Anoectochilus 9203
  Arabidopsis thaliana
    heavy metals 8503
    toxic substances 8503
  Arachis, phylogeny 1574
  Arecaceae 7010
  Artemisia annua 12950
  Asparagus officinalis 2290, 7863
    variety classification 7872
  Auricularia auricula, sex 10459
  Avena sativa, variety classification 2894
  Azadirachta indica 822
  Bambusa glaucescens 848
  Bambusa multiplex 848
  Bambusa oldhamii 848
  Banksia coccinea 7064
  Banksia menziesii 7064
  Beta vulgaris (sugarbeet) 9066
  Brassica 4331, 6785
  Brassica campestris (turnips), *Plasmodiophora brassicae* 11074
  Brassica juncea 594
    Albugo candida 1557
    genetic distance 2442
  Brassica maurorum 6785
  Brassica napus (rape)
    cytoplasmic male sterility 6799
    erucic acid 5733
    fatty acids 8049
    linolenic acid 5733, 8049
  Brassica oleracea 443, 4331, 8866
  Brassica oleracea (cabbages), male sterility 7850
  Brassica oxyrrhina, male sterility 1546
  Brassica pekinensis
    Plasmodiophora brassicae 11074
    seeds 9939
    variety classification 6525
  Cajanus cajan 6456
  Calanthe bicolor 11565
  Calanthe discolor 11565
  Calanthe sieboldii 11565

Random amplified polymorphic DNA *cont.*

- *Camellia,* phylogeny 2615
- *Camellia sinensis* 3497
- *Cannabis sativa,* sex 4624
- *Capsicum*
  - taxonomy 12566
  - variety classification 12566
- *Capsicum annuum* 8896
  - hybrid seed production 499
  - taxonomy 12566
  - variety classification 12566
- *Capsicum frutescens* 6588
- *Cedrus libani* 5830
- *Cercidium praecox* 2156
- *Chaenomeles* 3276
- *Chenopodium* 4082
- *Chimonanthus praecox* 8277
- *Cicer,* taxonomy 6454
- *Cicer arietinum* 5409, 10997
  - heterosis 9858
- *Cicer echinospermum* 5409
- *Citrullus lanatus* 6597
- *Citrus,* variety classification 5642
- *Citrus aurantium* 3360
- *Citrus latipes* 3360
- *Citrus limon* 1517, 2414
  - variety classification 11231
- *Citrus limonia,* seedlings 2416
- *Citrus paradisi,* variety classification 2421
- *Citrus sinensis* 6744
  - variety classification 2421
- *Clausena lansium* 6744
- *Colocasia esculenta,* variety classification 5486
- *Corylus avellana* 6771
- *Cucumis melo* 7917, 11157, 11160
  - variety classification 2317
- *Cucumis sativus* 6597, 10001, 12606
- *Cucurbita moschata,* genetic distance 5565
- *Cymbidium,* taxonomy 3618
- *Cymbidium goeringii,* taxonomy 3618
- *Dactylis glomerata* 8733
- *Digitalis obscura* 9204
- *Digitaria decumbens* 9744
- *Diospyros kaki* 9015
- *Eleocharis dulcis,* variety classification 9926
- *Elymus* 8746
- *Elymus caninus* 10889
- *Elymus elongatus* 4961
- *Eucalyptus dolorosa* 9126
- *Eucalyptus globulus,* genetic distance 6990
- *Eucalyptus grandis,* quantitative traits 8197
- *Eucalyptus nitens* 4635
- *Eucalyptus phylacis* 9126
- *Eucalyptus urophylla,* quantitative traits 8197
- *Eustoma grandiflorum* 12921
- *Festuca pratensis* 3037, 8733
- *Ficus carica,* variety classification 6729
- *Fragaria ananassa,* somaclonal variation 12671
- *Fragaria chiloensis* 5614
  - taxonomy 10046
- fruit crops 8903
- genetic resources 5942
- *Gentiana,* phylogeny 792
- *Glycine* 10949
- *Glycine max* 335, 337-339, 4175, 5297, 10948
  - variety classification 10950
- *Glycine soja* 5297, 7714
  - salinity 5326
- *Gossypium*
  - cytoplasmic male sterility 6955
  - genetic distance 10244
- *Gossypium hirsutum, Verticillium dahliae* 6971
- *Helianthus,* phylogeny 4532, 11291
- *Helianthus annuus* 8058, 11271
  - fertility 4523
  - habit 4523, 11281
  - phylogeny 4532
- *Hevea* 12864
- *Hibiscus* 10340
- *Hibiscus syriacus* 10340

Random amplified polymorphic DNA *cont.*

- *Hippophae rhamnoides*
  - genetic variance 9005
  - sex 3352
- *Hordeum* 3909
- *Hordeum bulbosum* 11941
- *Hordeum chilense* 7319-7320
- *Hordeum spontaneum* 1031, 11941
- *Hordeum vulgare* 1031, 2876, 3794, 3910, 6159, 6174, 8600
  - proanthocyanidins 169
  - variety classification 2882
- *Humulus lupulus* 8385, 8387
- *Ipomoea,* taxonomy 1350, 7832
- *Ipomoea batatas*
  - taxonomy 1350
  - variety classification 2255
- *Ipomoea trifida,* taxonomy 1350
- *Iris,* taxonomy 8336
- *Iris ensata* 10389
- *Iris germanica* 10389
- *Ixora coccinea* 12900
- *Ixora congesta* 12900
- *Juniperus,* taxonomy 9153
- *Lactuca sativa,* morphology 6543
- *Lathyrus sativus,* phylogeny 12340
- *Lens* 2213, 3115
- *Lens culinaris*
  - *Ascochyta fabae* 4224
  - cold resistance 12408
  - *Fusarium oxysporum* 1308
- *Lentinula edodes* 5918
- *Lepidium* 6512
- *Lepidium meyenii* 6512
- *Leucaena esculenta* 2156
- *Leucaena leucocephala* 2156
- *Lilium* 11560
- *Lilium japonicum* 802
- *Lilium longiflorum* 5875
- *Lilium martagon* 801
- *Linum usitatissimum* (flax), anther culture 3554
- *Lolium perenne* 8733
- *Lycopersicon*
  - taxonomy 12528
  - variety classification 12528
- *Lycopersicon esculentum* 468, 475, 7885
  - *Fusarium oxysporum* 5544
  - *Pyrenochaeta lycopersici* 1389
  - *Ralstonia solanacearum* 8891
  - taxonomy 12528
  - variety classification 12528
- *Malus* 2332
  - *Venturia inaequalis* 7944
- *Malus pumila* 515, 6631-6632, 6643
  - *Nectria* 6655
  - *Podosphaera leucotricha* 6655
  - rootstocks 1425
  - *Venturia inaequalis* 5575, 6655
- *Mangifera indica* 12698
  - *Glomerella cingulata* 8016
- mangroves, phylogeny 755
- *Manilkara zapota* 8024
- *Medicago sativa* 7674, 12303
- *Melissa officinalis,* taxonomy 9216
- *Metasequoia glyptostroboides* 8265
- *Morus* 4469
- *Musa* 7997, 9006
  - somaclonal variation 2393
- *Nelumbo nucifera* 7838
- *Nicotiana debneyi, Thielaviopsis basicola* 6925
- *Nicotiana tabacum*
  - *Thielaviopsis basicola* 6942
  - transposable elements 6942
- *Nuphar rubrodisca* 1765
- *Olea europaea* 8072, 11302
  - variety classification 643, 2473, 11312-11313
- *Ophrys bertolonii* 2659
- ornamental orchids, variety classification 2611
- *Oryza*
  - genomes 4028
  - phylogeny 4028, 4056
- *Oryza rufipogon* 10804
- *Oryza sativa* 2089, 5172, 7562, 9666, 10801, 10815-10816, 12176
  - *Nilaparvata lugens* 8725
  - somaclonal variation 5206
- *Pachyrhizus* 2269

Random amplified polymorphic DNA *cont.*

- *Panax ginseng* 10421
- *Panax pseudoginseng* 8357
- *Panax quinquefolius* 8357
- *Parkinsonia aculeata* 2156
- *Paulownia* 5808
- *Petunia hybrida* 4742
- *Phalaenopsis* 3621
- *Phaseolus* 5358
- *Phaseolus acutifolius, Xanthomonas axonopodis* 2201
- *Phaseolus vulgaris* 359
  - *Uromyces appendiculatus* 368
  - *Xanthomonas axonopodis* 3103
- *Picea* 11502, 12894
  - interspecific hybridization 4675
- *Picea abies* 2587, 8248, 8250-8251
- *Picea glauca* 12893
- *Pinus* 10316
- *Pinus contorta* 5815, 8227
- *Pinus lambertiana, Cronartium ribicola* 3579
- *Pinus radiata* 5816, 12884
  - quantitative traits 2595-2596
- *Pinus strobus* 7015
- *Pinus sylvestris* 2587, 4668
- *Pinus taeda,* quantitative traits 7020
- *Pinus thunbergii* 8225
- *Pistacia vera* 3409
- *Pisum sativum* 1298, 6433
  - *Erysiphe pisi* 1305
  - habit 1297
- *Podocarpus,* taxonomy 2610, 10332
- *Poncirus trifoliata* 2425
  - variety classification 2421
- *Populus* 745
  - taxonomy 2576
  - variety classification 2576
- *Porteresia coarctata* 6274
- *Posidonia australis* 7166
- *Posidonia oceanica* 2685
- *Prosopis,* taxonomy 5810
- *Prunus africana* 4766
- *Prunus avium* 515, 1462
- *Prunus cerasifera, Meloidogyne* 12652
- *Prunus* (cherries) 7967
- *Prunus domestica*
  - genetic distance 8954
  - pollination 3283
  - variety classification 1438
- *Prunus dulcis* 3375, 9021
- *Prunus mume*
  - *Prunus* 7954
  - variety classification 6674
- *Prunus persica*
  - growth period 3291
  - variety classification 7972
- *Prunus salicina,* genetic distance 8954
- *Pseudotsuga menziesii* 1701
- *Pyrus bourgaeana* 7946
- *Pyrus communis* 515, 7946
- *Pyrus cordata* 7946
- *Pyrus pyraster* 7946
- *Pyrus pyrifolia* 7946
  - *Alternaria alternata* 8941
- *Quercus liaotungensis* 8201
- *Quercus petraea* 739
  - taxonomy 10291
- *Quercus robur,* taxonomy 10291
- *Raphanus sativus*
  - cytoplasmic male sterility 11057
  - techniques 7836
- *Ribes uva-crispa* 7974
- *Robinia pseudoacacia* 751
  - variety classification 1680
- *Rosa,* taxonomy 8299
- *Rosa dumalis* 7083
- *Rosa rubiginosa* 7083
- *Rubus idaeus,* recombination 3295
- *Saccharum* 10186
  - phylogeny 6893
- *Salvia fruticosa* 8382
- *Sargentodoxa cuneata* 8307
- *Saxifraga cernua* 3599
- *Schizachyrium scoparium* 3039
- *Secale cereale* 3794, 4938
  - aluminium 2010
- *Setaria italica* 7519
- *Silene dioica,* sex 788
- *Solanum* 8819
- *Solanum brevicaule,* taxonomy 3164

Random amplified polymorphic DNA *cont.*
  Solanum chacoense, leptine 4307
  Solanum phureja 7799
  Solanum tuberosum 11024
    salinity 11034
  Solanum (tuberous species) 12443
  Sorghum bicolor
    Colletotrichum graminicola 4007
    cytoplasmic male sterility 10741
  Spartina alterniflora
    genetic distance 10892
    interspecific hybridization 12291
  Spartina foliosa, interspecific hybridization 12291
  Tanacetum cinerariifolium 10440
  Tanacetum vulgare 10440
  Theobroma cacao, variety classification 4565
  Trifolium repens 7682, 12316
  Triticum aestivum 3794, 3833, 4938, 4961, 7319-7320, 7349
    Erysiphe graminis 6144
    Puccinia recondita 148
    salinity 5022
    variety classification 1953
  Triticum dicoccoides 3832, 6087, 8550
  Triticum dicoccum, taxonomy 6127
  Triticum durum 3832
  Triticum macha 2824
  Triticum monococcum, taxonomy 6127
  Triticum spelta 2824
  Triticum timopheevii, taxonomy 6127
  Triticum urartu 3831
  Tuber borchii, taxonomy 1790
  Vanda, taxonomy 5881
  Vetiveria zizanioides 10449
  Vicia faba 6409
  Vigna angularis 6463
  Vigna radiata 1318
  Vigna unguiculata 3132
  Viola 7095
    taxonomy 2619
  Vitis
    variety classification 7984
    Xiphinema index 3333
  Vitis vinifera 2376, 7986, 8998, 10052
    rootstocks 3323
    seedlessness 1488
    variety classification 560, 3323, 4464, 5620
  Xanthosoma, variety classification 5486
  Yushania niitakayamensis 7164
  Zea mays 5097, 11986
    heterosis 9601
    multivariate analysis 7480
    starch 7498
    variety classification 5108
  Zea mays (sweetcorn), sugars 11987
Ranunculus asiaticus, tissue culture 12932
Raphanus raphanistrum, *Brassica napus* (rape), intergeneric hybridization 3423, 6783-6784, 6838
Raphanus sativus
  abscisic acid 2260
  anthocyanins 4319
  aquaporin
    gene expression 425
    nucleotide sequences 425
  ascorbate peroxidase, gene expression 7837
  Brassica (Chinese cabbages), pollen germination 9923
  Brassica maurorum
    fertility 423
    intergeneric hybridization 423
    polyploidy 423
  Brassica napus, intergeneric hybridization 592
  Brassica napus (rape), intergeneric hybridization 4506
  Brassica oleracea (kale), intergeneric hybridization 424
  cell division 9922
  chlorophyll
    genetics 12493
    mutations 12493
  chromosome aberrations 9921
  chromosome transmission 424
  cytoplasmic male sterility
    gene expression 4506
    genetic markers 11057
Raphanus sativus *cont.*
  cytoplasmic male sterility *cont.*
    mitochondrial genetics 4506
    nucleotide sequences 4506
    random amplified polymorphic DNA 11057
  development
    gene expression 7835
    nucleotide sequences 7835
  DNA binding proteins, gene expression 9920
  esterases, phylogeny 8854
  evolution 1359
  fluorescence *in situ* hybridization 592
  fly ash 9922
  gibberellic acid 2260
  growth regulators 2260
  Heterodera schachtii 6843
  hybrid seed production 2259
  induced mutations 9921
  isoenzymes 6510
    heterosis 5485
  male sterility 6510
  meiosis 9921
  mitochondrial genetics 2258
  morphology
    genetics 12493
    mutations 12493
  mutagens 9922
  nucleotide sequences 2258
  outcrossing 2259
  peroxidases
    gene expression 2260
    genetic engineering 2260
  photoperiodism, genotype environment interaction 447
  plant composition 1361, 11058
  quality 1358
  random amplified polymorphic DNA, techniques 7836
  roots 11058
  self incompatibility 1359
  sexual reproduction 1359
  Sinapis arvensis, intergeneric hybridization 2259
  temperature, gene expression 9920
  thiocyanates 1360-1361
  variety trials 1358
  wide hybridization 2259
Raspberry bushy dwarf idaeovirus, *Rubus idaeus,* genetics 12664
Ratooning, *Saccharum officinarum* 10190
Rebaudiosides, *Stevia rebaudiana,* genetics 6912
Receptor kinases
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 19, 9323
    nucleotide sequences 7226, 9323
Recessiveness (*see* Dominance)
Reciprocal effects
  Gossypium
    quality 10261
    yields 10261
  Oryza sativa, cytoplasmic male sterility 1146
  Triticum aestivum
    growth period 4984
    vernalization 4984
    yield components 4992
  Zea mays
    growth period 12053
    vigour 12053
Reclamation, fodder plants, genetics 4087
Recombination 935, 3775
  Agaricus bisporus
    colour 3650
    development 3650
    Pseudomonas tolaasii 3650
  Arabidopsis thaliana 899, 5173
    cytosine deaminase 3731
    hygromycin-B kinase 3731
    induced mutations 11735
    naringenin-chalcone synthase 3731
  Beta maritima 2491
  Brassica campestris, self incompatibility 10115
  Brassica juncea, Trachystoma ballii 2448
  Brassica oleracea, self incompatibility 10115
  evolution 72
  Helianthus annuus 634
Recombination *cont.*
  Helianthus petiolaris 634
  Lycopersicon esculentum, Alternaria alternata 11130
  Nicotiana tabacum 12808
    genetic transformation 12797
  nucleotide sequences 10488
  Oryza sativa 5173
  Petunia hybrida 12929
  Rubus idaeus
    amplified fragment length polymorphism 3295
    random amplified polymorphic DNA 3295
  Zea mays 11999
    mutations 5099
    zein 2023
Regenerative ability 7295
  Allium sativum, tissue culture 5493
  Avena sativa 8620
    genetics 2003
  Avena sterilis, genetics 2003
  Cicer arietinum
    combining ability 11001
    heritability 11001
  Citrus sinensis 11232
  Corchorus capsularis, tissue culture 6980
  Cyclamen 4750
  Glycine max 4188
  Lycopersicon esculentum 4350
    mutations 12533
  Oryza sativa 5209, 6280, 9692, 10845
    evolution 12217
    genetic markers 12217
    induced mutations 7602, 10846-10847
  Prunus avium 541
  Prunus serotina 541
  Saccharum officinarum, induced mutations 11345
  Solanum phureja 6484
  Solanum tuberosum 4273, 5470
  Sorghum bicolor, combining ability 12155
  Trifolium pratense, genetics 323
  Triticum aestivum, genetics 5004
  Vaccinium corymbosum 10040
  Zea mays 12087
    artificial selection 10712
    genetics 209
Renzorchis pseudoplatycoryne, taxonomy 3626
Repetitive DNA 11785
  Aegilops, evolution 2827
  Allium, taxonomy 9936
  Arabidopsis thaliana, nucleotide sequences 3723
  Beta, Beta vulgaris 2497
  Beta vulgaris (sugarbeet) 1597
  Calamagrostis porteri 6335
  Capsicum annuum 7906
  Citrus 6743
  Cucumis melo 11160
  Glycine max, Heterodera glycines 8775
  Gossypium
    evolution 1636
    fluorescence *in situ* hybridization 1636
    polyploidy 1636
  Gossypium barbadense
    gene mapping 3541
    nucleotide sequences 3541
    restriction fragment length polymorphism 3541
  Hordeum vulgare 2809, 6159
    nucleotide sequences 10660
  Lupinus, phylogeny 10931
  Lupinus texensis, nucleotide sequences 1245
  Lycopersicon esculentum 1378
  Musa 4470
  Nicotiana alata, cytoplasmic male sterility 1621
  Nicotiana debneyi, Thielaviopsis basicola 6925
  Nicotiana tabacum, cytoplasmic male sterility 1621
  Olea, nucleotide sequences 1567
  Oryza, nucleotide sequences 7558
  Oryza rufipogon 10810
  Oryza sativa 10810
    molecular genetics 10817

- **Repetitive DNA** *cont.*
  - *Oryza sativa cont.*
    - nucleotide sequences 7558
    - variety classification 7557
  - *Picea glauca* 1683
    - nucleotide sequences 1693
  - Pinopsida 1683
  - *Pinus contorta* 8227
  - *Poncirus* 6743
  - *Pseudotsuga menziesii*
    - gene mapping 2606
    - polymerase chain reaction 2606
  - reviews 882
  - *Ribes uva-crispa* 7974
  - *Rubus idaeus* 1474
  - *Saccharum arundinacearum,* phylogeny 1590
  - *Saccharum officinarum* 4550
  - *Secale cereale* 2809, 9581
  - *Solanum* 4250
  - *Solanum brevidens,* nucleotide sequences 1328
  - *Solanum tuberosum,* nucleotide sequences 1328
  - *Triticum,* evolution 2827
  - *Triticum aestivum* 2809
  - *Vicia faba* 8778
  - *Zea mays* 2917
    - molecular genetics 189
    - nucleotide sequences 5094
- **Replicase**
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 10993
    - genetic transformation 10993
- **Reporter genes**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1841
    - genetic transformation 1841
  - *Lotus japonicus*
    - gene expression 1841
    - genetic transformation 1841
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 12804
  - *Oryza sativa,* genetic transformation 12804
- **Reports**
  - Asian Vegetable Research and Development Center 1793
  - Banana, breeding and biotechnology 8409
  - Finland, Foundation for Forest Tree Breeding 8408
  - France
    - Centre de Coopération Internationale en Recherche Agronomique pour le Développement 2692
    - Station d'Amélioration des Plantes Maraîchères 2689
  - Germany, Bundesanstalt für Züchtungsforschung an Kulturpflanzen 7174
  - India, National Bureau of Plant Genetic Resources 5923
  - International Center for Agricultural Research in the Dry Areas 1792
  - International Network for the Improvement of Banana and Plantain 8407
  - Japan, National Institute of Agrobiological Resources 11641
  - *Musa,* breeding 8409
  - UK
    - Biotechnology and Biological Sciences Research Council 2691
    - Home-Grown Cereals Authority 2690
    - Institute of Grassland and Environmental Research 12983
    - Scottish Crop Research Institute 3652
  - USA, Cooperative Forest Genetics Research Program 9226
- **Reproduction**
  - *Abeliophyllum distichum,* population genetics 12903
  - *Agaricus bisporus* 3650
  - *Amelanchier laevis* 4407
  - angiosperms, genetics 9390
  - conferences 12994
  - forest trees 10282
  - *Gelidium,* conferences 8410
  - *Gelidium arbuscula* 8403
  - *Gelidium canariensis* 8403
  - *Gelidium pusillum* 8404
  - *Gelidium sesquipedale* 8405
- **Reproduction** *cont.*
  - nut crops, reviews 3370
  - reviews 82
  - *Salix* 12877
  - *Santalum album* 834
- **Resolvase,** *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 12797
- **Respiration** (*see also* Photorespiration)
  - *Arabidopsis thaliana*
    - mutations 7240
    - nucleotide sequences 7240
  - *Malus pumila* 12626
  - *Zea mays* 196
- **Restriction fragment length polymorphism**
  - *Abies* 3583, 8258
  - *Acacia,* phylogeny 4658
  - *Aegilops,* taxonomy 5052
  - *Aegilops longissima, Erysiphe graminis* 6144
  - *Aegilops tauschii,* evolution 151
  - *Allium*
    - evolution 8862
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 9929
  - *Allium altaicum,* genetic distance 8863
  - *Allium cepa*
    - genetic distance 5489
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 9929
  - *Allium fistulosum*
    - evolution 8863
    - genetic distance 8863
    - ribulose-bisphosphate carboxylase 9929
  - *Arabidopsis thaliana*
    - flowering 3746
    - protein kinase 3733
    - *Xanthomonas campestris* 2782
  - *Arachis,* phylogeny 1574
  - *Asparagus officinalis* 2290
  - *Auricularia* 10458
  - *Avena sativa* 6183
    - acetyl-CoA carboxylase 8622
    - oils 8622
  - *Beta maritima* 2491
  - *Beta vulgaris*
    - biosafety 10201
    - gene flow 10201
  - *Brassica* 6785
    - *Leptosphaeria maculans* 8053, 12729
  - *Brassica campestris* 8039
    - cytoplasmic male sterility 5672
  - *Brassica carinata,* cytoplasmic male sterility 599
  - *Brassica juncea,* cytoplasmic male sterility 599
  - *Brassica maurorum* 6785
  - *Brassica napus* 8039
  - *Brassica napus* (rape)
    - cytoplasmic male sterility 599
    - glutamate-ammonia ligase 9030
    - *Leptosphaeria maculans* 1556
    - self incompatibility 6798
  - *Brassica oleracea*
    - glycoproteins 9943
    - self incompatibility 9943
  - *Cenchrus ciliaris,* apomixis 12166
  - *Cicer arietinum* 10997
  - *Citrus aurantium* 3360
  - *Citrus latipes* 3360
  - *Cocos nucifera,* variety classification 1565
  - *Coffea arabica*
    - evolution 12792
    - genomes 12792
  - *Cucumis melo* 7917
  - *Dasypyrum villosum* 1941
  - *Daucus,* phylogeny 5479-5480
  - *Daucus carota,* phylogeny 5479-5480
  - *Durio,* phylogeny 1533
  - *Durio zibethinus,* phylogeny 1533
  - *Elymus tsukushiensis* 11842
  - *Eucalyptus horistes,* phylogeny 5803
  - *Eucalyptus kochii,* phylogeny 5803
  - *Faidherbia,* phylogeny 4658
  - forest trees, roots 6989
  - *Glycine max* 341, 4164, 7713
    - fatty acid desaturases 9801-9802
    - fatty acids 9801-9803
    - *Helicoverpa zea* 7730
- **Restriction fragment length polymorphism** *cont.*
  - *Glycine max cont.*
    - *Heterodera glycines* 2188, 6406, 12363
    - linolenic acid 9801
    - male sterility 4179
    - oleic acid 9802
    - *Phialophora gregata* 4197
    - *Phomopsis longicolla* 12359
    - phylogeny 3086
    - quality 6406
    - stearic acid 9803
    - stearoyl-acyl carrier protein desaturase 9803
    - urease 10947
  - *Glycine soja* 342
    - phylogeny 3086
  - *Gossypium* 9111
  - *Gossypium barbadense*
    - genomes 3541
    - repetitive DNA 3541
  - *Gossypium hirsutum* 1635
    - plant hairs 6958
  - *Gracilaria chilensis* 11636
  - *Helianthus annuus*
    - drought resistance 11273
    - fatty acids 11273
    - oleic acid 638
    - *Orobanche cumana* 11296
  - *Hordeum* 3909
  - *Hordeum spontaneum* 8614
  - *Hordeum vulgare* 1029, 9548, 10661
    - boron 9573
    - *Erysiphe graminis* 175, 6080
    - gibberellic acid 7428
    - glutathione transferase 960
    - photoperiodism 1037
    - *Puccinia hordei* 6080
    - *Pyrenophora graminea* 6177
    - *Pyrenophora teres* 11959
    - quality 10669
    - quantitative traits 7429
    - toxic substances 9573
  - *Lentinula edodes* 11630
  - *Leymus arenarius,* taxonomy 6332
  - *Leymus mollis,* taxonomy 6332
  - *Linum usitatissimum* (flax), *Melampsora lini* 6978
  - *Lycopersicon* 5525
    - cold resistance 3245
    - germination 7900
    - stress 7900
  - *Lycopersicon esculentum* 6555, 12525
    - ethylene 8886
    - heat resistance 4364
    - *Meloidogyne* 4364
    - *Pyrenochaeta lycopersici* 1389
    - ripening 8886
    - salinity 2302, 12535
    - *Verticillium dahliae* 4361
  - *Lycopersicon pennellii* 12525
    - ethylene 8886
    - ripening 8886
  - *Lycopersicon peruvianum*
    - heat resistance 4364
    - *Meloidogyne* 4364
  - *Lycopersicon pimpinellifolium* 6555
    - salinity 2302, 12535
  - *Malus pumila*
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase 6630
    - 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase 6630
    - self incompatibility 12620
  - *Mangifera,* phylogeny 5647
  - mangroves, phylogeny 755
  - *Medicago sativa,* forage 6355
  - *Moricandia arvensis* 8039
  - *Nicotiana* 6925
  - *Nicotiana tabacum* 6925
  - *Oenothera* 4727
  - *Olea chrysophylla,* acyl-acyl-carrier-protein desaturase 11315
  - *Olea cuspidata,* acyl-acyl-carrier-protein desaturase 11315
  - *Olea europaea,* acyl-acyl-carrier-protein desaturase 11315
  - *Oryza* 12226
    - chloroplasts 12227
    - growth period 2989

Restriction fragment length polymorphism *cont.*
- *Oryza cont.*
  - male sterility 2989
- *Oryza eichingeri* 12190
- *Oryza glaberrima*
  - growth period 2989
  - male sterility 2989
- *Oryza rufipogon*
  - domestication 4054
  - quantitative traits 1131
- *Oryza sativa* 1124, 2089, 5162, 5167, 7565, 8691, 12190
  - anther culture 277
  - cytoplasmic male sterility 1142
  - domestication 4054
  - G proteins 12200
  - height 2124, 2984, 12200
  - *Magnaporthe grisea* 3027, 6080, 7625
  - *Nephotettix cincticeps* 1207
  - *Nilaparvata lugens* 7631, 8725
  - nutrients 1189
  - *Orseolia oryzae* 293
  - phosphorus 1189
  - photoperiodism 7625
  - quality 6289
  - quantitative traits 6289
  - rice yellow mottle sobemovirus 2124-2125
  - shedding 2986
  - somaclonal variation 3005
  - *Xanthomonas oryzae* 2121, 3027, 6080, 8717, 10867
  - yield components 2984
- *Panax* 5898
- *Paspalum,* taxonomy 1229
- *Pennisetum glaucum* 1106
- *Pennisetum squamulatum,* apomixis 12166
- *Phaseolus* 5358
  - techniques 10963
- *Phaseolus lunatus*
  - evolution 6421
  - phylogeny 3100
  - techniques 10963
- *Phaseolus vulgaris* 1288
- *Pinus attenuata,* evolution 5814
- *Pinus caribaea* 8232
- *Pinus muricata,* evolution 5814
- *Pinus radiata,* evolution 5814
- *Pinus sylvestris,* evolution 4673
- *Pinus taeda,* quantitative traits 7020
- *Pistacia* 3416
  - phylogeny 10099
- *Poncirus trifoliata* 1522
- *Pseudotsuga menziesii* 1700-1701
- *Pyrus* 2344
- *Pyrus pyrifolia*
  - ethylene 11185
  - growth regulators 11185
  - ripening 11185
- *Quercus pubescens* 9130
- *Rhododendron,* variety classification 2611
- ribosomal DNA, reviews 10498
- *Saccharum officinarum* 12764
- *Saccharum spontaneum* 12764
- *Secale cereale* 1935
- *Silene latifolia*
  - pollen 1730
  - proline-rich proteins 1730
- *Solanum* 4257, 9895
  - mitochondrial genetics 12441
- *Solanum acaule* 5461
- *Solanum berthaultii,* glycoalkaloids 405
- *Solanum brevicaule,* taxonomy 3164
- *Solanum chacoense,* leptine 4307
- *Solanum circaeifolium, Phytophthora infestans* 4295
- *Solanum phureja* 7799
- *Solanum tuberosum* 4257, 5461
  - glycoalkaloids 405
  - mitochondrial genetics 12441
  - *Phytophthora infestans* 4295
  - quality 1333
  - *Synchytrium endobioticum* 6492
  - tobacco mosaic tobamovirus 6492
  - yields 1333
- *Sorghum bicolor* 3998, 10737
- *Theobroma cacao* 9080

Restriction fragment length polymorphism *cont.*
- *Tripsacum,* evolution 12104
- triticale, quality 6194
- *Triticum*
  - *Erysiphe graminis* 5032
  - proteins 7375
- *Triticum aestivum* 1935, 1941, 6085, 6152, 8551, 9438, 9445, 11842
  - *Erysiphe graminis* 6144
  - evolution 151
  - genetic drift 4966
  - *Gibberella zeae* 1016, 9523, 11905
  - glutathione transferase 960
  - growth period 6108
  - height 6108
  - natural selection 4966
  - peptidylprolyl isomerase 2828
  - protein disulfide isomerase 6086
  - *Puccinia recondita* 1985, 9530
  - quality 6120
  - quantitative traits 8571
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 2825
  - starch 6120
- *Triticum dicoccoides* 9438
  - *Erysiphe graminis* 5032
- *Triticum dicoccum, Erysiphe graminis* 5032
- *Triticum durum* 970, 9431
  - drought resistance 9512
  - quality 995, 5008
  - quantitative traits 5008
- *Triticum monococcum,* vernalization 986
- *Tuber* 7171
- *Zea,* evolution 12104
- *Zea mays* 2016, 6201
  - abscisic acid 1070
  - digestibility 212
  - drought resistance 10719
  - forage 212
  - gene mapping 12003
  - maize streak geminivirus 6227
  - *Puccinia sorghi* 6225
  - quantitative traits 6205
  - *Setosphaeria turcica* 7503, 8665
  - *Ustilago zeae* 6225
- *Zoysia* 7666

Retinoblastoma
- *Chenopodium rubrum,* nucleotide sequences 5228
- *Nicotiana tabacum,* gene expression 9101

Retroviridae
- *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 11801
- *Brassica campestris,* nucleotide sequences 11801
- *Lupinus texensis,* nucleotide sequences 11801
- *Nicotiana tabacum,* nucleotide sequences 11801
- *Phaseolus lunatus,* nucleotide sequences 11801
- *Pisum sativum,* nucleotide sequences 11801
- *Zea mays,* nucleotide sequences 11801

Reviews
- abscisic acid, gene expression 9249
- actin, gene expression 10569
- allergens
  - genetic transformation 10496
  - induced mutations 10496
- *Allium cepa,* genetic markers 12497
- aluminium 3690
- amplified fragment length polymorphism 2731
- angiosperms
  - DNA 1900
  - *in vitro* fertilization 7286
- apomixis, molecular genetics 7288
- *Arabidopsis thaliana*
  - aquaporin 10542
  - brassinosteroids 10534
  - chromosome morphology 4851
  - circadian rhythm 9355
  - cold resistance, gene expression 11775
  - flowers 9350
  - G proteins, gene expression 10535
  - nucleotide sequences 4851
  - proline 4906

Reviews *cont.*
- *Arabidopsis thaliana cont.*
  - stress 4906
  - trehalose 10543
- binding proteins, gene expression 4833
- *Capsicum annuum*
  - genetic transformation 12563
  - tissue culture 12563
- carotenoids
  - gene expression 11699
  - genetic transformation 11699
- cell division 7275-7276, 11783
  - gene expression 7277
  - molecular genetics 7277
- cellulose synthase, gene expression 11688
- chloroplast genetics 7215
- *Citrus*
  - genetic markers 10070
  - salinity 6747
- conifers, genetic transformation 10314
- crops
  - genetic engineering 90
  - genotype environment interaction 8438
  - molecular genetics 11703
  - quality, gene mapping 3709
- *Cucumis melo,* biotechnology 12588
- cytology, techniques 10570
- development, molecular genetics 13, 11807
- diseases
  - gene expression 7, 4822
  - gene mapping 11675
  - genetic transformation 9254, 11678
  - genetics 2722
  - molecular genetics 871, 2721, 11677-11678
  - natural selection 2722
- DNA 1895
- DNA repair 1896
- *Elaeis,* breeding 4536
- expansins, gene expression 4919
- fermentation 10574
- fluorescence *in situ* hybridization 1805
- forest trees, biotechnology 730
- *Fragaria ananassa, Otiorhynchus sulcatus,* genetic transformation 11208
- fructans, genetic transformation 11696
- fruit crops, genetic transformation 8904
- fungi, genetic transformation 11679
- gene expression 2730, 8446, 11693
- gene mapping 2734
- genetic engineering 5992
- genetic markers 11714
- genetic transformation 7211, 11695
- gibberellins, gene expression 876, 9259
- *Glycine,* genomes 8767
- grain legumes, habit 1256
- grasses, biotechnology 783
- growth regulators, gene expression 11805
- *in vitro* culture 6054
- lawns and turf, genetic markers 4722
- leaves, molecular genetics 11807
- lignin, genetic engineering 11709
- *Lupinus*
  - cytology 4151
  - genetic resources 9762
  - genetics 4151
  - interspecific hybridization 4151
- *Lupinus angustifolius,* genetic transformation 4151
- *Lycopersicon esculentum*
  - *Fulvia fulva* 11125
  - salinity 6568
- *Malus pumila, Venturia inaequalis* 12625
- *Manihot esculenta,* cassava African mosaic bigeminivirus 12481
- *Medicago sativa,* genetic markers 5250
- medicinal plants, biotechnology 814
- mitochondria, gene expression 7210
- mitochondrial genetics 2737
- molecular genetics 7215
- natural selection 2795
- nitrogen fixation, gene expression 4
- nut crops, reproduction 3370
- nutrients
  - genetic transformation 11666
  - genetics 11813
  - molecular genetics 11812
- nutritive value 11664

- **Reviews** *cont.*
  - oils, genetic transformation 11697
  - Orchidaceae, biotechnology 4755
  - ornamental plants
    - colour, genetic engineering 3587
    - flavonoids, genetic engineering 3587
    - flowers, genetic engineering 3587
    - genetic engineering 776
  - *Oryza sativa*
    - flooding 9708
    - genetic transformation 10813
    - *Magnaporthe grisea* 7629
    - male sterility 7573
    - photoperiodism 7573
  - *Pennisetum glaucum*
    - cytology 234
    - genetics 234
  - pests, gene expression 7
  - photosynthesis
    - gene expression 11804
    - molecular genetics 11689, 11806
  - plant composition
    - gene expression 11700
    - genetic transformation 11700
  - pollen 10574
  - pollination 7285
  - *Prunus,* plum pox potyvirus 4410, 12636
  - repetitive DNA 882
  - reproduction 82
  - ribosomal DNA
    - polymerase chain reaction 10498
    - restriction fragment length polymorphism 10498
  - RNA, mitochondrial genetics 8450
  - RNA polymerase, molecular genetics 11712
  - *Saccharum officinarum*
    - breeding 9059
    - genetic transformation 661
    - molecular genetics 9059
  - salicylic acid, gene expression 7
  - salinity, molecular genetics 869
  - *Secale cereale,* chromosome translocation 11841
  - *Sesamum indicum,* breeding 9054
  - *Solanum tuberosum,* breeding 8812
  - somaclonal variation 8522
  - starch, genetic transformation 11696
  - stress 5
    - genetic engineering 1809, 2720, 4819
    - genetic transformation 9250
    - molecular genetics 11806
  - sucrose-phosphate synthase, gene expression 9266
  - terpenoids, genetic engineering 9280
  - *Thymus vulgaris,* sexual reproduction 2677
  - tissue culture 10577
  - toxic substances 3690
  - transcription factors, gene expression 3707
  - transfer RNA, mitochondrial genetics 8449
  - transposable elements, molecular genetics 9284
  - *Trifolium ambiguum,* breeding 321
  - *Triticum aestivum*
    - chromosome translocation 11841
    - *Erysiphe graminis* 8589
  - vegetables, salinity 5951
  - viruses 11681
  - vitamin E
    - gene expression 11699
    - genetic transformation 11699
  - weeds, genetic transformation 11685
  - *Zea mays*
    - genetic transformation 6207
    - mycotoxins 6226
    - transposable elements 1064
- ***Rhagoletis mendax,*** *Vaccinium corymbosum* 4451
- ***Rheochloa scabiflora,*** taxonomy 12300
- ***Rheum***
  - anthocyanins 7880
  - leaves 7880
  - organic acids 7880
- ***Rhipidocladum,*** taxonomy 3648
- ***Rhizobium*** (*see also Bradyrhizobium;* Nitrogen fixation)
  - *Cicer arietinum* 5421, 6455
  - *Lotus japonicus,* induced mutations 1247
- ***Rhizobium*** *cont.*
  - *Medicago* 315
  - *Medicago sativa*
    - heritability 10905
    - inbreeding 10905
  - *Medicago truncatula,* molecular genetics 1235
  - *Pachyrhizus erosus* 2276
  - *Phaseolus vulgaris* 4206
  - *Pisum sativum*
    - genetics 1304
    - induced mutations 376
    - mutations 3113
  - *Trifolium repens,* genetic transformation 4142
  - *Vicia faba* 3095
- ***Rhizoctonia*** (*see also Corticium; Macrophomina; Thanatephorus*)
- ***Rhizoctonia cerealis,*** *Triticum aestivum* 1977, 7406
- ***Rhizoctonia solani***
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), germplasm releases 6910
  - *Cicer arietinum* 5292
  - *Festuca arundinacea* 4104, 12282, 12285
  - *Glycine max,* induced mutations 6404
  - *Lens culinaris* 5292
  - *Medicago sativa* 12311
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 3535
  - *Oryza sativa* 1205
    - genetic transformation 8718
    - genetics 7627
  - *Phaseolus vulgaris* 6384
  - *Tulipa* 12938
  - *Vigna unguiculata* 6384
  - *Zea mays* 3984
- ***Rhizophora mangle,*** flowers 1678
- **Rhizosphere**
  - *Aegilops* 11850
  - *Brassica napus* (rape) 8531
  - *Triticum* 11850
  - *Triticum aestivum* 8531
- ***Rhododendron***
  - chlorosis, gene mapping 9158
  - colour 7072
    - gene mapping 9158
  - cultivars 1713, 8274, 10339, 12899
    - Laura Joy 7043
    - Lenora 8275
    - Loreta 8275
    - Prof. Scholz 8275
  - flowers 7072
  - genetic resources 1711, 8270
  - genetic transformation 1715
  - leaves 12907
  - lipids 8283
  - phylogeny, nucleotide sequences 8284
  - *Stephanitis pyrioides* 4702, 8283
  - taxonomy 1710, 12907
  - variety classification, restriction fragment length polymorphism 2611
- ***Rhododendron eriocarpum,*** interspecific hybridization 1717, 7072
- ***Rhododendron ferrugineum,*** population genetics 12901
- ***Rhododendron japonicum,*** interspecific hybridization 1717
- ***Rhododendron kaempferi,*** interspecific hybridization 7072
- ***Rhododendron kiusianum,*** interspecific hybridization 1717
- ***Rhododendron loranthiflorum,*** cultivars, Sri Chinmoy 7042
- ***Rhododendron luteum,*** cultivars, Golden Comet 1714
- ***Rhododendron maximum***
  - colour 1721
  - transposable elements 1721
- ***Rhododendron obtusum,*** *Tsusiophyllum tanakae,* intergeneric hybridization 8280
- ***Rhododendron simsii,*** cultivars, Lumeha 4690
- ***Rhododendron uwaense,*** genetic resources 1710
- ***Rhoeo spathacea***
  - chromosome translocation 8360
  - mixoploidy 10429
- ***Rhopalosiphum maidis***
  - *Hordeum vulgare* 9575
- ***Rhopalosiphum maidis*** *cont.*
  - *Triticum aestivum* 11929
  - *Zea mays*
    - gene mapping 12144
    - genetics 12144
- ***Rhopalosiphum padi***
  - *Hordeum vulgare* 7451
  - *Triticum aestivum* 6141
- ***Rhus hirta***
  - flowers 778
  - sex 778
- ***Rhus pygmaea,*** taxonomy 9164
- ***Rhynchoryza subulata,*** genetic resources 12173
- ***Rhynchosporium orthosporum,*** *Lolium perenne* 1219
- ***Rhynchosporium secalis***
  - *Hordeum vulgare* 1045
    - stability 11954
- ***Ribes,*** phylogeny, chloroplast genetics 11200
- ***Ribes austroecuadorense,*** taxonomy 3299
- ***Ribes erectum,*** taxonomy 3299
- ***Ribes grossularia*** (*see Ribes uva-crispa*)
- ***Ribes nigrum***
  - black currant reversion associated virus 12665
  - breeding 548
  - *Cecidophyopsis ribis* 12665
  - cultivars
    - Elevesta 548
    - Fakir 548
    - Malen'kiĭ Prints 548
    - Tamerlan 548
  - interspecific hybridization 10037
    - techniques 5607
  - polyploidy 10037
  - proteins
    - gene expression 2362
    - nucleotide sequences 2362
  - ripening
    - gene expression 2362
    - nucleotide sequences 2362
  - variety trials 5606
- ***Ribes rubrum***
  - interspecific hybridization 10037
    - techniques 5607
  - polyploidy 10037
  - variety trials 5606
- ***Ribes uva-crispa***
  - interspecific hybridization 10037
    - techniques 5607
  - polyploidy 10037
  - random amplified polymorphic DNA 7974
  - repetitive DNA 7974
- **Ribonucleases**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 3759
  - *Cicer arietinum,* nucleotide sequences 6449
  - *Hordeum vulgare,* gene expression 6171
  - *Lycopersicon peruvianum*
    - gene expression 8880, 11102
    - genetic engineering 8880
    - genetic transformation 11102
  - *Malus pumila*
    - genetics 11178
    - nucleotide sequences 6636, 7937
    - variety classification 8915
  - *Nicotiana sylvestris*
    - gene expression 6931
    - nucleotide sequences 6931
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 6171
    - genetic transformation 8880
  - *Prunus avium*
    - genetics 6686
    - nucleotide sequences 7969, 12653
  - *Prunus dulcis*
    - evolution 2434
    - nucleotide sequences 2434, 12708
  - *Pyrus pyrifolia* 12629
    - nucleotide sequences 7937
  - Rosaceae, nucleotide sequences 4932
- **Ribonucleotide reductase**
  - *Glycine max,* nucleotide sequences 8765
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 2521
    - nucleotide sequences 2521
- **Ribosomal DNA**
  - *Aegilops,* phylogeny 6128

Ribosomal DNA *cont.*
- *Aegilops umbellulata,* gene expression 7342
- *Aesculus,* evolution 4661
- *Allium,* phylogeny 434, 6522
- *Arabidopsis suecica,* gene expression 2739
- *Arabidopsis thaliana,* gene expression 2739
- *Arachis,* evolution 6871
- *Aster,* phylogeny 7100
- *Bouteloua*
  - nucleotide sequences 2144
  - taxonomy 2144
- *Cantharellus cibarius,* phylogeny 5915
- *Eucalyptus,* nucleotide sequences 11465
- *Ginkgo biloba*
  - evolution 8267
  - nucleotide sequences 8267
- *Glycine,* nucleotide sequences 2170
- *Gossypium,* evolution 12837
- gymnosperms, nucleotide sequences 3585
- *Hamamelis,* phylogeny 2614
- *Helianthus annuus* 6846
- *Helianthus argophyllus* 6846
- *Hevea brasiliensis,* fluorescence *in situ* hybridization 1653
- *Hordeum,* phylogeny 3908
- *Ipomoea,* nucleotide sequences 12487
- *Lentinula,* phylogeny 852
- *Lilium,* phylogeny 9197
- *Lilium concolor,* phylogeny 4754
- *Lilium maculatum,* phylogeny 4754
- *Lilium pensylvanicum,* phylogeny 4754
- *Medicago*
  - nucleotide sequences 5253
  - phylogeny 4133
- *Nicotiana sylvestris,* nucleotide sequences 12802
- *Nicotiana tabacum,* nucleotide sequences 12802
- *Nicotiana tomentosiformis,* nucleotide sequences 12802
- nucleotide sequences 3719
- Orchidaceae, phylogeny 10405
- *Paeonia*
  - evolution 10363
  - gene mapping 10363
- *Paris,* gene mapping 12951
- *Pisum sativum,* nucleotide sequences 9831
- Poaceae, phylogeny 7650
- polymerase chain reaction, reviews 10498
- *Posidonia oceanica,* nucleotide sequences 3649
- *Pseudotsuga menziesii*
  - gene mapping 2606
  - polymerase chain reaction 2606
- Pteridophyta, nucleotide sequences 3585
- restriction fragment length polymorphism, reviews 10498
- *Solanum brevidens,* fluorescence *in situ* hybridization 1326
- *Solanum tuberosum*
  - fluorescence *in situ* hybridization 1326
  - gene expression 7798
  - nucleotide sequences 7798
- *Teucrium,* molecular genetics 4771
- Triticeae, nucleotide sequences 3795
- *Triticum,* phylogeny 6128
- *Triticum urartu,* gene expression 7342
- *Vigna unguiculata*
  - fluorescence *in situ* hybridization 2217
  - gene expression 2217
  - gene location 2217
- *Zea mays,* RNA editing 2019

Ribosomal proteins
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 3756
  - nucleotide sequences 3756
- *Zea mays*
  - gene expression 10695
  - nucleotide sequences 10695

Ribosomal RNA
- *Agrocybe,* nucleotide sequences 1789
- *Asarum* 1738
- *Asparagus,* taxonomy 7878
- *Asparagus officinalis,* taxonomy 7878

Ribosomal RNA *cont.*
- *Coprinus cinereus,* nucleotide sequences 11627
- *Gilia achilleifolia,* evolution 1740
- *Guillardia theta,* nucleotide sequences 5921
- *Hordeum marinum,* nucleotide sequences 1993
- *Hyoscyamus niger,* gene mapping 815
- *Miscanthus sinensis,* nucleotide sequences 2140
- molecular genetics, computer programming 5968
- *Musa acuminata,* gene mapping 5629
- *Musa balbisiana,* gene mapping 5629
- nucleotide sequences, computer programming 5969-5970
- *Palmaria palmata,* nucleotide sequences 5921
- *Papaver somniferum,* gene mapping 815
- *Pennisetum glaucum,* fluorescence *in situ* hybridization 5145
- *Pinus,* nucleotide sequences 7023
- *Porphyra,* nucleotide sequences 11637
- *Porphyra yezoensis,* nucleotide sequences 11638
- *Potamophila parviflora,* nucleotide sequences 285
- *Trifolium,* gene mapping 5257
- *Trifolium repens,* gene mapping 5257
- *Trigonella foenum-graecum,* fluorescence *in situ* hybridization 4153
- *Triticum aestivum,* molecular genetics 9432

Ribosome-inactivating protein
- *Oryza sativa,* genetic transformation 5096
- *Zea mays*
  - gene expression 5096
  - genetic engineering 5096

Ribosomes
- *Brassica napus* (rape), gene expression 5666
- *Brassica oleracea,* nucleotide sequences 11067
- *Gossypium hirsutum,* nucleotide sequences 11404
- *Pisum sativum*
  - gene expression 10980
  - nucleotide sequences 10980
- *Spinacia oleracea,* nucleotide sequences 7856
- *Zea mays,* gene expression 12030

Ribozymes
- *Zea mays*
  - gene expression 202
  - genetic transformation 202

Ribulose-bisphosphate carboxylase
- *Allium*
  - chloroplast genetics 9929
  - restriction fragment length polymorphism 9929
- *Allium cepa*
  - chloroplast genetics 9929
  - restriction fragment length polymorphism 9929
- *Allium fistulosum*
  - chloroplast genetics 9929
  - restriction fragment length polymorphism 9929
- angiosperms, nucleotide sequences 1909
- *Arabidopsis thaliana*
  - genetic engineering 12816
  - promoters 12816
- *Callitriche heterophylla,* nucleotide sequences 1744
- *Callitriche verna,* nucleotide sequences 1744
- *Datisca glomerata,* gene expression 10453
- *Drosera*
  - nucleotide sequences 1676
  - phylogeny 1676
- *Fagopyrum*
  - nucleotide sequences 1208
  - phylogeny 1208
- *Glycine max*
  - gene expression 694
  - genetic transformation 694
- *Glycyrrhiza,* nucleotide sequences 821

Ribulose-bisphosphate carboxylase *cont.*
- *Helianthus annuus*
  - gene expression 4576
  - genetic engineering 4576
- *Hordeum,* nucleotide sequences 3935
- *Ilex*
  - nucleotide sequences 1676
  - phylogeny 1676
- *Lycopersicon esculentum,* gene expression 8527
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 693-694, 4576, 8138, 8140, 8527, 9090, 9094
  - genetic engineering 12816
  - genetic transformation 4576, 8139-8140
  - induced mutations 8138, 8140
  - promoters 12816
- *Nothofagus*
  - nucleotide sequences 1676
  - phylogeny 1676
- nucleotide sequences, statistics 2796
- *Oenothera,* mutations 3602
- Orchidaceae, nucleotide sequences 5883
- *Oryza sativa* 10860
  - gene expression 273, 1198, 7591, 12177
  - gene mapping 7556
  - genetic transformation 7591
  - nucleotide sequences 273, 12177
- *Picea abies,* molecular genetics 9146
- Rubiaceae
  - nucleotide sequences 1676
  - phylogeny 1676
- *Spinacia oleracea* 7857
- Triticeae
  - evolution 4948
  - nucleotide sequences 4948
- *Triticum aestivum*
  - gene expression 2825
  - heterosis 7366
  - restriction fragment length polymorphism 2825
- *Zea mays*
  - artificial selection 9616
  - gene expression 9594, 12050

Ribulose-phosphate 3-epimerase
- *Oryza sativa*
  - gene expression 7592
  - nucleotide sequences 7592
- *Spinacia oleracea*
  - gene expression 1369
  - nucleotide sequences 1369

Rice grassy stunt tenuivirus
- *Oryza* 4076
- *Oryza sativa* 6298

Rice tungro bacilliform badnavirus
- *Oryza sativa* 4077
  - gene expression 9667
  - genetic transformation 9667
  - techniques 12255

Rice tungro spherical waikavirus
- *Oryza sativa* 4077
  - gene expression 5225
  - genetic transformation 5225

Rice tungro virus, *Oryza sativa* 10873

Rice yellow dwarf phytoplasma, *Oryza sativa* 12256

Rice yellow mottle sobemovirus
- *Oryza,* genetic transformation 12257
- *Oryza sativa*
  - epistasis 2125
  - gene mapping 2124-2125
  - restriction fragment length polymorphism 2124-2125

Ricin, *Ricinus communis,* artificial selection 8086

Ricinodendron heudelotii, genetic resources 12703

Ricinus communis
- agglutinins, artificial selection 8086
- artificial selection, yield components 11335
- heritability, yield components 11335
- nitrogen
  - gene expression 1871
  - nucleotide sequences 1871
- nutrients
  - gene expression 1871
  - nucleotide sequences 1871

Ricinus communis *cont.*
- permease
  - gene expression 12757
  - nucleotide sequences 6876
- ricin, artificial selection 8086
- variety classification
  - isoenzymes 12758
  - proteins 12758
  - seeds 12758
- variety trials 10175
- yield correlations 3475

Ripening
- *Actinidia deliciosa,* gene expression 12681
- *Cucumis melo,* gene expression 11158
- *Fragaria*
  - gene expression 2367
  - molecular genetics 2367
- *Fragaria ananassa*
  - gene expression 4453, 10043
  - nucleotide sequences 10043
- *Fragaria vesca*
  - gene expression 5615
  - nucleotide sequences 5615
- fruit crops
  - genetic engineering 1919
  - molecular genetics 1919, 10008
- *Lilium longiflorum* 4753
- *Lycopersicon esculentum* 2300
  - gene expression 478, 4348, 4351, 5527, 11103
  - gene mapping 8886
  - genetic transformation 478, 4347, 9962
  - genetics 8889
  - mutations 477, 1383, 2301, 9969, 12531
  - nucleotide sequences 11103
  - restriction fragment length polymorphism 8886
- *Lycopersicon pennellii*
  - gene mapping 8886
  - restriction fragment length polymorphism 8886
- *Malus pumila,* molecular genetics 6630
- *Musa* 2405, 3356
  - gene expression 2396
- *Passiflora edulis,* gene expression 6759
- *Pyrus pyrifolia*
  - gene expression 10024
  - nucleotide sequences 10024
  - restriction fragment length polymorphism 11185
- *Ribes nigrum*
  - gene expression 2362
  - nucleotide sequences 2362
- *Rubus idaeus*
  - gene expression 4449
  - nucleotide sequences 4449
- *Saccharum officinarum* 10191
- vegetables
  - genetic engineering 1919
  - molecular genetics 1919
- *Vitis vinifera*
  - gene expression 12675
  - nucleotide sequences 12675

RNA
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 11726
  - genetic transformation 11726
- *Asplenium nidus,* nucleotide sequences 2662
- *Avena,* molecular genetics 7454
- *Brassica oleracea* (cabbages) 2282
- *Brassica pekinensis* 2282
- *Capsicum annuum,* genetics 12570
- chloroplast genetics 9268
- gene expression 9268
- mitochondrial genetics, reviews 8450
- *Nicotiana rustica,* nucleotide sequences 2518
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 9089, 11726
  - genetic transformation 11726
- *Oryza rufipogon* 9665
  - nucleotide sequences 6261
- *Oryza sativa* 9665
  - *Oryza rufipogon* 6261
- *Pinus pinaster,* techniques 8234
- *Pinus sylvestris,* techniques 8234
- *Pisum sativum,* chloroplast genetics 8794

RNA *cont.*
- *Prunus persica,* gene mapping 6691
- *Triticum aestivum,* molecular genetics 7346
- *Zea mays*
  - polymerase chain reaction 2911
  - techniques 2911

RNA editing
- *Sorghum bicolor,* cytoplasmic male sterility 7511
- *Zea mays,* ribosomal DNA 2019

RNA helicase
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 16, 2748
  - nucleotide sequences 16, 2748
- *Oryza rufipogon,* nucleotide sequences 6261

RNA polymerase
- *Allium cepa,* ultrastructure 7840
- *Arabidopsis thaliana*
  - chloroplast genetics 14
  - gene expression 14, 4857-4858
  - genetic engineering 4857
  - genetic transformation 14, 4857
  - nucleotide sequences 4858
  - promoters 14
- *Brassica napus* (rape), gene expression 10104
- *Brassica oleracea,* gene expression 10104
- *Chenopodium album*
  - gene expression 4857
  - genetic engineering 4857
- chloroplast genetics 9267
- *Lycopersicon esculentum,* nucleotide sequences 3235
- molecular genetics, reviews 11712
- *Nicotiana tabacum*
  - chloroplast genetics 14, 9086
  - gene expression 1608, 3518, 5755
  - genetic engineering 14
  - genetic transformation 14, 5755
    - chloroplast genetics 10225
  - mutations, chloroplast genetics 10225
  - promoters 14, 3518
- nucleotide sequences 11793
- *Oryza rufipogon,* nucleotide sequences 6261
- *Phaseolus coccineus,* gene expression 10964
- *Pyrus pyrifolia,* nucleotide sequences 10022
- *Spinacia oleracea*
  - chloroplast genetics 14
  - genetic engineering 14
  - promoters 14
- *Triticum aestivum*
  - gene expression 1062, 9462
  - nucleotide sequences 1062
- *Zea mays*
  - chloroplast genetics 7473
  - gene expression 1062, 3518, 7473, 9595
  - nucleotide sequences 1062, 9595
  - promoters 3518

Robinia pseudoacacia
- cultivars, Unigold 7054
- interspecific hybridization 7054
- isoenzymes
  - polymorphism 1680
  - variety classification 1680
- random amplified polymorphic DNA 751
  - variety classification 1680
- tissue culture 4666

Robinia unifolia
- cultivars, Unigold 7054
- interspecific hybridization 7054

Roegneria ciliaris, Hordeum vulgare, intergeneric hybridization 7432

Root crops
- breeding 2263
  - conferences 2696
- genetic resources, conferences 2696

Rooting capacity
- *Arabidopsis thaliana* 1864
- *Azadirachta indica* 7008, 9209
- *Camellia sinensis* 5744
- *Dalbergia sissoo* 7008
- *Eucalyptus globulus,* genetics 10290
- *Gossypium hirsutum,* genotype environment interaction 8170

Rooting capacity *cont.*
- *Leucaena leucocephala* 10941
- *Malus pumila,* genetic transformation 7938
- *Poncirus trifoliata,* genetic transformation 12689
- *Quassia simarouba* 10308
- *Simmondsia chinensis* 1580

Roots
- *Acer rubrum* 11490
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 1881, 3754, 9321, 9404
  - genetic engineering 9404
  - genetic transformation 9404
  - molecular genetics 4891
  - mutations 1848, 2528, 6015
  - nucleotide sequences 1881, 3754
- *Beta vulgaris,* genetics 12779
- *Beta vulgaris* (sugarbeet), genetics 12779
- *Cucumis sativus*
  - gene expression 4386
  - nucleotide sequences 4386
- forest trees, restriction fragment length polymorphism 6989
- gene expression 8474
- *Hordeum vulgare*
  - gene location 163
  - induced mutations 163
- *Hyoscyamus niger*
  - gene expression 11584
  - genetic transformation 11584
- *Ipomoea* 11055
- *Lycopersicon esculentum*
  - gene expression 9404, 9979
  - genetic engineering 9404
  - genetic transformation 9404
- *Malus pumila*
  - gene expression 1428, 2333
  - genetic transformation 2333
  - nucleotide sequences 1428
- *Medicago sativa* 7679
  - artificial selection 6356
- *Medicago truncatula*
  - gene expression 312
  - nucleotide sequences 312
- *Musa* 9008
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 9404
  - genetic engineering 9404
  - genetic transformation 9404
  - mutations 2528
- *Oryza sativa* 2108, 4048, 5186
  - artificial selection 1197
  - genetics 2982
  - *in vitro* selection 1163
  - mutations 10828
- *Panax pseudoginseng,* artificial selection 4770
- *Panicum miliaceum* 12164
- *Pinus contorta*
  - gene expression 9404
  - genetic transformation 9404
- *Pisum sativum* 4219
  - gene expression 4218, 10987
  - genetic transformation 10987
  - nucleotide sequences 10987
- *Raphanus sativus* 11058
- *Solanum tuberosum,* artificial selection 7807
- *Sorghum bicolor* 1097
- *Taxodium distichum* 7041
- *Trifolium repens*
  - artificial selection 1243
  - genetics 5260
- *Triticum aestivum* 144
- *Zea mays*
  - gene expression 220, 9404, 10704
  - gene mapping 6273, 12048
  - genetic engineering 9404
  - heritability 12052
  - induced mutations 2033
  - microsatellites 12048
  - mutations 2036, 12048
  - nucleotide sequences 10704

Rootstocks
- *Carya illinoinensis* 6770
- *Citrus* 3364, 4477, 4483, 6747
  - polymorphism 2428
- *Cucurbita* 7921-7922
- fruit vegetables 6551

Rootstocks *cont.*
- *Juglans,* artificial selection 8031
- *Leucaena* 4155
- *Lycopersicon esculentum, Fusarium oxysporum* 11129
- *Malus hupehensis* 2335
- *Malus micromalus* 12619
- *Malus pumila* 4394, 4401, 6648, 11177, 12619
  - gene expression 7942
  - genetic transformation 7942
  - random amplified polymorphic DNA 1425
- *Mangifera indica* 572-573
- *Pistacia* 3411
- *Pistacia atlantica* 3410
- *Prunus avium* 7968
- *Prunus* (cherries) 7968
- *Prunus dulcis* 3377, 3383
  - ideotypes 3385
- *Prunus persica* 2360, 3377, 4443, 11196, 12662
- *Prunus* (plums) 4443, 8955
- *Pyrus communis,* artificial selection 8928
- *Rosa hybrida,* genetic transformation 781
- *Vitis* 558, 561, 1484, 2383, 3331, 3336, 12678
- *Vitis rotundifolia* 3333
- *Vitis rupestris* 3333
- *Vitis vinifera* 3325, 3330, 3333
  - random amplified polymorphic DNA 3323

Rorippa, phylogeny, chloroplast genetics 3793

Rosa
- *Agrobacterium tumefaciens* 10359
- breeding 6737
- chemotaxonomy 782
  - multivariate analysis 5847
- chromosome number 8195
- cultivars
  - AC De Montarville 8295
  - AC Marie-Victorin 8295
  - AC William Booth 8295
  - Cream Dream 4707
  - Eliza 4706
  - Emely 4704
  - Helsufair 7077
  - Hope for Humanity 4703
  - JACIaf 7078
  - JACpat 7079
  - Jumpin' Jack 7079
  - Karen Blixen 7080
  - Korgenoma 4704
  - Korhoco 4705
  - Korlis 4706
  - Koromtar 4707
  - Korruicil 4708
  - Korsulas 4709
  - Korvestavi 4710
  - Limona 4709
  - Meicofum 4711
  - Meiqualis 4712
  - Meitanet 4713
  - Moon Shadow 7078
  - Morden Snowbeauty 8296
  - Noare 4714
  - Noason 4715
  - Olijcrem 4716
  - Our Esther 4708
  - Poulari 7080
  - Red Ground Cover 4714
  - Sunny Sky 4710
  - Super Fairy 7077
  - Vital 4705
  - Wekamanda 7081
  - Yellow Ground Cover 4715
- domestication 6737
- morphology 6739
- phylogeny, nucleotide sequences 2617
- *Popillia japonica* 1725
- somatic embryogenesis 3596, 4718
- taxonomy, random amplified polymorphic DNA 8299
- tissue culture 8297

Rosa dumalis
- chromosome number 7083
- interspecific hybridization 7083
- random amplified polymorphic DNA 7083

Rosa hybrida
- *Agrobacterium rhizogenes,* genetic transformation 781
- chitinase, genetic transformation 4719
- development, tissue culture 2616
- *Diplocarpon rosae,* genetic transformation 4719
- quality 8298
- rootstocks, genetic transformation 781
- X radiation, tissue culture 2616

Rosa multiflora
- colour, genetics 7082
- flowers, genetics 7082
- spines, genetics 7082

Rosa rubiginosa
- chromosome number 7083
- interspecific hybridization 7083
- random amplified polymorphic DNA 7083

Rosa rugosa, tissue culture 4717

Rosaceae
- ribonucleases, nucleotide sequences 4932
- self incompatibility
  - gene expression 7292
  - genetic engineering 7292
  - nucleotide sequences 4932

Rosmarinus officinalis
- ecotypes 835
- essential oils 10452
- genetic resources 87
- male sterility, mitochondrial genetics 11615

Rotylenchulus reniformis
- *Gossypium* 12847
- *Gossypium barbadense* 12846
  - genetics 6972
  - heritability 6972
- *Gossypium hirsutum* 12846
  - genetics 6972
  - heritability 6972
- *Solanum melongena* 11149

Rubber
- *Hevea brasiliensis*
  - gene expression 11454
  - nucleotide sequences 11454

Rubber elongation factor
- *Hevea brasiliensis,* genetic engineering 11369
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 11369
  - genetic transformation 11369

Rubiaceae
- ribulose-bisphosphate carboxylase
  - nucleotide sequences 1676
  - phylogeny 1676

Rubus
- chromosome number 3296, 4448
- genetic markers 10036
- genetic resources 3297
- phylogeny 5605
  - molecular genetics 5604
- polyploidy 3296
- tissue culture 3297
- variety classification 8986

Rubus arcticus
- interspecific hybridization 3298
- quality 3298
- variety classification 5601
- variety trials 5601

***Rubus* (blackberries)**
- chromosome translocation 5602
- DNA hybridization 5602
- interspecific hybridization 5602
- polyploidy 5602
- precocity 5602

Rubus chamaemorus
- germination 3294
- latitude 3294
- seedlings 3294

Rubus fruticosus
- chromosome translocation 2361
- fluorescence *in situ* hybridization 2361
- interspecific hybridization 2361

Rubus idaeus
- anthocyanins 7973
- ascorbic acid 7973
- chromosome translocation 2361
- cold resistance, *in vitro* selection 1476
- colour 7973
- DNA fingerprinting 11199
- fluorescence *in situ* hybridization 2361

Rubus idaeus *cont.*
- forchlorfenuron 547
- fruits 546
- genetic markers 1474
- interspecific hybridization 2361
- plant hairs 1475
- raspberry bushy dwarf idaeovirus, genetics 12664
- recombination
  - amplified fragment length polymorphism 3295
  - random amplified polymorphic DNA 3295
- repetitive DNA 1474
- ripening
  - gene expression 4449
  - nucleotide sequences 4449
- seeds 546
- spines 1475
- tissue culture 547
- variety trials 6697-6698

Rubus nessensis, DNA fingerprinting 545

***Rubus* (raspberries)**
- chromosome translocation 5602
- DNA hybridization 5602
- interspecific hybridization 5602
- polyploidy 5602
- precocity 5602

Rubus spectabilis
- colour, natural selection 5603
- seeds, natural selection 5603

Rubus stellatus
- interspecific hybridization 3298
- quality 3298

Ruta graveolens, acridone synthase, nucleotide sequences 12948

Saccharum
- amplified fragment length polymorphism 6894
- *Antitrogus consanguineus,* genetic transformation 8107
- breeding, conferences 856
- chromosome number 9060
- chromosomes 5728
- cold resistance 6903
- competitive ability, mathematics 8104
- *Diatraea saccharalis,* germplasm releases 4561
- drought resistance 6903
- flowering 8103
- fluorescence *in situ* hybridization 5727
- gene mapping 5728
- genetic resources 6891
- *Glomerella tucumanensis,* genetics 9063
- glufosinate
  - gene expression 9064
  - genetic transformation 9064
- green fluorescent protein, genetic transformation 1588
- height, germplasm releases 6899
- herbicides
  - gene expression 9064
  - genetic transformation 9064
- hybrid varieties 8103
- leaves, germplasm releases 6899
- lectins, genetic transformation 8107
- phylogeny 10186
  - random amplified polymorphic DNA 6893
- proteinase inhibitors, genetic transformation 8107
- quality 9061
- quantitative traits 10186
- random amplified polymorphic DNA 10186
- taxonomy 4551
- variety trials 6892
- yield components 9061

Saccharum arundinacearum
- phylogeny
  - fluorescence *in situ* hybridization 1590
  - repetitive DNA 1590

Saccharum bengalense, mycorrhizas 6896

Saccharum officinarum
- anthocyanins 671
- artificial selection 3484, 8100
- biotechnology 2803, 4549
- breeding 654, 656, 5725, 6890
  - mathematics 3483
  - reviews 9059

***Saccharum officinarum** cont.*
- caffeate *O*-methyltransferase
  - gene expression 11343
  - nucleotide sequences 11343
- *Chilo infuscatellus* 1595, 11346, 12772
- chlorogenic acid 2485
- chromosome morphology
  - fluorescence *in situ* hybridization 10189
  - techniques 10189
- cinnamoyl-CoA reductase
  - gene expression 11343
  - nucleotide sequences 11343
- cinnamyl-alcohol dehydrogenase
  - gene expression 11343
  - nucleotide sequences 11343
- cold resistance 671, 1586
- competitive ability 669
- cultivars
  - 83R23 1587
  - CoS92263 4548
  - CoS94270 660
  - M96/82 11342
  - N12 3485
  - Nira 10188
  - R573 11342
  - ROC24 659
  - SPF234 657
- development 6895, 10191
  - germplasm releases 6898
- economics 3482
- *Eldana saccharin* 2485
- fibre, techniques 5732
- flavonoids 2485
- gamma radiation 11345
- gene expression 3487-3488
- gene mapping 8102
- genetic resources 8101
- genetic transformation 3486, 3488
  - reviews 661
- *Glomerella tucumanensis* 1592-1593, 12770
  - stability 12769
  - techniques 1591, 12768
- glufosinate, genetic transformation 2486, 3491
- growth period 10191
- herbicides, genetic transformation 2486
- ideotypes 663
- internodes, mutations 5730
- isoenzymes
  - genetic variation 11344
  - polymorphism 11344
- leaves 6895
- moisture content 4554
- molecular genetics, reviews 9059
- mutagens 11345
- mycorrhizas 6896
- nitrogen 6901
- nucleotide sequences 3487, 4550
- nutrients 6901, 12767
- oxidative stress, genetic transformation 8105
- *Pachymetra chaunorhiza* 672
- peroxidases, genetic variation 5729
- phosphorus 12767
- photosynthesis 662
  - heritability 6897
- physiology 12767
- promoters 3488
- *Puccinia melanocephala* 1594
  - genetic markers 3490
- *Pyrilla perpusilla* 8106, 11347
- quality 668
  - genotype environment interaction 12766
  - techniques 667
- quantitative traits, multivariate analysis 665
- ratooning 10190
- regenerative ability, induced mutations 11345
- repetitive DNA 4550
- restriction fragment length polymorphism 12764
- ripening 10191
- *Scirpophaga excerptalis* 4554
- *Sorghum bicolor*, intergeneric hybridization 12153
- sorghum mosaic potyvirus
  - gene expression 6904

***Saccharum officinarum** cont.*
- sorghum mosaic potyvirus *cont.*
  - genetic transformation 6904
- stability 9062
  - artificial selection 6902
- sucrose 1589
- sucrose-phosphate synthase 1589
- sugarcane mosaic potyvirus, genetic transformation 673
- *Ustilago scitaminea* 4552-4553, 12771
- variegation, mutations 5730
- variety trials 657, 668, 1586, 2484, 4547, 5726, 11341
  - statistics 658
- waterlogging 670
- yield components
  - artificial selection 655, 3489
  - genotype environment interaction 10192
  - heritability 666, 6900, 8113
  - somaclonal variation 8113
- yield correlations 664, 5731, 12765
- yields 1585
  - genotype environment interaction 12766

Saccharum robustum, gene mapping 8102

Saccharum spontaneum
- genetic resources 10187
- mycorrhizas 6896
- restriction fragment length polymorphism 12764

Sagittaria trifolia
- genetic resources 6511
- quality 6511

Saintpaulia ionantha, flavonoids, mutations 1737

Salicylic acid
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 68, 2784, 4908, 9377
  - genetic transformation 2784
  - promoters 2784
- gene expression, reviews 7
- molecular genetics 9257

Salicylic acid hydroxylase
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 704
  - genetic transformation 704

Salinity
- *Aegilops* 3805, 3878
- *Albizia lebbeck* 756
- *Arabidopsis thaliana* 2780
  - gene expression 4904, 6041, 7194
  - genetic transformation 7194, 8500, 11773
  - molecular genetics 2779, 3760
  - mutations 11776
- *Atriplex canescens* 1210
- *Atriplex halimus* 7638
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 11352
  - gene expression 5740
  - genetic transformation 5740
- *Brassica carinata*
  - *in vitro* selection 10145
  - somaclonal variation 10145
- *Brassica juncea* 10144
  - gene expression 5685
- *Brassica napus* (rape) 10144
- *Bruguiera sexangula*, gene expression 10312
- *Cicer arietinum*, artificial selection 5425
- *Citrus*, reviews 6747
- *Cucumis melo* 6601, 12594
  - genetic transformation 4820
- *Cynara cardunculus* 5512
- *Cynodon dactylon* 4114
- *Eleusine coracana*, gene expression 6078
- *Elymus elongatus*
  - chromosome substitution 11884
  - gene location 11884
- *Eucalyptus camaldulensis* 1665
- genetic engineering 3691
- genetic transformation 11674
- *Glycine soja*, random amplified polymorphic DNA 5326
- *Gossypium* 2548
- *Gossypium hirsutum* 3551, 11424
  - genetic transformation 11426
- *Haynaldoticum sardoum* 5020, 10638
- *Helianthus annuus* 9046
- *Hordeum* 3805
- *Hordeum spontaneum* 9564

Salinity *cont.*
- *Hordeum vulgare* 1928, 6176, 8615
  - gene expression 8604, 8616
  - ultrastructure 9572
- *Lens culinaris*, genetics 9857
- *Lolium multiflorum* 6326
- *Lycopersicon* 6570
- *Lycopersicon cheesmanii* 6567
- *Lycopersicon esculentum* 484, 1388, 3243, 6567, 12536
  - artificial selection 6571
  - cell culture 6569
  - gene expression 1380, 6569, 9979
  - gene mapping 2302, 12535
  - restriction fragment length polymorphism 2302, 12535
  - reviews 6568
  - somaclonal variation 11120
- *Lycopersicon pennellii* 484, 1388, 3243
- *Lycopersicon pimpinellifolium*
  - gene mapping 2302, 12535
  - restriction fragment length polymorphism 2302, 12535
- *Mangifera indica* 572, 12699
- *Mangifera zeylanica* 12699
- *Medicago sativa*
  - gene expression 2146, 3053, 9753
  - genetic transformation 9753
  - nucleotide sequences 2146
  - promoters 3053
- molecular genetics, reviews 869
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 5685, 7194
  - genetic transformation 4820, 6940, 7194
- *Opuntia ficus-indica* 8029
- *Oryza sativa* 1194, 1196, 1199, 1202, 4068, 7616, 9707
  - artificial selection 1193
  - gene expression 3015, 4063-4064, 4071, 6078
  - genetic transformation 3015
  - genetics 6295
  - heritability 7611
  - *in vitro* selection 7618, 9709
  - nucleotide sequences 4071
  - somaclonal variation 9704
- *Pennisetum glaucum*, artificial selection 9653
- *Picea abies* 11506
- *Setaria italica*, gene expression 5144
- *Simmondsia chinensis* 1583-1584
- *Solanum tuberosum* 11035
  - gene expression 11036
  - genetic transformation 11036
  - *in vitro* selection 410, 7813-7814, 11034
  - random amplified polymorphic DNA 11034
- *Sorghum bicolor*
  - artificial selection 2947
  - heterosis 2946
- *Spartina anglica*, molecular genetics 5248
- *Taxodium distichum* 7041
- *Trigonella foenum-graecum* 10444
- triticale 1928
  - *in vitro* selection 7465
- *Triticum* 3878
- *Triticum aestivum* 1013, 1928, 3872, 7393-7394, 7398
  - chromosome addition 1975
  - chromosome substitution 11884
  - combining ability 3875
  - gene expression 7397, 9515
  - gene location 1975, 11884
  - nucleotide sequences 9515
  - random amplified polymorphic DNA 5022
  - somaclonal variation 3876
- *Triticum durum* 1928
- vegetables, reviews 5951
- *Vitis vinifera*, *in vitro* selection 7991
- *Zea mays*, heritability 12110

Salix
- amplified fragment length polymorphism 9137
- biomass 7000
- crop density 1672
- DNA 1670
- genotype mixtures 1672

Salix *cont.*
  interspecific hybridization 12877
  Melampsora 10299
  reproduction 12877
  taxonomy 7002-7003, 10299
Salix alba
  interspecific hybridization 2579, 4651, 8208
  isoenzymes 4651
    genetics 2579
    polymorphism 2579, 8208
Salix eriocephala
  biomass 4652
  insects 2582
  interspecific hybridization 2581-2582
  isoenzymes, heterozygosity 4652
  Melampsora 2581
Salix exigua, isoenzymes, linkage 2580
Salix fragilis
  interspecific hybridization 2579, 4651, 8208
  isoenzymes 4651
    genetics 2579
    polymorphism 2579, 8208
Salix gilgiana
  DNA replication
    gene expression 11477
    nucleotide sequences 11477
  heat shock proteins, gene expression 11477
Salix gonggashanica, taxonomy 8209
Salix jiangsuensis, wood properties 4653
Salix sericea
  insects 2582
  interspecific hybridization 2581-2582
  Melampsora 2581
Salix viminalis
  quantitative traits, genetic variance 7001
  yields, artificial selection 1671
Salpiglossis sinuata, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 8137
Salt tolerance (*see* Salinity)
Salvia
  leaves 11610
  plant hairs 11610
Salvia fruticosa
  essential oils 8382
  random amplified polymorphic DNA 8382
  somatic embryogenesis 4781
Salvia officinalis, somatic embryogenesis 4781
Salvia pratensis, pollination 941
Salvia thermara, taxonomy 11621
Sambucus nigra
  abscission, gene expression 10063
  binding proteins, nucleotide sequences 6738
  ethylene, gene expression 10063
Santalum album
  breeding 831-832
  genetic resources 830
  glycoproteins
    gene expression 837, 3646
    nucleotide sequences 3646
  interspecific hybridization 833
  isoenzymes, genetic variation 841
  reproduction 834
  seed testing 839
  seeds 840
  somatic embryogenesis 844
  tissue culture 10286
  wide hybridization 833
Santalum austrocaledonicum, genetic resources 829
Santalum spicatum
  interspecific hybridization 833
  wide hybridization 833
Santalum yasi, genetic resources 829
Saponins
  Bacopa monnieri 11580
  Medicago 12310
  Medicago sativa 1233
Sargentodoxa cuneata, random amplified polymorphic DNA 8307
Sarracenia
  anthocyanins, genetics 4759
  taxonomy 5890
Sasa kurilensis, flowering 5913
Satellite DNA, *Beta vulgaris* (sugarbeet) 1597
Satureja douglasii
  monoterpenoids 827
  phytochrome 827
Satureja hortensis, essential oils 5910
Satureja montana, essential oils 5910
Satureja nabateorum, taxonomy 4782
Saxifraga
  diterpenoids, chemotaxonomy 5861
  gynoecium, evolution 12923
  nomenclature 8352
  phylogeny, chloroplast genetics 12923
  taxonomy 9184
Saxifraga cernua
  genetic variation 3599
  random amplified polymorphic DNA 3599
Scabiosa columbaria, pollination 941
Scaevola aemula, tissue culture 7097
Scaffold attachment regions, *Nicotiana tabacum,* nucleotide sequences 8130
Scheelea lauromuelleriana, chromosome morphology 10343
Schickendantzia, taxonomy 11559
Schizachyrium scoparium, random amplified polymorphic DNA 3039
Schizaphis graminum
  Aegilops speltoides, gene mapping 3880
  Hordeum vulgare 7451
  Sorghum bicolor, techniques 12161
  Triticum aestivum 3893
    chromosome translocation 7420
    gene mapping 3880
    genetics 7421
  Triticum durum, genetics 2868
Scilla
  anatomy 11558
  taxonomy 11558
Scilla beirana, taxonomy 3615
Scilla sinensis, chromosome morphology 4747
Scirpophaga excerptalis, *Saccharum officinarum* 4554
Scirpophaga incertulas
  Oryza sativa 4079
    genetic transformation 3024, 6299
Scirtothrips dorsali, *Arachis hypogaea,* induced mutations 3474
Scirtothrips dorsalis, *Capsicum annuum* 9991
Sclerospora (*see also Peronosclerospora)*
Sclerospora graminicola
  Pennisetum glaucum 2064, 3806, 8679, 12169
    genetics 12170
Sclerotinia, *Helianthus annuus* 11293
Sclerotinia sclerotiorum
  Brassica napus (rape) 6832, 12725, 12730
    pollen germination 5686
  Cicer arietinum 5292
  Cucumis sativus 1416
  Glycine max 6405, 12355
    genetics 5328
    heritability 5328
  Helianthus 11295
  Helianthus annuus 4533, 8068, 11295
    germplasm releases 6861
  Helianthus argophyllus 8068
  Helianthus tuberosus 8068
  Lens culinaris 5292
  Phaseolus vulgaris 7748
    germplasm releases 4213
Sclerotinia trifoliorum
  Medicago sativa 320
    artificial selection 10906
    techniques 2149
  Trifolium pratense, artificial selection 4143
Sclerotium (*see also Macrophomina; Magnaporthe)*
Scopolamine, *Hyoscyamus muticus,* genetic transformation 11593
Scrophulariaceae
  self incompatibility
    gene expression 7292
    genetic engineering 7292
Scytalidium lignicola, *Opuntia ficus-indica* 2432
Seasonal growth, *Quercus* 741
Secale, taxonomy 2009
Secale cereale
  Aegilops kotschyi, intergeneric hybridization 9413
  Aegilops tauschii, intergeneric hybridization 8537
  Aegilops variabilis, intergeneric hybridization 9413
  aluminium
    artificial selection 6079
    gene mapping 2010
    random amplified polymorphic DNA 2010
  amylases 6103
  amylose, techniques 1927
  aneuploidy 7461
  anther culture 2900
  chromatin 10586
  chromosome addition 1942, 1982
  chromosome banding 7462
  chromosome pairing
    genetics 7457
    mutations 7457
  chromosome substitution 1942, 4942
  chromosome translocation, reviews 11841
  chromosome transmission 7461
  chromosomes 10586
  cold resistance, artificial selection 6189
  crop density 5085
  cultivars
    Olhomil 7455
    Wrens-96 6188
  DNA hybridization 2809
  drought resistance
    chromosome translocation 3804
    gene location 3804
  fluorescence *in situ* hybridization 1942, 7462, 9410
  forage 181
  fungi 11974
  gene expression 2899
  gene mapping 1935, 2897, 5084, 9410
  genetic markers 1054, 4940
  genomes 8537
  growth period, genetics 4946
  height
    gene mapping 9411
    genetics 2008
    genotype environment interaction 2008
  Heterodera avenae, gene mapping 1055
  histones 10586
  Hordeum chilense, intergeneric hybridization 8537
  hybrid varieties 2007, 2896
  interspecific hybridization 6189
  isoenzymes
    genetic markers 7459
    genetic variation 3947
    genetics 6189
    linkage 7459
  leaves, mutations 9582
  linkage 5084
  Monographella nivalis, techniques 10684
  necroses, mutations 9582
  nuclei 2899
  nucleolus organizer 4943
  nutrients, techniques 956
  pollen germination 11973
  polymerase chain reaction 1054, 4938, 7456
  Puccinia, artificial selection 6189
  quality, genotype environment interaction 182
  quantitative traits
    dominance 8625
    gene mapping 8625
  random amplified polymorphic DNA 3794, 4938
  repetitive DNA 2809, 9581
  restriction fragment length polymorphism 1935
  secalins, nucleotide sequences 2898
  seeds, storage 180
  self compatibility
    linkage 7459
    mutations 7459
  self incompatibility
    genetics 7458-7459
    mutations 7458
  somatic embryogenesis 8537

Secale cereale *cont.*
- spring and winter habit
  - chromosome substitution 4945
  - genetics 4945
- starch 3803
- toxic substances, artificial selection 6079
- transposable elements, gene location 2873
- *Triticum aestivum*
  - barley yellow dwarf luteovirus 3809
  - chromosome substitution 7460
  - intergeneric hybridization 127, 1935, 1982, 3809, 4938, 4940, 4943, 4945-4946, 6103, 7354, 7410, 7420, 7460-7462, 8572, 9454, 9584, 10649, 11839, 11846, 11873
  - yield components, aneuploidy 9584
- *Triticum durum*, intergeneric hybridization 4942
- variety classification, polymerase chain reaction 1054
- variety trials 2896, 10683
- vernalization
  - gene mapping 9411
  - genetics 4946
- yields 11974
  - genetics 2008
  - genotype environment interaction 2008

Secale derzhavinii, isoenzymes, genetics 6189

Secale montanum
- cold resistance, artificial selection 6189
- genetic markers 1054
- interspecific hybridization 6189
- isoenzymes, genetics 6189
- pollen germination 11973
- polymerase chain reaction 1054
- *Puccinia*
  - artificial selection 6189
  - genetic markers 11975
- *Tilletia*, genetic markers 11975

Secalins
- cereals, genetics 9416
- *Secale cereale*, nucleotide sequences 2898
- *Triticum aestivum*
  - chromosome substitution 8572
  - chromosome translocation 8572
  - gene expression 4960
  - genetic transformation 4960

Sedoheptulose-bisphosphatase
- genetic transformation 8529
- molecular genetics 8529

Seed aging
- *Brassica napus* (rape) 2458
- *Dasypyrum villosum* 2841
- *Pisum sativum* 372
- *Triticum durum* 2841
- *Tsuga mertensiana* 9150
- *Vigna unguiculata* 1316

Seed dispersal, *Pinus ponderosa* 759

Seed production 11663

(*see also* Hybrid seed production)
- *Agrostis* 12288
- *Amaranthus* 6307
- *Amphicarpaea edgeworthii* 5451
- *Arabidopsis thaliana*, mutations 4881
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 2494, 10204
- *Brachystegia* 8218
- *Brassica campestris* (turnip rape) 12716
- *Brassica* (Chinese cabbages) 9946
- *Citrus unshiu* 10075
- *Cunninghamia lanceolata* 1702
- *Eucalyptus* 10287
- *Festuca pratensis* 8744
- forest trees 10280
- *Gossypium* 2540
- *Gossypium hirsutum* 2554
- *Hordeum vulgare*, heritability 5065
- *Leucaena leucocephala* 8218
- *Liriodendron chinense* 2584
- *Lupinus albus* 12323, 12325
- *Milletia stuhlmannii* 8218
- *Oryza sativa* 4016
- *Pennisetum glaucum* 1105
- *Phaseolus vulgaris* 1291, 7740
- *Pinus taeda* 762
- Poaceae 12989
- *Primula vulgaris*
  - artificial selection 4733
  - heritability 4733
- *Solanum tuberosum* 1330
- *Trifolium nigrescens* 12319
- *Trifolium repens* 12319
- *Triticum aestivum*, polyploidy 9461
- *Zea mays* 11663

Seed testing
- *Lolium perenne* 10888
- *Lycopersicon esculentum* 8884
- *Pistacia khinjuk* 6773
- *Santalum album* 839
- *Sorghum bicolor* 10751
- *Zea mays* 2038

Seed treatment
- *Pennisetum glaucum* 3799
- *Sorghum bicolor* 3799
- *Triticum aestivum* 981

Seedlessness
- *Citrus*, induced mutations 8011
- *Lycopersicon esculentum*, genetics 476
- *Vitis vinifera* 6711, 9000
  - genetic markers 1488
  - genetics 2377
  - random amplified polymorphic DNA 1488

Seedlings
- *Arabidopsis thaliana*, gene expression 58, 9353
- *Brassica campestris* (turnips) 9911
- *Brassica juncea*, induced mutations 5674
- *Cicer arietinum*, genotype environment interaction 4227
- *Citrus limonia*, random amplified polymorphic DNA 2416
- *Gossypium hirsutum* 10249
- *Oryza sativa* 1200
- *Panicum virgatum*, artificial selection 10766
- *Rubus chamaemorus* 3294
- *Triticum aestivum*
  - chromosome substitution 4980
  - gene location 4980
- *Vaccinium vitis-idaea* 3294

Seeds
- *Abies amabilis* 7030
- *Agastache rugosa* 10451
- *Amphicarpaea edgeworthii* 5452
- *Anacardium occidentale* 3414
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 47, 1850, 2772, 4893, 9354, 10539
  - molecular genetics 4889
  - mutations 906, 1849, 9339
  - nucleotide sequences 47, 4889, 9354
- *Arachis hypogaea* 3470, 9049
  - genetic variance 5710
  - genetics 3467, 5711, 6869
- *Avena*
  - gene expression 7454
  - nucleotide sequences 7454
- *Avena fatua*, genetics 2892
- *Avena sativa*
  - artificial selection 6186
  - gene expression 178
  - heritability 6186
- *Beta vulgaris* (sugarbeet)
  - genetic variance 677
  - heritability 677
- *Brassica* 4514
- *Brassica campestris* 9035
- *Brassica campestris* (turnip rape) 10119
- *Brassica carinata* 4515
  - induced mutations 6824
- *Brassica juncea* 611
  - combining ability 10126
  - gene mapping 619
  - genetic variance 10126
- *Brassica napus* (rape) 589, 4514-4515, 9035
  - genetic transformation 609
  - genetics 6804-6805, 8046
  - genomes 612
  - mitochondrial genetics 10121
  - storage 2458
- *Brassica pekinensis*, random amplified polymorphic DNA 9939
- *Brassica tournefortii* 4515
- *Capsicum annuum*
  - gene expression 11152

Seeds *cont.*
- *Capsicum annuum cont.*
  - storage 6590
  - variety classification 12573
- *Capsicum frutescens*, variety classification 12573
- *Carissa carandas* 1537
- *Cicer* 1311
- *Cicer arietinum* 5414, 10998
  - stability 5416
- *Coffea arabica*
  - gene expression 10209
  - nucleotide sequences 10209
- *Corchorus capsularis*
  - genetics 3555
  - mutations 3555
- *Corchorus olitorius*
  - genetics 3555
  - mutations 3555
- crops, storage 2801, 3681
- *Cucumis melo*, polymorphism 1404
- *Cupressus sempervirens* 2607, 10331
- *Cyclamen persicum* 9190
- *Dalbergia sissoo* 11486
- *Dasypyrum villosum*, storage 2841
- *Daucus carota*
  - gene expression 3178
  - nucleotide sequences 3178
- desert plants, storage 7311
- dicotyledons, evolution 84
- *Eleusine coracana*, genetics 10782
- *Elymus caninus* 4109
- *Elymus elongatus*, chromosome substitution 4976
- *Elymus trachycaulus* 4110
- evolution 2797, 4927
- fodder legumes, storage 6310
- gene expression 4927
- genetics 10
- *Glycine*, artificial selection 9797
- *Glycine max* 350, 5317, 6397, 8772
  - gene expression 12348
  - genetics 2172-2173
  - genotype environment interaction 354, 3077
  - linkage 2171
  - mutations 2171
  - storage 350
- *Glycine soja* 2174, 5318, 6397
  - genetics 3085
- *Gossypium*
  - genetics 11413
  - polymorphism 2544
- *Gossypium barbadense* 712
- *Gossypium hirsutum* 5787, 5789, 6966
  - dominance 8178
  - gene expression 1639
  - genetic variance 4606
  - heritability 8178
  - mutations 1639
- grain legumes 5284
- *Guizotia abyssinica* 5722
- *Helianthus annuus* 11284
- *Hordeum* 2878
- *Hordeum spontaneum*, storage 9564
- *Hordeum vulgare*
  - gene expression 160, 162, 1991, 5068
  - genetic markers 162
  - genetic transformation 5068
  - genetics 6167
  - genotype environment interaction 7441
  - nucleotide sequences 1991
- *Lactuca sativa* 4340
- *Lens culinaris* 5284, 5289, 6446
- *Lotus*, heritability 12338
- *Lotus uliginosus*, heritability 12338
- *Lupinus albus* 5284
- *Lupinus angustifolius* 5289
- *Lupinus atlanticus*, genetics 10924
- *Lupinus cosentinii*, genetics 10924
- mathematics 10
- *Medicago* 2147
- *Medicago sativa* 313
  - genetic distance 6352
  - inbreeding 7673
- monocotyledons, evolution 84
- *Nicotiana tabacum* 4583, 11377
  - gene expression 348, 10209
  - genetic transformation 10209
- *Opuntia spinosissima* 1536

Seeds *cont.*
- *Oryza,* archaeology 268
- *Oryza sativa* 267, 1182, 2987, 7588, 9683, 10855-10856, 12220
  - gene expression 1127, 2105
  - genetic variance 2103
  - genetics 2979, 6288
  - genotype environment interaction 2103, 7590
  - heritability 2103
  - multivariate analysis 9685
  - quantitative traits 1159
  - storage 10853, 12205
- *Panax pseudoginseng,* storage 3637
- *Paulownia* 5808
- *Petunia* 5863
- *Phaseolus lunatus* 6421
  - storage 6382
- *Phaseolus vulgaris* 361, 1289, 6420, 8784
  - artificial selection 2196, 5354
  - gene expression 5351
  - genetics 5352, 7742
  - heritability 1290
  - storage 6382
- *Picea abies,* storage 766
- *Picea glauca* 1697
- *Pistacia vera* 3412, 3415
- *Pisum sativum* 1301, 4220, 12404
  - gene expression 9833
  - heritability 5380
  - induced mutations 5375
  - maternal effects 5380
  - mathematics 9836
  - storage 372
- Poaceae, phylogeny 7298
- *Prunus armeniaca,* multivariate analysis 10028
- *Pseudotsuga menziesii*
  - gene expression 2605
  - nucleotide sequences 2605
- *Pyrus communis* 8927
- *Quercus rubra,* heritability 11467
- *Ricinus communis,* variety classification 12758
- *Rubus idaeus* 546
- *Rubus spectabilis,* natural selection 5603
- *Santalum album* 840
- *Secale cereale,* storage 180
- *Setaria* 7520
- *Setaria italica* 7520
- *Silene* 11536
- *Solanum,* variety classification 12556
- *Solanum melongena,* variety classification 12556
- *Sorghum bicolor* 8669, 10753
  - germplasm releases 10761
  - storage 7323, 8674
- storage 1800-1801, 9237
- *Triticum aestivum* 3864, 5011, 6104, 11899
  - chromosome substitution 4976
  - gene expression 11837, 11881
  - genetic transformation 11837
  - genetics 3845, 11854
  - heterosis 7368
  - induced mutations 7359, 7362
  - nucleocytoplasmic interaction 2839
  - techniques 7359
- *Triticum dicoccum* 3848
- *Triticum durum* 1959, 3852
  - gene dosage 985
  - storage 2841
- *Vicia* 1244
- *Vicia faba* 4203, 5289, 5344
  - genetics 356
- *Vicia sativa,* genetic variation 10912
- *Vigna angularis,* storage 6382
- *Vigna radiata* 395
  - gene expression 9879
  - genetics 3138
  - induced mutations 4236
  - nucleotide sequences 9879
  - storage 6382
- *Vigna subterranea,* genetic variation 391
- *Vigna umbellata,* storage 6382
- *Vigna unguiculata*
  - genetics 8806
  - storage 1316, 6382
- *Viola* 12918
- *Zea mays* 6213, 6218

Seeds *cont.*
- *Zea mays cont.*
  - combining ability 9613
  - gene expression 6224
  - genetic variance 12082
  - genetics 12069
  - maternal effects 12082
  - mutations 2039, 2924
  - natural selection 2039
  - storage 7323

Selaginella
- chromosome number 7128
- cytotaxonomy 7128

Selection (*see also* Artificial selection; Natural selection)
- genetic markers 77
- inbreeding, mathematics 3666
- linkage 10563
- modifiers 3768
- mutations 8515
- pleiotropy 3766
- quantitative traits 73, 76

Selenium, *in vitro* selection 6380

Selenocysteine methyltransferase, *in vitro* selection 6380

Self compatibility
- *Brassica campestris* 10116
- *Brassica juncea* 6797
- *Coprinus cinereus,* mutations 8399
- *Hatiora graeseri* 8348
- *Malus pumila,* genetics 10016
- *Medicago sativa* 4121
- *Prunus* 3380
- *Prunus avium,* genetics 6685-6686
- *Prunus domestica* 1437
- *Prunus dulcis* 3378-3380, 3390, 9018
  - genetics 3381
- *Pyrus pyrifolia,* gene expression 11184
- *Secale cereale*
  - linkage 7459
  - mutations 7459

Self incompatibility
- *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 7231
- *Brassica,* genetics 8043
- *Brassica alboglabra*
  - gene expression 5501
  - genetic transformation 5501
- *Brassica campestris*
  - genetic engineering 3427
  - nucleotide sequences 3217, 3428-3429
  - recombination 10115
- *Brassica campestris* (turnip rape) 12716
- *Brassica napus* (rape) 2453
  - fluorescence *in situ* hybridization 3426
  - gene expression 3427
  - gene location 3426
  - genetic transformation 3427
  - restriction fragment length polymorphism 6798
- *Brassica oleracea* 1366
  - genetics 446
  - isoenzymes 9943
  - molecular genetics 9944
  - nucleotide sequences 3217
  - recombination 10115
  - restriction fragment length polymorphism 9943
- *Brassica oleracea* (broccoli), gene expression 6529
- *Brassica oleracea* (cabbages), techniques 2283
- Brassicaceae
  - gene expression 7292
  - genetic engineering 7292
- *Caesalpinia calycina* 9772
- *Caesalpinia pluviosa* 9772
- *Campanula rapunculoides* 2629, 8311
- *Durio zibethinus* 1534
- *Eucalyptus* 3558
- evolution 7289, 10572
- genetics 1901, 7289
- *Grevillea* 7068
- *Guizotia abyssinica,* genetics 10184
- *Lolium perenne,* polymerase chain reaction 4096
- *Lycopersicon peruvianum*
  - gene expression 8880, 11102
  - genetic engineering 8880

Self incompatibility *cont.*
- *Lycopersicon peruvianum cont.*
  - genetic transformation 11102
- *Malus pumila* 7939
  - backcrossing 8914
  - genetics 2336-2337, 6637, 8915, 11178
  - nucleotide sequences 6636, 7937, 12620
  - restriction fragment length polymorphism 12620
- mathematics 10572
- *Narcissus triandrus* 10392
- *Nicotiana alata,* induced mutations 12810
- *Nicotiana glauca* 8132
- *Nicotiana sylvestris*
  - gene expression 6931
  - nucleotide sequences 6931
- *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 8880
- *Opuntia spinosissima* 1536
- *Paeonia jishanensis* 9157
- *Papaver nudicaule,* nucleotide sequences 1773
- *Papaver rhoeas* 817
  - nucleotide sequences 1773
- *Passiflora edulis,* genetics 6757
- *Passiflora incarnata* 12704
- *Petunia axillaris* 8323
- *Petunia hybrida* 2642
  - gene mapping 3611
- *Primula* 4729
- *Primula mistassinica* 8313
- *Prunus armeniaca* 1433
  - genetics 6671
- *Prunus avium*
  - genetics 6683-6684
  - linkage 6684
  - nucleotide sequences 7969
- *Prunus dulcis* 3382
  - evolution 2434
  - nucleotide sequences 2434
- *Pulsatilla pratensis* 2628
- *Pyrus pyrifolia* 12629
  - gene expression 11184
  - homozygosity 12630
  - nucleotide sequences 7937
  - polymerase chain reaction 8931
- *Raphanus sativus* 1359
- Rosaceae
  - gene expression 7292
  - genetic engineering 7292
  - nucleotide sequences 4932
- Scrophulariaceae
  - gene expression 7292
  - genetic engineering 7292
- *Secale cereale*
  - genetics 7458-7459
  - mutations 7458
- Solanaceae
  - gene expression 7292
  - genetic engineering 7292
- *Solanum chacoense,* genetic markers 401

Self pollination 6050
- *Cyclamen balearicum* 8327
- *Cyclamen creticum* 8327
- *Cyclamen hederifolium* 8327
- *Cyclamen repandum* 8327
- *Drosophyllum lusitanicum* 8310
- natural selection 7280
- triticale 1926
- *Triticum aestivum* 1926
- *Vaccinium arboreum* 4450
- *Vaccinium corymbosum* 4450
- *Vaccinium darrowii* 4450

Selinene synthase
- *Abies grandis*
  - gene expression 769
  - nucleotide sequences 769

Senescence
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 1874, 9360, 10520, 12532
  - genetic engineering 12917
  - genetic transformation 1874
  - nucleotide sequences 9360, 10520
- *Bauhinia purpurea,* molecular genetics 949
- *Brassica napus* (rape), gene expression 1874

- **Senescence** *cont.*
  - *Butea monosperma,* molecular genetics 949
  - *Delonix regia,* molecular genetics 949
  - *Dianthus caryophyllus*
    - gene expression 12917
    - genetic transformation 12917
  - *Epipremnum pinnatum,* molecular genetics 949
  - *Festuca pratensis,* mutations 12279
  - *Hemerocallis*
    - gene expression 2634, 10369
    - nucleotide sequences 10369
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 12532
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 5757, 10231, 11382, 11391
    - genetic transformation 5757, 11382
  - *Oryza sativa* 1140
    - mutations 5189
  - *Philodendron hastatum,* molecular genetics 949
  - *Pyrus pyrifolia*
    - gene expression 10024
    - nucleotide sequences 10024
  - *Solanum melongena,* gene expression 4369
  - *Solanum tuberosum*
    - mannose-1-phosphate guanylyltransferase (GDP)
      - antisense RNA, nucleotide sequences 12445
      - genetic transformation, nucleotide sequences 12445
  - *Triticum aestivum* 6089
  - *Zea mays* 195
    - genetic engineering 11382
- ***Septoria*** (*see also Leptosphaeria; Mycosphaerella*)
  - *Triticum aestivum* 2861
  - *Triticum durum* 2861
- ***Septoria glycines,*** *Glycine max,* induced mutations 6404
- ***Septoria lycopersici,*** *Lycopersicon esculentum* 6575
- ***Sequoia sempervirens***
  - genetic transformation 5831
  - isoenzymes 9151
- **Serine acetyltransferase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4854
    - genetic engineering 4854
- **Serine palmitoyltransferase,** *Solanum tuberosum,* nucleotide sequences 12462
- **Serine proteinases**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 3754
    - nucleotide sequences 3754
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 7886
    - nucleotide sequences 7886
- **Serine:glyoxylate aminotransferase,** *Hordeum vulgare* 9558
- **Serine/threonine specific protein phosphatase**
  - *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 11737
  - gene expression 2729
  - molecular genetics 2729
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 4030
    - nucleotide sequences 4030
- ***Sesamia nonagrioides***
  - *Zea mays* 6228
    - combining ability 12141
    - multivariate analysis 7505
  - *Zea mays* (sweetcorn) 12137
- ***Sesamum***
  - gamma radiation 1576
  - habit, induced mutations 1576
- ***Sesamum indicum***
  - breeding, reviews 9054
  - cultivars
    - Kyongheukkae 8088
    - Yangbaeckkae 8087
  - cytoplasmic male sterility 5714
  - drought resistance, stability 8093
  - esterases 8089
  - fatty acids
    - artificial selection 8092
- ***Sesamum indicum*** *cont.*
  - fatty acids *cont.*
    - combining ability 8091
  - gamma radiation 5715, 6877, 11337
  - genetic resources 8089, 10176
  - habit, genetics 6878
  - hybrid seed production 11336
  - isoenzymes 8089
  - linoleic acid, artificial selection 8092
  - male sterility
    - genetics 2481
    - induced mutations 2481
  - *Meloidogyne incognita* 12762
  - mutagens 5715, 6877
  - nomenclature 9056
  - oils, combining ability 8091
  - oleic acid, artificial selection 8092
  - plant hairs, genetics 5716
  - proteins 5714
  - tissue culture 1578
  - variety trials 10177
  - yield components
    - artificial selection 648, 3477, 5719
    - combining ability 5718, 6879, 10178
    - genetic variance 6879, 12760
    - genetics 6878, 9055
    - heritability 1577, 2482, 12759
    - heterosis 2480, 3476, 5717, 8090, 10178, 12759, 12761
    - induced mutations 5715, 6877, 11337
    - stability 8093
  - yield correlations 648, 5719
  - yields, artificial selection 8092
- ***Sesamum radiatum, Meloidogyne incognita*** 12762
- ***Sesbania***
  - morphology 7691
  - yield components 7691
- ***Sesbania rostrata***
  - *Azorhizobium caulinodans,* molecular genetics 1253
  - chalcone reductase
    - gene expression 12342
    - nucleotide sequences 12342
  - ethylene, molecular genetics 1253
  - nodulation
    - gene expression 317
    - molecular genetics 1253
- ***Sesbania sesban***
  - antiprotozoal properties 10943
  - breeding 10313
- ***Sesleria***
  - DNA 2141
  - polyploidy 2141
- **Sesquiterpene cyclase**
  - *Capsicum annuum*
    - gene expression 502
    - nucleotide sequences 502
- **Sesquiterpenes**
  - *Achillea* 5904
  - *Achillea millefolium* 5904
- ***Setaria***
  - DNA 2062
  - proteins 7520
  - seeds 7520
- ***Setaria italica***
  - aneuploidy 6244
  - cadmium 4944
  - cell division 4944
  - cultivars
    - Chi Gu-6 8678
    - Ji Zhang Gu-5 7518
    - Tie Gu-7 4009
  - ecotypes 1103
  - genetic resources 2949
  - gibberellic acid, mutations 2063
  - growth regulators, mutations 2063
  - height, mutations 2063
  - nickel, *in vitro* selection 1104
  - peroxidases, gene expression 5144
  - pollen, genetic transformation 9412
  - proteins 7520
  - random amplified polymorphic DNA 7519
  - salinity, gene expression 5144
  - seeds 7520
  - toxic substances 4944
    - *in vitro* selection 1104
  - variety trials 1103
  - yield components, somaclonal variation 12165
- **Sethoxydim**
  - *Zea mays*
    - gene mapping 12145
    - *in vitro* selection 12145
- ***Setosphaeria turcica***
  - *Sorghum bicolor*
    - genetic markers 12160
    - genetics 12160
  - *Zea mays* 1058
    - fluorescence *in situ* hybridization 3985
    - gene mapping 3985, 8663, 8665, 12124
    - genetic markers 7503
    - heritability 7503
    - restriction fragment length polymorphism 7503, 8665
- ***Severinia***
  - DNA 5644
  - taxonomy 5644
- **Sex** 1905
  - angiosperms 7284
  - *Asparagus officinalis* 7866, 11085
    - linkage 7863
  - *Atriplex canescens* 4086
  - *Auricularia auricula,* random amplified polymorphic DNA 10459
  - *Brachiaria decumbens* 7669
  - *Cannabis sativa* 5794
    - genetics 6981
    - random amplified polymorphic DNA 4624
  - *Ceratopteris richardii*
    - gene expression 12980-12981
    - nucleotide sequences 12980
  - *Coprinus cinereus* 1791
  - *Cucumis sativus*
    - gene expression 12608
    - genetics 5567
    - molecular genetics 12608
  - *Cynoglossum officinale* 5895
  - *Dianthus stenocalyx* 8312
  - *Eleutherococcus senticosus* 7136
  - *Ficus carica* 10060, 10062
  - genetics, conferences 11652
  - *Hippophae rhamnoides,* random amplified polymorphic DNA 3352
  - *Ilex aquifolium* 7006
  - *Mangifera indica* 6748
  - *Mercurialis annua,* nucleotide sequences 2666
  - molecular genetics, conferences 11652
  - natural selection 7280
  - *Rhus hirta* 778
  - *Silene dioica*
    - genetic markers 788
    - random amplified polymorphic DNA 788
  - *Silene latifolia,* molecular genetics 11533
  - *Spinacia oleracea* 3226-3227, 12517
  - *Thymelaea hirsuta,* population genetics 10430
  - *Thymus mastichina* 4779
  - *Thymus vulgaris* 4779
  - *Thymus zygis* 4779
  - *Vicia* 6408
  - *Vicia faba* 6408
  - *Zea mays* (sweetcorn) 7483
  - *Zizania aquatica* 296
  - *Zizania palustris* 296
- **Sex chromosomes,** *Silene latifolia,* nucleotide sequences 5851
- **Sexual reproduction** 7281
  - *Adesmia latifolia* 3064
  - *Agaricus bisporus,* genetics 851
  - *Amelanchier bartramiana* 4407
  - angiosperms, evolution 2790
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 11754
  - *Atriplex halimus* 7638
  - *Banksia* 7066
  - *Butia capitata* 5809
  - *Carpobrotus chilensis* 4758
  - *Carpobrotus edulis* 4758
  - *Cucurbita pepo,* maternal effects 9998
  - *Cypripedium acaule* 3620
  - cytology 10573
  - *Dryandra formosa* 7067
  - *Dryandra quercifolia* 7067
  - evolution 9364
  - fodder legumes 7647
  - *Gentiana pneumonanthe* 846

Sexual reproduction *cont.*
  Gliricidia sepium 1677
  Hypoxis decumbens 7113
  Jasminum fruticans 1784
  Leucadendron xanthoconus 11519
  mathematics 3776
  Menyanthes trifoliata 1772
  Nicotiana tabacum 3527
  Oryza sativa 9675
  Pentaschistis 10895
  Primula mistassinica 8313
  Proteaceae 7066
    conferences 7180
  Quercus suber 5804
  Raphanus sativus 1359
  Stenocereus stellatus 9016
  Tectona grandis 11484
  Thymus vulgaris 8376
    reviews 2677
  trees 11458
  Tripsacum andersonii 224
Shade
  Anthoxanthum odoratum 1227
  Arabidopsis thaliana, mutations 7254
  Iris pumila 3614
  Oryza sativa 12198-12199
  Solanum melongena 11146
Shedding
  Brassica napus (rape) 2457
    gene expression 5675
    nucleotide sequences 5675
    techniques 610
  Coix lacryma-jobi 9724
  Oryza sativa
    gene mapping 2986
    restriction fragment length polymorphism 2986
  Panicum maximum 8676
  Panicum virgatum 8676
  Triticum aestivum 4987
    gene location 126
    genetics 126
  Triticum spelta
    gene location 126
    genetics 126
Shoots
  Oryza sativa 5186
  Zea mays
    gene location 12071
    mutations 12071
Shorea curtisii
  microsatellites
    genetic markers 4660
    nucleotide sequences 4660
Siamanthus siliquosus, taxonomy 2636
Sideritis, genetic resources 706
Sideritis angustifolia, protoplast culture 818
Siderophores
  Hordeum vulgare, gene location 5060, 9414
  triticale, gene location 9414
  Triticum aestivum, gene location 9414
Signal recognition particle, *Arabidopsis thaliana,* gene expression 10525
Silage
  Oryza sativa 8707
  Sorghum bicolor 8671
  Sorghum sudanense 8671
  Zea mays 3977
Silene
  plastocyanins
    mutations 11534
    ultrastructure 11534
  seeds 11536
  taxonomy 11536
Silene acaulis
  gene flow 11531
  phosphogluconate dehydrogenase, genetic variation 11531
  population genetics 11531
Silene coeli-rosa, photoperiodism, molecular genetics 4731
Silene dioica
  sex
    genetic markers 788
    random amplified polymorphic DNA 788
Silene latifolia
  chromosome morphology 9170
  development, molecular genetics 1728
  pollen 3586
Silene latifolia *cont.*
  pollen *cont.*
    gene expression 1730
    nucleotide sequences 1730
    restriction fragment length polymorphism 1730
  proline-rich proteins
    gene expression 1730
    nucleotide sequences 1730
    restriction fragment length polymorphism 1730
  sex, molecular genetics 11533
  sex chromosomes, nucleotide sequences 5851
Silica
  Oryza 1160
  Oryza sativa 2981, 3009
Silicon
  Hordeum vulgare 6176
  Oryza sativa 4061
Silviculture, *Pseudotsuga menziesii* 4679
Simmondsia chinensis
  drought resistance 1584
  pollination 649
  rooting capacity 1580
  salinity 1583-1584
  tissue culture 1581
Sinapine
  Brassica, genetic variation 617
  Sinapis alba, genetic variation 617
Sinapis alba
  Alternaria brassicicola, backcrossing 9950
  Brassica napus, intergeneric hybridization 10139
  Brassica oleracea (broccoli)
    intergeneric hybridization 9950
    protoplast fusion 9950
  cultivars 10582
  erucic acid, artificial selection 6842, 10151
  fatty acids, artificial selection 10151
  glucosinolates 10139
    artificial selection 6842, 10151
    evolution 2465
    nucleotide sequences 2465
  Heterodera schachtii 6843
  protein kinase, gene expression 8056
  sinapine, genetic variation 617
  transcription factors
    chloroplast genetics 630
    gene expression 630
    genetic engineering 630
    nucleotide sequences 630
Sinapis arvensis
  Brassica napus (rape), intergeneric hybridization 6783-6784, 6840
  outcrossing 2259
  Raphanus sativus, intergeneric hybridization 2259
Sinapis nigra (*see Brassica nigra*)
Sinningia speciosa, tissue culture 12931
Sister chromatid exchange
  Allium cepa, techniques 3203
  Hordeum vulgare 3916
Sitobion avenae
  Triticum 11928
  Triticum aestivum 11929
    genetic transformation 3895
  Triticum boeoticum 1020
  Triticum monococcum 1020
  Triticum urartu 1020
Sitobion miscanthi, *Triticum aestivum* 10651
Sitophilus oryzae
  Oryza sativa 8723, 12263
  Sorghum bicolor 8674
Sitophilus zeamais, *Zea mays* 12133
Sitotroga cerealella
  Oryza sativa 8724, 12262
  Triticum aestivum
    gene expression 3894
    genetic transformation 3894
Size
  Brassica campestris (turnip rape) 10119
  Hevea brasiliensis, genetic variance 6982
  Muscari comosum 7114
Small fruits
  gene banks 4447
  genetic resources, conferences 3659
  quality, artificial selection 10035
Small nuclear RNA
  Arabidopsis thaliana
    antisense DNA 2760
    gene expression 31
  Zea mays
    gene expression 9596
    nucleotide sequences 9596
Snakin-1, *Solanum tuberosum,* gene expression 8835
Snow
  Cryptomeria japonica
    combining ability 5835
    heritability 5835
Sodium
  Beta vulgaris (sugarbeet), combining ability 11351
  Hordeum vulgare, genetics 9574
Sodium azide
  Arachis hypogaea 3464
  Glycine max 5309
  Hordeum vulgare 3926-3927, 6169, 9550
  Lupinus albus 10921
  Pharbitis purpurea 5848
  Vigna radiata 5446
  Vigna unguiculata 6457
Sogatella furcifera, *Oryza sativa* 7630
Soil-borne wheat mosaic furovirus, *Triticum aestivum,* genetics 3892
Soil compaction, *Triticum aestivum* 141
Soil pH
  Brachiaria 2145
  Leucaena 9780
  Vaccinium corymbosum 549
  Vitis 3331
  Zea mays 7481
Soil toxicity
  genetic engineering 9263
  Glycine max, genetics 10955
  Medicago sativa 319
Soil types
  Jatropha curcas 6889
  Picea glehnii 1696
  Vaccinium 11202
Soil water
  Betula papyrifera 1661, 9125
  Phaseolus vulgaris 10966
Soja (*see Glycine*)
Solanaceae
  self incompatibility
    gene expression 7292
    genetic engineering 7292
Solanum
  centres of diversity 6058
  chromosome morphology 10083
  chromosome pairing 8819
  cold resistance 4289
  Erwinia carotovora 12457
  genetic markers 4250
  genetic resources 11038, 11143
  Globodera pallida 11044
  Globodera rostochiensis 11044
  glycoalkaloids, techniques 12452
  heat resistance 11038
  interspecific hybridization 4257, 4289, 10083
  linkage 9895
  mitochondrial genetics 4256
    restriction fragment length polymorphism 12441
  molecular genetics 7793
  polyploidy 4267
  potato Y potyvirus 4299
  protoplast fusion 4256-4257, 4264, 4275, 12441
  quantitative traits, gene mapping 5462
  Ralstonia solanacearum 11038
  random amplified polymorphic DNA 8819
  repetitive DNA 4250
  restriction fragment length polymorphism 4257, 9895
  unreduced gametes 5462
  variety classification
    proteins 12556
    seeds 12556
  Verticillium albo-atrum 8892
  Verticillium dahliae 8892
Solanum acaule
  anther culture 3159, 6475
  haploidy 3159
  interspecific hybridization 3157, 6475

Solanum acaule *cont.*
- protoplast fusion 3157, 5461
- restriction fragment length polymorphism 5461
- unreduced gametes 3157

Solanum berthaultii
- glycoalkaloids
  - gene mapping 405
  - restriction fragment length polymorphism 405
- interspecific hybridization 405, 9898
- protein kinase
  - gene expression 5459
  - nucleotide sequences 5459

Solanum brevicaule
- taxonomy
  - random amplified polymorphic DNA 3164
  - restriction fragment length polymorphism 3164

Solanum brevidens
- cold resistance, chloroplast genetics 8834
- *Erwinia carotovora* 12459
  - somaclonal variation 5472
- *Erwinia chrysanthemi* 12459
- glycoalkaloids, techniques 12452
- interspecific hybridization 1326, 5472, 8834, 12452, 12459
- protoplast fusion 5472
- repetitive DNA, nucleotide sequences 1328
- ribosomal DNA, fluorescence *in situ* hybridization 1326

Solanum bulbocastanum
- DNA 3156
- *Meloidogyne,* genetic markers 7819
- protoplast fusion 3156

Solanum chacoense
- interspecific hybridization 404, 12450
- leptine
  - gene mapping 4307
  - genetics 404
  - random amplified polymorphic DNA 4307
  - restriction fragment length polymorphism 4307
- self incompatibility, genetic markers 401

Solanum chenopodioides, protoplast fusion 6477

Solanum circaeifolium
- DNA 3156
- *Phytophthora infestans,* restriction fragment length polymorphism 4295
- protoplast fusion 3156, 4295

Solanum commersonii
- chromosome number 7802
- cold resistance 409, 4288
  - backcrossing 12453
  - chloroplast genetics 8834
- cyclophilin
  - gene expression 2240
  - nucleotide sequences 2240
- endosperm 6479
- *Erwinia carotovora* 4288
- fertility 4262, 5463
- gene flow, genetic markers 4259
- genetic markers 8819
- herbicides 409
- interspecific hybridization 409, 2233, 6479, 7802, 8819, 8834, 9907, 12453
  - genetic markers 4259
- meiosis 4266
- paraquat 409
- protoplast fusion 4262, 4266, 5463, 9907
- *Ralstonia solanacearum* 9907
- stress 2240
- unreduced gametes 2233

Solanum demissum, breeding 3151

Solanum dulcamara
- genetic transformation 4767
- gibberellins
  - development 1854
  - gene expression 1854
  - genetic transformation 1854

Solanum elaeagnifolium
- anthocyanins 10432
- flowers 10432

Solanum etuberosum
- cytology 4261
- interspecific hybridization 4261

Solanum etuberosum *cont.*
- *Lycopersicon esculentum,* protoplast fusion 4261
- potato Y potyvirus 4302
- protoplast fusion 4261

Solanum fendleri, *Meloidogyne chitwoodi,* genetics 4304

Solanum gourlayi, potato M carlavirus, genetics 7817

Solanum hjertingii
- catechol oxidase, dominance 5466
- interspecific hybridization 5466
- melanins, dominance 5466

Solanum incanum
- endosperm 6583
- interspecific hybridization 6583, 12555
- plant embryos 6583

Solanum khasianum
- gamma radiation 12954
- interspecific hybridization 12555
- yield components, induced mutations 12954

Solanum kurtzianum, interspecific hybridization 9897

Solanum lycopersicoides
- *Botrytis cinerea* 11126
- *Lycopersicon esculentum,* intergeneric hybridization 11126

Solanum macrocarpon
- *Leucinodes orbonalis* 12560
- morphology 12560

Solanum maglia, interspecific hybridization 9897

Solanum megistacrolobum, potato M carlavirus, genetics 7817

Solanum melongena
- anthocyanins 11146
- breeding 8873
- cold resistance 5554
- colour 11146
- cultivars 5513
  - 94-1 Zaochangqie 5549
  - Jinshan Long 5550
  - Mengqie-3 11145
  - Yuzaoqie 1 11144
- cysteine proteinases, gene expression 4369
- ethyl methanesulfonate 5551
- flooding 11147
- genetic transformation 1393
- hybrid varieties 5550
- interspecific hybridization 3250, 8892, 12555
- *Leptinotarsa decemlineata*
  - gene expression 12561
  - genetic transformation 2309, 4368, 12561
- *Leucinodes orbonalis* 1395, 8893
  - genetic transformation 4368
- *Meloidogyne* 2308
- *Meloidogyne arenaria* 12524
- morphology 3250
- mutagens 5551
- nutrients 11147
- ovule culture 6584
- parthenocarpy 6584
  - genetic transformation 2309, 4368
- *Phomopsis vexans,* genetics 4367
- protoplast fusion 8892
- *Ralstonia solanacearum* 11148, 12557-12559
- *Rotylenchulus reniformis* 11149
- senescence, gene expression 4369
- shade 11146
- somatic embryogenesis 8870
- spectinomycin, induced mutations 5551
- tissue culture 3251
- variety classification
  - proteins 12556
  - seeds 12556
- variety trials 6581
- *Verticillium* 9983
- *Verticillium dahliae* 1394
- wide hybridization 6582
- yield components
  - genetic variance 5553
  - heritability 5553
  - multivariate analysis 5552
- yields 12557

Solanum muricatum
- artificial selection 10082

Solanum muricatum *cont.*
- parthenocarpy, genetics 1535

Solanum nigrum
- *Alternaria solani, in vitro* selection 2673
- cell culture 83
- chromosome number 4265
- cryopreservation 83
- DNA 6478
- interspecific hybridization 4265
- protoplast fusion 4265, 6477
- spectinomycin, genetic engineering 12805
- streptomycin, genetic engineering 12805

Solanum phureja
- diploidy 9899
- fertility 3161
- gene mapping 7799
- haploidy 6484
- heterosis 4258
- interspecific hybridization 404, 4258, 4263, 9889, 9896, 9899, 12450
- leptine, genetics 404
- potato leaf roll luteovirus, genetic transformation 12466
- protoplast fusion 4258, 4263
- random amplified polymorphic DNA 7799
- regenerative ability 6484
- restriction fragment length polymorphism 7799
- tissue culture 6484
- unreduced gametes 9889
- yield components, heterosis 9889

Solanum pinnatisectum
- cytology 4261
- interspecific hybridization 4261
- protoplast fusion 4261

Solanum polyadenium
- interspecific hybridization 4260
- protoplast fusion 4260

Solanum rantonettii, cultivars, Golden Robe 7044

Solanum rybinii, interspecific hybridization 9898

Solanum sessiliflorum, pollination 10084

Solanum sisymbriifolium, *Verticillium dahliae* 1394

Solanum spegazzinii, compatibility 5464

Solanum stenotomum, interspecific hybridization 9898

Solanum surattense
- morphology, somaclonal variation 9206
- polyploidy, somaclonal variation 9206

Solanum torvum
- interspecific hybridization 3250, 8892
- morphology 3250
- protoplast fusion 8892

Solanum tuberosum
- abscisic acid, gene expression 4286
- acetoacetyl-CoA reductase, genetic transformation 11022
- adenosinetriphosphatase, gene expression 11040
- adenosylmethionine decarboxylase
  - gene expression 12448
  - genetic transformation 12448
- alcohol dehydrogenase, gene expression 2234
- aldehyde-lyases
  - gene expression 5467
  - genetic engineering 5467
- *Alternaria solani* 2245
  - combining ability 7816
  - heterosis 7816
- anther culture 5471, 6475
- anthocyanins 1331
- Aphidoidea 8844
- *Aphis frangulae* 8842
- aroma 4282
- artificial selection 3150
- ATP/ADP transporter
  - gene expression 7263
  - genetic transformation 6480, 7263
- *Aulacorthum solani* 8842
- *Bacillus thuringiensis,* genetic transformation 12469
- benzodiazepines 402
- bilanafos, genetic transformation 8817
- binding proteins
  - gene expression 5460
  - nucleotide sequences 5460
- biosafety 6474

***Solanum tuberosum** cont.*
- biotechnology 4254
  - books 5933
- black spot 11043
  - combining ability 2248
- breeding 3149, 3151, 4243-4244, 4247, 7794, 8813
  - conferences 4792
  - reviews 8812
- bromoxynil, genetic transformation 8845
- carbon, genetic transformation 2238
- carbon dioxide, genetic transformation 9902
- carotenoids 9906
- catalase, genetic transformation 5476
- cell culture 83, 2232
- cell division 11025
- cells 4290
- cellulase
  - gene expression 11802
  - genetic transformation 11802
- chitinase
  - gene expression 9893
  - nucleotide sequences 9893
- chloroplast genetics 2231, 3155
  - gene expression 12442
  - genetic transformation 12442
- chloroplasts
  - gene expression 12442
  - genetic transformation 12442
- *Chromatomyia horticola* 12472
- chromosome addition, fluorescence *in situ* hybridization 9967
- chromosome number 2232, 4265, 7802
- chromosome pairing 8818
- chromosome translocation 8818
- *Clavibacter michiganensis* 3169, 4290-4291
- cold resistance 409, 4288-4289
  - backcrossing 12453
  - chloroplast genetics 8834
  - combining ability 8833
  - *in vitro* selection 3165
- *Colletotrichum coccodes* 12460
- colour 8828, 11032
- concanavalin, genetic transformation 5454
- cryopreservation 83, 4245, 6482
- cucumber mosaic cucumovirus 1345
- cultivars 2225, 5456, 8815, 9890-9891, 10582
  - Almaz 1325
  - Bor 3154
  - catalogues 8422
  - characteristics 11019
  - Ditta 6470
  - Ibis 7795
  - Karmela 2226
  - Krumlov 2227
  - Kufri Chipsona-2 7796
  - Kufri Chipsona-1 11018
  - Liepa 3153
  - Lizette 7795
  - Markies 6472
  - Reba 5457
  - Red Rascal 6469
  - Santana 6471
  - Sirma 3154
  - Vaiva 2224
- cystatin
  - gene expression 4309
  - genetic transformation 4309
- cytology 4261
- cytoplasmic inheritance 1329
- development
  - gene expression 4251, 8816
  - nucleotide sequences 4251, 8816
- diabetes
  - gene expression 2229
  - genetic transformation 2229
- diploidy 9899
- diseases 2242, 11037
- DNA 3156, 6478
- DNA fingerprinting, variety classification 4255
- dormancy 7804
- drought resistance 4285, 6488-6489, 6491, 7812
  - antisense RNA 12454
  - artificial selection 3166, 7807
  - gene expression 2241, 4286, 12454

***Solanum tuberosum** cont.*
- drought resistance *cont.*
  - genetic transformation 12454
  - nucleotide sequences 2241
  - stability 4287
- endosperm 6479
- enzymes 6489
- *Epitrix cucumeris*
  - gene expression 12473
  - genetic transformation 12473
- *Erwinia carotovora* 4288, 8838, 12458-12459
  - gene expression 4292-4293, 8837
  - genetic engineering 12456
  - genetic transformation 4292, 8837
  - nucleotide sequences 4293
  - somaclonal variation 5472
- *Erwinia chrysanthemi* 12459
- ethionine, *in vitro* selection 407
- ethylene 4294
  - nucleotide sequences 9894
- fatty acid desaturases
  - gene expression 12447
  - genetic transformation 12447
- fatty acids 6493
- fertility 4262, 5463
- flavonoids 1331
- β-fructofuranosidase
  - gene expression 5477, 7805, 11026
  - genetic transformation 5465, 5477, 7797, 7805
- β-fructofuranosidase inhibitors, genetic transformation 12451
- fructose-bisphosphatase
  - gene expression 7808, 12446
  - genetic transformation 7808, 12446
- fructose-2,6-bisphosphate 2-phosphatase
  - gene expression 7801
  - nucleotide sequences 7801
- fungi, genetic transformation 2243
- *Fusarium oxysporum* 3167
- *Fusarium solani* 1343, 2244, 3168
- gene flow, genetic markers 4259
- genetic engineering 1342
- genetic markers 1342, 3155, 4249
- genetic resources 4241-4242, 4246
- genetic transformation 2228, 2751, 4252, 4930, 6474, 6494
  - albumins 4081
- genotype environment interaction 8830
- germplasm releases, *Phytophthora infestans* 5475
- *Gibberella cyanogena* 2244, 3168
- *Gibberella pulicaris* 8838
- gibberellins, gene expression 9900
- *Globodera pallida* 4306, 8843
  - genetic transformation 6494
  - genetics 12468
- *Globodera rostochiensis* 4305
- glucan branching enzyme
  - genetic transformation 9892
  - nucleotide sequences 9892
- glucanases
  - gene expression 5771
  - genetic transformation 5771
- glucokinase
  - gene expression 7805
  - genetic transformation 7805
- glucose-1-phosphate adenylyltransferase
  - genetic transformation 5465
  - mutations 403, 1332
- glucose-6-phosphate 1-dehydrogenase, nucleotide sequences 11023
- glufosinate
  - gene expression 6495
  - genetic transformation 6495
- glycoalkaloids 1339, 3170, 8824
  - gene mapping 405
  - restriction fragment length polymorphism 405
  - techniques 8825, 12452
- green fluorescent protein
  - gene expression 12442
  - genetic transformation 12442
- growth regulators, gene expression 9900
- gynoecium, gene expression 2234
- haploidy 3157-3158, 9898
- heat resistance 1341, 6490
- herbicides 409, 4311
  - genetic transformation 8817, 8845
- heterosis 4258

***Solanum tuberosum** cont.*
- hybrid varieties 2230
- hydroxycinnamoyl-CoA:tyramine *N*-(hydroxycinnamoyl) transferase, gene expression 6473
- hydroxyproline, *in vitro* selection 3165
- *in vitro* culture 3163
- inbreeding 2235
- inbreeding depression 2223
- injuries, gene expression 12447
- insects, genetic transformation 5454
- insulin
  - gene expression 2229
  - genetic transformation 2229
- interspecific hybridization 405, 409, 1326, 2233, 3157, 4249, 4257-4258, 4260-4261, 4263, 4265, 4289, 5472, 6475, 6479, 7802, 8819, 8833-8834, 9889, 9896, 9898-9899, 9907, 12450, 12452-12453, 12459
  - genetic markers 4259
- kinases
  - gene mapping 12467
  - nucleotide sequences 12467
- lectins, genetic transformation 4310
- *Leptinotarsa decemlineata*
  - gene expression 4309, 12470
  - genetic engineering 8836
  - genetic transformation 4309, 12470, 12474
- light 408, 2244
- linolenic acid, gene expression 12447
- lipoxygenase 12471
  - gene expression 399, 406
  - nucleotide sequences 399, 406
- luciferase
  - gene expression 4253
  - genetic transformation 4253
- *Lycopersicon esculentum*
  - intergeneric hybridization 8818
  - protoplast fusion 6477
- *Macrosiphum euphorbiae,* genetic transformation 6494
- malate dehydrogenase
  - gene expression 12444
  - genetic transformation 6481, 12444
- MCPA 1330
- mechanical damage
  - molecular genetics 8832
  - techniques 6487
- meiosis 4266
- *Meloidogyne,* genetic markers 7819
- metallocarboxypeptidase inhibitor
  - gene expression 5458
  - nucleotide sequences 5458
- metribuzin 4311
- mitochondrial genetics 2231, 3155, 4256
  - restriction fragment length polymorphism 12441
- morphology, multivariate analysis 4272
- *myo*-inositol, genetic transformation 2237
- *Myzus nicotianae* 8842
- *Myzus persicae,* genetic transformation 6494
- nitrate reductase 4311
- nitrogen 4285
- nutrients 4285, 11043
  - history 7803
- nutritive value, genetic transformation 3172, 8827
- osmotin
  - gene expression 11036
  - genetic transformation 11036
- paraquat 409
- patatin
  - genetic engineering 10200
  - promoters 10200
- pathogens 3173
- pectate lyase
  - gene expression 4292
  - genetic transformation 4292
- pendochitinase, genetic transformation 2243
- pests 11037
- phenolic compounds 1331, 3170
- phosphoenolpyruvate carboxylase
  - gene expression 11028, 12444
  - genetic transformation 11028, 12444
- phosphofructokinase
  - gene expression 7801
  - nucleotide sequences 7801

***Solanum tuberosum* cont.**
- photosynthesis
  - gene expression 5467, 11028, 12444
  - genetic engineering 5467
  - genetic transformation 2236, 9902, 11028, 12444
  - history 7803
- *Phthorimaea operculella*
  - gene expression 7815
  - genetic transformation 4308, 7815
- phytochrome
  - gene expression 8821
  - genetic engineering 3944
  - genetic transformation 8528, 8821
- *Phytophthora infestans* 1344, 3168, 4294, 4296, 6493, 8840, 12455, 12464
  - gene expression 11039-11040, 12463
  - genetic transformation 5476
  - genetics 4297, 11041-11042
  - *in vitro* selection 8839
  - restriction fragment length polymorphism 4295
  - stability 411
- plant composition 8844, 11032
- plant disorders 11043
  - combining ability 2248
- pollen germination 9898
- poly-β-hydroxy-butyrate synthase, genetic transformation 11022
- polyploidy 4267, 5471
- polysaccharides 4291
- potassium 11043
- potato leaf roll luteovirus 4300
  - artificial selection 3176
  - gene expression 412
  - genetic transformation 412, 2246
  - genetics 3175
- potato M carlavirus 1346
  - genetics 7817
- potato mop-top furovirus, genetic transformation 2247
- potato stem necrosis tospovirus 12465
- potato X potexvirus
  - gene expression 7818, 9908
  - genetic engineering 9908
  - genetic transformation 3177
  - genetics 12468
- potato Y potyvirus 3170, 3173, 4300, 4302
  - gene expression 7815
  - gene mapping 12467
  - genetic transformation 3172, 4301, 7815
  - nucleotide sequences 12467
- protein kinase
  - gene expression 5460
  - nucleotide sequences 5460, 11020
- proteinase inhibitors 12471
  - genetic engineering 8107
  - genetic transformation 6494
- proteins
  - gene expression 1327
  - genetic transformation 1327
- protoplast culture 1334, 9903
- protoplast fusion 1329, 2230-2231, 3156-3157, 4249, 4256-4258, 4260-4266, 4275, 4295, 5461, 5463, 5472, 6477, 8823, 9907, 11024, 12441
- protoplasts 8823
- *Pseudomonas* 1341
- pyrophosphatases
  - gene expression 5468
  - nucleotide sequences 5468
  - phylogeny 5468
- pyruvate,orthophosphate dikinase, genetic transformation 2236
- quality 4278-4279, 6486, 7809-7810, 8828-8829, 9905
  - gene mapping 1333
  - genetic transformation 12451
  - restriction fragment length polymorphism 1333
  - techniques 1340
- *Ralstonia solanacearum* 9907
- random amplified polymorphic DNA 11024
- regenerative ability 4273, 5470
- repetitive DNA, nucleotide sequences 1328
- restriction fragment length polymorphism 4257, 5461

***Solanum tuberosum* cont.**
- ribosomal DNA
  - fluorescence *in situ* hybridization 1326
  - gene expression 7798
  - nucleotide sequences 7798
- roots, artificial selection 7807
- salinity 11035
  - gene expression 11036
  - genetic transformation 11036
  - *in vitro* selection 410, 7813-7814, 11034
  - random amplified polymorphic DNA 11034
- seed production 1330
- senescence
  - mannose-1-phosphate guanylyltransferase (GDP)
    - antisense RNA, nucleotide sequences 12445
    - genetic transformation, nucleotide sequences 12445
- serine palmitoyltransferase, nucleotide sequences 12462
- snakin-1, gene expression 8835
- somaclonal variation 4276, 9903
  - polymerase chain reaction 3162
- source sink relations, genetic transformation 2238, 9901-9902
- *Spodoptera exigua* 12471
- starch 4280, 7810
  - gene expression 4277
  - genetic engineering 5473, 8826, 9904
  - genetic markers 4281
  - genetic transformation 5465, 5473, 6480, 7811
- starch branching enzyme
  - genetic engineering 5473
  - genetic transformation 5473
- starch synthase
  - gene expression 5474, 11021, 11027
  - genetic transformation 4277, 5474, 11021
  - nucleotide sequences 11027
- sterols, *in vitro* selection 5952
- storage 11031-11032
- stress 4311
- suberin 8838
- sucrose, genetic transformation 2239, 2495
- sucrose-phosphate synthase
  - antisense RNA 12454
  - gene expression 1338, 12454
  - genetic transformation 1338, 12449, 12454
- sugar transport proteins, genetic transformation 9901
- sugars 6486
  - genetic engineering 8826
- superoxide dismutase 6489
- *Synchytrium endobioticum*
  - gene mapping 6492
  - linkage 6492
  - restriction fragment length polymorphism 6492
- temperature 8824
  - gene expression 4253
  - genetic transformation 4253
- tissue culture 408, 1335-1337, 4274, 6483, 6485, 8822
  - genotype environment interaction 11030
- tobacco mosaic tobamovirus
  - gene mapping 6492
  - linkage 6492
  - restriction fragment length polymorphism 6492
- tobacco rattle tobravirus 3174
- transfer RNA, mitochondrial genetics 7800
- translocation, genetic transformation 2239
- true seeds 1330
- tubers 1339, 11029
  - gene expression 4277, 8816
  - nucleotide sequences 8816
- unreduced gametes 2233, 3160, 9889, 9899, 11037
- variety classification 7806
- variety trials 398, 3152, 4248, 4278
- vegetative propagation 400

***Solanum tuberosum* cont.**
- viruses 4244, 4283, 4298, 4303, 8841, 12455
  - gene expression 412
  - genetic engineering 8836
  - genetic transformation 412, 3171
- wide hybridization 3160, 3168, 6476
- xylose isomerase
  - gene expression 2738
  - genetic transformation 2738
- yield components
  - artificial selection 8811, 8814
  - combining ability 4268, 4271, 5469
  - crossing over 9899
  - genetic variance 5469
  - genotype environment interaction 4284, 12450
  - heritability 1337
  - heterosis 4268, 9889, 12450
  - multivariate analysis 4269
- yield correlations 1337, 4270
- yields 7812, 8843
  - gene mapping 1333
  - restriction fragment length polymorphism 1333
  - stability 4287, 11033

***Solanum* (tuberous species)**
- abscission 8820
- catechol oxidase, dominance 5466
- cold resistance, combining ability 8833
- genetic resources 8810
- interspecific hybridization 5466, 8833
- melanins, dominance 5466
- nitrogen 8831
- nutrients 8831
- pollen 12443
- potato Y potyvirus 8842
- random amplified polymorphic DNA 12443

***Solanum vernei*,** *Globodera pallida* 4306

***Solanum vespertilio*,** nomenclature 3639

Solar radiation, *Pinus taeda* 760

***Solenostemon*,** nomenclature 1764

Somaclonal variation
- *Allium sativum*, random amplified polymorphic DNA 4326
- *Arachis hypogaea* 646
- *Asparagus officinalis* 7872
- *Brassica carinata*, salinity 10145
- *Brassica pekinensis* 442
- *Cajanus cajan* 6456
- *Camellia sinensis*, polyploidy 3502
- *Carthamus tinctorius*, yield components 10157
- *Coffea arabica*, caffeine 2512
- *Dichanthium annulatum*
  - apomixis 8750
  - 2,4-D 8750
- *Digitaria decumbens*, yield components 9744
- diseases 3696
- *Eragrostis curvula*, chromosome pairing 12295
- *Eustoma grandiflorum*, morphology 12921
- *Festuca arundinacea* 7662
- *Festuca pratensis*
  - peroxidases 4105
  - *Puccinia coronata* 4105
- *Fragaria ananassa*
  - DNA methylation 12671
  - random amplified polymorphic DNA 12671
- genetic markers 10575
- *Gerbera* 11530
- *Gladiolus*, colour 7115
- *Glycine max*, yield components 349
- *Hordeum vulgare* 3931
- *Lathyrus sativus*
  - morphology 5272
  - neurotoxins 5272, 6374
- *Lolium multiflorum*, chromosome number 1218
- *Lycopersicon esculentum* 7897
  - salinity 11120
  - tobacco mosaic tobamovirus 12546
- *Malus pumila* 524, 6643
  - *Erwinia amylovora* 3270
- *Manihot esculenta* 1348
- *Medicago sativa*, drought resistance 4134
- *Mentha arvensis*, essential oils 2678

Somaclonal variation *cont.*
- *Mentha piperita, Verticillium dahliae* 9212
- *Musa* 2402
  - amplified fragment length polymorphism 5630
  - enzymes 2398
  - height 2397
  - morphology 2399
  - proteins 2398
  - random amplified polymorphic DNA 2393
- *Nicotiana tabacum,* tomato spotted wilt tospovirus 12824
- *Oryza sativa* 1181, 3001, 4017, 7597, 7600, 9693
  - flooding 10863
  - *Magnaporthe grisea* 2122
  - plant composition 7584
  - random amplified polymorphic DNA 5206
  - restriction fragment length polymorphism 3005
  - salinity 9704
  - yield components 4051, 8706, 10863, 12216
- *Paspalum notatum* 4119
- *Phalaenopsis*
  - aspartate aminotransferase 3621
  - flowers 3621
  - phosphoglucomutase 3621
- *Picea glauca* 12893
- *Poncirus trifoliata* 2425
- reviews 8522
- *Saccharum officinarum,* yield components 8113
- *Setaria italica,* yield components 12165
- *Solanum brevidens, Erwinia carotovora* 5472
- *Solanum surattense*
  - morphology 9206
  - polyploidy 9206
- *Solanum tuberosum* 4276, 9903
  - *Erwinia carotovora* 5472
  - polymerase chain reaction 3162
- *Sorghum bicolor,* male sterility 5137
- *Sporobolus virginicus* 2142
- *Triticum aestivum*
  - drought resistance 8583
  - *Erysiphe graminis* 11896
  - height 2837
  - salinity 3876
  - *Tilletia indica* 11896
  - yield components 2837, 9480
- *Zea mays* 12091
  - development 12001
  - peroxidases 12000

Somatic embryogenesis 1903
- *Acer palmatum* 9142
- *Aegilops tauschii* 8537
- *Allium cepa* 3209
- *Anacardium occidentale* 6775
- *Arabidopsis thaliana*
  - mutations 1868
  - tissue culture 6037
- *Arachis hypogaea* 647, 1572, 12753
- *Asparagus officinalis* 6547, 8870
- *Astragalus adsurgens* 9775
- *Beta vulgaris* (sugarbeet) 12782
- *Brassica napus* (rape) 1553, 4513
- *Bunium persicum* 9215
- *Camelina sativa* 6886
- *Camellia* 6916
- *Carica papaya,* techniques 1527
- *Carya illinoinensis,* amplified fragment length polymorphism 10097
- *Chamomilla recutita,* tissue culture 7144
- *Chlorophytum borivilianum* 9205
- *Citrus* 12694
- *Citrus reticulata* 8013
  - cryopreservation 11233
  - tissue culture 11233
- *Citrus sinensis* 11232
- *Cnidium officinale* 8362
- *Coffea arabica* 10211
- *Colocasia esculenta* 3148
- *Cyclamen persicum* 10393
- *Cydonia oblonga* 531
- *Dactylis glomerata* 9734
- *Daucus carota* 3179
  - gene expression 2250

Somatic embryogenesis *cont.*
- *Daucus carota cont.*
  - nucleotide sequences 2250
  - techniques 415, 11048
  - tissue culture 6037, 6496
- *Dendrocalamus strictus* 11624
- *Dianthus caryophyllus* 3604
- *Elaeis guineensis* 8070
  - tissue culture 10159
- *Eleutherococcus senticosus* 11592
- *Eragrostis tef* 3043
- *Eutrema wasabi* 6550
- *Gladiolus* 7115
- *Gossypium hirsutum* 5784, 10258
  - artificial selection 3548
- *Hevea brasiliensis* 1656, 10275
- *Hordeum chilense* 8537, 11818
- *Hordeum vulgare* 11818, 11949
- *Ipomoea batatas* 3148, 4317
- *Lycium barbarum* 12955
- *Malus hupehensis* 4399
- *Malus sikkimensis* 4399
- *Malus toringo* 4399
- *Malus toringoides* 4399
- *Manihot esculenta* 3182
- *Medicago* 12309
- *Medicago sativa* 8521, 8755
- *Medicago truncatula,* tissue culture 5256
- *Musa* 2404, 10068
- *Narcissus confusus,* tissue culture 7116
- *Nicotiana plumbaginifolia* 2525
- *Oryza sativa*
  - gene expression 279
  - nucleotide sequences 279
- *Panax pseudoginseng* 3636, 5901
- *Panicum virgatum* 6243
- *Pelargonium hortorum,* tissue culture 7075
- *Pennisetum glaucum,* tissue culture 10779
- *Picea* 9147
- *Picea abies* 3582, 10328
- *Picea glauca* 5823
  - gene expression 8254
  - nucleotide sequences 8254
- *Pinus caribaea*
  - gene expression 3571
  - nucleotide sequences 3571
- *Pinus nigra* 11497
- *Pinus radiata* 11496
- *Pinus strobus* 3578
- *Pistacia vera* 6774
- *Pisum sativum* 5378
- *Prunus* (cherries) 4420
- *Quercus robur,* tissue culture 6995
- *Quercus suber* 2572
- *Rosa* 3596, 4718
- *Salvia fruticosa* 4781
- *Salvia officinalis* 4781
- *Santalum album* 844
- *Secale cereale* 8537
- *Solanum melongena* 8870
- *Sterculia urens* 847
- *Terminalia arjuna* 8221
- *Theobroma cacao* 4567, 10213
- *Trifolium pratense,* genetics 323
- *Triticum aestivum* 9481, 11818
- *Triticum durum* 11818
- *Vigna unguiculata* 6459
- *Vitis latifolia,* anther culture 6714
- *Vitis vinifera* 1487
  - tissue culture 6713
- woody plants 11655
- *Zea mays* 12090
  - artificial selection 10712
  - tissue culture 5117

Somatic hybridization (*see* Protoplast fusion)

Sophora mollis, female fertility 8215

Sorbitol, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 4590

Sorbitol-6-phosphate 2-dehydrogenase, *Prunus persica,* gene expression 4440

Sorbocotoneaster pozdnjakovii, genetic resources 8214

Sorbus, taxonomy 4408

Sorbus aucuparia
- evolution 532
- isoenzymes
  - genetic variation 2347
  - genetics 532

Sorbus aucuparia *cont.*
- isoenzymes *cont.*
  - polymorphism 532

Sorbus sibirica, Cotoneaster melanocarpus, intergeneric hybridization 8214

Sorghastrum pohlianum, taxonomy 3045

Sorghum
- chromosomes 5728
- forage 225
- gene mapping 5728
- phylogeny
  - chloroplast genetics 12156
  - nucleotide sequences 12156
- variety trials 225

Sorghum bicolor
- alcohol dehydrogenase
  - nucleotide sequences 11814
  - transposable elements 11814
- aluminium, germplasm releases 10758
- amplified fragment length polymorphism 3998
- anther culture 2057
  - combining ability 12155
- apomixis 10743
- *Atherigona soccata* 7516, 9648, 10764
  - genetic variance 2061
- birds 1098
  - germplasm releases 10761
- breeding 6231, 10731-10732
- *Chilo partellus,* combining ability 2060
- chitinase
  - gene expression 5135
  - genetic transformation 5135
- chlorophyll, techniques 12161
- chloroplast genetics 6234
- *Cochliobolus heterostrophus,* gene expression 12157
- colchicine 10738, 10743
- cold resistance 2948
- *Colletotrichum graminicola* 2059, 4004-4006, 10759
  - genetic markers 4007
  - random amplified polymorphic DNA 4007
  - stability 12158
- *Colletotrichum sublineolum* 12159
  - gene expression 12157
- crop density 9640
- cultivars
  - ICSV111 3995
  - ICSV400 3996
  - Jinza-12 7509
  - Liao Za-10 8667
  - S35 3997
  - Severnoe-44 226
  - Volgar 10740
  - Xiang Liang You Nuo Liang-1 7510
- cytoplasmic male sterility 3999
  - backcrossing 228
  - gene expression 7511
  - genetics 228
  - germplasm releases 6239, 7512, 10739-10740, 10745-10747
  - heterosis 6235
  - mitochondrial genetics 4000, 5136, 7511
  - molecular genetics 8668
  - mutations 5136
  - random amplified polymorphic DNA 10741
  - RNA editing 7511
- development, genetics 2942-2943
- digestibility 1098-1099
  - germplasm releases 10754
- DNA, techniques 10735
- drought resistance 1102, 10757
- ecotypes 6073
- ethylene, mutations 10748
- flours 5142
- flowering 229, 10760
- forage 954
- fungi 9641-9643, 9646
- gene banks, multivariate analysis 11797
- gene mapping 3998
- genetic engineering 5133-5134, 6258
- genetic resources 3994, 6232, 8666, 9638
  - multivariate analysis 11797
- genetic transformation 9419, 10736
- genomes 951
- genotype environment interaction 2058
- genotype mixtures 4004

- ***Sorghum bicolor** cont.*
  - germination 3799
  - germplasm releases 10733
  - *Gibberella fujikuroi* 2948
  - gibberellins 229
  - growth period
    - genetic transformation 3790
    - genetics 229, 6237
    - germplasm releases 6239, 10749
  - growth regulators 229
    - mutations 10748
  - height
    - genetic transformation 3790
    - germplasm releases 6239
  - hybrid seed production 6233
  - hybrid varieties 7507
  - hydrogen cyanide 12162
  - interspecific hybridization 225, 227, 6233
  - isoenzymes 2054
    - polymorphism 2037, 12152
  - leaves
    - cytoplasmic male sterility 4001
    - genetics 2943
  - light 9637
    - nucleotide sequences 1096
  - linkage 10737
  - lodging, techniques 12154
  - lysine, genetic transformation 3790
  - *Macrophomina phaseolina* 9644-9645
    - genetic variance 9647
  - male sterility 10744
    - mutations 10742
    - somaclonal variation 5137
  - *Melanaphis sacchari* 9419
  - microsatellites 12152
  - morphology 2054, 6232, 9635, 9638, 9646
  - mutagens 10743
  - nitrogen 1101, 10756
  - nitrous oxide 10743
  - nutrients 1101, 10756
  - nutritive value 1098-1099, 6240, 8671
  - pathogenesis-related proteins, gene expression 12157
  - phenolic compounds 10753
  - phosphorus 1101
  - photoperiodism 229, 6073, 9637
    - combining ability 6236
    - gene mapping 10750
    - genetics 6237-6238, 7514
    - germplasm releases 10749
  - photosynthesis 9643
  - phytochrome, mutations 10748
  - plant composition 9642
  - pollen 10744
  - polyploidy 10738, 10743-10744
  - population genetics 12152
  - protein kinase
    - gene expression 9636
    - nucleotide sequences 9636
  - proteins, genetic transformation 3790
  - *Puccinia purpurea*, gene mapping 233
  - quality 230-231, 4003, 5142, 9639
    - combining ability 2060
    - genetic variance 8670
    - germplasm releases 10755
    - heterosis 8670
  - quantitative traits, gene mapping 227
  - regenerative ability, combining ability 12155
  - restriction fragment length polymorphism 3998, 10737
  - roots 1097
  - *Saccharum officinarum*, intergeneric hybridization 12153
  - salinity
    - artificial selection 2947
    - heterosis 2946
  - *Schizaphis graminum*, techniques 12161
  - seed testing 10751
  - seed treatment 3799
  - seeds 8669, 10753
    - germplasm releases 10761
    - storage 7323, 8674
  - *Setosphaeria turcica*
    - genetic markers 12160
    - genetics 12160
  - silage 8671
  - *Sitophilus oryzae* 8674
  - *Spodoptera frugiperda*, germplasm releases 4008
- ***Sorghum bicolor** cont.*
  - starch 232
  - *Stenodiplosis sorghicola* 3806, 9419, 10760, 10763, 12162
    - germplasm releases 4008, 10762
  - sterility 7513
  - stress 8673
  - sugars 8672
    - genetic variance 2945
  - tannins 6240, 8669
    - genetics 1100
  - tissue culture 4002, 9419
  - toxic substances, germplasm releases 10758
  - transcription factors, nucleotide sequences 6234
  - transposable elements, fluorescence *in situ* hybridization 5132
  - variety trials 954, 7507-7508, 8672-8673, 10734
  - volatile compounds 7516
  - water balance 10595
  - yield components 9639
    - artificial selection 2944
    - combining ability 2055
    - genetic variance 8670
    - genotype environment interaction 5138, 7515
    - heritability 2056
    - heterosis 8670, 10752
    - multivariate analysis 5140-5141
  - yield correlations 2058, 7515
  - yields 9640
    - heterosis 5139
- ***Sorghum caudatum**,* interspecific hybridization 227
- **Sorghum mosaic potyvirus**
  - *Saccharum officinarum*
    - gene expression 6904
    - genetic transformation 6904
- ***Sorghum subglabrescens***
  - apomixis 10743
  - colchicine 10743
  - mutagens 10743
  - nitrous oxide 10743
  - polyploidy 10743
- ***Sorghum sudanense***
  - cultivars 187
    - 2098-2-4-4 6233
  - hybrid seed production 6233
  - interspecific hybridization 225, 6233
  - nutritive value 8671
  - silage 8671
- ***Sorosporium*** (*see also Sphacelotheca*)
- **Source sink relations**
  - *Arabidopsis thaliana* 6036
  - crops, molecular genetics 7205
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 9972
    - nucleotide sequences 9972
  - *Nicotiana tabacum* 6036
  - *Oryza sativa* 270, 5196, 8700, 9682
  - *Solanum tuberosum*, genetic transformation 2238, 9901-9902
  - *Triticum aestivum* 11855
  - *Vicia narbonensis*, genetic transformation 2191
  - *Vigna mungo*, heterosis 1320
  - *Vigna radiata*, heterosis 1320
  - *Zea mays*, heterosis 3968
- **Sowing date**
  - *Avena sativa* 3946
  - *Brassica napus* (rape) 5669
  - *Cicer arietinum* 5413, 9863
  - *Glycine max* 2183, 3088, 4184, 4200, 5324
  - *Helianthus annuus* 11294
  - *Oryza sativa* 1134, 1138
  - *Pennisetum glaucum* 1108
  - *Pisum sativum* 5385
  - *Triticum aestivum* 1005, 3872, 9502-9503, 9509, 10608
  - *Triticum durum* 9502
  - *Zea mays* 5129, 7502, 9591
- **Sowing depth,** *Triticum aestivum* 2856
- **Soybean mosaic potyvirus,** *Glycine max* 5331-5332
- **Soybean yellow mosaic virus**
  - *Glycine max*, genetics 12361
  - *Glycine soja*, genetics 12361
- **Space flight**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - development 11759
    - tropisms 11759
  - *Gossypium* 8166
  - *Lentinula edodes* 5918
  - *Lycopersicon esculentum* 7885
  - *Oryza sativa* 9672
  - *Vigna radiata* 4236
  - *Zea mays* 12058-12059
- **Spacing** (*see* Crop density)
- ***Sparaxis*,** taxonomy 11557
- ***Spartina alterniflora***
  - genetic distance, random amplified polymorphic DNA 10892
  - height
    - evolution 8752
    - mutations 8752
  - random amplified polymorphic DNA, interspecific hybridization 12291
- ***Spartina anglica*,** salinity, molecular genetics 5248
- ***Spartina foliosa*,** random amplified polymorphic DNA, interspecific hybridization 12291
- **Speciation** (*see* Evolution)
- **Spectinomycin**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 12805
    - genetic transformation 12805
  - *Solanum melongena*, induced mutations 5551
  - *Solanum nigrum*, genetic engineering 12805
- **Spermidine synthase**
  - *Coffea arabica*
    - gene expression 4563
    - nucleotide sequences 4563
  - *Lycopersicon esculentum*, nucleotide sequences 11100
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 7755
    - nucleotide sequences 7755
- **Spermine,** *Arabidopsis thaliana*, induced mutations 909
- ***Sphacelotheca reiliana*,** *Zea mays*, gene mapping 12121
- ***Sphaerodothis acrocomiae*,** *Cocos nucifera* 12747
- ***Sphaerotheca fuliginea***
  - *Calendula officinalis* 12927
  - *Cucumis melo*, genetics 12596
  - *Cucumis sativus* 2325, 12612
  - *Cucurbita pepo* 6609, 7926-7927
- ***Sphaerotheca macularis*,** *Fragaria virginiana* 6706
- ***Sphaerotheca pannosa*,** *Prunus persica* 2359
- ***Sphaerulina*** (*see also Cercospora*)
- ***Sphenostylis stenocarpa*,** chitinase, nucleotide sequences 9887
- **Sphingolipid desaturase**
  - *Arabidopsis thaliana*, nucleotide sequences 3441
  - *Brassica napus*, nucleotide sequences 3441
  - *Helianthus annuus*, nucleotide sequences 3441
- ***Sphryastylis dressleri*,** taxonomy 11570
- **Spice plants**
  - domestication 7134
  - genetic resources 12960
  - tissue culture 12969
- **Spikelets**
  - *Avena sativa* 6184
  - *Hordeum vulgare*
    - gene mapping 8596
    - nucleotide sequences 7439
    - phylogeny 7439
  - *Oryza sativa* 4043
    - gene mapping 10827
  - *Pennisetum*, genetics 2952
  - Poaceae 6337
  - *Triticum aestivum*, gene location 3844
  - *Zea mays*, mutations 201
- ***Spilarctia obliqua*,** *Linum usitatissimum* (linseed) 12735
- ***Spilocaea oleagina*,** *Olea europaea* 11330
- ***Spinacia oleracea***
  - adenosinetriphosphatase
    - chloroplasts 11075
    - gene expression 11075

- ***Spinacia oleracea*** *cont.*
  - ATP synthase, chloroplast genetics 458
  - betaine, genetic engineering 2536
  - binding proteins
    - gene expression 2285
    - molecular genetics 6541
    - nucleotide sequences 889, 2285
  - bolting 3226
  - breeding 4337
  - chloroplast genetics 7855
  - choline monooxygenase, genetic engineering 2536
  - cold, gene expression 4338
  - enzymes 1371
  - gene expression 7857
  - genetic transformation 6540
  - heat shock, gene expression 4338
  - heat shock proteins, gene expression 4338
  - isoenzymes
    - gene expression 9954
    - nucleotide sequences 9954
  - manganese, nucleotide sequences 889
  - methyltransferases 7857
  - NAD(P)H dehydrogenase
    - gene expression 9102
    - mutations 9102
  - nitrite reductase
    - gene expression 2284
    - nucleotide sequences 2284
  - nitrogen 1370-1371
  - nucleotide sequences 7857
  - nutrients 1370-1371
  - phosphoribosyl diphosphate synthase
    - gene expression 9954
    - nucleotide sequences 9954
  - photosynthesis, nucleotide sequences 889
  - protoplast culture 12518
  - ribosomes, nucleotide sequences 7856
  - ribulose-bisphosphate carboxylase 7857
  - ribulose-phosphate 3-epimerase
    - gene expression 1369
    - nucleotide sequences 1369
  - RNA polymerase
    - chloroplast genetics 14
    - genetic engineering 14
    - promoters 14
  - sex 3226-3227, 12517
  - sucrose-phosphate synthase, genetic engineering 5506
  - tissue culture 12517
  - variety classification 3227
  - variety trials 457
- **Spines**
  - *Rosa multiflora,* genetics 7082
  - *Rubus idaeus* 1475
- **Splicing factors**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 7228
    - nucleotide sequences 7228
- ***Spodoptera exigua***
  - *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 4619
  - *Lycopersicon* 4366
  - *Solanum tuberosum* 12471
- ***Spodoptera frugiperda***
  - *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 4619
  - *Sorghum bicolor,* germplasm releases 4008
  - *Zea mays* 3986, 3990, 10728
    - gene expression 12134
    - genetic transformation 12134
  - *Zea mays* (sweetcorn)
    - gene expression 12132
    - genetic transformation 12132
- ***Spodoptera littoralis***
  - *Arabidopsis thaliana,* genetic engineering 3537
  - *Glycine max*
    - dominance 7729
    - heritability 7729
  - *Lycopersicon esculentum* 12554
  - *Nicotiana tabacum,* genetic engineering 3537
- ***Spodoptera litura,*** *Arachis hypogaea,* induced mutations 3474
- **Spores**
  - *Agaricus bisporus,* genetics 851
  - edible fungi 8398
- **Spores** *cont.*
  - *Kappaphycus alvarezii, in vitro* selection 11640
- ***Sporobolus hajrae,*** taxonomy 9746
- ***Sporobolus pyramidalis***
  - desiccation
    - gene expression 7672
    - nucleotide sequences 7672
  - G proteins
    - gene expression 7672
    - nucleotide sequences 7672
- ***Sporobolus stapfianus,*** desiccation, gene expression 8753
- ***Sporobolus virginicus***
  - cultivars, Nathus Green 4721
  - somaclonal variation 2142
- ***Sprekelia formosissima,*** *Nerine,* intergeneric hybridization 12930
- **Spring and winter habit**
  - *Fagopyrum esculentum* 5226, 8729
  - *Glycine max* 5324
  - *Secale cereale*
    - chromosome substitution 4945
    - genetics 4945
  - *Triticum aestivum*
    - chromosome substitution 4945
    - genetics 4945, 11857
- **Sprouting**
  - *Aegilops tauschii* 1989
  - *Brassica campestris* 8047
  - *Brassica napus* (rape) 8047
  - *Oryza sativa* 1162
  - *Triticum aestivum* 2822, 4987-4988, 6110, 11853
    - combining ability 125
    - gene mapping 11834
    - microsatellites 11834
- **Squalene monooxygenase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 8037
    - nucleotide sequences 8037
  - *Brassica napus* (rape)
    - gene expression 8037
    - nucleotide sequences 8037
- **Squalene synthase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 1617
    - nucleotide sequences 1617
- **Squash mosaic comovirus,** *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 4594
- **Stability** 9248
  - *Arachis hypogaea,* yield components 10172
  - *Asparagus officinalis,* yields 9956
  - *Avena sativa,* yield components 2895
  - *Brassica juncea*
    - insects 6834
    - yield components 6834
  - *Brassica napus* (rape) 11267
    - yield components 6827
  - *Cajanus cajan*
    - yield components 386, 9868
    - yields 5442
  - *Camellia sinensis,* yield components 3501
  - *Cicer arietinum*
    - seeds 5416
    - yield components 3121
    - yields 5416, 5422, 5424, 11002
  - *Eleusine coracana,* yield components 7526-7527
  - *Eruca vesicaria*
    - growth period 10185
    - yields 10185
  - fodder legumes 9729
  - *Gladiolus,* development 1749
  - *Glycine max* 4195
    - male sterility 6394
    - yield components 2180, 2182, 5322, 7722
  - *Gossypium,* yield components 11418
  - *Gossypium hirsutum,* yield components 10263
  - *Guizotia abyssinica,* yield components 652
  - *Hevea brasiliensis,* stress 12866
  - *Hordeum vulgare*
    - *Rhynchosporium secalis* 11954
    - yields 11952
  - *Lens culinaris,* yield components 9856
  - *Lupinus albus,* habit 10926
- **Stability** *cont.*
  - mathematics 1807, 5948
  - *Medicago sativa*
    - *Leptosphaerulina trifolii* 9754
    - yields 3052, 9754
  - *Mesona procumbens* 7163
  - *Musa* 4474
  - *Oryza sativa*
    - mathematics 2814
    - quality 12225
    - yield components 8713
    - yields 1190, 3010, 12228-12229
  - *Pachyrhizus erosus* 2275
  - *Pennisetum purpureum* 7525
  - *Phaseolus vulgaris* 6428
    - mathematics 6427
    - yields 8785
  - *Poa pratensis, Claviceps purpurea* 12278
  - Poaceae 9729
  - *Prunus avium,* yield components 2353
  - *Saccharum officinarum* 9062
    - artificial selection 6902
    - *Glomerella tucumanensis* 12769
  - *Sesamum indicum*
    - drought resistance 8093
    - yield components 8093
  - *Solanum tuberosum*
    - drought resistance 4287
    - *Phytophthora infestans* 411
    - yields 4287, 11033
  - *Sorghum bicolor, Colletotrichum graminicola* 12158
  - *Triticum aestivum* 2855, 3871
    - yield components 10627
    - yields 8540, 9499-9500
  - *Triticum durum* 7387
    - drought resistance 6138
    - heat resistance 6138
    - yield components 8582
    - yields 6138
  - *Vigna radiata,* yield components 5446
  - *Vigna umbellata*
    - growth period 5448, 6466
    - yields 6466
  - *Vitis vinifera,* yields 1489
  - *Zea mays* 1088, 7501, 10688
    - mathematics 2814
    - yield components 6219, 8644
    - yields 9630
- ***Stachylidium*** *(see also Verticillium)*
- ***Stachys officinalis***
  - essential oils 9213
  - genetic resources 9213
- ***Stachys sieboldii,*** flowering 3186
- ***Stagonospora nodorum,*** *Triticum aestivum,* germplasm releases 7399
- **Starch**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 62, 1847, 11759
  - *Coix lacryma-jobi* 8731
  - genetic transformation, reviews 11696
  - *Gracilariopsis lemaneiformis,* nucleotide sequences 11635
  - *Hordeum vulgare* 170, 10665
    - gene mapping 8613
  - *Ipomoea batatas* 8849-8850
    - techniques 6505
  - *Oryza sativa* 1183, 4052
  - *Pisum sativum,* mutations 5383, 9845
  - *Secale cereale* 3803
  - *Solanum tuberosum* 4280, 7810
    - gene expression 4277
    - genetic engineering 5473, 8826, 9904
    - genetic markers 4281
    - genetic transformation 5465, 5473, 6480, 7811
  - *Sorghum bicolor* 232
  - triticale 184
  - *Triticum* 3803
  - *Triticum aestivum* 134, 1960, 2851, 8569, 10621
    - genetic markers 136, 6120
    - genetics 991, 996
    - genotype environment interaction 991
    - restriction fragment length polymorphism 6120
  - *Triticum durum* 11870
  - *Zea mays* 193, 1080, 2043, 2046, 3978, 5118, 8651, 12096
    - gene mapping 7498
    - induced mutations 5120

Starch *cont.*
  Zea mays cont.
    mutations 8652
    random amplified polymorphic DNA 7498
    techniques 5121
Starch branching enzyme
  Solanum tuberosum
    genetic engineering 5473
    genetic transformation 5473
  Zea mays
    gene expression 8632
    nucleotide sequences 8632
Starch synthase
  Ipomoea batatas, gene expression 12486
  Nicotiana tabacum, gene expression 6939
  Pisum sativum, mutations 7760
  Solanum tuberosum
    gene expression 5474, 11021, 11027
    genetic transformation 4277, 5474, 11021
    nucleotide sequences 11027
  Triticum aestivum
    gene expression 9444
    nucleotide sequences 9444
Statistics
  Anacardium occidentale, variety trials 3403
  Arabidopsis thaliana, quantitative traits 7264
  artificial selection 2
  breeding 5945
  Capsicum annuum, yield components 7910
  combining ability 4811, 9242
  forest trees
    breeding 2566
    quantitative traits 5800
  gene flow 4915
  gene mapping, quantitative traits 10566
  genetic variance 1886
  genetic variation 934
  genotype environment interaction 3
  inbreeding depression 7272
  Lablab purpureus, yield components 397
  maternal effects 9242
  Musa, morphology 2399
  phylogeny, nucleotide sequences 2796
  pleiotropy 4916
  population genetics 4917, 8516
  quantitative traits 1889
  ribulose-bisphosphate carboxylase, nucleotide sequences 2796
  Saccharum officinarum, variety trials 658
  tissue culture 7293
  variety trials 3
  Vicia faba
    experimental design 5338
    variety trials 5338
  Vitis vinifera
    variety classification 4464
    yields 1489
  yield correlations 1804
  Zea mays, artificial selection 3954
Stearic acid
  Glycine max
    genetic transformation 10954
    induced mutations 9803
    restriction fragment length polymorphism 9803
    techniques 10954
  Helianthus annuus
    genetics 8067
    induced mutations 8067
    mutations 6853
  Zea mays
    gene expression 202
    genetic transformation 202
Stearoyl-acyl carrier protein desaturase
  Glycine max
    induced mutations 9803
    restriction fragment length polymorphism 9803
Stearoyl-CoA desaturase
  Aleurites fordii, nucleotide sequences 5720
  Brassica carinata, nucleotide sequences 9028
  Gossypium, nucleotide sequences 9112
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 11131
Stearoyl-CoA desaturase *cont.*
  Lycopersicon esculentum cont.
    genetic transformation 11131
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 1625
  Olea europaea, gene expression 5705
Steinchisma, taxonomy 5246
Stemphylium (*see also Alternaria*)
Stemphylium vesicarium, *Allium sativum* 12500
Stems (*see also* Internodes)
  Brassica napus (rape) 6806
  Ephedra gerardiana 8365
  Ephedra pachyclada 8365
  Eucalyptus globulus, genetics 10289
  Medicago sativa 10901-10902
  Triticum aestivum 123
Stenocereus stellatus
  domestication 9016-9017
  fruits, artificial selection 9016-9017
  genetic resources 9016-9017
  sexual reproduction 9016
Stenodiplosis sorghicola
  Sorghum bicolor 3806, 9419, 10760, 10763, 12162
    germplasm releases 4008, 10762
Stephanitis pyrioides, *Rhododendron* 4702, 8283
Sterculia apetala
  provenance trials 9143
  wood properties 9143
Sterculia urens, somatic embryogenesis 847
Sterility
  Aegilops geniculata 10656
  Arabidopsis thaliana, mutations 1844, 1861
  genetic transformation 5947, 9271
  Medicago sativa, genetics 3048
  Nigella sativa, induced mutations 5906
  Oryza sativa 263, 2975
  Sorghum bicolor 7513
Sternbergia lutea, embryology 5868
Sterol-C5(6)-desaturase
  Arabidopsis thaliana
    genetic transformation 7230
    nucleotide sequences 7230
  Nicotiana tabacum, nucleotide sequences 7230
Sterol isomerase, *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 1839
Sterols
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 892
    genetic engineering 892
  Coffea arabica 2511
  Coffea canephora 2511
  Cucurbita pepo, genotype environment interaction 12604
  Nicotiana tabacum
    gene expression 892
    genetic transformation 892
  Solanum tuberosum, in vitro selection 5952
Stevia rebaudiana
  cell culture 5743
  rebaudiosides, genetics 6912
  yield correlations 6913
Stilbene synthase
  Pinus sylvestris
    gene expression 4671
    nucleotide sequences 4671
Stipa iberica, taxonomy 6342
Stolons
  Fragaria vesca, genetics 6704
  Trifolium repens, genotype environment interaction 8757
Stomata
  Arabidopsis thaliana, mutations 1846
  Cocos nucifera 3455
  Ficus carica 10062
  Malus 6640
  Musa, techniques 4472
Storage
  Actinidia arguta 1497
  Actinidia deliciosa 4468
  Actinidia melanandra 1497
  Artemisia annua, pollen 816
  Brassica napus (rape), seeds 2458
  Capsicum annuum 1400
    seeds 6590
  crops, seeds 2801, 3681
Storage *cont.*
  Cryptomeria japonica, pollen 5829
  Dasypyrum villosum, seeds 2841
  Daucus carota 3180
  desert plants, seeds 7311
  Ficus carica 11225
  fodder legumes, seeds 6310
  Fragaria ananassa 11207
  Glycine max, seeds 350
  Hordeum spontaneum, seeds 9564
  Linum usitatissimum (linseed) 11270
  Lupinus luteus, pollen 9767
  Lycopersicon esculentum
    fruits 11113
    genetics 8889
  Momordica dioica, pollen 11169
  Olea europaea 3458
  Oryza sativa
    pollen 1923
    seeds 10853, 12205
  Pachyrhizus erosus 427
  Panax pseudoginseng, seeds 3637
  Pennisetum alopecuroides, pollen 1923
  Phaseolus lunatus, seeds 6382
  Phaseolus vulgaris, seeds 6382
  Phoenix dactylifera, pollen 4489
  Picea abies, seeds 766
  Pisum sativum, seeds 372
  Prunus domestica, pollen 8956
  Prunus persica 1473
  Secale cereale, seeds 180
  seeds 1800-1801, 9237
  Solanum tuberosum 11031-11032
  Sorghum bicolor, seeds 7323, 8674
  Triticum aestivum 11901
  Triticum durum, seeds 2841
  Vaccinium ashei 6702
  Vaccinium corymbosum 6702
  Vigna angularis, seeds 6382
  Vigna radiata, seeds 6382
  Vigna umbellata, seeds 6382
  Vigna unguiculata, seeds 1316, 6382
  Zea mays 12131
    pollen 1923
    seeds 7323
Streptomycin
  Lycopersicon esculentum 12538
  Nicotiana tabacum
    gene expression 12805
    genetic transformation 12805
  Solanum nigrum, genetic engineering 12805
Stress
  Arabidopsis thaliana 920
    gene expression 64-66, 2752, 2778, 3756, 3758, 4897, 4900, 6040, 8505
    genetic transformation 4897
    mutations 66
    nucleotide sequences 2752, 3756, 7265
    reviews 4906
  Arachis hypogaea 11334
  Avena sativa, artificial selection 1051
  books 11654
  Brassica napus (rape)
    gene expression 12721
    nucleotide sequences 12721
  Brassica oleracea (cauliflowers), gene expression 12510
  Camellia sinensis 10207
  Craterostigma plantagineum
    gene expression 12942
    nucleotide sequences 12942
  Cucumis sativus, gene expression 10003
  Festuca, gene mapping 2134
  Festuca arundinacea 8734
  fruit crops 8906
  gene expression 4823, 7192
  genetic engineering, reviews 1809, 2720, 4819
  genetic transformation 11673
    reviews 9250
  Glycine max 4900
  Helianthus annuus
    gene expression 8064
    nucleotide sequences 8064
  Hevea brasiliensis, stability 12866
  Hordeum vulgare 3937
    genetic engineering 2887

- **Stress** *cont.*
  - *Hordeum vulgare cont.*
    - genotype environment interaction 174, 7440
    - heritability 174
    - promoters 2887
  - *Lilium longiflorum* 4753
  - *Lolium,* gene mapping 2134
  - *Lolium multiflorum* 8734
  - *Lycopersicon,* restriction fragment length polymorphism 7900
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 3244, 11121, 12534
  - *Medicago sativa,* gene expression 7676
  - *Mesembryanthemum crystallinum* 12943
  - molecular genetics, reviews 11806
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 2887, 3534, 4591, 6933, 6937, 10237
    - genetic engineering 3534
    - genetic transformation 2887, 6933
    - promoters 3534
  - *Oryza sativa* 289
    - gene expression 4046, 9677
    - genetic resources 9712
    - genetic transformation 4065
    - nucleotide sequences 4046
  - *Pisum sativum,* gene expression 10980
  - *Populus,* genetic transformation 748
  - *Pseudotsuga menziesii* 9149
  - *Quercus suber*
    - gene expression 2573
    - nucleotide sequences 2573
  - reviews 5
  - *Solanum commersonii* 2240
  - *Solanum tuberosum* 4311
  - *Sorghum bicolor* 8673
  - triticale, techniques 6195
  - *Triticum aestivum* 1974, 11855
  - *Triticum durum* 1974, 5021, 9507
  - *Zea mays* 1091, 8661
    - gene expression 6224
- **Strictosidine synthase**
  - *Catharanthus roseus*
    - gene expression 7140, 12947
    - genetic engineering 3528, 10424
    - genetic transformation 1768
    - nucleotide sequences 10424
    - promoters 10424
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 3528
    - genetic transformation 3528, 10424
- ***Striga gesnerioides,*** *Vigna unguiculata* 1317
- ***Stromanthe palustris,*** taxonomy 8353
- ***Stylosanthes***
  - isoenzymes
    - heterozygosity 9770
    - polymorphism 9770
  - phylogeny, chloroplast genetics 12339
  - taxonomy, genetic markers 8763
  - variety classification, genetic markers 8763
- ***Stylosanthes guianensis***
  - genetic markers 6371
  - polymerase chain reaction 6371
- ***Stylosanthes seabrana,*** genetic resources 10939
- ***Suaeda***
  - pollen 6318
  - taxonomy 6318
- **Suberin,** *Solanum tuberosum* 8838
- **Succinate dehydrogenase**
  - *Arabidopsis thaliana,* mitochondrial genetics 4883
  - *Oryza sativa,* nucleotide sequences 12188
  - *Pleurotus ostreatus,* nucleotide sequences 2686, 11625
  - *Zea mays*
    - gene expression 10695
    - nucleotide sequences 10695
- ***O*-succinylhomoserine (thiol)-lyase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 15
    - nucleotide sequences 15, 9309
- **Succulent plants,** taxonomy, techniques 7131
- **Sucrose**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 8476
    - mutations 57, 2774
- **Sucrose** *cont.*
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet)
    - genetic transformation 2495
    - germplasm releases 6908
  - *Glycine max* 9811
  - *Saccharum officinarum* 1589
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 2239, 2495
- **Sucrose 1F-fructosyltransferase**
  - *Allium cepa*
    - genetic engineering 430
    - nucleotide sequences 430
  - *Nicotiana plumbaginifolia*
    - gene expression 430
    - genetic transformation 430
- **Sucrose-phosphate synthase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 7258
    - genetic transformation 42, 7258
  - *Citrus unshiu,* gene expression 4478
  - gene expression, reviews 9266
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 9971
    - genetic transformation 9971, 11108
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 5506
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 7593
    - genetic transformation 7593
  - *Saccharum officinarum* 1589
  - *Solanum tuberosum*
    - antisense RNA 12454
    - gene expression 1338, 12454
    - genetic transformation 1338, 12449, 12454
  - *Spinacia oleracea,* genetic engineering 5506
  - *Zea mays*
    - gene expression 9971, 11108, 12449
    - genetic engineering 9971, 11108, 12449
- **Sucrose synthase**
  - *Arabidopsis thaliana* 8501
  - *Craterostigma plantagineum*
    - gene expression 12942
    - nucleotide sequences 12942
  - *Daucus carota*
    - gene expression 4315
    - nucleotide sequences 4315
  - *Gossypium hirsutum*
    - gene expression 1639
    - mutations 1639
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene expression 9598, 9972
    - genetic transformation 9598
    - nucleotide sequences 9972
  - *Pisum sativum*
    - mutations 5370, 10989
    - nucleotide sequences 5370
  - *Zea mays*
    - gene expression 216, 218, 9598
    - genetic engineering 9598
    - mutations 216
    - promoters 9598
- **Sucrose transporter,** *Zea mays,* molecular genetics 8642
- **Sugar transport proteins**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 3736
    - nucleotide sequences 3736
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 9901
- **Sugarcane bacilliform badnavirus**
  - *Musa*
    - gene expression 10066
    - genetic transformation 10066
    - nucleotide sequences 10066
    - promoters 10066
- **Sugarcane mosaic potyvirus,** *Saccharum officinarum,* genetic transformation 673
- **Sugars**
  - *Actinidia chinensis* 564
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 7250, 7256, 8477
  - *Avena sativa* 8621
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), combining ability 11351
  - *Carya illinoinensis,* clonal variation 4497
  - *Ficus carica* 11224
  - *Fragaria,* multivariate analysis 1481
  - *Fragaria ananassa* 1480
- **Sugars** *cont.*
  - *Fragaria ananassa cont.*
    - multivariate analysis 1481
  - *Gossypium hirsutum* 726
  - *Nicotiana tabacum*
    - cell culture 11385
    - gene expression 9099
    - genetic transformation 9099
  - *Pinus lambertiana* 12891
  - *Pisum sativum* 5373
  - *Solanum tuberosum* 6486
    - genetic engineering 8826
  - *Sorghum bicolor* 8672
    - genetic variance 2945
  - temperate fruits, molecular genetics 1922
  - *Zea mays* (sweetcorn)
    - gene mapping 11987
    - random amplified polymorphic DNA 11987
- **Sulfate adenylyltransferase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4510, 10549
    - genetic engineering 4510
  - *Brassica juncea*
    - gene expression 4510, 6802, 8045
    - genetic transformation 4510
    - nucleotide sequences 8045
  - *Zea mays*
    - gene expression 5110
    - nucleotide sequences 5110
- **Sulfate permease**
  - *Zea mays*
    - gene expression 5110
    - nucleotide sequences 5110
- **Sulfate transporter**
  - *Brassica juncea*
    - gene expression 8045
    - nucleotide sequences 8045
- **Sulfite reductase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 7224
    - genetic transformation 7224
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 1610
    - nucleotide sequences 1610
- **Sulfur**
  - *Allium cepa* 8861
  - *Allium porrum* 8861
  - *Brassica juncea*
    - gene expression 8045
    - nucleotide sequences 8045
  - gene expression 7307
- **Superoxide dismutase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 928
    - genetic engineering 10715
    - nucleotide sequences 10514
  - *Arachis hypogaea* 6874
  - *Helianthus annuus,* mutations 11283
  - *Hordeum vulgare* 3794
  - *Medicago sativa*
    - gene expression 6359
    - genetic transformation 6359
  - *Nicotiana plumbaginifolia,* genetic engineering 8661
  - *Oryza sativa,* nucleotide sequences 7552
  - *Populus canescens*
    - gene expression 8136
    - genetic transformation 8136
  - *Populus tremuloides,* gene expression 11475
  - *Solanum tuberosum* 6489
  - *Triticum aestivum* 1974, 6143
    - gene expression 10631
  - *Triticum durum* 1974
  - *Zea mays*
    - gene expression 10715
    - genetic transformation 8661, 10715
- **Surface proteins**
  - *Arabidopsis thaliana* 7267
    - gene expression 1845, 11755
    - nucleotide sequences 1845
- **Sustainability,** genetic engineering 3712
- ***Sutera cordata***
  - cultivars
    - Blizzard 7091
    - White Falls 7091
- **Sweet potato chlorotic stunt crinivirus,** *Ipomoea* 2256
- **Sweet potato feathery mottle potyvirus**
  - *Ipomoea* 2256

Sweet potato feathery mottle potyvirus *cont.*
  Ipomoea batatas, genetic transformation 1351
  Nicotiana benthamiana
    gene expression 12825
    genetic transformation 12825
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 1631
Swertia, taxonomy 3606
Swietenia macrophylla, *Hypsipyla grandella* 12882
Syagrus coronata
  chromosome morphology 10343
  pollen germination 10346
Syagrus quinquifaria, chromosome morphology 10343
Symbiosis
  Glycine max 5320
  Pisum sativum, mutations 6442
Synapsis (*see* Chromosome pairing)
Synchytrium endobioticum
  Solanum tuberosum
    gene mapping 6492
    linkage 6492
    restriction fragment length polymorphism 6492
Syndesis (*see* Chromosome pairing)
Syntaxin
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 10528
    nucleotide sequences 10528
  Nicotiana tabacum
    gene expression 4581
    nucleotide sequences 4581
Synthetic varieties 1892
  Brassica napus (rape) 2447
  Helianthus annuus 12736
  Triticum aestivum 4956
  Vicia faba 5337
  Zea mays 2929, 8644, 9620
Syringa, phylogeny, chloroplast genetics 780
Syringa oblata, pollination 1719
Systemin
  Lycopersicon esculentum, genetic transformation 1384
  Lycopersicon peruvianum, gene expression 5537
Syzygium alternifolium, tissue culture 10434
Tagetes
  hybridization 9180
  morphology, multivariate analysis 9180
  taxonomy 9180
Tagetes erecta
  iron 4739
  toxic substances 4739
Tagetes minuta, cultivars, Vanphool 11613
Tagetes patula
  flowers 8309
  nectar 8309
  pollination 8309
Tagetitoxin, *Nicotiana tabacum,* gene expression 1608
Talaromyces flavus
  Nicotiana tabacum
    gene expression 8152
    genetic transformation 8152
Tamarindus indica, outcrossing 8025
Tanacetum cinerariifolium
  interspecific hybridization 10440
  protoplast fusion 10440
  random amplified polymorphic DNA 10440
  tissue culture 1778
Tanacetum parthenium
  interspecific hybridization 5905
  parthenolide 5905
Tanacetum vulgare
  interspecific hybridization 5905, 10440
  parthenolide 5905
  protoplast fusion 10440
  random amplified polymorphic DNA 10440
Tannins
  Lens culinaris 5289
  Lotus corniculatus 7684
  Lupinus angustifolius 5289
  Phaseolus vulgaris 361
  Sorghum bicolor 6240, 8669
    genetics 1100
  Vicia faba 358, 4203, 5289, 5344
Taphrina deformans, *Prunus persica* 2358
Taraxacum officinale, embryology 8521
Taxodium, development 772
Taxodium distichum
  roots 7041
  salinity 7041
Taxonomy 945, 3786-3788, 8526
  Abutilon anglosomaliae 8288
  Acacia 1675, 8212
  Acacia acuminata 1674
  Acacia burkittii 1674
  Acacia qandalensis 5807
  Acacia tephrophylla 5807
  Aconitum 8364
  Adenophora ningxianica 8366
  Aegilops 3901
    restriction fragment length polymorphism 5052
  Aglaonema flemingianum 2664
  Alchemilla, multivariate analysis 5859
  Alchemilla montenegrina 2671
  Alchemilla rubidula 2671
  Alchemilla vincekii 2671
  Allium
    fluorescence *in situ* hybridization 9936
    repetitive DNA 9936
  Allium archeotrichon 8864
  Allium brulloi 4327
  Alocasia 5487
  Aloe 1652
  Aloe pembana 728
  Alstroemeria 11559
  Amaryllis paradisicola 5873
  Androsace villosa 8319
  Anemone biflora 1741
  Anemone pseudoaltaica 12934
  angiosperms 3789
    books 11658
  Anthoxanthum maderense 5240
  Anthyllis 3067
  Araceae, conferences 3656
  Arthrostylidium 3648
  Artocarpus 5627
  Asparagus, ribosomal RNA 7878
  Asparagus asparagoides 7132
  Asparagus officinalis, ribosomal RNA 7878
  Astragalus 6376-6378
  Astragalus ahmad-parsai 6376
  Astragalus concordius 2158
  Astragalus scapiger 6377
  Atalantia 5644
  Atriplex 6319
  Bactris neomilitaris 8028
  Bashania abietina 9218
  Begonia 7118, 11556
  Begonia gomantongensis 5874
  Begonia lazat 2294
  Begonia postarii 5874
  Beta vulgaris 9073
  Bletia reflexa 4757
  Boronia 8290, 8292
  Bouteloua, ribosomal DNA 2144
  Brassica alboglabra 5504
  Bulbophyllum involutum 1762
  Caesalpinia, books 1798
  Caesalpinioideae 330
  Calamus occidentalis 4783
  Calathea singularis 8353
  Callicarpa 3592
  Callophyllis, techniques 10462
  Calpurnia 11526
  Camellia 10353
  Campanula pangea 4738
  Capsicum, random amplified polymorphic DNA 12566
  Capsicum annuum, random amplified polymorphic DNA 12566
  Carum 8378
  Caryopteris 11529
  Cassia 10437
  Cattleya deckeri 5884
  Centranthus amazonum 3607
  Centranthus trinervis 3607
  Chlorophytum zingiberastrum 8349
  Chusquea 3648
  Cicer, random amplified polymorphic DNA 6454
  Cinchona 4772
  Cissus quadrangularis 10438
Taxonomy *cont.*
  Citrus 5644, 10076
  Citrus nobilis 3362
  Citrus reticulata 3362
  Clarkia australis 7103
  Clarkia virgata 7103
  Clematis henryi 8291
  Clematis xinhuiensis 8291
  Clematis zhejiangensis 8291
  Clerodendrum, molecular genetics 5845
  Colchicum 10394
  Colocasia esculenta 8853
  Copernicia 10356
  Coreopsis crawfordii 11544
  Crataegus 11187
  Crepidium 3624, 11573
  Crepidium comberi 1760
  Crepidium sundaicum 1760
  Crepidium woodianum 1760
  Crocus paulineae 10388
  Cucurbita maxima 7924
  Cucurbita moschata 7924
  Cucurbita pepo 7924
  Cuphea congesta 8098
  Cuphea splendida 8098
  Cuphea xanthopetala 8098
  Curcuma 12971
  Cycas 1707, 2609, 8269
  Cycas falcata 10350
  Cycas pranburiensis 8268
  Cycnoches barthiorum 10407
  Cymbidium, random amplified polymorphic DNA 3618
  Cymbidium goeringii, random amplified polymorphic DNA 3618
  Cynorkis bardotiana 3625
  Cypripedium kentuckiense 3622
  Cypripedium parviflorum 3622
  Cyrtochloa 9219
  Dactylorhiza 806
  databases 9399
  Desmodium 7694-7695
  Desmodium bolsteri 12341
  Desmodium luteolum 4157
  Deyeuxia lacustris 10881
  Dianthus 12919
  Dichelachne lautumia 10881
  dictionaries 11656
  Dinochloa acutiflora 9220
  Dioscorea 9917-9918
  Dioscorea quartiniana 9917
  Disa virginalis 3627
  DNA 1898
  Echinocereus mapimiensis 4761
  Elymus hispidus 2139
  Elymus komarovii 4113
  Epicycas 1707
  Epipactis futakii 3623
  Eragrostis amabilis 1228
  Eragrostis vallsiana 10897
  Eragrostis vernix 10897
  Erica 1724, 12906
  Erica cubitans 11528
  Erica feminarum 11527
  Erica garciae 11528
  Erica hanekomii 11524
  Erica hansfordii 11527
  Erica hebdomadalis 3595
  Erica sperata 11528
  Etlingera 11542
  Eucalyptus canobolensis 6991
  Eucalyptus globulus 11463
  Eucalyptus splendens 8199
  Eulophia 5885
  Eulophia hians 8342
  Euonymus furfuraceus 10354
  Euonymus leishanensis 10354
  Euphorbia gamkensis 11576
  Euphorbia lancasteriana 10413
  Euphorbia leistneri 812
  Euphorbia suppressa 11576
  Exochorda 10025
  Fagopyrum 8727
  Faidherbia albida 1675, 8211
  Faucaria 11577
  Ferula communis 7160
  Festuca 1221
  Festuca austrouralensis 12284
  Festuca gamisansii 8745
  Ficus 5627
  Fingardia yamapensis 1759

Taxonomy *cont.*
fodder legumes 6320
Fortunella 5644
Fragaria chiloensis, random amplified polymorphic DNA 10046
Fritillaria, polymerase chain reaction 9193
Furcraea niquivilensis 8193
Gasteria carinata 810
Gasteria glauca 810
Gentiana 5858
Geranium 8316, 8320
Geranium planum 5860
Gigartina, techniques 10462
Gladiolus, books 4801
Glycine, nucleotide sequences 12351
Gossypium hirsutum 3550
Gossypium mustelinum 3550
Guadua 3648
Habenaria praecox 8341
Hebe 8289
Hebe perbella 1723
Hedysarum costaetalentii 2159
Helictotrichon 1225
Hessea 8337
Hessea tenuipedicellata 8337
Hibiscus erlangeri 8288
Holcoglossum tangii 2661
Holcoglossum wangii 2661
Hordeum 11951
 polymerase chain reaction 6175
Hordeum vulgare 7446
Hyacinthoides 10395
Hymenocallis clivorum 1751
Impatiens uzungwaensis 10373
Impatiens volkensii 10373
Indigofera 1252, 5281
Ipomoea 5483, 7831
 random amplified polymorphic DNA 1350, 7832
Ipomoea batatas 7831
 random amplified polymorphic DNA 1350
Ipomoea trifida, random amplified polymorphic DNA 1350
Iris, random amplified polymorphic DNA 8336
Ixia 11557
Jasminum jenniae 8293
Juniperus, random amplified polymorphic DNA 9153
Kalanchoe ndotoensis 809
Koeleria cheesemannii 10898
Koeleria novozelandica 10898
Koeleria riguorum 10898
Lepanthes 5886
Leucaena 4158, 9778
Leymus arenarius
 amplified fragment length polymorphism 6332
 restriction fragment length polymorphism 6332
Leymus mollis
 amplified fragment length polymorphism 6332
 restriction fragment length polymorphism 6332
Ligustrum 10352
Limonium 4736
Limonium capraria 9182
Limonium montis-christi 9182
Limonium perplexum 12922
Limonium vigoi 3608
Lobelia brasiliensis 3610
Lonicera 3593
Lotus corniculatus 10938
Lupinus 3060, 4152, 10933
Lycopersicon, random amplified polymorphic DNA 12528
Lycopersicon esculentum, random amplified polymorphic DNA 12528
Machaerium 5811
Macrozamia johnsonii 8354
Macrozamia moorei 8354
Maddenia 10025
Magnolia wugangensis 10355
Mammillaria 11575
Mammillaria luethyi 811
Manihot baccata 6500
Medicago 3050

Taxonomy *cont.*
Medicago sativa, multivariate analysis 7677
Melissa officinalis, random amplified polymorphic DNA 9216
Merxmuellera cincta 6343
Metroxylon paulcoxii 4784
Mimosa craspedisetosa 10311
Mimosoideae 331
molecular genetics 7296, 7299
Moraea, chloroplast genetics 3616
Mosla 8384
Myriocladus 5914
Nepenthes mira 8350
Nepenthes wilkiei 8350
Nepeta makuensis 7101
Nicotiana, molecular genetics 8150
Nuphar microphylla 5893
Nuphar pumila 5893
Octomeria 11572
Odontoglossum dracoceps 11571
Olea, amplified fragment length polymorphism 6867
Olea europaea, amplified fragment length polymorphism 6867
Ophioglossum richardsiae 11578
Ophioglossum vulgatum 11578
Orchidaceae 5883
Oryza, DNA hybridization 1186
Ottleya 7693
Pachycereus tepamo 3631
Paeonia delavayi 4701
Paspalum 2143, 6341
 restriction fragment length polymorphism 1229
Passiflora, multivariate analysis 3368
Passiflora aimae 3369
Pavetta tshikondeni 11488
Pelargonium 9166
Pelargonium angustipetalum 7104
Pelargonium parvipetalum 7104
Pelargonium rubiginosum 7104
Pennisetum 4014
Petasites 5509
Petunia bajeensis 5865
Petunia occidentalis 2641
Petunia riograndensis 5865
Phalaenopsis violacea 1755
Phoenix 4491
Phyllostachys heteroclada 4786
Physalis 3367
Picea glauca, chloroplast genetics 12895
Picea mariana, chloroplast genetics 12895
Picea rubens, chloroplast genetics 12895
Pinus brutia, isoenzymes 2601
Pinus pityusa, isoenzymes 2601
Piper 10443
Piperaceae 3643
Pittosporum lanipetalum 3594
Platanus acerifolia 7011
Platanus orientalis 7011
Plectranthus gillettii 8351
Plectranthus marrubatus 8351
Pleione 3628
Pleurothallis 11572
Pleurothallis llamachoi 5886
Plumeria 10351
Poa schistacea 10881
Poa spania 10883
Poa xenica 10881
Podocarpus, random amplified polymorphic DNA 2610, 10332
Podochilus marsupialis 7126
Pogostemon 2684
Pogostemon peethapushpum 2683
Pomaria 333
Poncirus 5644
Populus 7002
 random amplified polymorphic DNA 2576
Primula 1739
Primula grignensis 2637
Primula recubariensis 4737
Prinsepia 10025
Prosopis, random amplified polymorphic DNA 5810
Proteaceae, conferences 7179
Prunus 10025
Prunus dulcis 9025
Prunus katonis 4421

Taxonomy *cont.*
Psoralea peratica 332
Psychotria rhombibractea 11597
Quercus petraea, random amplified polymorphic DNA 10291
Quercus robur, random amplified polymorphic DNA 10291
Renzorchis pseudoplatycoryne 3626
Rheochloa scabiflora 12300
Rhipidocladum 3648
Rhododendron 1710, 12907
Rhus pygmaea 9164
Ribes austroecuadorense 3299
Ribes erectum 3299
Rosa, random amplified polymorphic DNA 8299
Saccharum 4551
Salix 7002-7003, 10299
Salix gonggashanica 8209
Salvia thermara 11621
Sarracenia 5890
Satureja nabateorum 4782
Saxifraga 9184
Schickendantzia 11559
Scilla 11558
Scilla beirana 3615
Secale 2009
Severinia 5644
Siamanthus siliquosus 2636
Silene 11536
Solanum brevicaule
 random amplified polymorphic DNA 3164
 restriction fragment length polymorphism 3164
Sorbus 4408
Sorghastrum pohlianum 3045
Sparaxis 11557
Sphryastylis dressleri 11570
Sporobolus hajrae 9746
Steinchisma 5246
Stipa iberica 6342
Stromanthe palustris 8353
Stylosanthes, genetic markers 8763
Suaeda 6318
succulent plants, techniques 7131
Swertia 3606
Tagetes 9180
Taxus, enzymes 7040
techniques 9401
Teucrium, molecular genetics 4771
Thymus 7154
Thymus nakhodkensis 8379
Trachyspermum 8378
Trichocentrum 1761
Trichoglottis tinekeae 7126
Triraphis devia 10899
Trisetum 6339
Triticeae 2813
Triticum aestivum, nucleotide sequences 11871
Triticum boeoticum 3869
Triticum dicoccum, random amplified polymorphic DNA 6127
Triticum monococcum, random amplified polymorphic DNA 6127
Triticum spelta, nucleotide sequences 11871
Triticum timopheevii, random amplified polymorphic DNA 6127
Triticum urartu 3869
Tuber, polymerase chain reaction 8401
Tuber borchii, random amplified polymorphic DNA 1790
Tulipa wendelboi 7119
Tzeltalia 3367
Ulmus ismaelis 3561
Vaccinium 12667
Valeriana tajuvensis 8367
Vanda, random amplified polymorphic DNA 5881
Vicia 4148
Vicia erzurumica 4147
Vigna 4237, 12435
Viola 8318, 12918
 random amplified polymorphic DNA 2619
Vitis 1490, 6716
Yucca capensis 4762
Zamia lacandona 3591
Zingiberaceae 2652

- **Taxonomy** *cont.*
  - *Ziziphus hajarensis* 4496
  - *Zotovia* 6340
- ***Taxus***
  - chromosome morphology 1703
  - enzymes, taxonomy 7040
- ***Taxus baccata,*** genetic resources 757
- ***Taxus chinensis,*** embryo culture 7038
- **Techniques**
  - *Abies sachalinensis,* cold resistance 5824
  - *Acer pseudoplatanus,* DNA 11457
  - *Aegilops tauschii,* amylose 1927
  - *Allium*
    - DNA 9931
    - genomes 9931
  - *Allium cepa*
    - bulbs 6519
    - sister chromatid exchange 3203
    - variety classification 6519
  - *Anacardium occidentale, Oidium anacardii* 3419
  - *Antirrhinum microphyllum,* cryopreservation 10376
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene mapping 11736
    - genetic transformation 887, 9297
    - green fluorescent protein 25
    - molecular genetics 9297
    - *Myzus persicae* 1882
    - protoplasts 25
  - *Bambusa beecheyana,* genetic transformation 5752
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet), polyploidy 1598
  - *Brachiaria, Aeneolamia varia* 12301
  - *Brassica campestris* (turnips), mitochondrial DNA 11050
  - *Brassica hirta,* mitochondrial DNA 11050
  - *Brassica napus* (rape)
    - DNA 9032, 10107
    - fatty acids 618
    - fruits 610
    - glucosinolates 623
    - glufosinate 628
    - herbicides 628
    - pollen 10107
    - shedding 610
  - *Brassica oleracea* (cabbages), self incompatibility 2283
  - Brassicaceae, *Mycosphaerella brassicicola* 2463
  - *Callophyllis,* taxonomy 10462
  - *Camellia,* chromosome morphology 3499
  - *Carica papaya,* somatic embryogenesis 1527
  - chromosome morphology 867, 8332
  - chromosomes 7274
  - *Citrullus lanatus,* DNA 6597
  - crops, DNA 1916
  - *Cucumis sativus*
    - DNA 6597
    - *Fusarium oxysporum* 1417
  - *Cucurbita maxima,* vitamins 11165
  - *Cunninghamia lanceolata,* DNA 770
  - cytology, reviews 10570
  - *Daucus carota*
    - genetic transformation 11048
    - somatic embryogenesis 415, 11048
    - volatile compounds 416
  - DNA 7214, 7273
  - *Eleusine coracana,* hybridization 9654
  - *Festuca*
    - endophytes 12283
    - *Neotyphodium* 12283
  - *Fragaria ananassa,* DNA 12668
  - *Fraxinus excelsior,* DNA 11457
  - gene expression 4828, 7216, 11710
  - genetic transformation 11711
  - *Gigartina,* taxonomy 10462
  - *Glycine max*
    - genetic engineering 11798, 12343
    - *Heterodera glycines* 12371
    - mechanical damage 1279
    - palmitic acid 10954
    - stearic acid 10954
    - *Tetranychus urticae* 8776
  - glyphosate 3702
  - *Gossypium*
    - cotton leaf curl bigeminivirus 12845
    - fungi 2550
- **Techniques** *cont.*
  - *Gossypium cont.*
    - genetic transformation 4601, 11407
    - *Helicoverpa* 2556
    - quality 719, 3549
  - Hamamelidaceae, phylogeny 7297
  - *Helianthus annuus*
    - genetic transformation 5689, 11274
    - heat resistance 12740
  - herbicides 3702
  - *Hordeum vulgare,* plant composition 8609
  - *in vitro* culture 11787
  - *Ipomoea batatas*
    - amplified fragment length polymorphism 9914
    - starch 6505
  - *Lens culinaris, Ascochyta fabae* 5408
  - *Lesquerella,* DNA 3480
  - *Lilium orier,* genetic transformation 5752
  - *Lolium perenne,* digestibility 6324
  - *Lycopersicon, Oidium lycopersicum* 11127
  - *Lycopersicon esculentum*
    - *Fusarium oxysporum* 5540
    - gene mapping 9966
    - *Oidium lycopersicum* 11127
  - *Malus pumila,* genetic transformation 4392
  - *Medicago sativa, Sclerotinia trifoliorum* 2149
  - *Musa*
    - cytology 1502
    - polyploidy 4472
    - stomata 4472
    - tissue culture 1507
  - *Nicotiana benthamiana,* genetic transformation 5752
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 11361-11362
    - genetic transformation 5754, 11716
  - nucleotide sequences 11710
  - Nymphaeales, phylogeny 7297
  - Orchidaceae, DNA 9199
  - *Oryza sativa*
    - breeding 1110
    - *Cochliobolus miyabeanus* 1204
    - *Magnaporthe grisea* 1206, 12247
    - nitrogen 286
    - rice tungro bacilliform badnavirus 12255
  - *Phaseolus*
    - chloroplast genetics 10963
    - restriction fragment length polymorphism 10963
  - *Phaseolus lunatus*
    - chloroplast genetics 10963
    - restriction fragment length polymorphism 10963
  - *Phoenix dactylifera,* DNA 11246
  - *Picea,* DNA 11502
  - *Picea mariana,* breeding 10323
  - *Pinus pinaster,* RNA 8234
  - *Pinus radiata,* DNA 8233
  - *Pinus sylvestris,* RNA 8234
  - *Pisum sativum*
    - *Ascochyta rabiei* 5387
    - *Mycosphaerella pinodes* 5389
  - *Plumbago zeylanica,* pollen 5894
  - *Poa pratensis*
    - databases 2135
    - variety trials 2135
  - polyploidy 81
  - *Populus,* gene expression 12876
  - *Prunus armeniaca,* quality 1436
  - *Prunus avium,* DNA 11457
  - *Quercus petraea,* DNA 4643, 11457
  - *Quercus robur,* DNA 4643, 11457
  - *Raphanus sativus,* random amplified polymorphic DNA 7836
  - *Ribes nigrum,* interspecific hybridization 5607
  - *Ribes rubrum,* interspecific hybridization 5607
  - *Ribes uva-crispa,* interspecific hybridization 5607
  - *Saccharum officinarum*
    - chromosome morphology 10189
    - fibre 5732
    - *Glomerella tucumanensis* 1591, 12768
- **Techniques** *cont.*
  - *Saccharum officinarum cont.*
    - quality 667
  - *Secale cereale*
    - amylose 1927
    - *Monographella nivalis* 10684
    - nutrients 956
  - *Solanum,* glycoalkaloids 12452
  - *Solanum brevidens,* glycoalkaloids 12452
  - *Solanum tuberosum*
    - glycoalkaloids 8825, 12452
    - mechanical damage 6487
    - quality 1340
  - *Sorghum bicolor*
    - chlorophyll 12161
    - DNA 10735
    - lodging 12154
    - *Schizaphis graminum* 12161
  - succulent plants, taxonomy 7131
  - taxonomy 9401
  - triticale
    - nutrients 956
    - stress 6195
  - *Triticum,* amylose 1927
  - *Triticum aestivum*
    - chromosome translocation 4974
    - cold resistance 10634
    - drought resistance 1973, 8584
    - genetic transformation 6084
    - glutenins 138
    - haploidy 6099
    - *Hymenula cerealis* 1976
    - nutrients 140, 956
    - phosphorus 140
    - pollination 4937
    - seeds 7359
  - *Vitis vinifera*
    - chlorophyll 10054
    - variety classification 11214
  - *Zea mays*
    - amplified fragment length polymorphism 11988
    - digestibility 6217
    - DNA fingerprinting 11988
    - genetic engineering 11798
    - genetic transformation 11716
    - *Gibberella fujikuroi* 12119
    - lodging 8643
    - parthenogenesis 12029
    - plant embryos 12033
    - pollen 12033
    - pollination 4937
    - polymerase chain reaction 10697
    - RNA 2911
    - starch 5121
    - *Ustilago zeae* 12125
- ***Tectona grandis***
  - breeding 9138
  - leaves 4662
  - sexual reproduction 11484
  - wood properties 10309
- ***Telopea speciosissima***
  - cultivars
    - Dreaming 7057
    - Songlines 7058
- **Temperate fruits**
  - breeding 3348
  - gene mapping 6623
  - genetic resources 3348, 6622, 7934
  - phylogeny, molecular genetics 2328
  - sugars, molecular genetics 1922
- **Temperature**
  - *Arabidopsis thaliana* 8475
    - gene expression 40-41, 8487
    - genetic transformation 40-41
  - *Avena sativa* 5082
  - *Avena sterilis* 5082
  - *Brassica chinensis* 6531
  - *Cajanus cajan* 5438
  - *Crocus* 4748
  - *Cucumis figarei* 1406
  - *Dendranthema,* mathematics 9175
  - *Fragaria ananassa* 2369
  - *Helianthus annuus* 4526
  - *Helianthus argophyllus* 4526
  - *Helianthus bolanderi* 4526
  - *Hordeum vulgare* 2881
  - *Lupinus albus* 7687
  - *Lupinus angustifolius* 10929
  - *Lupinus luteus* 10929
  - *Lycopersicon esculentum* 11137

- **Temperature** *cont.*
  - *Mangifera indica* 6748
  - *Oryza sativa* 1148-1149, 1154-1156, 2101
    - gene expression 1168
    - genetics 1151
    - heritability 2102
  - *Pisum sativum* 1299
    - genetics 5372
  - *Prunus dulcis* 3384
  - *Raphanus sativus,* gene expression 9920
  - *Solanum tuberosum* 8824
    - gene expression 4253
    - genetic transformation 4253
  - *Trifolium repens* 7683
  - *Triticum aestivum* 6124, 10608
  - *Triticum durum* 6135
  - *Zea mays* 2046
- ***Terminalia,*** genetic resources, books 12997
- ***Terminalia arjuna***
  - interspecific hybridization 3562
  - nutritive value 3562
  - somatic embryogenesis 8221
- ***Terminalia tomentosa***
  - interspecific hybridization 3562
  - nutritive value 3562
- **Terpenoids**
  - *Artemisia tridentata,* clines 2131
  - genetic engineering, reviews 9280
  - *Gossypium* 6976
  - *Gossypium barbadense,* genetics 6961
  - *Gossypium hirsutum,* genetics 6961
- ***Tetranychus***
  - *Lycopersicon esculentum* 1392
  - *Lycopersicon hirsutum* 1392
- ***Tetranychus cinnabarinus,*** *Piper betle* 11605
- ***Tetranychus urticae***
  - *Buddleja* 10358
  - *Gerbera jamesonii* 11545
  - *Glycine max,* techniques 8776
  - *Malus pumila* 4402
- **Tetrapyrroles,** gene expression 7308
- ***Teucrium***
  - ribosomal DNA, molecular genetics 4771
  - taxonomy, molecular genetics 4771
- ***Thalictrum tuberosum***
  - methyltransferases
    - gene expression 5897
    - nucleotide sequences 5897
- **Thallium**
  - *Brassica napus* 9408
  - *Brassica oleracea* 9408
  - *Zea mays* 9408
- ***Thanatephorus cucumeris,*** *Phaseolus vulgaris* 12385
- ***Thapsia garganica***
  - chromosome morphology 7155
  - fluorescence *in situ* hybridization 7155
- **Thaumatin,** *Pseudotsuga menziesii,* nucleotide sequences 7034
- ***Thea*** (*see Camellia*)
- ***Thelocactus conothelos,*** nomenclature 5891
- ***Themeda,*** nomenclature 5247
- ***Theobroma***
  - genetic resources 6918
  - geography 6918
  - globulins, nucleotide sequences 12796
  - phylogeny, nucleotide sequences 12796
- ***Theobroma cacao***
  - biotechnology 4566
  - breeding 8118, 10212
  - gene mapping 8118
  - genetic resources 5746, 9079
  - genetic variation 9081
  - nomenclature 9082
  - *Phytophthora* 5748, 9083
  - *Phytophthora palmivora* 8118
  - restriction fragment length polymorphism 9080
  - somatic embryogenesis 4567, 10213
  - tissue culture 4567, 10213
  - variety classification
    - amplified fragment length polymorphism 4565, 8119
    - random amplified polymorphic DNA 4565
  - variety trials 4568
  - yield components
    - genetic distance 5747
- ***Theobroma cacao*** *cont.*
  - yield components *cont.*
    - genotype environment interaction 4568
    - multivariate analysis 5747
- **Theobromine,** *Paullinia cupana* 578
- **Theophylline,** *Paullinia cupana* 578
- ***Thielaviopsis*** (*see also Ceratocystis)*
- ***Thielaviopsis basicola***
  - *Gossypium arboreum* 12843
  - *Gossypium hirsutum* 12843
  - *Nicotiana debneyi*
    - random amplified polymorphic DNA 6925
    - repetitive DNA 6925
  - *Nicotiana tabacum* 8151
    - linkage 6942
    - random amplified polymorphic DNA 6942
- ***Thinopyrum*** (*see also Elymus)*
- **Thiocyanates**
  - Brassicaceae 1767
  - *Raphanus sativus* 1360-1361
- **Thioesterase**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4867
    - genetic transformation 4867
  - *Brassica napus* (rape), genetic transformation 616, 6789
  - *Umbellularia californica*
    - gene expression 4867
    - genetic engineering 4867, 6789
- **Thioglucosidase**
  - *Brassica juncea*
    - gene expression 8045
    - nucleotide sequences 8045
- **Thionins**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 4849
    - genetic transformation 4849
  - gene expression 9251
  - molecular genetics 9251
- **Thiophene,** *Flaveria bidentis* 9183
- **Thioredoxin**
  - *Hevea brasiliensis,* nucleotide sequences 9124
  - *Lolium perenne,* polymerase chain reaction 4096
  - *Oryza sativa,* gene expression 1167
  - *Zea mays,* nucleotide sequences 2913
- **Thiosulfate sulfurtransferase,** *Datisca glomerata,* nucleotide sequences 7161
- **Threonine synthase,** *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 11728
- **Threshing**
  - *Triticum dicoccoides*
    - gene location 9465
    - genetic markers 9465
  - *Triticum durum*
    - gene location 9465
    - genetic markers 9465
- **Thripidae,** *Gossypium* 11437
- ***Thrips palmi,*** *Arachis hypogaea,* induced mutations 3474
- ***Thuja orientalis,*** *Chloroscypha platycladus* 11516
- ***Thujopsis dolabrata***
  - *Cistella japonica* 5836
  - *Cryptosporiopsis abietina* 5836
- ***Thunbergia,*** flowers 9177
- **Thylakoids,** *Arabidopsis thaliana,* gene expression 8462, 10525
- ***Thymelaea hirsuta,*** sex, population genetics 10430
- **Thymidine kinase,** nucleotide sequences 5989
- **Thymidylate synthase,** *Oryza sativa,* nucleotide sequences 9670
- **Thymol,** *Thymus vulgaris* 1767
- ***Thymus,*** taxonomy 7154
- ***Thymus baeticus,*** essential oils, multivariate analysis 5909
- ***Thymus longicaulis,*** essential oils 1782
- ***Thymus mastichina,*** sex 4779
- ***Thymus nakhodkensis,*** taxonomy 8379
- ***Thymus piperella,*** essential oils 1783
- ***Thymus pulcherrimus,*** nomenclature 3645
- ***Thymus quinquecostatus,*** isoenzymes, genetic variation 11810
- ***Thymus serpyllum***
  - essential oils 7153
- ***Thymus serpyllum*** *cont.*
  - nomenclature 2680
- ***Thymus vulgaris***
  - sex 4779
  - sexual reproduction 8376
    - reviews 2677
  - thymol 1767
- ***Thymus zygis,*** sex 4779
- ***Tiarella polyphylla,*** isoenzymes, genetic variation 11810
- ***Tilia,*** *Popillia japonica* 1725
- ***Tilia platyphyllos,*** pollen 11485
- **Tillage,** *Hordeum vulgare* 2000
- ***Tillandsia albida***
  - death 11574
  - pollen 11574
- **Tillering**
  - *Oryza sativa* 2100
    - gene mapping 5194
  - *Pennisetum,* genetics 2952
  - *Triticum aestivum*
    - combining ability 6129
    - genotype environment interaction 6107
    - heritability 6107
- ***Tilletia,*** *Secale montanum,* genetic markers 11975
- ***Tilletia barclayana,*** *Oryza sativa* 7619, 8719
- ***Tilletia indica***
  - *Aegilops tauschii* 3884
  - *Triticum aestivum*
    - genetics 5038, 7413
    - somaclonal variation 11896
  - *Triticum durum* 3884
- **Tipburn,** *Cichorium endivia* 466
- **Tissue culture** 6056, 10576
  - *Acer rubrum* 7013
  - *Aesculus glabra* 12880
  - *Albizia procera* 11487
  - *Allium cepa* 433, 2280, 3208, 9935, 12499
  - *Allium cyaneum* 7841
  - *Allium sativum* 2279, 4325, 7844
    - regenerative ability 5493
  - *Anacardium occidentale* 4500
  - *Ananas comosus* 8017
  - *Angelica acutiloba* 8380
  - *Anthurium* 4734
  - *Antirrhinum majus* 11547
  - *Arabidopsis thaliana,* somatic embryogenesis 6037
  - *Arachis* 11333
  - *Arachis hypogaea* 1571
  - *Armoracia rusticana* 9221
  - *Arnica montana* 819
  - *Artemisia mutellina* 842
  - *Asparagus officinalis* 7873
  - *Astragalus* 1251
  - *Atriplex halimus* 7638
  - *Atropa baetica* 1775
  - *Avena sativa* 9579
  - *Bauhinia vahlii* 11453
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 11350, 12782
    - germplasm releases 2498
    - nutrients 10203
  - *Brassica juncea* 10138
  - *Brassica napus* (rape) 6818, 8051
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers) 1367
  - *Brassica pekinensis* 9947
  - *Cajanus cajan* 5441, 11008
  - *Camelina sativa* 6886
  - *Camellia sinensis* 3502
  - *Capsella bursa-pastoris* 5503
  - *Capsicum annuum* 501, 6587
    - reviews 12563
  - *Castanea sativa* 581
  - *Centaurea paui* 7098
  - *Chamomilla recutita* 820
    - somatic embryogenesis 7144
  - *Cicer arietinum* 3125, 5419
  - *Cichorium intybus* 3233, 6548
  - *Citrus* 12694
  - *Citrus aurantium* 1518
  - *Citrus macrophylla* 1518
  - *Citrus paradisi* 1518
  - *Citrus reticulata* 5643, 8013
    - somatic embryogenesis 11233
  - *Cocos nucifera* 642, 3451, 3455
  - *Colocasia esculenta* 3148
  - conferences 5927

Tissue culture *cont.*
  Corchorus capsularis, regenerative ability 6980
  Cucumis figarei 1405
  Cucumis metuliferus 1405
  Cucurbitaceae 506
  Cuminum cyminum 824
  Curculigo orchioides 7142
  Cycas revoluta 12896
  Cyclamen 5871
  Cyclamen persicum 11555
  Cymbidium 11569
  Dactylis glomerata 3033, 5235
  Dalbergia latifolia 3563
  databases 2712
  Datura stramonium 5902
  Daucus carota, somatic embryogenesis 6037, 6496
  Dendranthema 3600
  Dianthus caryophyllus 1736, 3604, 10370
  Elaeis guineensis 11300
    somatic embryogenesis 10159
  Elettaria cardamomum 12968
  Ensete 1788
  Eragrostis tef 3043
  Eucalyptus 10288
  Eucalyptus globulus 4636
  Eucalyptus nitens 4636
  Fagopyrum esculentum 6305
  Festuca pratensis 6330
  forest trees 10283, 10285
  Fragaria 2366
  Fragaria ananassa 4454, 8996
  Galega orientalis 328
  genetic resources 9393, 9395
  Ginkgo biloba 9152
  Gladiolus carneus 1750
  Glycine max 4185-4187
  Gossypium hirsutum 5784, 11420
  Guazuma crinita, cryopreservation 1681
  Helianthus annuus 1561, 6851-6852
  Helianthus occidentalis 9045
  Hevea brasiliensis 1656
  Hordeum chilense 11818
  Hordeum vulgare 166, 1998, 3931-3932, 11818, 11947
  Ilex paraguariensis 9108
  Ipomoea batatas 3148, 6503
  Ipsea malabarica 10403
  Lathyrus sativus 5287
  Lavandula intermedia 11614
  Lilium 804, 11563
  Limonium 9181
  Linum usitatissimum (flax) 11447
  Liquidambar styraciflua 12879
  Litchi chinensis 11241
  Lithospermum erythrorhizon, chorismate pyruvate-lyase 8266
  Lolium multiflorum 1218
  Lupinus albus 5265
  Lupinus mutabilis 12327
  Lycium chinense 10436
  Lycopersicon esculentum 4358, 4360, 11112
  Malus khirghizorum 4400
  Malus prunifolia 6642
  Malus pumila 3269, 6642
  Mangifera indica 6749
  Manihot esculenta 1348, 2252, 11052
  Medicago sativa 7676
  Medicago truncatula 314
    somatic embryogenesis 5256
  Mentha 8377
  Musa 2386, 2392, 2400, 6741, 10068, 11226
    techniques 1507
  Myrtus communis 7074, 9163
  Narcissus confusus
    alkaloids 7116
    somatic embryogenesis 7116
  Nephrolepis multiflora 4760
  Nicotiana tabacum 1628, 8148
    chromosome morphology 3532
    genetic transformation 1627
  Olea europaea 11309
  Orychophragmus violaceus 6885
  Oryza sativa 2110, 2997, 2999, 5205, 6283-6286, 9694, 10842-10843, 10848-10849
  Pachyrhizus erosus 3193
  Panicum maximum 5143

Tissue culture *cont.*
  Panicum virgatum 8677
  Paulownia fortunei 754
  Paulownia tomentosa 754
  Pelargonium hortorum, somatic embryogenesis 7075
  Pennisetum glaucum, somatic embryogenesis 10779
  Pennisetum purpureum 1107
  Phlox paniculata 9406
  Phoenix dactylifera 1528-1529, 8022
  Phytolacca dodecandra 11600
  Pinus patula 1691
  Pinus pinea 9406
  Pinus sylvestris 2593
  Pinus taeda 4672
  Pinus thunbergii 8225
  Piper colubrinum 4775
  Piper nigrum 4775
  Pistacia mutica 4499
  Pistacia vera 4499
  Pisum sativum 5287, 5378, 9844
  Porteresia coarctata 8705
  Prunus avium 1465, 4418-4419, 7968
  Prunus cerasus 1465, 4419
  Prunus (cherries) 7968
  Prunus padus 4418
  Prunus persica 2357
  Prunus salicina 539
  Pterocarpus santalinus 10286
  Punica granatum 1538
  Pyrus communis 3274, 8937
  Pyrus pyrifolia 2345
  Quassia simarouba 10308
  Quercus ilex 10292
  Quercus robur, somatic embryogenesis 6995
  Quercus suber 10292
  Ranunculus asiaticus 12932
  reviews 10577
  Robinia pseudoacacia 4666
  Rosa 8297
  Rosa hybrida
    development 2616
    X radiation 2616
  Rosa rugosa 4717
  Rubus 3297
  Rubus idaeus 547
  Santalum album 10286
  Scaevola aemula 7097
  Sesamum indicum 1578
  Simmondsia chinensis 1581
  Sinningia speciosa 12931
  Solanum melongena 3251
  Solanum phureja 6484
  Solanum tuberosum 408, 1335-1337, 4274, 6483, 6485, 8822
    genotype environment interaction 11030
  Sorghum bicolor 4002, 9419
  spice plants 12969
  Spinacia oleracea 12517
  statistics 7293
  Syzygium alternifolium 10434
  Tanacetum cinerariifolium 1778
  Theobroma cacao 4567, 10213
  Trichosanthes dioica 6617
  Tripsacum dactyloides 5131
  Triticum aestivum 952, 989, 1933, 3855, 3889, 8565, 9482, 11818
    gene mapping 4965
  Triticum durum 6118, 9482, 11818
  Ulmus 750
  Vaccinium corymbosum 3309, 5609
  Vaccinium cylindraceum 2364
  Vaccinium pahalae 5610, 10041
  Vaccinium vitis-idaea 3308-3309
  Vanda coerulea 10404
  Vigna angularis 8808
  Vigna radiata 12424
  Vigna unguiculata 6459, 12424-12425
  Vitis vinifera 6710
    somatic embryogenesis 6713
  Xanthosoma sagittifolium 426, 3187, 3190
  Zea mays 210, 12027, 12087-12088, 12092
    diseases 9634
    herbicides 9634
    somatic embryogenesis 5117

Tobacco etch potyvirus
  Arabidopsis thaliana, mutations 4913
  Nicotiana tabacum
    gene expression 8154
    genetic transformation 703
Tobacco leaf curl bigeminivirus, *Lycopersicon esculentum* 5538
Tobacco mosaic tobamovirus
  Capsicum annuum, backcrossing 6596
  Lycopersicon esculentum
    genetic transformation 495-496, 12545
    somaclonal variation 12546
  Nicotiana benthamiana, gene expression 11388
  Nicotiana tabacum 702
    gene expression 704, 2537, 5773, 8155-8156, 10240, 12820
    genetic transformation 3535, 4593, 11387, 12820, 12826
    genetics 12822
  Solanum tuberosum
    gene mapping 6492
    linkage 6492
    restriction fragment length polymorphism 6492
Tobacco necrosis necrovirus, *Medicago sativa,* genetic transformation 5255
Tobacco rattle tobravirus, *Solanum tuberosum* 3174
Tobacco vein mottling potyvirus, *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 703, 2538, 8158
Tocopherols
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 1870, 9366
    genetic transformation 1870, 9366
    nucleotide sequences 1870
  Brassicaceae 5684
  crops 7312
  Cucurbita pepo 12603
Tomato chlorotic spot tospovirus, *Lycopersicon esculentum,* artificial selection 11133
Tomato mosaic tobamovirus
  Lycopersicon 4362
  Lycopersicon esculentum 4362, 6576
Tomato spotted wilt tospovirus
  Arachis hypogaea 4538
  Capsicum annuum, artificial selection 1401
  Lycopersicon esculentum, genetics 12544
  Nicotiana benthamiana
    gene expression 8157
    genetic transformation 8157
  Nicotiana tabacum
    genetic transformation 8153
    somaclonal variation 12824
Tomato yellow leaf curl bigeminivirus
  Lycopersicon 11135
  Lycopersicon esculentum 12547
    combining ability 6577
    gene expression 9981
    genetics 5545
    nucleotide sequences 9981
  Lycopersicon hirsutum 12547
Torenia fournieri
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase, genetic transformation 9168
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
    gene expression 1733
    genetic transformation 1733
  colour, genetic transformation 2623
  dihydrokaempferol 4-reductase, genetic transformation 9168
  flowers
    gene expression 1733
    genetic transformation 1733, 2623
  naringenin-chalcone synthase, genetic transformation 9168
  pollination 3601
Torreya grandis
  development 779
  nucleic acids 779
Toxic soils (*see* Soil toxicity)
Toxic substances
  Allium cepa, cell division 11060
  Anoectochilus 9203
  Arabidopsis thaliana 9372
    gene expression 44

- **Toxic substances** *cont.*
  - *Arabidopsis thaliana cont.*
    - genetic transformation 44
    - random amplified polymorphic DNA 8503
  - *Arachis hypogaea* 6872
  - *Brassica juncea*
    - gene expression 4517, 6802
    - genetic transformation 4517
  - *Brassica napus* 9408
  - *Brassica oleracea* 9408
  - crops, breeding 7193
  - *Daucus carota* 10590
  - genetic transformation 1808
  - *Glycine max* 10957
  - *Hordeum vulgare* 1994, 4944
    - restriction fragment length polymorphism 9573
  - *Lens culinaris* 5405
  - *Lycopersicon esculentum* 10590
  - *Medicago sativa* 10590
  - *Oryza sativa* 287, 4061, 4070, 7612
    - genetic markers 4060
    - genetics 9706
  - *Pennisetum glaucum,* artificial selection 9653
  - *Phaseolus vulgaris* 4208, 9824, 10973
  - reviews 3690
  - *Secale cereale,* artificial selection 6079
  - *Setaria italica* 4944
    - *in vitro* selection 1104
  - *Sorghum bicolor,* germplasm releases 10758
  - *Tagetes erecta* 4739
  - *Triticum aestivum* 144, 10635, 10637
    - artificial selection 6079
    - gene expression 1008, 10632
    - genetics 10630, 10636
    - nucleotide sequences 10632
  - *Vigna radiata,* artificial selection 3146
  - *Zea mays* 1089, 9408, 10590
- **Toxins**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 683
    - genetic transformation 683
  - *Brassica oleracea* (broccoli)
    - gene expression 12516
    - genetic transformation 12516
  - *Manihot esculenta* 12478
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 683-684, 705
    - genetic transformation 683-684, 705
- ***Trachyspermum,*** taxonomy 8378
- ***Trachystoma ballii***
  - *Brassica juncea*
    - chloroplast genetics 2448
    - intergeneric hybridization 2448
    - protoplast fusion 2448
    - recombination 2448
- ***Tradescantia***
  - androecium, induced mutations 4918
  - deletions 10414
  - ethyl methanesulfonate 4918
  - ethylene dibromide 937
  - induced mutations 937
  - maleic hydrazide 4918
  - mutagens 937, 4918
  - radiation 10414
  - X radiation 937
- ***Tradescantia pallida***
  - chromosome aberrations 938
  - mutagens 938
  - pinyangmycin 938
- ***Tradescantia paludosa***
  - chromosome aberrations 938
  - mutagens 938
  - pinyangmycin 938
- ***Trans*-cinnamate 4-monooxygenase**
  - *Cicer arietinum,* nucleotide sequences 9859
  - *Petroselinum crispum*
    - gene expression 4778
    - nucleotide sequences 4778
  - *Phaseolus vulgaris*
    - gene expression 9819
    - nucleotide sequences 9819
- **Transcription factors**
  - *Antirrhinum majus,* genetic engineering 11811
- **Transcription factors** *cont.*
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1865, 8476, 9304, 10522
    - genetic engineering 10587, 11811
    - genetic transformation 11811
    - molecular genetics 1825
    - nucleotide sequences 1865, 10587
    - promoters 9304
  - *Corylus avellana*
    - gene expression 3396
    - nucleotide sequences 3396
  - *Datisca glomerata,* nucleotide sequences 7162
  - gene expression, reviews 3707
  - *Gossypium hirsutum,* genetic engineering 11811
  - *Hordeum vulgare*
    - gene expression 156
    - genetic transformation 156
    - nucleotide sequences 156
    - promoters 156
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 1612
    - genetic transformation 1612, 11811
    - promoters 1612
  - *Oryza sativa,* genetic transformation 10587
  - *Panax pseudoginseng*
    - gene expression 1774
    - nucleotide sequences 1774
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 3108
    - nucleotide sequences 3108
  - *Sinapis alba*
    - chloroplast genetics 630
    - gene expression 630
    - genetic engineering 630
    - nucleotide sequences 630
  - *Sorghum bicolor,* nucleotide sequences 6234
  - *Triticum aestivum*
    - gene expression 11836
    - genetic engineering 10587
    - nucleotide sequences 156, 10587
    - promoters 156, 11836
  - *Zea mays* 2021
    - chloroplast genetics 7473
    - gene expression 7473, 12047, 12105
    - genetic engineering 10587, 12047
    - nucleotide sequences 3960, 10587, 12105
- **Transfer RNA**
  - mitochondrial genetics, reviews 8449
  - *Solanum tuberosum,* mitochondrial genetics 7800
- **Transketolase**
  - *Capsicum annuum*
    - gene expression 498
    - nucleotide sequences 498
  - *Zea mays,* gene expression 12060
- **Translation initiation factor**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 696, 10222
    - genetic transformation 696
    - nucleotide sequences 10222
  - *Zea mays*
    - gene expression 7482
    - nucleotide sequences 7482
- **Translocation**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 3792
    - growth regulators 9338
    - IAA 9338
    - mutations 43
  - *Arachis hypogaea,* heritability 2477
  - *Cajanus cajan* 384
  - *Daucus carota,* gene expression 4314
  - *Elettaria cardamomum* 4774
  - *Fragaria chiloensis,* clonal variation 12669
  - genetic transformation 11690
  - *Glycine max* 1270
    - gene expression 3792
  - *Hordeum vulgare* 3921
    - heritability 5065
  - *Medicago truncatula,* gene expression 3792
  - *Nepenthes alata*
    - gene expression 5889
    - nucleotide sequences 5889
- **Translocation** *cont.*
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 1624
    - genetic transformation 1624
  - *Oryza sativa* 1140
  - *Solanum tuberosum,* genetic transformation 2239
  - *Zea mays,* gene expression 3792
- **Translocation, cytological** (*see* Chromosome translocation)
- **Transpiration**
  - *Gossypium hirsutum* 6969
  - *Lycopersicon esculentum,* mutations 2297
  - *Triticum aestivum,* heritability 6134
  - *Zea mays* 194
- **Transposable elements** 873, 1816, 2026, 7217
  - *Alstroemeria,* phylogeny 1748
  - *Antirrhinum majus*
    - molecular genetics 793
    - nucleotide sequences 4741
  - *Arabidopsis thaliana* 897
    - genetic transformation 905
    - nucleotide sequences 7221
    - polymerase chain reaction 891
  - *Brassica napus* 4501
  - *Cicer arietinum*
    - gene mapping 7767
    - nucleotide sequences 7767
  - genomes 1887
  - *Hordeum vulgare*
    - gene location 2873
    - nucleotide sequences 2873
    - variety classification 7427
  - *Lycopersicon chilense,* nucleotide sequences 12527
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 12543
  - *Medicago sativa,* molecular genetics 9750
  - *Medicago truncatula,* molecular genetics 9750
  - molecular genetics, reviews 9284
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 10219
    - genetic transformation 8125
    - linkage 6942
    - molecular genetics 10219
    - random amplified polymorphic DNA 6942
  - *Oryza australiensis*
    - gene mapping 10818
    - nucleotide sequences 10818
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 2999
    - gene mapping 9664, 10818
    - genetic transformation 10802
    - nucleotide sequences 2999, 5163, 9664, 10818
    - polymerase chain reaction 5163
  - *Petunia,* genetic transformation 12002
  - *Petunia hybrida,* genetic transformation 4744
  - *Phaseolus vulgaris,* nucleotide sequences 7739
  - *Pinus lambertiana,* evolution 5818
  - *Pinus radiata,* evolution 5818
  - *Pisum*
    - gene mapping 1296
    - genetic markers 1296
  - *Pisum sativum*
    - genetic markers 6432
    - polymorphism 6432
  - Poaceae, nucleotide sequences 11816
  - *Rhododendron maximum* 1721
  - *Secale cereale,* gene location 2873
  - *Sorghum bicolor*
    - alcohol dehydrogenase 11814
    - fluorescence *in situ* hybridization 5132
  - *Triticum aestivum*
    - gene location 2873
    - genetic transformation 8553
  - *Zea mays* 1887, 2026, 3964, 11992, 11994, 12009, 12069
    - alcohol dehydrogenase 11814
    - anthocyanins 5092
    - evolution 2025
    - gene expression 2915, 5098, 7474, 8553, 11995

Transposable elements *cont.*
- *Zea mays cont.*
  - genetic engineering 8125, 8553, 11995, 12002
  - genetics 2024
  - glucosidases 1063
  - molecular genetics 2018, 5098
  - nucleotide sequences 2022, 5094, 11998
  - reviews 1064

Trapa
- fruits 6620
- pollen 6619

Trees
- biotechnology, books 4805
- fluorescence *in situ* hybridization 4633
- sexual reproduction 11458

Trehalase
- *Glycine max*
  - gene expression 9789
  - nucleotide sequences 9789

Trehalose
- *Arabidopsis thaliana,* reviews 10543
- *Phaseolus vulgaris* 364

Trema tomentosa
- haemoglobin
  - gene expression 11489
  - promoters 11489

Triacylglycerols
- *Corylus avellana* 6772
- *Glycine max* 351
- *Olea europaea* 11325
- *Prunus dulcis,* variety classification 6765

Triazines, *Brassica napus* (rape) 6838

Tribolium castaneum
- *Castanea sativa,* nucleotide sequences 3395
- *Zea mays* 12131

Tribolium confusum, *Oryza sativa* 8723, 12263

Trichocentrum, taxonomy 1761

Trichoconis (*see Alternaria)*

Trichoderma, *Lentinula edodes,* artificial selection 12979

Trichoderma harzianum, *Brassica oleracea* (broccoli), genetic transformation 9952

Trichoderma viride, *Medicago* 12310

Trichoglottis tinekeae, taxonomy 7126

Trichomanes speciosum, isoenzymes, polymorphism 5888

Trichomes (*see* Plant hairs)
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 10537
  - molecular genetics 9342
  - mutations 9342

Trichometasphaeria (*see Setosphaeria)*

Trichosanthes dioica, tissue culture 6617

Trichoscyphella willkommii, *Larix decidua* 11508

2-Tridecanone
- *Lycopersicon esculentum* 1392, 9982
- *Lycopersicon hirsutum* 1392, 9982

Trifluralin, *Zea mays* 6209

Trifolium
- gene banks 6344
- genetic resources 12314
- morphology 1242
- phylogeny 10908
- ribosomal RNA, gene mapping 5257

Trifolium alexandrinum
- cultivars, Elite-II 9755
- forage, artificial selection 3057
- polyploidy 4141
- yield components 4141
- yield correlations, artificial selection 3057

Trifolium ambiguum
- breeding, reviews 321
- interspecific hybridization 1242

Trifolium amoenum, isoenzymes, polymorphism 5259

Trifolium michelianum, cultivars, Bolta 322

Trifolium nigrescens
- hybrid seed production 1241
- interspecific hybridization 1241, 10910, 12319
- nitrogen fixation, heterosis 10910
- seed production 12319
- yield components, backcrossing 1241

Trifolium pratense
- amplified fragment length polymorphism 8732
- chromosome pairing 5258
- cold resistance, gene expression 5254
- cultivars
  - AC Christie 9756
  - Astred 1238
- embryo culture 4140
- *Erysiphe polygoni,* artificial selection 4144-4145
- ferritin, gene expression 5258
- formononetin 7684
- genetic resources 12315
- genetics, mathematics 12317
- isoenzymes 5258
- oxalic acid, artificial selection 4143
- palatability 7684
- polyploidy 4140
- regenerative ability, genetics 323
- *Sclerotinia trifoliorum,* artificial selection 4143
- somatic embryogenesis, genetics 323
- variety trials 4137-4138

Trifolium repens
- acid phosphatase 10909
- air pollution 6361
- 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidoreductase
  - gene expression 8756
  - nucleotide sequences 8756
- crop mixtures 298
- cultivars, Grasslands Challenge 10907
- DNA 7683
- drought resistance 8757
- flavonoids, genetic transformation 4142
- gene expression 3056
- genetic transformation 3056
- grazing 298
- hybrid seed production 1241
- interspecific hybridization 1241-1242, 10910, 12319
- leaves 2150
- mycorrhizas, gene expression 12318
- nitrogen fixation, heterosis 10910
- nodulation, genetic transformation 4142
- nutrients 10909
  - heritability 2151
- ozone 6361
- peroxidases, gene expression 12318
- persistence 298
- phosphorus 10909
  - heritability 2151
- photosynthesis 2150
- *Pseudomonas syringae,* gene expression 12318
- random amplified polymorphic DNA 7682, 12316
- *Rhizobium,* genetic transformation 4142
- ribosomal RNA, gene mapping 5257
- roots
  - artificial selection 1243
  - genetics 5260
- seed production 12319
- stolons, genotype environment interaction 8757
- temperature 7683
- yield components
  - backcrossing 1241
  - heterosis 12316
- zein, genetic transformation 213

Trifolium resupinatum
- cultivars
  - Nitro Plus 1239
  - Persian Prolific 1240

Trifolium subterraneum
- flavonoids 8758, 12320
- genetic resources 9757
- *Halotydeus destructor* 8758, 12320
- persistence 9757

Trifolium vesiculosum, cultivars, Arrotas 4139

Trigonella, chemotaxonomy 825

Trigonella foenum-graecum
- chromosome aberrations 8370
- chromosome pairing 8370
- gamma radiation 4154
- induced mutations 4154
- *Meloidogyne incognita* 8374
- morphology, mutations 8370
- nitrogen fixation, mutations 8373

Trigonella foenum-graecum *cont.*
- ribosomal RNA, fluorescence *in situ* hybridization 4153
- salinity 10444
- yield components, genotype environment interaction 10444
- yield correlations 5907

Trigonelline, *Oryza sativa* 7588

Trihydroxystilbene synthase
- *Oryza sativa,* genetic transformation 10866
- *Vitis vinifera,* genetic engineering 10866

Trilliaceae
- molecular genetics 11540
- phylogeny 11540

Tripsacum
- apomixis 7479, 12013
  - gene expression 7476
- chromosome morphology 12026
- evolution, restriction fragment length polymorphism 12104
- gene expression 12013
- genetic resources, genetic engineering 9241
- genomes 12013
- *Zea mays,* intergeneric hybridization 7476, 7479, 12013, 12026

Tripsacum andersonii
- apomixis 224
- sexual reproduction 224

Tripsacum dactyloides
- chromosome pairing 12011
- *Diabrotica virgifera* 12142-12143
- ethyl methanesulfonate 5131
- globulins
  - evolution 1085
  - nucleotide sequences 1085
- morphology, induced mutations 5131
- mutagens 5131
- tissue culture 5131
- *Zea diploperennis,* intergeneric hybridization 12142-12143
- *Zea mays,* intergeneric hybridization 10709, 12011-12012

Triraphis devia, taxonomy 10899

Trisetum
- phylogeny, nucleotide sequences 3044
- taxonomy 6339

Triticale
- alkylresorcinols, heterosis 2011
- aluminium
  - epistasis 11978
  - heritability 11978
- amylases 6103
- aneuploidy 11976
- backcrossing 183
- breeding 1912
- chromosome substitution 7463
- cultivars 1924
  - Marko 9583
  - Tornado 9583
- development 9586
- drought resistance, artificial selection 10597
- *Elymus, Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 2011
- *N*-ethyl-*N*-nitrosourea 6191
- fertility 11976
  - heritability 6192
- flowering
  - genetics 7464
  - induced mutations 7464
- fungi 958
- germination 1928
- haploidy 975
- heat resistance 7395
- height
  - genetics 9585
  - induced mutations 6191
- *Hordeum,* intergeneric hybridization 3797
- *Hordeum vulgare, Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 953, 4943
- hybrid seed production 1925-1926
- inflorescences 11977
- insects 9588
- *Magnaporthe grisea* 3808
- mutagens 6191
- nucleolus organizer 4943
- nutrients 11977
  - techniques 956
- nutritive value 6193

Triticale *cont.*

- *Pennisetum glaucum,* intergeneric hybridization 975
- polyploidy 6193
- *Puccinia graminis*
  - gene location 2903
  - genetics 2903
- quality 184, 9587, 10685
  - DNA hybridization 6194
  - gene mapping 6194
  - restriction fragment length polymorphism 6194
- salinity 1928
  - *in vitro* selection 7465
- self pollination 1926
- siderophores, gene location 9414
- starch 184
- stress, techniques 6195
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 1942, 2812, 6103, 9585
- trypsin inhibitors, heterosis 2011
- variety trials 1924, 2901, 6190, 10685
- yield components
  - genotype environment interaction 2902
  - heritability 2812, 6192
  - heterosis 2012
- yield correlations 5086

Triticeae

- *Cochliobolus sativus* 8585
- *Erysiphe graminis* 3807
- genetic resources 7315
  - conferences 4795
- insects 3807
- intergeneric hybridization 3796
- nomenclature 4947
- phylogeny 2813
- *Puccinia* 3807
- ribosomal DNA, nucleotide sequences 3795
- ribulose-bisphosphate carboxylase
  - evolution 4948
  - nucleotide sequences 4948
- taxonomy 2813

Triticum *(see also Aegilops)*

- *Aegilops,* intergeneric hybridization 977, 3878, 4967
- amylose, techniques 1927
- breeding 2817
- *Dasypyrum villosum,* intergeneric hybridization 2830
- domestication
  - nucleotide sequences 8578
  - polymerase chain reaction 8578
- drought resistance, heritability 3877
- *Elymus,* intergeneric hybridization 4967
- *Erysiphe graminis*
  - backcrossing 9527
  - genetics 5032
  - restriction fragment length polymorphism 5032
- fungi 3878
- gene banks 3814-3815
- genetic resources 2815, 3813, 3816
- genomes 977, 8578, 9450
- glutenins
  - genetic variation 3858
  - nucleotide sequences 8578
  - polymerase chain reaction 8578
- *Heterodera avenae* 3810
- *Hordeum,* intergeneric hybridization 3797
- *Hordeum chilense,* intergeneric hybridization 2830
- interspecific hybridization 3877, 10648, 11838
- nitrogen, evolution 7369
- nomenclature, databases 11879
- nucleolus organizer, nucleotide sequences 9433
- nutrients
  - evolution 7369
  - polyploidy 11880
- photosynthesis 9464
  - evolution 7369
- phylogeny
  - polymerase chain reaction 6128
  - ribosomal DNA 6128
- polyploidy 977, 9464, 11850
- proteins
  - gene mapping 7375

Triticum *cont.*

- proteins *cont.*
  - restriction fragment length polymorphism 7375
- *Puccinia graminis* 10648
- *Puccinia recondita* 5039
  - backcrossing 9527
  - gene location 2867
  - genetics 2867
- *Puccinia striiformis* 5039
- quality 137
- repetitive DNA, evolution 2827
- rhizosphere 11850
- salinity 3878
- *Sitobion avenae* 11928
- starch 3803
- *Triticum macha*
  - *Fusarium culmorum,* gene location 5027
  - *Gibberella zeae,* gene location 5027
- *Ustilago segetum* 2862
- yield components
  - heritability 3877
  - multivariate analysis 4993
- zinc, polyploidy 11880

Triticum aestivum

- *Aceria tosichella*
  - chromosome translocation 8747
  - germplasm releases 7399
- acid phosphatase 1006
- *Aegilops,* intergeneric hybridization 5031, 5035
- *Aegilops crassa,* intergeneric hybridization 7350
- *Aegilops cylindrica* 11931
  - intergeneric hybridization 1950, 6095, 6153
- *Aegilops geniculata,* intergeneric hybridization 10606
- *Aegilops juvenalis,* intergeneric hybridization 1944
- *Aegilops markgrafii,* intergeneric hybridization 5034
- *Aegilops ovata,* intergeneric hybridization 2865, 4968, 5017, 5041, 9448, 9470
- *Aegilops speltoides,* intergeneric hybridization 3840, 3880
- *Aegilops tauschii,* intergeneric hybridization 4964, 7350, 11851, 11911
- *Aegilops triuncialis,* intergeneric hybridization 1944, 5034, 6097
- *Aegilops variabilis,* intergeneric hybridization 5049, 6100, 7352, 11839
- *Aegilops ventricosa,* intergeneric hybridization 1950, 5051, 7350
- *Agropyron cristatum*
  - chromosome translocation 3835
  - intergeneric hybridization 3835
- alkylresorcinols, heterosis 2011
- *Alternaria triticina* 11897
- aluminium 144, 9506, 10635, 10637
  - artificial selection 6079
  - genetic engineering 8439
  - genetics 10630, 10636
- *Amaranthus retroflexus,* protoplast fusion 1957
- amplified fragment length polymorphism 112-113, 6085, 8535, 9436
- amylases 6103
  - genetics 983
- amylopectin 6136
- amylose 6136
  - chromosome substitution 8571
  - epistasis 11867
  - genetics 135, 991, 996
  - genotype environment interaction 991
  - induced mutations 135
  - microsatellites 9491
  - pleiotropy 8571
  - polymerase chain reaction 10604
  - polymorphism 10604
- anatomy 6104
- aneuploidy 4968, 4970, 4976, 5928, 7461, 9448
- *Anguina tritici* 1986
- anther culture 122, 974, 2848, 5005, 7374, 9446, 9456, 9481, 10620, 11864
  - chromosome aberrations 990
  - combining ability 3854

Triticum aestivum *cont.*

- anthocyanins
  - gene expression 10611
  - genetic transformation 10611
- apomixis 1946
- apoptosis, gene expression 7358
- arabinoxylans
  - gene mapping 1964
  - heritability 11877
- auxins 952
- awns
  - gene mapping 9524
  - induced mutations 2840
  - linkage 9524
- *Azotobacter* 8557
- azoxystrobin 11887
- backcrossing 183, 11840
- barley yellow dwarf luteovirus 6141, 9510
  - chromosome substitution 11926
  - chromosome translocation 9532
  - genetic markers 11924
- bilanafos, genetic transformation 2870
- binding proteins
  - gene expression 7417
  - genetic engineering 7417
  - nucleotide sequences 7417
- biosafety 115, 6095, 6153
- boron 92, 6129
  - genetics 9514
- breeding 1912, 1929, 2818, 3817, 4950-4952, 4954, 7314, 7316, 7326-7327, 7329, 7332, 7335, 7382, 9420-9421, 10592, 11829
  - conferences 1795, 8412, 10473
  - economics 4935
  - history 961-964, 6081, 7325, 7330, 8540
- cadmium
  - gene expression 1008, 10632
  - nucleotide sequences 10632
- canopy 3846
- carbohydrates 1009
- CDP-diacylglycerol-serine *O*-phosphatidyltransferase
  - gene expression 6092
  - genetic engineering 6092
  - nucleotide sequences 6092
- cell division 4973, 9453
  - gene expression 11847
  - nucleotide sequences 11847
- chitinase 149
  - genetic transformation 2870, 8618
  - genetics 2869
- chlorophyll 980
  - artificial selection 9519
- chloroplast genetics 8549
- chromosome addition 1940, 1942, 1982, 5051, 7319, 9448, 10606
- chromosome banding 976, 2834, 6098, 7462
- chromosome breakage 9437
- chromosome disposition 6101
- chromosome morphology 1940, 9455
- chromosome number 120, 2833
- chromosome pairing 3840, 4971, 4975, 5051, 6097, 7321, 7352, 7354-7355, 8554, 9449, 9457
  - genetics 1943, 6100, 9451
  - mutations 1944, 3839
  - polymerase chain reaction 3839
- chromosome substitution 1941-1942, 4959, 5027, 9438, 10606, 11842-11843
- chromosome translocation 976, 2834, 7353, 7355
  - fluorescence *in situ* hybridization 9454
  - reviews 11841
  - techniques 4974
- chromosome transmission 4970, 7461
- *Cochliobolus sativus* 8585, 11897, 11903
  - genetics 11900
- cold resistance 1009, 6140, 7396, 8539
  - chromosome substitution 1971
  - gene expression 9505, 9513
  - gene location 5019, 9505
  - gene mapping 11882
  - linkage 11882
  - nucleotide sequences 9513
  - techniques 10634

Triticum aestivum *cont.*

- colour
  - chromosome substitution 4976
  - genetics 3845, 11854
- competitive ability 11931
- copper, chromosome substitution 5017
- *Corticium rolfsii* 11891
- crop density 5015, 9461
- crossing over 7354
- cultivars 99, 1924, 10600
  - AC Cadillac 967
  - AC Vista 2822
  - Aranka 4957
  - Batán F96 11830
  - Boundary 6082
  - Brundage 3826
  - Crimson 3828
  - Elkhorn 3825
  - EMBRAPA-21 968
  - EMBRAPA-22 9423
  - EMBRAPA-52 10602
  - Felicija 9424
  - Fiesta 9424
  - Gunma W2 8548
  - Jaypee 3829
  - Jefferson 6083
  - Ji Mai-49 3823
  - Jing He-3 8543
  - Job-666 1013
  - Keumkangmil 7339
  - Leguan 4958
  - Liao Chun-10 7337
  - Lu Mai-23 3822
  - Luomai-4 9425-9426
  - Miholjčanka 9424
  - Nela 8547
  - Saeolmil 7338
  - Tandem 3827
  - Verano-S91 8546
  - Wen Mai-10 3824
  - Xuzhou-25 4953
  - Yanzhan-1 9427
  - Yu Mai-34 8544
  - Yu Mai-38 3821
  - Yumai-39 1932
  - Yumai-47 4955
  - Zagros 4954
  - Zheng Nong-33 7341
  - Zhong Liang-20 7336
- cutting 1005
- cytochrome-*c* oxidase 1952
- cytokinins 4977
- cytoplasmic male sterility 978, 1938, 1948, 2835, 6102, 10609
  - genetics 2836
- *Dasypyrum villosum*
  - intergeneric hybridization 121, 7405, 7410, 9470
  - protoplast fusion 121
- development 2838
  - gene expression 9473
  - nucleocytoplasmic interaction 1950
- digestibility 992
- diseases 1979
  - molecular genetics 9522
- *Diuraphis noxia* 149, 9535, 10652
  - genetic markers 6150
  - genetics 1019, 2869, 7421, 9536-9537
- DNA 6089, 9506
- DNA binding proteins
  - nucleotide sequences 156
  - promoters 156
- DNA hybridization 2809, 4941
- domestication, molecular genetics 8523
- dormancy 6110
  - gene mapping 3801, 9463
- *Drechslera tritici-repentis* 11890
- drought resistance 143, 146-147, 2859, 5018, 7390, 9509-9511, 9517
  - artificial selection 145, 7391, 9519, 10597
  - chromosome translocation 3804
  - combining ability 5023, 6139, 9518
  - gene location 3804, 5019
  - genetic variance 5023, 9518
  - linkage 11865
  - mutations 10633
  - somaclonal variation 8583
  - techniques 1973, 8584
- dry matter, artificial selection 9472

Triticum aestivum *cont.*

- elongation factors, gene expression 979
- *Elymus*
  - intergeneric hybridization 1940, 6145
  - triticale, intergeneric hybridization 2011
- *Elymus curvifolius,* intergeneric hybridization 3838
- *Elymus elongatus,* intergeneric hybridization 1975, 2834, 4961, 4976, 7351, 8747, 9447, 11839, 11884, 11923
- *Elymus farctus,* intergeneric hybridization 3838, 11839
- *Elymus hispidus,* intergeneric hybridization 5237, 7353, 8747, 9532
- *Elymus tsukushiensis,* intergeneric hybridization 11842
- embryo culture 7351
- embryology 4977
- endosperm 993
  - genetics 996, 2853
  - induced mutations 2853
  - mutations 6125
- *Erysiphe graminis* 1981, 2861, 5036, 6143, 7409-7410
  - amplified fragment length polymorphism 8588
  - chromosome addition 5031
  - chromosome substitution 5031
  - chromosome translocation 7405
  - combining ability 3887
  - gene expression 8587, 11908
  - gene location 8586
  - gene mapping 8590
  - genetic markers 5033, 8588, 10643
  - genetic transformation 8618, 11908
  - genetics 1017, 1980, 1983, 5034, 6142, 7412, 8586, 9528-9529, 10641-10642, 11906
  - germplasm releases 7411, 11910-11911
  - heritability 8590
  - molecular genetics 1982
  - nucleocytoplasmic interaction 5035
  - random amplified polymorphic DNA 6144
  - restriction fragment length polymorphism 6144
  - reviews 8589
  - somaclonal variation 11896
- ethyl methanesulfonate 2853, 8592
- *N*-ethyl-*N*-nitrosourea 10624
- ethylene, gene expression 7358
- evolution, restriction fragment length polymorphism 151
- fertility 10610, 11840
  - induced mutations 7356
- flooding 1972
- flowering
  - aneuploidy 4990
  - gene expression 9473
  - gene mapping 97
  - genetics 4990
  - molecular genetics 97
- flowers, pleiotropy 1951
- fluorescence *in situ* hybridization 1942, 7353, 7462, 9410
- fungi 958, 4951, 10640, 11825, 11899
  - artificial selection 965
  - gene mapping 3885
- fungicides 11887
- *Fusarium* 3881, 7402, 11901
- *Fusarium culmorum* 7408
  - chromosome substitution 7407
  - gene expression 3883
  - genetics 3882
- gametocides 978, 3841, 7357, 10607
  - genetics 983
- gamma radiation 2840, 7356, 7359, 7362, 8592
- gene expression 6091, 6094, 6101, 7317
- gene flow 6095, 6153
- gene mapping 114, 969, 1935, 1941, 4959, 4963, 5928, 6152, 7345, 8551-8552, 9410, 9430, 9435, 9437
- genetic drift, restriction fragment length polymorphism 4966
- genetic markers 4962, 7345, 9435, 9445
- genetic resources 4949, 7316, 7328, 10592
  - genetic engineering 9241

Triticum aestivum *cont.*

- genetic transformation 115, 952, 1933, 2810, 3830, 6091, 7343-7344, 7422, 9428, 9434, 9440-9441, 9446, 10603, 11835
  - techniques 6084
- genetic variation 2829
- genetics
  - conferences 10473
  - multivariate analysis 966
- genomes 4971, 5237
- genotype environment interaction 950, 9503
  - mathematics 6133
- germin
  - gene expression 5025
  - genetic transformation 5025
- germination 981, 984, 1928, 7363
- germplasm releases 3811
  - yield components 7371
- *Gibberella zeae* 7408
  - amplified fragment length polymorphism 9523
  - combining ability 5028
  - gene mapping 9523-9524
  - genetic markers 11905
  - genetics 9525
  - linkage 9524
  - restriction fragment length polymorphism 1016, 9523, 11905
- gibberellic acid 4983
  - genetics 1949, 2842, 7361
- gibberellins
  - gene expression 3842
  - genetic engineering 10587
  - genetics 10612
  - nucleotide sequences 10587
- gliadin 1958, 2852, 4985, 6102, 6146, 7396, 9460
  - chromosome translocation 4969, 9494
  - gene expression 9488
  - gene location 4969
  - genetic markers 96
  - genetic variation 4991
  - genetics 1000, 1961, 11876
  - nucleotide sequences 9488, 11871
  - polymorphism 6119
- glucan branching enzyme
  - gene expression 9467
  - genetic transformation 9490
- glucanases, genetics 1019
- glufosinate, genetic transformation 2870, 7347
- glumes 1961
  - genetics 11852
- glutamate-ammonia ligase
  - molecular genetics 7348
  - nucleotide sequences 7348
- glutathione transferase
  - gene mapping 960
  - nucleotide sequences 6093
  - restriction fragment length polymorphism 960
- gluten 1961, 2849, 3865
- glutenins 999, 1939, 1953, 1958, 2852, 3864, 4985, 5011, 6146, 7384, 8570
  - artificial selection 7377
  - chromosome translocation 4969, 5009, 9492-9494
  - gene expression 9488
  - gene location 4969
  - genetic markers 96, 6150
  - genetic transformation 7376, 9442, 9489
  - genetics 997, 1963, 6126, 9486
  - induced mutations 10624
  - nucleotide sequences 3856, 9488, 9495
  - techniques 138
  - variety classification 8566
- glycogen (starch) synthase, gene expression 11856
- grazing 1005
- growth period
  - chromosome substitution 6111
  - combining ability 6129, 9478
  - gene location 6111
  - gene mapping 6108
  - genetics 4946, 4984
  - reciprocal effects 4984

***Triticum aestivum** cont.*
- growth period *cont.*
  - restriction fragment length polymorphism 6108
- growth regulators 4983
  - gene expression 3842
  - genetics 1949, 7361, 10612
- haploidy 122, 974-975, 6096, 9446, 9452, 9456, 11864
  - techniques 6099
- heat resistance 1007, 1010-1011, 1015, 3874, 6136, 7389, 7392, 7395, 9509, 10629
  - artificial selection 6137, 9519
  - genetics 9516
  - genotype environment interaction 1014
- heat shock proteins
  - gene expression 5024, 9504, 11881
  - nucleotide sequences 9504
- height 124, 4983, 11855
  - combining ability 3843, 5002
  - gene mapping 4965, 6108, 9411
  - genetic engineering 10587
  - genetics 962, 964, 1949, 1952, 1954, 2842, 4949, 6114, 7360-7361, 7368, 8558, 9459, 9468, 10612
  - heritability 3843
  - heterosis 3843
  - linkage 9459
  - nucleotide sequences 10587
  - pleiotropy 1951, 7367, 8573
  - restriction fragment length polymorphism 6108
  - somaclonal variation 2837
- herbicides
  - genetic transformation 2870
  - induced mutations 6153
- *Heterodera avenae*
  - gene mapping 9534
  - nucleotide sequences 9534
- heterosis 6094
- *Hordeum,* intergeneric hybridization 158
- *Hordeum bulbosum,* intergeneric hybridization 2831
- *Hordeum chilense,* intergeneric hybridization 7319-7320
- *Hordeum vulgare*
  - intergeneric hybridization 952, 4941, 6103, 7321, 11840
  - triticale, intergeneric hybridization 953, 4943
- hybrid chlorosis, gene location 9533
- hybrid necrosis 6149
  - gene location 9533
  - genetics 2830, 7418-7419, 10650
- hybrid seed production 1925-1926, 1936, 10607
  - economics 1937
- hybridization 118
- hydrolases 3881
- *Hymenula cerealis,* techniques 1976
- ideotypes 4981, 4989
- imazamox, induced mutations 6153
- immunology 8570
- *in situ* hybridization 6101
- *in vitro* culture 7324
- induced mutations 972
- inflorescences
  - gene location 126, 4982
  - genetics 126
  - induced mutations 4982
- injuries 11883
- internodes 2838
- interspecific hybridization 120, 126, 1972, 2821, 2867, 5027, 5034, 6108, 7340, 7375, 7416, 8552, 8554, 8586, 8590, 9457, 9470, 9474, 9492, 9496, 9527, 11845, 11857, 11910
- iron 1004
- irrigation 1003, 10626
- isoenzymes 149, 2835
  - genetics 9529
- kinases
  - cytoplasmic male sterility 2871
  - nucleotide sequences 10594
- lead, gene expression 1008
- leaves 3846
  - genotype environment interaction 6107

***Triticum aestivum** cont.*
- leaves *cont.*
  - heritability 3850, 6107
  - heterosis 117, 7366
- lectins, genetic transformation 3895
- *Leptosphaeria nodorum* 7400
  - combining ability 11904
  - gene mapping 4964
- light 11883
  - chloroplast genetics 2826
  - gene expression 2826, 9505, 10613
  - gene location 9505
- lipids 1965
- lodging 3851, 9471
  - gene mapping 8561
- luciferase, genetic transformation 111
- *Magnaporthe grisea* 3808
- male sterility 1945, 1947, 7357, 10607
  - gene expression 10608
  - genetics 9458
  - germplasm releases 11848
  - linkage 9459
- manganese 1970
- *Mayetiola destructor*, genetics 1987
- *Meloidogyne naasi,* chromosome addition 5049
- microsatellites 94, 969, 9443
  - artificial selection 9439
- *Monographella nivalis* 1009, 11889, 11902
  - gene expression 11888
- morphology 123, 7352
- mutagens 2853, 8592, 10624
- *Mycosphaerella graminicola* 7400, 10639
  - artificial selection 1978
  - combining ability 7401
  - germplasm releases 7399
- natural selection, restriction fragment length polymorphism 4966
- nitrate reductase 5018
- nitrates 8538
- nitrogen 980, 3872, 6132, 8581
- nucleases, gene expression 7358
- nucleocytoplasmic interaction 7350
- nucleolus organizer 4943
  - molecular genetics 9432
- nucleotide sequences 11833
- nutrients 92, 1004, 1968, 1970, 3872, 5018, 6129-6132, 7386, 7388, 8538, 8579-8581
  - chromosome substitution 5013
  - chromosome translocation 2857-2858
  - gene expression 2857-2858
  - gene location 5013
  - techniques 140, 956
- nutritive value 10596
- *Oulema melanopus,* chromosome substitution 11930
- outcrossing 11849
- oxidoreductases 6149
- pathogenesis-related proteins
  - gene expression 3883, 8587
  - gene mapping 3879
- pathogens
  - gene mapping 957, 5026, 9520-9521
  - genetic markers 9520-9521
- *Pennisetum glaucum,* intergeneric hybridization 975, 3836
- peptidylprolyl isomerase
  - gene expression 2828, 9504
  - nucleotide sequences 9504
  - restriction fragment length polymorphism 2828
- peroxidases 6143
  - genetics 2869, 9529
- phenolic acids 7402
- phosphinothricin acetyltransferase, genetic transformation 6090
- phosphoric monoester hydrolases, cytoplasmic male sterility 2871
- phosphorus 1006, 1968, 6130-6131, 8579-8580
  - techniques 140
- photoperiodism 10608
  - chloroplast genetics 8559
  - gene expression 6112
  - genetics 964, 4949, 8560, 9470
  - pleiotropy 4964
- photosynthesis 982, 1975, 3846
  - gene expression 9462, 10613
  - genetics 7370

***Triticum aestivum** cont.*
- photosynthesis *cont.*
  - heritability 6134
  - heterosis 117, 9469
- phylogeny, nucleotide sequences 1002, 8577
- physiology 147, 6113
- phytochelatins
  - gene expression 10632
  - nucleotide sequences 10632
- phytochrome, gene expression 6112
- plant hairs
  - chromosome substitution 11930
  - genetics 11851
- plant introduction, history 963
- pollen 1945, 1948
- pollen culture 9453, 10619
- pollination, techniques 4937
- polymerase chain reaction 4938, 8535, 11833
- polysaccharides 1967
- potassium 1969, 7388
  - gene expression 955
- *Pratylenchus thornei* 11927
- protein disulfide isomerase
  - gene mapping 6086
  - restriction fragment length polymorphism 6086
- proteinase inhibitors
  - gene expression 3894
  - genetic transformation 3894
- proteinases, gene expression 3842
- proteins 3863
  - artificial selection 9483
  - gene location 4979
  - gene mapping 11868
  - genetic transformation 1934
  - genetics 1001, 1963
  - microsatellites 11868
- protoplasts 4978
- *Puccinia,* genetics 7414
- *Puccinia graminis* 2861, 3889, 9531
  - backcrossing 11923
  - genetics 10644
- *Puccinia recondita* 2861, 3888, 5030, 6146, 7409, 8563, 10645-10646, 11829, 11914-11915, 11918-11919
  - backcrossing 5044, 11922-11923
  - chromosome addition 2865, 5041
  - chromosome translocation 6145, 7405, 7415, 10649
  - combining ability 5040
  - gene location 5047, 8586
  - gene mapping 1985, 3880, 9530
  - genetic markers 148
  - genetics 1018, 1984, 2863-2864, 2866, 5042, 5045, 8586, 11917, 11920-11921
  - genotype environment interaction 3886
  - germplasm releases 7415-7416
  - induced mutations 8592
  - linkage 148
  - polymerase chain reaction 9530
  - random amplified polymorphic DNA 148
  - restriction fragment length polymorphism 1985, 9530
- *Puccinia striiformis* 2861, 3890, 5030, 5043, 7409, 8591, 11898, 11914, 11918-11919
  - chromosome translocation 7405
  - combining ability 3887
  - gene location 11913
  - genetic markers 5048
  - genetic variance 5046, 6147
  - genetics 10647, 11916
  - heritability 3891, 5046
- puroindoline-b
  - genetic engineering 9429
  - nucleotide sequences 9429
  - promoters 9429
- *Pyrenophora tritici-repentis* 11886, 11894
  - genetic markers 11895
  - genetics 11892
  - germplasm releases 7404
- pyridazine 3841
- quality 129, 131, 133-134, 139, 993, 998, 1965-1966, 2849, 2851, 2854, 3863, 3865, 3867, 5006, 6121-6122, 6124,

Triticum aestivum *cont.*
- quality *cont.*
    - 7378-7379, 7381-7382, 7384-7385, 8569, 8574-8575, 9484, 10625
    - artificial selection 7377
    - chromosome substitution 8572
    - chromosome translocation 1962, 7420, 8572, 11866, 11869, 11873
    - computer programming 7380
    - gene expression 9487
    - gene mapping 9496
    - genetic markers 136, 6120
    - genetic transformation 7376, 9489
    - genetics 2853, 5010, 9498, 10622, 11875
    - genotype environment interaction 132
    - heritability 2846, 11877
    - heterosis 130, 1938
    - history 7383
    - induced mutations 2853
    - linkage 11865
    - pleiotropy 8573
    - restriction fragment length polymorphism 6120
- quantitative traits
    - gene mapping 3885, 8571
    - linkage 936
    - pleiotropy 936
    - restriction fragment length polymorphism 8571
- random amplified polymorphic DNA 3794, 3833, 4938, 4961, 7319-7320, 7349
- regenerative ability, genetics 5004
- repetitive DNA 2809
- restriction fragment length polymorphism 1935, 1941, 6085, 6152, 8551, 9438, 9445, 11842
- *Rhizoctonia cerealis* 1977, 7406
- rhizosphere 8531
- *Rhopalosiphum maidis* 11929
- *Rhopalosiphum padi* 6141
- ribosomal RNA, molecular genetics 9432
- ribulose-bisphosphate carboxylase
    - gene expression 2825
    - heterosis 7366
    - restriction fragment length polymorphism 2825
- RNA, molecular genetics 7346
- RNA polymerase
    - gene expression 1062, 9462
    - nucleotide sequences 1062
- roots 144
- salinity 1013, 1928, 3872, 7393-7394, 7398
    - chromosome addition 1975
    - chromosome substitution 11884
    - combining ability 3875
    - gene expression 7397, 9515
    - gene location 1975, 11884
    - nucleotide sequences 9515
    - random amplified polymorphic DNA 5022
    - somaclonal variation 3876
- *Schizaphis graminum* 3893
    - chromosome translocation 7420
    - gene mapping 3880
    - genetics 7421
- *Secale cereale*
    - barley yellow dwarf luteovirus 3809
    - chromosome substitution 7460
    - intergeneric hybridization 127, 1935, 1982, 3809, 4938, 4940, 4943, 4945-4946, 6103, 7354, 7410, 7420, 7460-7462, 8572, 9454, 9584, 10649, 11839, 11846, 11873
    - yield components, aneuploidy 9584
- secalins
    - chromosome substitution 8572
    - chromosome translocation 8572
    - gene expression 4960
    - genetic transformation 4960
- seed production, polyploidy 9461
- seed treatment 981
- seedlings
    - chromosome substitution 4980
    - gene location 4980
- seeds 3864, 5011, 6104, 11899
    - chromosome substitution 4976

Triticum aestivum *cont.*
- seeds *cont.*
    - gene expression 11837, 11881
    - genetic transformation 11837
    - genetics 3845, 11854
    - heterosis 7368
    - induced mutations 7359, 7362
    - nucleocytoplasmic interaction 2839
    - techniques 7359
- self pollination 1926
- senescence 6089
- *Septoria* 2861
- shedding 4987
    - gene location 126
    - genetics 126
- siderophores, gene location 9414
- *Sitobion avenae* 11929
    - genetic transformation 3895
- *Sitobion miscanthi* 10651
- *Sitotroga cerealella*
    - gene expression 3894
    - genetic transformation 3894
- soil-borne wheat mosaic furovirus, genetics 3892
- soil compaction 141
- somatic embryogenesis 9481, 11818
- source sink relations 11855
- sowing date 1005, 3872, 9502-9503, 9509, 10608
- sowing depth 2856
- spikelets, gene location 3844
- spring and winter habit
    - chromosome substitution 4945
    - genetics 4945, 11857
- sprouting 2822, 4987-4988, 6110, 11853
    - combining ability 125
    - gene mapping 11834
    - microsatellites 11834
- stability 2855, 3871
    - yields 8540
- *Stagonospora nodorum,* germplasm releases 7399
- starch 134, 1960, 2851, 8569, 10621
    - genetic markers 136, 6120
    - genetics 991, 996
    - genotype environment interaction 991
    - restriction fragment length polymorphism 6120
- starch synthase
    - gene expression 9444
    - nucleotide sequences 9444
- stems 123
- storage 11901
- stress 1974, 11855
- superoxide dismutase 1974, 6143
    - gene expression 10631
- synthetic varieties 4956
- taxonomy, nucleotide sequences 11871
- temperature 6124, 10608
- tillering
    - combining ability 6129
    - genotype environment interaction 6107
    - heritability 6107
- *Tilletia indica*
    - genetics 5038, 7413
    - somaclonal variation 11896
- tissue culture 952, 989, 1933, 3855, 3889, 8565, 9482, 11818
    - gene mapping 4965
- toxic substances 144, 10635, 10637
    - artificial selection 6079
    - gene expression 1008, 10632
    - genetics 10630, 10636
    - nucleotide sequences 10632
- transcription factors
    - gene expression 11836
    - genetic engineering 10587
    - nucleotide sequences 156, 10587
    - promoters 156, 11836
- transpiration, heritability 6134
- transposable elements
    - gene location 2873
    - genetic transformation 8553
- triticale, intergeneric hybridization 1942, 2812, 6103, 9585
- trypsin inhibitors, heterosis 2011
- *Typhula incarnata* 1009
- *Typhula ishikariensis* 1009
    - artificial selection 7403
- *Ustilago segetum* 5030, 5037

Triticum aestivum *cont.*
- *Ustilago segetum cont.*
    - genetics 11912
- variety classification 96, 4985, 7364, 9460
    - multivariate analysis 1930
    - random amplified polymorphic DNA 1953
- variety trials 99, 101-110, 950, 1013, 1924, 2819, 3818, 7335, 8542
    - history 100
    - mathematics 9422
- vernalization
    - gene mapping 8534, 9411, 11882
    - genetics 4946, 4984, 8560, 9470, 11857
    - linkage 11882
    - reciprocal effects 4984
- vigour 8556
- vivipary, gene mapping 9463
- vomitoxin 7408
- water balance
    - artificial selection 9466
    - combining ability 1012
    - genetics 11858
    - genotype environment interaction 1012
- waxes
    - genetics 7365
    - genotype environment interaction 1014
- wheat dwarf monogeminivirus
    - gene expression 6148, 7417
    - genetic transformation 6148
- wheat streak mosaic rymovirus, chromosome translocation 8747
- *Xanthomonas translucens* 11885
- yield components 120, 124, 128, 6113, 7392, 9475
    - artificial selection 98, 965, 7333-7334, 9479
    - chromosome addition 127
    - chromosome translocation 11846
    - combining ability 2844, 2847, 3887, 4994-4995, 4999, 5001-5002, 8564, 11860, 11863
    - genetic variance 1956, 2847, 10616-10617
    - genetics 8558, 11900
    - genotype environment interaction 1955, 3853, 3886, 4994, 9501, 10627
    - heritability 988, 1956, 2812, 2846, 3891, 4997, 5003, 6116, 11861, 11863
    - heterosis 987, 1938, 2847, 5000, 6115, 7349, 10618
    - multivariate analysis 2843, 4998, 11859
    - reciprocal effects 4992
    - somaclonal variation 2837, 9480
    - stability 10627
- yield correlations 988, 3853, 3874, 4981, 6117, 7372-7373, 7386, 9475, 9479, 10637, 11862
- yields 1939, 7364, 7400, 8563, 11898
    - artificial selection 9483, 11828
    - combining ability 8562, 9478
    - genetics 8562
    - history 7383
    - stability 9499-9500
- *Zea mays,* intergeneric hybridization 116, 997, 4937, 6096, 6099
- zinc 1004, 6130
    - chromosome substitution 5013
    - gene expression 1008
    - gene location 5013

Triticum araraticum
- chromosome pairing 8554
- interspecific hybridization 7416, 8554

Triticum boeoticum
- genetic resources 1020
- gliadin, polymorphism 3859
- glutenins
    - gene expression 3866
    - nucleotide sequences 3857
    - polymorphism 3859
- interspecific hybridization 11910
- population genetics 3859
- quality, gene expression 3866
- *Sitobion avenae* 1020

Triticum boeoticum *cont.*
  taxonomy 3869
Triticum dicoccoides
  chromosome substitution 9438
  drought resistance 142
  Erysiphe graminis
    genetics 5032
    restriction fragment length polymorphism 5032
  interspecific hybridization 5008, 5032, 7375, 8593, 9465
  natural selection 8550
  nitrogen, genotype environment interaction 5016
  nutrients, genotype environment interaction 5016
  proteins, genotype environment interaction 5016
  Puccinia striiformis
    gene mapping 8593
    microsatellites 8593
  random amplified polymorphic DNA 3832, 6087, 8550
  restriction fragment length polymorphism 9438
  threshing
    gene location 9465
    genetic markers 9465
Triticum dicoccum
  Erysiphe graminis
    genetics 5032, 11907
    restriction fragment length polymorphism 5032
  fibre 994
  genetic resources 7328
  gliadin, polymorphism 9497
  glutenins, polymorphism 9497
  interspecific hybridization 5032, 11857
  proteins 3848
  quality 994, 8576
  seeds 3848
  taxonomy, random amplified polymorphic DNA 6127
  variety classification 3848
  variety trials 2820, 3819-3820
Triticum durum
  Aegilops longissima, intergeneric hybridization 5029
  Aegilops tauschii, intergeneric hybridization 985, 3884, 11909
  Aegilops ventricosa, intergeneric hybridization 3834, 4956
  anther culture 4972
  biotechnology 7331
  breeding 2816, 7331
    conferences 1795
    history 961
  carotenes 7322
  chromatin 973
  chromosome aberrations 4972
  chromosome banding 11844
  chromosome morphology 867
  chromosome number 120
  chromosome pairing 7355, 10605
  chromosome substitution 4942
  chromosome translocation 2832, 7355, 11844
  Cochliobolus sativus 3884
  cultivars 1924, 10601
    AC Avonlea 2823, 11831
    Belzer 11832
    Ben 1931
    Hedong Wumai 526 7340
    Zhong Liang-18 8545
  Dasypyrum villosum
    Elymus elongatus, intergeneric hybridization 9447
    intergeneric hybridization 2841, 5020, 10638
  Diuraphis noxia, genetics 2868
  dormancy 2841
  drought resistance 142, 10628
    heritability 3877
    heterosis 9508
    restriction fragment length polymorphism 9512
    stability 6138
  Elymus curvifolius, intergeneric hybridization 3837
  Elymus elongatus, intergeneric hybridization 5029, 9447, 10605
Triticum durum *cont.*
  Elymus farctus, intergeneric hybridization 3837
  Elymus hispidus, intergeneric hybridization 8545
  embryo culture 971
  endosperm 11874
  Erysiphe graminis 2861, 5029
    genetics 10642, 11909
  Exserohilum hawaiiensis 9526
  fibre 994
  gene banks 3812
  gene mapping 970, 7345
  genetic markers 7345
  genetic resources 2832, 7328, 9485, 10623
  genetic transformation 2810
  genotype environment interaction 3870
  germination 984, 1928, 2841
  gliadin 6123, 9485
    linkage 11820
  gluten 3865
  glutenins 9485
    chromosome translocation 9492-9493
    gene expression 11878
    genetic transformation 11878
    genetics 3861
    linkage 11820
    nucleotide sequences 6088, 9495
    polymorphism 3860, 3862
  haploidy 119, 975, 4972
    combining ability 8555
  heat resistance, stability 6138
  height 10614
  Hordeum chilense, intergeneric hybridization 2810, 2868, 3802, 7322, 11818, 11820-11821
  induced mutations 972
  inflorescences 4986
  interspecific hybridization 120, 2867, 3877, 4986, 5008, 7340, 8593, 9465, 9474, 9492, 11845
  isoenzymes
    genetic variation 3849
    multivariate analysis 3849
  lipoxygenase, genotype environment interaction 8568
  manganese, genetics 3873
  Mayetiola destructor 6151
  microsatellites 9443
  Mycosphaerella graminicola 3884
  nitrogen 8581
    chromosome substitution 9474
    gene location 9474
    genotype environment interaction 5016
  nutrients 8581
    chromosome substitution 9474
    gene location 9474
    genetics 3873
    genotype environment interaction 5016
  nutritive value 10596
  Pennisetum glaucum, intergeneric hybridization 975
  photosynthesis 6105, 10628
    artificial selection 8536
    heritability 8536
  plant composition 6105, 9526
  prolamins
    genetic variation 11821
    genomes 11821
  proteins 6135
    gene dosage 985
    genotype environment interaction 5016
  Puccinia graminis 2861
  Puccinia recondita 2861, 5029
  Puccinia striiformis 2861
    gene mapping 8593
    microsatellites 8593
  Pyrenophora tritici-repentis, genetics 11893
  quality 139, 994, 1959, 3865, 5012, 6123, 7381, 10623, 11870, 11874
    chromosome translocation 2850
    gene mapping 995, 5008
    genetics 3861
    genotype environment interaction 3868, 8568, 11872
Triticum durum *cont.*
  quality *cont.*
    restriction fragment length polymorphism 995, 5008
  quantitative traits
    gene mapping 5008
    restriction fragment length polymorphism 5008
  random amplified polymorphic DNA 3832
  restriction fragment length polymorphism 970, 9431
  salinity 1928
  Schizaphis graminum, genetics 2868
  Secale cereale, intergeneric hybridization 4942
  seed aging 2841
  seeds 1959, 3852
    gene dosage 985
    storage 2841
  Septoria 2861
  somatic embryogenesis 11818
  sowing date 9502
  stability 7387
  starch 11870
  stress 1974, 5021, 9507
  superoxide dismutase 1974
  temperature 6135
  threshing
    gene location 9465
    genetic markers 9465
  Tilletia indica 3884
  tissue culture 6118, 9482, 11818
  Ustilago segetum 5037
  variety trials 1924, 5012, 8541
  water balance 6109
    chromosome substitution 9474
    gene location 9474
  wheat soil-borne mosaic furovirus 11925
  yield components 120
    artificial selection 6106
    epistasis 4996
    genotype environment interaction 5014, 6106
    heritability 3877
    heterosis 4996
    linkage 9477
    multivariate analysis 2843, 3849, 10615
    stability 8582
  yield correlations 2845, 3852, 9512, 10614
  yields
    chromosome translocation 2850
    history 11823
    stability 6138
  Zea mays, intergeneric hybridization 119, 971, 4972
Triticum ispahanicum
  glumes, genetics 3847
  interspecific hybridization 3847
Triticum macha
  chromosome substitution 5027
  flooding 1972
  Fusarium culmorum, gene mapping 2860
  Gibberella zeae, gene mapping 2860
  interspecific hybridization 1972, 5027
  random amplified polymorphic DNA 2824
  Triticum
    Fusarium culmorum, gene location 5027
    Gibberella zeae, gene location 5027
Triticum militinae
  chromosome pairing 9457
  Erysiphe graminis
    gene location 8586
    genetics 8586
  interspecific hybridization 8586, 9457, 9527
  Puccinia recondita
    gene location 8586
    genetics 8586
Triticum monococcum
  binding proteins, genetic transformation 7417
  fibre 994
  gene mapping 7345
  genetic markers 7345
  genetic resources 1020
  interspecific hybridization 11910

- ***Triticum monococcum*** *cont.*
  - quality 994, 5007
  - *Sitobion avenae* 1020
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 6127
  - vernalization
    - gene mapping 986
    - restriction fragment length polymorphism 986
- ***Triticum polonicum***
  - glumes, genetics 3847
  - interspecific hybridization 3847
- ***Triticum spelta***
  - *Erysiphe graminis*
    - gene mapping 8590
    - heritability 8590
  - gene mapping 8552
  - gliadin 2852
    - nucleotide sequences 11871
    - polymorphism 9497
  - glutenins 2852
    - polymorphism 9497
  - hybrid varieties 2821
  - inflorescences
    - gene location 126
    - genetics 126
  - interspecific hybridization 126, 2821, 6108, 8552, 8590, 9496
  - lodging, gene mapping 8561
  - quality 8567, 8576
    - gene mapping 9496
  - random amplified polymorphic DNA 2824
  - shedding
    - gene location 126
    - genetics 126
  - taxonomy, nucleotide sequences 11871
  - variety trials 2820-2821, 3819
- ***Triticum timopheevii***
  - chromosome pairing 7355, 8554, 9457
  - chromosome translocation 7355
  - cytoplasmic male sterility 10609
  - *Erysiphe graminis*
    - gene location 8586
    - genetics 8586
  - interspecific hybridization 2867, 8554, 8586, 9457, 9470, 9527
  - *Puccinia recondita*
    - gene location 2867, 8586
    - genetics 2867, 8586
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 6127
- ***Triticum turgidum***
  - inflorescences 4986
  - interspecific hybridization 4986, 5032
- ***Triticum urartu***
  - DNA methylation, gene expression 7342
  - genetic resources 1020
  - gliadin, polymorphism 3859
  - glutenins, polymorphism 3859
  - isoenzymes, polymorphism 3899
  - population genetics 3859, 3899
  - random amplified polymorphic DNA 3831
  - ribosomal DNA, gene expression 7342
  - *Sitobion avenae* 1020
  - taxonomy 3869
- ***Tropaeolum majus***
  - flowers 8309
  - nectar 8309
  - pollen germination 12915
  - pollination 8309
- **Tropical crops,** conferences 12988
- **Tropisms**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 1845, 1863, 2758, 4877, 6035
    - genetic engineering 1860
    - genetics 9358
    - mutations 1845, 1863, 3740, 4877, 6035, 8495, 9358, 11763
    - nucleotide sequences 1845, 2758
    - space flight 11759
  - *Lycopersicon esculentum,* mutations 8887, 9970, 11105
  - *Pisum sativum,* gene expression 10985
  - *Zea mays,* genetics 10710
- **True seeds,** *Solanum tuberosum* 1330
- **Trypsin inhibitors**
  - *Cicer arietinum,* artificial selection 5288
  - *Elymus,* heterosis 2011
- **Trypsin inhibitors** *cont.*
  - *Glycine max* 5301, 5319, 9799
  - *Glycine soja* 5302
  - *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 8184
  - *Ipomoea batatas* 1349
  - *Pisum sativum* 5374
    - gene expression 5382
  - triticale, heterosis 2011
  - *Triticum aestivum,* heterosis 2011
  - *Vicia faba*
    - artificial selection 5288
    - combining ability 5343
    - genetics 5343
  - *Vigna unguiculata,* genotype environment interaction 6460
- **Tryptophan,** *Arabidopsis thaliana,* mutations 1848
- **Tryptophan decarboxylase,** *Catharanthus roseus,* genetic transformation 1768
- **Tryptophan synthase**
  - *Camptotheca acuminata,* gene expression 9202
  - *Nicotiana tabacum,* gene expression 9202
  - *Oryza sativa*
    - gene expression 2090
    - genetic transformation 2090
    - nucleotide sequences 2090
- ***Tsuga heterophylla,*** wood properties, heritability 7039
- ***Tsuga mertensiana***
  - germination, heritability 9150
  - seed aging 9150
- ***Tsusiophyllum tanakae,*** *Rhododendron obtusum,* intergeneric hybridization 8280
- ***Tuber***
  - molecular genetics 8393
  - polymerase chain reaction 7170
  - restriction fragment length polymorphism 7171
  - taxonomy, polymerase chain reaction 8401
- ***Tuber aestivum,*** chromosome number 8396
- ***Tuber borchii***
  - DNA fingerprinting 850
  - genetic markers 11628
  - proteins, gene expression 9225
  - taxonomy, random amplified polymorphic DNA 1790
- **Tubers**
  - *Solanum tuberosum* 1339, 11029
    - gene expression 4277, 8816
    - nucleotide sequences 8816
- **Tubulin**
  - *Capsicum annuum* 12569
    - gene expression 11152
  - *Zea mays*
    - gene expression 10730
    - genetic transformation 6230, 10730
  - *Zea mays* (sweetcorn)
    - gene expression 2035
    - genetic transformation 2035
- ***Tulipa***
  - chemotaxonomy 1754
  - esterases, polymorphism 1754
  - ovule culture 12937
  - *Rhizoctonia solani* 12938
- ***Tulipa agenensis,*** interspecific hybridization 12937
- ***Tulipa gesneriana***
  - histones 2656
  - interspecific hybridization 12937
  - pollen 2656
- ***Tulipa praestans,*** interspecific hybridization 12937
- ***Tulipa wendelboi,*** taxonomy 7119
- **Tumour proteins**
  - *Hevea brasiliensis*
    - gene expression 5798
    - nucleotide sequences 5798
- **Tumours,** *Nicotiana,* genetics 9106
- **Turnip crinkle carmovirus,** *Arabidopsis thaliana,* mutations 1880
- **Turnip vein-clearing virus,** *Arabidopsis thaliana,* mutations 3764
- **Turnip yellow mosaic tymovirus**
  - *Brassica chinensis* 6539
  - *Brassica pekinensis* 6539
- ***Tuta absoluta***
  - *Lycopersicon esculentum* 9982
- ***Tuta absoluta*** *cont.*
  - *Lycopersicon hirsutum* 9982
- ***Tylenchorhynchus brevilineatus,*** *Arachis hypogaea* 3473
- ***Tylenchulus semipenetrans,*** *Citrus* 12696
- ***Typhula incarnata,*** *Triticum aestivum* 1009
- ***Typhula ishikariensis***
  - *Triticum aestivum* 1009
    - artificial selection 7403
- **Tyramine *N*-feruloyltransferase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 12799
    - nucleotide sequences 12799
- **Tyrosine decarboxylase**
  - *Brassica napus* (rape), genetic transformation 11260
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 1770
  - *Papaver somniferum*
    - gene expression 1770
    - genetic engineering 11260
    - nucleotide sequences 1770
- ***Tzeltalia,*** taxonomy 3367
- **Ubiquitin**
  - *Arabidopsis thaliana,* gene expression 4873
  - *Glycine max*
    - gene expression 3089
    - nucleotide sequences 3089
  - *Lycopersicon esculentum*
    - genetic engineering 8878
    - nucleotide sequences 8878
  - *Nicotiana tabacum*
    - genetic engineering 10214
    - genetic transformation 8878, 10214
- **Ubiquitin-conjugating enzyme,** *Pseudotsuga menziesii,* nucleotide sequences 7031
- **UDP-glucose:anthocyanin 5-*O*-glucosyltransferase**
  - *Perilla frutescens*
    - gene expression 6884
    - nucleotide sequences 6884
  - *Verbena hybrida*
    - gene expression 6884
    - nucleotide sequences 6884
- **UDPglucose 4-epimerase**
  - *Cyamopsis tetragonoloba*
    - gene expression 7792
    - nucleotide sequences 7792
  - *Pisum sativum*
    - gene expression 2207
    - nucleotide sequences 2207
- **UK**
  - reports
    - Biotechnology and Biological Sciences Research Council 2691
    - Institute of Grassland and Environmental Research 12983
    - Scottish Crop Research Institute 3652
- ***Ulmus***
  - *Agrobacterium rhizogenes,* vegetative propagation 11479
  - chromosome number 7004
  - *Ophiostoma novo-ulmi* 11480
  - phenylalanine ammonia-lyase 11480
  - tissue culture 750
- ***Ulmus ismaelis,*** taxonomy 3561
- ***Ulmus procera***
  - genetic transformation 4655
  - green fluorescent protein, genetic transformation 4634
- ***Ulmus pumila,*** genetic transformation 12878
- **Ultrastructure**
  - *Allium cepa,* RNA polymerase 7840
  - *Arabidopsis thaliana,* genetic transformation 9314
  - *Camellia,* pollen 3500
  - *Hordeum vulgare*
    - cells 9572
    - chloroplasts 9572
    - salinity 9572
  - *Lilium*
    - cells 11561
    - ovules 11561
  - *Olea europaea,* pollen 11319
  - *Silene,* plastocyanins 11534
- **Ultraviolet radiation**
  - *Arabidopsis thaliana* 4899, 9375
    - gene expression 10540

- **Ultraviolet radiation** *cont.*
  - *Capsicum annuum*
    - gene expression 502
    - nucleotide sequences 502
  - *Glycine max*
    - gene expression 7711
    - nucleotide sequences 7711
  - *Hordeum vulgare* 3914
  - *Limnanthes alba* 9057
  - *Nicotiana tabacum,* genetic transformation 5749
  - *Oryza sativa,* genetics 9711
  - *Phacelia campanularia* 9057
  - *Pisum sativum* 2208
    - chloroplast genetics 8794
  - *Zea mays* 3964
- ***Ulva***
  - morphology, nucleotide sequences 12982
  - phylogeny, nucleotide sequences 12982
- ***Umbellularia californica***
  - acyltransferases, gene expression 11265
  - thioesterase
    - gene expression 4867
    - genetic engineering 4867, 6789
- ***Uncinula necator***
  - *Vitis* 3334-3335
  - *Vitis amurensis* 3335
  - *Vitis vinifera* 3335
- **Unreduced gametes**
  - *Brassica campestris* 2454
  - *Brassica juncea* 2454
  - *Brassica nigra* 2454
  - *Brassica pekinensis* 6526, 6528
  - fruit crops 8905
  - *Impatiens aurantiaca* 785
  - *Impatiens hawkeri* 785
  - *Impatiens platypetala* 785
  - *Paspalum* 12294
  - *Paspalum notatum* 5239
  - *Solanum* 5462
  - *Solanum acaule* 3157
  - *Solanum commersonii* 2233
  - *Solanum phureja* 9889
  - *Solanum tuberosum* 2233, 3160, 9889, 9899, 11037
  - *Vaccinium darrowii* 6701
- **Uracil phosphoribosyltransferase,** *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 6001
- **Urd bean leaf crinkle virus,** *Vigna mungo* 4239
- **Urease**
  - *Arabidopsis thaliana,* nucleotide sequences 4872
  - *Glycine max*
    - genetics 10947
    - restriction fragment length polymorphism 10947
- ***Uredo cajani,*** *Cajanus cajan* 9869
- ***Urochloa,*** yield components 9742
- ***Urochloa panicoides,*** phosphoenolpyruvate carboxykinase, gene expression 12296
- ***Uroleucon compositae,*** *Carthamus tinctorius* 10158
- ***Uromyces appendiculatus***
  - *Phaseolus vulgaris* 9826, 10974
    - DNA hybridization 6431
    - gene mapping 368, 6431
    - genetic markers 5362
    - random amplified polymorphic DNA 368
  - *Vigna unguiculata* 12428
- ***Uromyces viciae-fabae***
  - *Pisum sativum,* genetics 8799
  - *Vicia faba* 5345
- **Uroporphyrinogen decarboxylase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 12820
    - genetic transformation 12820
- **Uroporphyrinogen oxidase**
  - *Nicotiana tabacum*
    - gene expression 12820
    - genetic transformation 12820
- ***Urtica dioica,*** lectins, genetic engineering 10239
- **USA,** Cooperative Forest Genetics Research Program, reports 9226
- ***Ustilaginoidea virens,*** *Oryza sativa* 12245
- ***Ustilago scitaminea,*** *Saccharum officinarum* 4552-4553, 12771
- ***Ustilago segetum***
  - *Hordeum vulgare*
    - gene location 7449
    - linkage 7449
  - *Triticum* 2862
  - *Triticum aestivum* 5030, 5037
    - genetics 11912
  - *Triticum durum* 5037
- ***Ustilago zeae***
  - *Zea mays* 12122-12123
    - gene mapping 2941
    - genetic variance 2941
    - restriction fragment length polymorphism 6225
    - techniques 12125
- **UTP-glucose-1-phosphate uridylyltransferase**
  - *Gracilaria gracilis,* nucleotide sequences 10461
  - *Pyrus pyrifolia,* nucleotide sequences 5579
- ***Vaccinium***
  - *Botrytis cinerea* 6703
  - cultivars
    - Arne 3300
    - Hele 3300
    - Tumma 3300
  - genetic transformation 7975
  - interspecific hybridization 11201-11202
  - soil types 11202
  - taxonomy 12667
  - yield components 11201
- ***Vaccinium angustifolium***
  - interspecific hybridization 3300
  - variety trials 3301
- ***Vaccinium arboreum***
  - fertility 5608
  - interspecific hybridization 2363, 4450, 5608
  - self pollination 4450
- ***Vaccinium ashei,*** storage 6702
- ***Vaccinium corymbosum***
  - cold resistance 1477
  - interspecific hybridization 2363, 3300, 4450, 6700
  - regenerative ability 10040
  - *Rhagoletis mendax* 4451
  - self pollination 4450
  - soil pH 549
  - storage 6702
  - tissue culture 3309, 5609
  - variety trials 3302, 8987
- ***Vaccinium cylindraceum,*** tissue culture 2364
- ***Vaccinium darrowii***
  - chromosome pairing 6701
  - fertility 5608
  - interspecific hybridization 2363, 4450, 5608
  - self pollination 4450
  - unreduced gametes 6701
- ***Vaccinium elliottii***
  - fertility 8988
  - pollen 8988
- ***Vaccinium macrocarpon***
  - chromosomes 3305
  - fruits 12666
  - growth period 3306
  - nitrogen 7976
  - nutrients 7976
  - pollen 3305
  - quality 3306
  - variety classification 12666
- ***Vaccinium myrtilloides***
  - fertility 8988
  - pollen 8988
- ***Vaccinium oxycoccus***
  - growth period 3306
  - quality 3306
- ***Vaccinium pahalae***
  - benzyladenine 5610
  - cryopreservation 10041
  - tissue culture 5610, 10041
- ***Vaccinium palustris,*** interspecific hybridization 6700
- ***Vaccinium tenellum***
  - fertility 8988
  - pollen 8988
- ***Vaccinium uliginosum***
  - cultivars 3303
  - genetic resources 10038
- ***Vaccinium uliginosum*** *cont.*
  - interspecific hybridization 6700
- ***Vaccinium vitis-idaea***
  - genetic resources 10038
  - germination 3294
  - interspecific hybridization 3304, 6700
  - latitude 3294
  - plant introduction 3307, 6699, 10039
  - seedlings 3294
  - tissue culture 3308-3309
  - variety trials 3307, 10039
- **Valepotriates,** *Valeriana* 1767
- **Valerenic acid,** *Valeriana* 1767
- ***Valeriana***
  - valepotriates 1767
  - valerenic acid 1767
- ***Valeriana tajuvensis,*** taxonomy 8367
- ***Valerianella locusta,*** variety trials 467
- ***Valsa,*** *Prunus avium* 1467
- ***Vanda,*** taxonomy, random amplified polymorphic DNA 5881
- ***Vanda coerulea,*** tissue culture 10404
- ***Vanilla planifolia***
  - caffeate *O*-methyltransferase
    - gene expression 4773
    - nucleotide sequences 4773
  - phosphoenolpyruvate carboxylase
    - gene expression 3640
    - nucleotide sequences 3640
- **Variegation**
  - *Arabidopsis thaliana,* mutations 3745, 3747
  - *Brassica napus* (rape), genetics 10118
  - *Saccharum officinarum,* mutations 5730
- **Varieties** (*see* cultivars within each crop species)
  - (*see also* Composite varieties; Germplasm releases; Hybrid varieties; Synthetic varieties)
- **Variety classification**
  - *Alcea rosea* 1732
  - *Allium cepa,* techniques 6519
  - *Asparagus officinalis*
    - isoenzymes 7868
    - random amplified polymorphic DNA 7872
  - *Avena sativa,* random amplified polymorphic DNA 2894
  - *Brassica alboglabra* 3219
  - *Brassica pekinensis,* random amplified polymorphic DNA 6525
  - *Capsicum,* random amplified polymorphic DNA 12566
  - *Capsicum annuum* 500, 3253
    - proteins 6591, 12573
    - random amplified polymorphic DNA 12566
    - seeds 12573
  - *Capsicum frutescens*
    - proteins 6591, 12573
    - seeds 12573
  - *Castanea henryi* 580
  - cereals 6076
    - polymerase chain reaction 2811
  - *Citrullus lanatus* 3257
  - *Citrus*
    - isoenzymes 5642
    - random amplified polymorphic DNA 5642
  - *Citrus aurantium* 12692
  - *Citrus limon*
    - amplified fragment length polymorphism 11231
    - random amplified polymorphic DNA 11231
  - *Citrus paradisi,* random amplified polymorphic DNA 2421
  - *Citrus sinensis* 569
    - random amplified polymorphic DNA 2421
  - *Citrus taiwanica* 12692
  - *Cocos nucifera*
    - microsatellites 6866
    - restriction fragment length polymorphism 1565
  - *Coffea arabica* 2511
  - *Coffea canephora* 2511
  - *Colocasia esculenta,* random amplified polymorphic DNA 5486
  - *Cornus florida,* variety classification 9162

Variety classification *cont.*
  Cucumis melo, random amplified polymorphic DNA 2317
  Cynodon, amplified fragment length polymorphism 8748
  Dioscorea cayenensis 6507
  Dioscorea rotundata 6507
  Eleocharis dulcis, random amplified polymorphic DNA 9926
  Ficus carica
    fruits 6731
    isoenzymes 6728-6729
    random amplified polymorphic DNA 6729
  Glycine max
    proteins 6398
    random amplified polymorphic DNA 10950
  Gossypium 2544
  Gossypium hirsutum 4599
  Hordeum vulgare 96, 5070, 9562
    hordein 5066
    isoenzymes 7436
    random amplified polymorphic DNA 2882
    transposable elements 7427
  Humulus lupulus 8388
  Ipomoea batatas, random amplified polymorphic DNA 2255
  Lathyrus cicera 5273-5274
  Lens culinaris, polypeptides 1306
  Lolium multiflorum, genetic markers 7659
  Lolium perenne 10888
    genetic markers 7659
  Lolium rigidum 4100
  Lupinus 10923
  Lycopersicon, random amplified polymorphic DNA 12528
  Lycopersicon esculentum 3238-3239
    DNA fingerprinting 7890
    microsatellites 480
    random amplified polymorphic DNA 12528
  Malus pumila 521
    microsatellites 1423
    ribonucleases 8915
  Manihot esculenta, amplified fragment length polymorphism 9912
  Medicago sativa 313
  Musa 1505
  Ocimum basilicum 4780
  Olea europaea 8072, 10165, 11305, 11307-11308, 11319, 11327
    computer programming 2474
    multivariate analysis 11312
    random amplified polymorphic DNA 643, 2473, 11312-11313
  Origanum majorana 7152
  ornamental orchids, random amplified polymorphic DNA 2611
  ornamental plants 1708
  Oryza sativa 1169, 6275, 10815-10816
    fructose-bisphosphate aldolase 6276
    microsatellites 7557, 12189
    molecular genetics 6252
    repetitive DNA 7557
  Osmanthus fragrans 1720
  Phaseolus vulgaris, multivariate analysis 6423
  Phoenix dactylifera 575
  Pistacia vera 9027
  Poncirus trifoliata, random amplified polymorphic DNA 2421
  Populus, random amplified polymorphic DNA 2576
  Prunus 7958
  Prunus avium 1462
  Prunus domestica, random amplified polymorphic DNA 1438
  Prunus dulcis 3390
    triacylglycerols 6765
  Prunus mume 1434, 7957-7959
    random amplified polymorphic DNA 6674
  Prunus persica 11196
    random amplified polymorphic DNA 7972
  Prunus (plums) 10029
  Pyrus communis 529

Variety classification *cont.*
  Rhododendron, restriction fragment length polymorphism 2611
  Ricinus communis
    isoenzymes 12758
    proteins 12758
    seeds 12758
  Robinia pseudoacacia
    isoenzymes 1680
    random amplified polymorphic DNA 1680
  Rubus 8986
  Rubus arcticus 5601
  Secale cereale, polymerase chain reaction 1054
  Solanum
    proteins 12556
    seeds 12556
  Solanum melongena
    proteins 12556
    seeds 12556
  Solanum tuberosum 7806
    DNA fingerprinting 4255
  Spinacia oleracea 3227
  Stylosanthes, genetic markers 8763
  Theobroma cacao
    amplified fragment length polymorphism 4565, 8119
    random amplified polymorphic DNA 4565
  Triticum aestivum 96, 4985, 7364, 9460
    glutenins 8566
    multivariate analysis 1930
    random amplified polymorphic DNA 1953
  Triticum dicoccum 3848
  Vaccinium macrocarpon 12666
  Vitis
    microsatellites 2413
    random amplified polymorphic DNA 7984
  Vitis vinifera 559, 2375-2376, 2379, 3326-3327, 4465, 5621, 7988, 11215
    genetic markers 3322
    microsatellites 6712, 11213
    random amplified polymorphic DNA 560, 3323, 4464, 5620
    statistics 4464
    techniques 11214
  Xanthosoma, random amplified polymorphic DNA 5486
  Zea mays 6197
    random amplified polymorphic DNA 5108
  Zinnia elegans, isoenzymes 5850
Variety trials 932, 4814, 9976
  Actinidia deliciosa 1494
  Allium cepa 3199, 3206, 9927
  Allium porrum 429, 4322
  Anacardium occidentale, statistics 3403
  Apium graveolens 459
  Arachis hypogaea 2478, 5708
  Asparagus 7861
  Asparagus officinalis 3231, 7862, 11078-11084
  Avena sativa 950, 2891, 9576
  Beta vulgaris (fodder beet) 10197
  Beta vulgaris (sugarbeet) 674, 2499, 4555-4557, 5735-5737, 6905, 9068-9069, 10193-10198, 11348, 12773
  Brassica (Chinese cabbages) 5495
  Brassica napus (rape) 5662-5665, 10100, 11253
  Brassica oleracea (broccoli) 439, 7848, 8867
  Brassica oleracea (cabbages) 1365, 7847, 11061-11062
  Brassica oleracea (cauliflowers) 438
  Brassica oleracea (kohlrabi) 4343
  Cajanus cajan 5432
  Camellia sinensis 6914
  Canavalia ensiformis 1324
  Canavalia gladiata 1324
  Cannabis 9121
  Cannabis sativa 9122-9123
  Capsicum annuum 8894-8895, 9984, 11091
  Carthamus tinctorius 4534, 6863
  Carum carvi 2676
  cereals 2690, 8533

Variety trials *cont.*
  cereals *cont.*
    mathematics 3684
  Cichorium endivia 465-466
  Cichorium intybus 464
  Citrus 12687
  Citrus sinensis 1509-1510, 10071
  Citrus unshiu 5635
  Colocasia esculenta 1355
  Crambe abyssinica 4544
  Cucumis melo 507
  Cucumis sativus 511
  Cucurbita pepo 4380
  Cunninghamia lanceolata 4681
  Curcuma longa 1779
  Dactylis glomerata 5230
  databases 1
  Daucus carota 4313
  Dendranthema morifolium 784
  Dichanthium annulatum 9739
  Eleusine coracana 6063
  Eragrostis tef 6306
  Eriobotrya japonica 6669
  Euphorbia pulcherrima 10408
  Festuca arundinacea 5230
  Festuca rubra 9730
  Ficus carica 6725-6726
  fodder plants 6314
  Foeniculum vulgare 4777
  Fragaria ananassa 551-552, 3310-3311, 8990
  Gladiolus 5866
  Glycine max 950, 1259-1260, 2165, 2179, 4165, 6063, 7699, 9784-9785
  Gossypium 11396, 11427
    mathematics 709
  Gossypium hirsutum 950, 1634
  grasses 4088, 9731
  Helianthus annuus 2466, 8057
  Hevea brasiliensis 6983
  Hippophae rhamnoides 3351
  Hordeum vulgare 950, 1924, 2000, 3937, 5053
  Lactuca 460
  Lathyrus sativus 2155, 10940
  Leucaena 1249, 2157
  Linum usitatissimum (linseed) 6844
  Lolium multiflorum 303, 5230, 9735
  Lolium rigidum 9735
  Lupinus mutabilis 10916
  Lycopersicon esculentum 469-471, 5514-5518, 6554, 8874-8875, 11091-11094
  Macadamia 10098
  Malus pumila 516-517, 1420, 2330, 3264, 4390, 8909
  Mangifera indica 5646
  mathematics 3682, 4812-4813
  Medicago sativa 4125, 4129, 4131, 5230, 5249, 6347, 9747
  Mesona procumbens 7163
  Morus 3341, 3343
  Musa 566, 1499, 2389-2391
  Nicotiana tabacum 1606, 8120
  Olea europaea 1566, 5702-5703
  ornamental woody plants 4687
  Oryza sativa 239-243, 1116, 6248-6250, 7537, 9656-9657
  Pachyrhizus 2267
  Pachyrhizus erosus 2265-2266, 2272
  Panicum virgatum 6241
  Parthenium argentatum 3556
  Pelargonium 9155
  Phacelia tanacetifolia 1214
  Phaseolus vulgaris 1285, 3097-3098
  Phleum pratense 9730
  Piper nigrum 12961
  Pisum sativum 1294, 2206, 3106, 4215-4216, 9827
  Poa pratensis, techniques 2135
  Populus 1666
  Prunus avium 1449-1455
  Prunus (cherries) 1456
  Prunus domestica 8949-8950
  Prunus dulcis 3373
  Prunus mume 7952-7953
  Prunus persica 5595
  Prunus (plums) 2350, 6676
  Psidium guajava 1530
  Pyrus pyrifolia 4404, 6663
  Raphanus sativus 1358

- **Variety trials** *cont.*
  - *Ribes nigrum* 5606
  - *Ribes rubrum* 5606
  - *Ricinus communis* 10175
  - *Rubus arcticus* 5601
  - *Rubus idaeus* 6697-6698
  - *Saccharum* 6892
  - *Saccharum officinarum* 657, 668, 1586, 2484, 4547, 5726, 11341
    - statistics 658
  - *Secale cereale* 2896, 10683
  - *Sesamum indicum* 10177
  - *Setaria italica* 1103
  - *Solanum melongena* 6581
  - *Solanum tuberosum* 398, 3152, 4248, 4278
  - *Sorghum* 225
  - *Sorghum bicolor* 954, 7507-7508, 8672-8673, 10734
  - *Spinacia oleracea* 457
  - statistics 3
  - *Theobroma cacao* 4568
  - *Trifolium pratense* 4137-4138
  - triticale 1924, 2901, 6190, 10685
  - *Triticum aestivum* 99, 101-110, 950, 1013, 1924, 2819, 3818, 7335, 8542
    - history 100
    - mathematics 9422
  - *Triticum dicoccum* 2820, 3819-3820
  - *Triticum durum* 1924, 5012, 8541
  - *Triticum spelta* 2820-2821, 3819
  - *Vaccinium angustifolium* 3301
  - *Vaccinium corymbosum* 3302, 8987
  - *Vaccinium vitis-idaea* 3307, 10039
  - *Valerianella locusta* 467
  - *Vicia faba,* statistics 5338
  - *Vigna radiata* 4234
  - *Vigna unguiculata* 6063
  - *Viola cornuta* 2618
  - *Vitis vinifera* 3318, 6707
  - *Zea mays* 186, 215, 950, 954, 1058-1059, 2931, 3956, 5089-5090, 6204, 7502, 8628, 9591, 10689
    - computer programming 1803
  - *Zea mays* (popcorn) 1058
  - *Zea mays* (sweetcorn) 6203
- **Vascular system**
  - *Arabidopsis thaliana,* induced mutations 8492
  - *Capsicum annuum* 12575
  - *Oryza sativa,* gene mapping 10827
  - *Zea mays*
    - artificial selection 3971
    - gene expression 8641
    - genetics 10709
- **Vase life,** *Dianthus caryophyllus* 11538
- **Vegetables**
  - breeding 2689, 6061, 6070, 7313
  - chitinase, gene expression 6068
  - conferences 3653
  - genetic markers 2802
  - genetic resources 88, 2800, 3673, 5349
  - genetic transformation 2802, 3791, 5995
  - molecular genetics 3791
  - nitrates 2805
  - nutrients 2805
  - protoplast culture 6055
  - protoplast fusion 6055
  - quality 6070
    - conferences 10465
  - ripening
    - genetic engineering 1919
    - molecular genetics 1919
  - salinity, reviews 5951
- **Vegetative hybridization** (*see* Graft hybridization)
- **Vegetative propagation** 7287
  - *Camellia sinensis* 6915
  - *Citrus* 5634
  - *Dioscorea* 1354
  - *Festuca arundinacea* 3036
  - *Fragaria vesca,* genetics 7979
  - *Gliricidia sepium* 1677
  - *Morus* 10059
  - *Myrtus communis* 707
  - *Prunus avium* 7968
  - *Prunus* (cherries) 7968
  - *Solanum tuberosum* 400
  - *Ulmus, Agrobacterium rhizogenes* 11479
- ***Venturia inaequalis***
  - *Malus* 2340, 12623
- ***Venturia inaequalis*** *cont.*
  - *Malus cont.*
    - genetic markers 7944
    - random amplified polymorphic DNA 7944
  - *Malus pumila* 1429, 2339, 2341-2343, 5576, 6651-6652, 6661, 8919, 10020, 11180, 11182-11183, 12624, 12626
    - gene mapping 6654
    - genetics 526-527, 6656-6660, 11181
    - random amplified polymorphic DNA 5575, 6655
    - reviews 12625
- ***Venturia pirina***
  - *Pyrus bretschneideri,* genetics 8940
  - *Pyrus communis* 8939
    - genetics 8940
  - *Pyrus pyrifolia,* genetics 530, 2346, 8940
  - *Pyrus ussuriensis,* genetics 530, 2346
- ***Verbena hybrida***
  - UDP-glucose:anthocyanin 5-*O*-glucosyltransferase
    - gene expression 6884
    - nucleotide sequences 6884
- **Vernalization**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 6027, 9349
    - genetics 917
  - *Brassica napus* (rape) 625
    - genetics 4511
  - *Hordeum vulgare,* gene mapping 9411
  - *Secale cereale*
    - gene mapping 9411
    - genetics 4946
  - *Triticum aestivum*
    - gene mapping 8534, 9411, 11882
    - genetics 4946, 4984, 8560, 9470, 11857
    - linkage 11882
    - reciprocal effects 4984
  - *Triticum monococcum*
    - gene mapping 986
    - restriction fragment length polymorphism 986
- ***Vernonia***
  - chromosome morphology 3479, 10183
  - chromosome number 3479, 10183
- ***Verticillium*** (*see also Phialophora)*
  - *Gossypium hirsutum,* artificial selection 8182
  - *Solanum melongena* 9983
- ***Verticillium albo-atrum, Solanum*** 8892
- ***Verticillium dahliae***
  - *Gossypium hirsutum*
    - gene expression 10266
    - random amplified polymorphic DNA 6971
  - *Lycopersicon esculentum*
    - gene mapping 4361
    - restriction fragment length polymorphism 4361
  - *Mentha* 9212
  - *Mentha piperita,* somaclonal variation 9212
  - *Solanum* 8892
  - *Solanum melongena* 1394
  - *Solanum sisymbriifolium* 1394
- ***Verticordia plumosa***
  - *Chamelaucium floriferum,* intergeneric hybridization 1716
  - essential oils 1716
- ***Vetiveria zizanioides***
  - cell culture 843
  - cultivars
    - Dharini 10448
    - Gulabi 10448
    - Kesari 10448
  - photosynthesis 843
  - random amplified polymorphic DNA 10449
- ***Viburnum***
  - chemotaxonomy 11525
  - flavonoids 11525
- ***Viburnum opulus***
  - breeding 565
  - cultivars
    - Ėliksir 565
    - Krasnaya Grozd' 565
- ***Viburnum tinus***
  - cultivars
    - Anvi 7046
    - Spirit 7046
- ***Vicia***
  - calyx 4148
  - chromosome banding 5340
  - chromosome morphology 2152
  - crossing over 6408
  - cytology 4146
  - DNA 5340
  - isoenzymes
    - genetic distance 3094
    - genetics 3094
  - meiosis 6408
  - nucleolus 2152
  - phylogeny, chloroplast genetics 2193, 6410
  - pollen germination 5261
  - seeds 1244
  - sex 6408
  - taxonomy 4148
- ***Vicia amoena***
  - isoenzymes, genetics 324
  - polyploidy 324
- ***Vicia amphicarpa,*** cytotaxonomy 3058
- ***Vicia cordata***
  - chromosome morphology 9760
  - chromosome number 9760
- ***Vicia erzurumica,*** taxonomy 4147
- ***Vicia faba***
  - acrylonitrile vinyl cyanide 9814
  - *Aphis craccivora* 10961
  - ATP synthase, gene expression 357
  - benzyladenine 5341
  - *Botrytis fabae* 5346
  - breeding 5337, 9812
  - *Bruchus rufimanus* 12375
  - cell division 3091
  - chloroplast genetics, genetic transformation 11720
  - chloroplasts
    - gene expression 357
    - genetic transformation 11720
  - chromatin 10586
  - chromosome aberrations 938, 5341
    - induced mutations 9814
  - chromosome banding 3092
  - chromosome disposition 3091
  - chromosomes 10586
  - climate 355
  - cold resistance 8779
  - colour, genetics 356
  - crop density 1284
  - crossing over 6408
  - cultivars
    - Castelnuovo 1282
    - Taranto 9813
  - cytoplasmic male sterility 2190
    - gene expression 3093
    - nucleotide sequences 3093
  - development 355
  - *Ditylenchus dipsaci* 5347-5348
  - DNA fingerprinting 7732
  - DNA hybridization 2804, 8777
  - enzymes 3095
  - experimental design, statistics 5338
  - fluorescence *in situ* hybridization 2804, 7732
  - fruits 6383
  - *Fusarium solani* 10960
  - gene banks 5336
  - gene mapping 5339, 7733
  - genetic resources 4202, 5335, 6407
  - genetic transformation 5283
  - genomes 3092
  - glycerol-3-phosphate *O*-acyltransferase, nucleotide sequences 10959
  - growth period, genotype environment interaction 5342
  - heterosis 2189
  - histones 10586
  - hybrid varieties 2189
  - inbreeding 5336
  - induced mutations 2788
  - interspecific hybridization 1283
  - isoenzymes
    - genetic distance 3094
    - genetics 3094
  - lasers 2788
  - meiosis 6408

***Vicia faba* cont.**
  microtubules
    gene expression 2192
    genetic engineering 2192
  mutagens 938, 9814
  nitrogen fixation 3095, 6383
  nutrients 5290
  nutritive value 358, 5289, 5344
  Orobanche crenata 8780
  peptidylprolyl isomerase
    gene expression 9815
    nucleotide sequences 9815
  phenolic compounds 4203
  phosphoenolpyruvate carboxylase
    gene expression 9816
    nucleotide sequences 9816
  pinyangmycin 938
  plant embryos 1283
  proteins
    artificial selection 5288
    combining ability 5343
    genetics 5343
  protoplast fusion 11289
  random amplified polymorphic DNA 6409
  repetitive DNA 8778
  Rhizobium 3095
  seeds 4203, 5289, 5344
    genetics 356
  sex 6408
  synthetic varieties 5337
  tannins 358, 4203, 5289, 5344
  trypsin inhibitors
    artificial selection 5288
    combining ability 5343
    genetics 5343
  Uromyces viciae-fabae 5345
  variety trials, statistics 5338
  vicine 5344
  water balance 355
  yield components
    genetic variance 6409
    genotype environment interaction 1258
    heritability 7734
    heterosis 6409
  yield correlations 1284, 5286
  yields, artificial selection 10958
***Vicia galileae*,** pollen germination 7685
Vicia hirsuta
  nodulins
    gene expression 10911
    genetic transformation 10911
Vicia narbonensis
  β-fructofuranosidase, genetic transformation 2191
  interspecific hybridization 1283
  plant embryos 1283
  proteinase inhibitors
    gene expression 5262
    genetic transformation 5262
  source sink relations, genetic transformation 2191
Vicia sativa
  breeding 9758
  cell division 6367
  chromosome morphology 9760
  chromosome number 6367, 9760
  cultivars
    Vedura 6362
    Velero 6363
    Vestar 6364
  cyanogenic glycosides 12321
  cytotaxonomy 3058
  proteins, genetic variation 10912
  seeds, genetic variation 10912
  yield correlations 2153
Vicia serratifolia
  chromosome morphology 9759
  DNA 9759
***Vicia unijuga*,** amylases, genetics 7686
Vicia villosa
  cultivars
    Capello 6365
    Haymaker Plus 6366
Vicilin
  Lens, nucleotide sequences 5403
  Pisum sativum, mutations 5381
Vicine, *Vicia faba* 5344
Vigna
  anthers 3134
***Vigna* cont.**
  chromosome morphology 12432
  chromosomes 3134
  genetic resources 3135
  geography 3135
  heat resistance 2161
  isoenzymes 4237
    polymorphism 12435
  microsatellites 6381
  nomenclature 4237
  phylogeny, isoenzymes 7789
  taxonomy 4237, 12435
  yield correlations 394
Vigna aconitifolia
  bean yellow mosaic potyvirus 9886
  Leveillula taurica 9886
  nitrogen fixation 1323
  phosphorus 1323
  photosynthesis 1323
  pyrroline-5-carboxylate synthetase, genetic engineering 2117
Vigna angularis
  amplified fragment length polymorphism 6463
  Cercospora canescens 7790
  cultivars, Chilbopat 7781
  genetic resources 6463
  genetic transformation 8808
  quality 2220
  random amplified polymorphic DNA 6463
  seeds, storage 6382
  tissue culture 8808
***Vigna linearis*,** nomenclature 3144
Vigna mungo
  asparaginyl endopeptidase
    gene expression 4235
    nucleotide sequences 4235
  Cajanus cajan, intergeneric hybridization 3068, 3129
  chlorophyll, induced mutations 11015, 12431
  chromosome pairing 3129
  ethyl methanesulfonate 3137, 11015, 12431
  flavonoids
    gene expression 3136
    nucleotide sequences 3136
  gamma radiation 3137, 3139, 11015, 12431
  glutamate-ammonia ligase, heterosis 1320
  Heterodera cajani 12439
  insects 12440
  interspecific hybridization 394, 1320, 3068
  Meloidogyne javanica 3069
  morphology, induced mutations 3137
  mutagens 3137, 11015, 12431
  source sink relations, heterosis 1320
  urd bean leaf crinkle virus 4239
  yield components 6465
    combining ability 9881
    genetics 1321
    heritability 2219
    heterosis 9882
    induced mutations 3139
  yield correlations 393, 2219, 5450, 11016
  yields, genotype environment interaction 392
Vigna radiata
  aldehyde dehydrogenase, nucleotide sequences 1319
  aldehyde reductase
    gene expression 2381
    nucleotide sequences 2381
  1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase
    nucleotide sequences 9875
    promoters 9875
  Callosobruchus chinensis 7791
  Cercospora, induced mutations 3133
  Cercospora canescens 12437
  chlorophyll, induced mutations 6464
  cultivars
    characteristics 7782
    Keumseongnogdu 7783
    Owoolnogdu 7784
  cytokinin-specific binding protein, nucleotide sequences 9876
  development
    gene expression 9879
***Vigna radiata* cont.**
  development *cont.*
    nucleotide sequences 9879
  diethyl sulfate 9877
  Erysiphe graminis 2221
  Erysiphe polygoni, induced mutations 3133
  ethyl methanesulfonate 3133, 5446, 6464, 9878, 11014
  ethylene
    gene expression 11013
    nucleotide sequences 11013
  fruits, induced mutations 4236
  gamma radiation 3133, 7785, 9877-9878, 11014
  genetic resources 6462
  germination 395
  germplasm releases 9874
  glutamate-ammonia ligase, heterosis 1320
  growth regulators
    gene expression 11013
    nucleotide sequences 11013
  herbicides 395
  Heterodera cajani 12439
  hydroxylamine 11014
  interspecific hybridization 394, 1320, 12424
  Macrophomina 4238
  Macrophomina phaseolina 12436
  Meloidogyne javanica 3069
  N-methyl-*N*-nitrosourea 11014
  mung bean yellow mosaic bigeminivirus, genetics 12438
  mutagens 3133, 5446, 6464, 9877-9878, 11014
  nickel, artificial selection 3146
  proteins, genetics 3138
  random amplified polymorphic DNA 1318
  seeds 395
    gene expression 9879
    genetics 3138
    induced mutations 4236
    nucleotide sequences 9879
    storage 6382
  sodium azide 5446
  source sink relations, heterosis 1320
  space flight 4236
  tissue culture 12424
  toxic substances, artificial selection 3146
  variety trials 4234
  water balance 12436
  yield components
    genetic variance 3140
    genetics 1322
    heritability 1322, 3140, 9883-9885, 12433
    heterosis 3141-3142
    induced mutations 5446, 7785, 9877-9878, 11014
    multivariate analysis 7787, 12434
    stability 5446
  yield correlations 3143, 5449, 7786, 7788, 9880, 9883-9885
***Vigna spectabilis*,** nomenclature 3144
Vigna subterranea
  proteins, genetic variation 391
  seeds, genetic variation 391
Vigna umbellata
  growth period, stability 5448, 6466
  seeds, storage 6382
  yield components, multivariate analysis 11017
  yields
    genotype environment interaction 3145
    stability 6466
Vigna unguiculata
  artificial selection 2215
  blackeye cowpea mosaic potyvirus, genetics 11012
  Callosobruchus maculatus 12429
  chromosome morphology 9782
  cultivars, Charleston Greenpack 2216
  drought resistance 5444, 11011
    gene expression 9873
  ethidium bromide 11010
  ethyl methanesulfonate 6457
  gamma radiation 6457, 11010
  genetic transformation 12423

Vigna unguiculata *cont.*
- haemagglutinins, genotype environment interaction 6460
- heat resistance 6461, 12426
- interspecific hybridization 3068, 12424
- isoenzymes, genetic variation 8804
- *Lablab purpureus,* intergeneric hybridization 3068
- *Maruca vitrata* 12430
- morphology, induced mutations 6457
- mutagens 6457
- nutritive value 4232, 8805
  - genotype environment interaction 389
- phospholipase D
  - gene expression 9873
  - nucleotide sequences 9873
- phytic acid, genotype environment interaction 6460
- plant composition, genotype environment interaction 389
- polyploidy 9782
- proteins 4232
- quality 390
- random amplified polymorphic DNA 3132
- *Rhizoctonia solani* 6384
- ribosomal DNA
  - fluorescence *in situ* hybridization 2217
  - gene expression 2217
  - gene location 2217
- seed aging 1316
- seeds
  - genetics 8806
  - storage 1316, 6382
- sodium azide 6457
- somatic embryogenesis 6459
- *Striga gesnerioides* 1317
- tissue culture 6459, 12424-12425
- trypsin inhibitors, genotype environment interaction 6460
- *Uromyces appendiculatus* 12428
- variety trials 6063
- *Xanthomonas axonopodis* 4233, 12427
- yield components 387
  - dominance 9872
  - epistasis 9872
  - genetic variance 8807
  - heritability 388, 11010
  - heterosis 6458
  - induced mutations 11010
- yield correlations 7780, 9871
- yields
  - artificial selection 7779
  - heritability 7779

Vigna vexillata
- isoenzymes 2218
- morphology 2218

Vigour
- *Beta vulgaris* (sugarbeet)
  - genetic variance 677
  - heritability 677
- *Pistacia vera,* heterosis 9026
- *Pyrus communis,* genetics 12631
- *Triticum aestivum* 8556
- *Zea mays*
  - combining ability 12053
  - reciprocal effects 12053

Viola
- flowering 790
- photoperiodism 790
- random amplified polymorphic DNA 7095
- seeds 12918
- taxonomy 8318, 12918
  - random amplified polymorphic DNA 2619

Viola cornuta
- cold resistance 2618
- variety trials 2618

Viola patrinii
- interspecific hybridization 8315
- protoplast fusion 8315

Viola reichenbachiana, interspecific hybridization 7095

Viola riviniana, interspecific hybridization 7095

Viola wittrockiana
- flowers 8309
- interspecific hybridization 8315
- nectar 8309

Viola wittrockiana *cont.*
- pollination 8309
- protoplast fusion 8315

Violaxanthin deepoxidase
- *Arabidopsis thaliana*
  - gene expression 2513, 8490
  - mutations 8488, 8490
  - nucleotide sequences 2513
- *Nicotiana tabacum*
  - gene expression 2513
  - nucleotide sequences 2513

Viruses 1813, 10487
- biosafety 5954
- *Capsicum annuum* 12577
  - combining ability 505
- *Citrullus lanatus* 4377
- crops, genetic transformation 2723, 7203
- *Cucumis melo*
  - genetics 5560
  - heritability 5560
- *Cucumis sativus* 4377
  - genetics 5560
  - heritability 5560
- *Cucurbita,* genetic transformation 7928
- *Cucurbita maxima*
  - genetics 5560
  - heritability 5560
- *Cucurbita pepo* 4377
- *Fagopyrum esculentum* 2128
- gene expression 3700
- genetic transformation 3697, 5953-5954, 9256, 11680
- *Lycopersicon esculentum*
  - gene mapping 5548
  - germplasm releases 2306
- molecular genetics 9257
- *Nicotiana benthamiana,* gene expression 1633, 12827
- ornamental plants, genetic transformation 4686
- *Phaseolus vulgaris,* germplasm releases 7751
- *Pisum abyssinicum* 10994
- *Pisum sativum* 10994
- *Prunus pseudocerasus, in vitro* selection 12656
- reviews 11681
- *Solanum tuberosum* 4244, 4283, 4298, 4303, 8841, 12455
  - gene expression 412
  - genetic engineering 8836
  - genetic transformation 412, 3171
- *Vitis,* genetic transformation 12678
- *Vitis vinifera* 11219
  - artificial selection 1493

Vitamin E
- gene expression, reviews 11699
- genetic transformation, reviews 11699

Vitamins
- *Corylus avellana* 11250
- *Cucurbita maxima,* techniques 11165
- *Hippophae rhamnoides* 7995

Viteus vitifoliae
- *Vitis* 2383, 3336
- *Vitis cinerea* 3336
- *Vitis riparia* 3336
- *Vitis rotundifolia* 3333
- *Vitis rupestris* 3333
- *Vitis vinifera* 3333, 12679

Vitis
- biotechnology 7985
- chemotaxonomy 8999
- cold resistance 3334
- cultivars 1484
  - Börner 3336
  - Georgikon-28 3331
- DNA fingerprinting 2372, 5618
- evolution 1490
- gene banks 557, 2370
- genetic distance 5618
- genetic markers 11212
- genetic resources 2370-2371
  - databases 557
- genetic transformation 4463
- grapevine leaf roll virus 9002
- interspecific hybridization 3335
- isoenzymes 8999
- nutrients 561
- peroxidases 8999
- phylogeny 6716-6717
- plant composition 5619

Vitis *cont.*
- *Plasmopara viticola* 3334-3335
  - combining ability 7992
  - heritability 7992
- *Plasmopara vitivola* 6718
- pollen 6716-6717
- rootstocks 558, 561, 1484, 2383, 3331, 3336, 12678
- soil pH 3331
- taxonomy 1490, 6716
- *Uncinula necator* 3334-3335
- variety classification
  - microsatellites 2413
  - random amplified polymorphic DNA 7984
- viruses, genetic transformation 12678
- *Viteus vitifoliae* 2383, 3336
- *Xiphinema index,* random amplified polymorphic DNA 3333

Vitis amurensis
- cold resistance 4466
- cultivars, Shuanghong 5617
- interspecific hybridization 3335, 4466
- *Plasmopara viticola* 3335
- *Uncinula necator* 3335

Vitis berlandieri, interspecific hybridization 3331

Vitis cinerea
- interspecific hybridization 3336
- *Viteus vitifoliae* 3336

Vitis coignetiae
- irregular bearing 1486
- pollination 1486

Vitis labrusca
- embryo culture 2380
- interspecific hybridization 2380, 3328
- ovule culture 3328
- polyploidy 2380

Vitis labruscana
- aroma, genetics 5622
- interspecific hybridization 5622

Vitis latifolia
- mixoploidy, anther culture 6714
- somatic embryogenesis, anther culture 6714

Vitis riparia
- *Agrobacterium tumefaciens* 12677
- *Agrobacterium vitis* 12677
- interspecific hybridization 3331, 3336
- *Viteus vitifoliae* 3336

Vitis rotundifolia
- cultivars, Polyanna 6708
- grapevine fanleaf nepovirus 3333
- interspecific hybridization 3333
- *Meloidogyne* 3333
- rootstocks 3333
- *Viteus vitifoliae* 3333
- *Xiphinema index* 3333

Vitis rupestris
- grapevine fanleaf nepovirus 3333
- interspecific hybridization 3333
- *Meloidogyne* 3333
- rootstocks 3333
- *Viteus vitifoliae* 3333
- *Xiphinema index* 3333

Vitis vinifera
- aldehyde reductase, genetic transformation 2381
- arginine decarboxylase
  - gene expression 11216
  - nucleotide sequences 11216
- aroma, genetics 5622
- aromatic compounds 3329
- artificial selection 554, 10049
- breeding 555, 3315-3316, 7981, 10047-10048
  - conferences 3658
- chimaeras 6710
- chlorophyll, techniques 10054
- clonal variation 3317, 11209, 11219
- cold resistance 3330, 4466
- cultivars 7982
  - A871 4459
  - B891 4460
  - Börner 4458
  - C990 4461
  - D1056 4462
  - Damina 6709
  - EPAGRI-401-Villenave 10051
  - Helena 6709
  - Lady Ann 7983

- ***Vitis vinifera*** *cont.*
  - cultivars *cont.*
    - Lara 6709
    - Maxia Florenza 6709
    - nomenclature 11211
    - Paula 6709
    - Qinlongdaxu 11210
    - Regent 3320-3321
    - Regent Seedless 1483
    - Rubinia 6709
    - Sundance 10050
    - Velika 1485
    - White Gem 3319
  - diseases
    - genetic engineering 10866
    - history 3332
  - drought resistance 3330, 7990
  - embryo culture 2380, 6711
  - *Eutypa lata* 1491
    - genetic transformation 2381
  - fruits 6715
  - gene banks 2370, 4456
  - genetic markers 2373
  - genetic resources 554, 556, 2370-2371, 4457, 7980
  - genetic transformation 2374
  - glucanases, gene expression 2378
  - graft hybridization 6710
  - grapevine fanleaf nepovirus 3333
  - growth period 12674
  - growth regulators 1487
  - hexoses
    - gene expression 12675
    - nucleotide sequences 12675
  - interspecific hybridization 2380, 3328, 3331, 3333, 3335, 4466, 5622
  - leaves 4465, 10053
  - light 10053
  - *Lobesia botrana* 2382
  - *Meloidogyne* 3333
  - microsatellites 2375, 2379
  - molecular genetics 7987
  - ovule culture 3328, 9000, 10055-10056
  - pests, history 3332
  - plant composition 12674
  - plant embryos 1487
  - plant introduction 1482, 3315, 3318
  - *Plasmopara viticola* 3335
    - genetics 1492
  - pollination 3324
  - polyploidy 2380
  - quality 3324, 3329, 6715, 7988-7989, 9001, 11217-11218, 12676
    - clonal variation 10057
  - random amplified polymorphic DNA 2376, 7986, 8998, 10052
  - ripening
    - gene expression 12675
    - nucleotide sequences 12675
  - rootstocks 3325, 3330, 3333
    - random amplified polymorphic DNA 3323
  - salinity, *in vitro* selection 7991
  - seedlessness 6711, 9000
    - genetic markers 1488
    - genetics 2377
    - random amplified polymorphic DNA 1488
  - somatic embryogenesis 1487
    - tissue culture 6713
  - tissue culture 6710
  - trihydroxystilbene synthase, genetic engineering 10866
  - *Uncinula necator* 3335
  - variety classification 559, 2375-2376, 2379, 3326-3327, 4465, 5621, 7988, 11215
    - genetic markers 3322
    - microsatellites 6712, 11213
    - random amplified polymorphic DNA 560, 3323, 4464, 5620
    - statistics 4464
    - techniques 11214
  - variety trials 3318, 6707
  - viruses 11219
    - artificial selection 1493
  - *Viteus vitifoliae* 3333, 12679
  - wide hybridization 6711
  - *Xiphinema index* 3333, 11220
  - yields
    - stability 1489

- ***Vitis vinifera*** *cont.*
  - yields *cont.*
    - statistics 1489
- **Vivipary**
  - *Triticum aestivum,* gene mapping 9463
  - *Zea mays,* genetics 12044-12045
- ***Vochysia guatemalensis,*** cuttings 9141
- **Volatile compounds**
  - *Arabidopsis thaliana*
    - gene expression 6040
    - mutations 2765
  - *Boronia megastigma* 7156
  - *Citrus sinensis* 1521
  - *Cucumis melo,* genetic transformation 8898
  - *Daucus carota,* techniques 416
  - *Lycopersicon esculentum* 1386, 9974, 11104
  - *Malus pumila* 5574
  - *Mangifera indica* 571
  - *Olea europaea* 10165
  - *Ophrys sphegodes* 10401
  - *Oryza sativa* 9698
  - *Pisum sativum* 6439
  - *Psidium guajava* 6753
  - *Pyrus communis* 8938
  - *Sorghum bicolor* 7516
- ***Volvariella volvacea,*** cold, gene expression 10460
- **Vomitoxin,** *Triticum aestivum* 7408
- **Water balance**
  - *Arachis hypogaea* 11334
  - *Buchloe dactyloides* 5242
  - *Cocos nucifera* 3454
  - crops
    - artificial selection 2806
    - genetics 4821
    - molecular genetics 4821
  - *Eucalyptus microtheca* 9127
  - *Gossypium hirsutum,* gene expression 713
  - *Helianthus annuus* 3443
  - *Helianthus argophyllus* 3443
  - *Hevea brasiliensis* 4627
  - *Hordeum vulgare* 10595
  - *Lycopersicon esculentum,* gene expression 1381
  - *Musa* 1504
  - *Nicotiana tabacum*
    - cell culture 11385
    - gene expression 11378
    - nucleotide sequences 11378
  - *Phaseolus vulgaris* 10967
  - *Pinus pinaster* 11498
  - *Pisum sativum* 6443
  - *Sorghum bicolor* 10595
  - *Triticum aestivum*
    - artificial selection 9466
    - combining ability 1012
    - genetics 11858
    - genotype environment interaction 1012
  - *Triticum durum* 6109
    - chromosome substitution 9474
    - gene location 9474
  - *Vicia faba* 355
  - *Vigna radiata* 12436
  - *Zea mays* 1091
- **Waterlogging**
  - *Arachis hypogaea* 10173
  - *Glycine max* 5325
  - *Saccharum officinarum* 670
- **Watermelon mosaic 2 potyvirus,** *Cucurbita pepo,* genetic transformation 1412
- ***Watsonia***
  - cultivars
    - Jessie 8329
    - Leng 8329
    - SuiLan 8329
- **Waxes**
  - *Arabidopsis thaliana* 919
    - gene expression 9346
    - genetic transformation 902
  - *Brassica* 9036
  - *Brassica juncea*
    - artificial selection 5676
    - induced mutations 11262
  - genetics 5959
  - *Libocedrus chilensis* 1704
  - *Lupinus,* chemotaxonomy 5266
  - *Malus pumila* 1426

- **Waxes** *cont.*
  - *Olea europaea* 2475
  - *Oryza sativa,* genetics 6270
  - *Triticum aestivum*
    - genetics 7365
    - genotype environment interaction 1014
- **Weeds**
  - books 11654
  - crops 5956-5957
  - genetic transformation, reviews 11685
  - *Gossypium hirsutum,* genetic transformation 12858
  - *Oryza glaberrima* 9717
  - *Oryza sativa* 294, 9717, 12270
- ***Weigela florida,*** cultivars, Plangen 7059
- **Welsh onion yellow stripe potyvirus,** *Allium fistulosum* 9937
- **Wheat dwarf monogeminivirus**
  - *Triticum aestivum*
    - gene expression 6148, 7417
    - genetic transformation 6148
- **Wheat soil-borne mosaic furovirus,** *Triticum durum* 11925
- **Wheat streak mosaic rymovirus**
  - *Elymus elongatus,* chromosome translocation 8747
  - *Elymus hispidus,* chromosome translocation 8747
  - *Triticum aestivum,* chromosome translocation 8747
- ***Whetzelinia*** *(see Sclerotinia)*
- **Wide hybridization**
  - *Artemisia tridentata* 2131
  - *Beta vulgaris* (spinach beets) 6911
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 6911
  - *Brassica oleracea* (kale) 12506
  - *Brassica oleracea* (kohlrabi) 12506
  - *Brassica pekinensis* 3216
  - *Cicer arietinum* 9862
  - *Citrullus lanatus* 8899
  - *Citrus limon* 11237
  - *Cyclamen persicum* 7112
  - *Lens culinaris* 9849
  - *Limnanthes alba* 4546
  - *Linum usitatissimum* (flax) 1650
  - *Linum usitatissimum* (linseed) 1650
  - *Oryza sativa* 259, 261-262, 1174, 2092-2093, 7565, 9655, 9692, 9715, 10821, 10841, 10850, 10854, 12206, 12208
    - genetics 5178
    - photosynthesis 8701
  - *Pennisetum glaucum* 10780
  - *Petunia integrifolia* 2641
  - *Phaseolus vulgaris* 362, 12379
  - *Pleurotus ostreatus* 8395
  - *Raphanus sativus* 2259
  - *Santalum album* 833
  - *Santalum spicatum* 833
  - *Solanum melongena* 6582
  - *Solanum tuberosum* 3160, 3168, 6476
  - *Vitis vinifera* 6711
  - *Zea mays,* oils 1083
- **Wind**
  - *Macadamia* 2438
  - *Macadamia integrifolia* 3417
  - *Oryza sativa* 10861
- **Wines,** *Oryza sativa* 8711
- ***Withania somnifera***
  - *Agrobacterium tumefaciens,* genetic transformation 12952
  - yield components 10433
  - yield correlations 2670
- **Wood properties**
  - *Cryptomeria japonica* 11515
    - genetics 5832
    - heritability 5832
  - *Cunninghamia lanceolata,* artificial selection 773
  - *Eucalyptus nitens*
    - genotype environment interaction 11462
    - heritability 11462
  - *Picea abies,* heritability 11503
  - *Picea mariana* 767
  - *Picea sitchensis*
    - clonal variation 7027
    - heritability 7028
  - *Pinus sylvestris* 10321
    - genetic variance 10320

Wood properties *cont.*
  Pinus sylvestris cont.
    heritability 10320
  Populus canadensis 1669
  Populus tomentosa 4649
  Pseudotsuga menziesii 11510-11511
  Salix jiangsuensis 4653
  Sterculia apetala 9143
  Tectona grandis 10309
  Tsuga heterophylla, heritability 7039
Woody plants
  protoplast fusion 3781
  protoplasts 3781
  somatic embryogenesis 11655
X chromosome (*see* Sex chromosomes)
X radiation
  Citrus 11234
  Glycine max 6400, 9801-9803
  Pinus sylvestris 8235
  Rosa hybrida, tissue culture 2616
  Tradescantia 937
Xanthomonas axonopodis
  Gossypium
    genetic markers 724
    genetics 724
  Gossypium hirsutum, nucleotide sequences 12840
  Manihot esculenta, amplified fragment length polymorphism 8847
  Phaseolus acutifolius
    genetics 7746
    random amplified polymorphic DNA 2201
  Phaseolus vulgaris 12381
    gene mapping 1293, 10971
    genetic markers 3103
    genetic variance 2202
    genetics 12382
    heterosis 2202
    random amplified polymorphic DNA 3103
  Vigna unguiculata 4233, 12427
Xanthomonas campestris
  Anthurium 12925
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 4910
    genetic transformation 2782
    linkage 2782
    nucleotide sequences 4910
    restriction fragment length polymorphism 2782
  Brassica 12512
    genetics 12722
  Brassica campestris 10148
  Brassica nigra 9040
  Brassica oleracea 12512-12513
  Brassicaceae 9040
  Camelina sativa 9040
  Glycine max, genetics 8774
  Gossypium 725
  Lycopersicon esculentum
    gene expression 4359
    genetic transformation 4359
  Phaseolus acutifolius 6430
    genetic markers 366
  Phaseolus coccineus 6430
    genetic markers 366
  Phaseolus lunatus 6430
  Phaseolus vulgaris 6430, 8790
    genetic markers 366
    germplasm releases 7749
    heritability 365
Xanthomonas hortorum, *Pelargonium* 12908
Xanthomonas oryzae
  Oryza 1203
    genetics 7622
  Oryza nivara, genetics 9714
  Oryza sativa 3019, 3022, 7620-7621, 8715-8716, 12238-12241
    DNA hybridization 9713
    fluorescence *in situ* hybridization 3027
    gene expression 2120, 7623, 9713
    gene mapping 2121, 3027, 6080, 7624, 8717, 10867-10868
    genetic markers 10868
    genetic transformation 3020, 5219, 7623, 10865
    genetics 290, 3021, 4072, 5220, 6296, 7622, 7624, 10868, 12237
    nucleotide sequences 2120
Xanthomonas oryzae *cont.*
  Oryza sativa cont.
    restriction fragment length polymorphism 2121, 3027, 6080, 8717, 10867
    yeast artificial chromosomes 3027
Xanthomonas populi, *Populus* 2578
Xanthomonas translucens, *Triticum aestivum* 11885
Xanthomonas vesicatoria
  Capsicum annuum 2312, 4374
  Lycopersicon 11124
  Lycopersicon esculentum, gene expression 8890
Xanthophyll
  Capsicum annuum, nucleotide sequences 7907
  Lycopersicon esculentum
    mutations 5528, 8885
    nucleotide sequences 5528
Xanthosoma, variety classification, random amplified polymorphic DNA 5486
Xanthosoma sagittifolium
  colour 3187
  polyploidy 3190
  Pythium myriotylum 3187
  tissue culture 426, 3187, 3190
Xenia
  Citrus reticulata
    pollination 6746
    quality 6746
Xiphinema index
  Vitis, random amplified polymorphic DNA 3333
  Vitis rotundifolia 3333
  Vitis rupestris 3333
  Vitis vinifera 3333, 11220
Xylella fastidiosa, *Citrus* 2426-2427, 4482
Xylem
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 8135
  Populus
    gene expression 2574
    nucleotide sequences 2574
  Pseudotsuga menziesii 9149
Xyloglucan endotransglycosylase
  Fagus sylvatica, nucleotide sequences 6996
  gene expression 11691
  Hordeum vulgare, genetics 7438
Xylose isomerase
  Solanum tuberosum
    gene expression 2738
    genetic transformation 2738
Y chromosome (*see* Sex chromosomes)
Yeast artificial chromosomes
  Lycopersicon esculentum, Alternaria alternata 11130
  Nicotiana tabacum, genetic transformation 695
  Oryza sativa
    Magnaporthe grisea 3027
    Xanthomonas oryzae 3027
Yield components
  Abelmoschus caillei, multivariate analysis 11171
  Abelmoschus esculentus
    heritability 11172
    heterosis 10006
  Aegilops, multivariate analysis 4993
  Allium cepa 3206-3207
    heritability 431
    heterosis 3205
  Allium sativum, multivariate analysis 9934, 12498
  Allium tuberosum 432
  Amaranthus, heritability 9725
  Amaranthus cruentus, heritability 12272
  Amaranthus tricolor
    combining ability 5510, 11089
    heterosis 5510, 11089
  Anacardium occidentale 5661
    multivariate analysis 12710
  Arachis hypogaea 2478, 6872, 10169
    combining ability 3469
    epistasis 10170
    genotype environment interaction 1575
    heritability 645, 9050
    heterosis 5712
    stability 10172
Yield components *cont.*
  Avena sativa 2893, 8619, 8623
    artificial selection 1048, 6183
    combining ability 1048, 9577
    stability 2895
  Avena sterilis 2893
  Beta vulgaris (sugarbeet)
    combining ability 4560
    genetic variance 4560
  Brassica campestris, genetics 12507
  Brassica campestris (toria)
    combining ability 10129
    genetic variance 10133
    heritability 5679, 10128, 10133
    heterosis 10129
    multivariate analysis 5680
  Brassica chinensis
    combining ability 6536
    heterosis 6536
  Brassica juncea 10124
    heritability 3430
    induced mutations 5681, 10112
    stability 6834
  Brassica napus (rape)
    artificial selection 6813
    combining ability 6814-6815, 10125
    heterosis 6814-6815, 10125, 10135
    induced mutations 8041
    stability 6827
  Brassica oleracea (cabbages), genetics 7852
  Cajanus cajan
    artificial selection 7776, 11006
    combining ability 1314-1315, 3130, 5440
    genetic variance 385, 1315
    genetics 9865
    genotype environment interaction 4230, 9868
    heritability 385, 7775-7777, 9867
    heterosis 3130, 5437, 12419
    stability 386, 9868
  Cajanus scarabaeoides, heterosis 5437
  Camellia sinensis, stability 3501
  Capsicum annuum
    combining ability 505, 6593-6594, 7911
    genetics 7912
    heritability 3254
    heterosis 6593, 12574
    statistics 7910
  Carica papaya, artificial selection 5649, 11243
  Carthamus tinctorius
    combining ability 11297
    genetic variance 3444
    heritability 3445, 11298
    heterosis 4535
    somaclonal variation 10157
  Cicer arietinum 12412
    artificial selection 7770
    dominance 9862
    epistasis 9862
    genetic variance 381, 5418, 7772
    heritability 378, 5415, 5418, 7771-7772, 9861, 11000
    multivariate analysis 380, 3122, 9863
    stability 3121
  Coffea arabica
    combining ability 1605
    heritability 1605
  Coix lacryma-jobi, heterosis 6308
  Colocasia esculenta, multivariate analysis 1357
  Corchorus capsularis, heritability 10271
  Corchorus olitorius, heritability 12861
  Cucumis melo 12599
    combining ability 11159
    multivariate analysis 12592
  Cucumis sativus
    artificial selection 7931
    combining ability 6613
  Cucurbita, genetics 5566
  Cucurbita pepo
    heterosis 3259
    maternal effects 3260
  Cunninghamia lanceolata, artificial selection 4680
  Curcuma longa
    artificial selection 12966
    induced mutations 10442

Yield components *cont.*
- *Cyamopsis tetragonoloba*
  - combining ability 3147, 8809
  - heterosis 4240, 9888
- *Cyclamen*
  - genetic variance 2647
  - heritability 2647
- *Daucus carota,* heritability 12476
- *Dendranthema morifolium* 784
- *Digitaria decumbens*
  - induced mutations 9744
  - somaclonal variation 9744
- *Eleusine coracana,* stability 7526-7527
- *Elymus repens,* artificial selection 4111
- *Eulaliopsis binata* 5243
  - multivariate analysis 12298
- *Gladiolus*
  - combining ability 2649
  - genotype environment interaction 2653
  - multivariate analysis 8335
- *Glycine max* 7718
  - artificial selection 5293, 5307
  - genetic variance 3080
  - genetics 1276-1277, 5310
  - genotype environment interaction 7721
  - heritability 1276, 2177, 2183, 3076
  - heterosis 5306, 5313, 10952
  - induced mutations 3076, 3082, 5309
  - multivariate analysis 1278
  - somaclonal variation 349
  - stability 2180, 2182, 5322, 7722
- *Glycine soja*
  - artificial selection 5307
  - heterosis 5306, 5313
- *Gossypium*
  - combining ability 6962
  - genetic variance 1642
  - genetics 1642
  - heritability 717
  - heterosis 6962, 10254
  - stability 11418
- *Gossypium arboreum*
  - combining ability 11416
  - heritability 9115
- *Gossypium barbadense*
  - combining ability 11419
  - genetic variance 11419
  - genetics 4612
  - heterosis 4612, 10245
  - history 11395
  - induced mutations 8167
- *Gossypium herbaceum,* combining ability 11416
- *Gossypium hirsutum* 4605
  - combining ability 3546-3547, 4611, 5781, 5783, 8169, 8176, 11417
  - genetic variance 2546, 5783, 10260
  - genetics 4612, 10252
  - genotype environment interaction 4615, 10263
  - heterosis 1641, 3546, 4610-4612, 5782, 6963, 8176, 9114, 10245, 10253, 10260
  - inbreeding depression 1641
  - induced mutations 8174
  - maternal effects 3542
  - multivariate analysis 5782, 11415
  - stability 10263
- *Guizotia abyssinica*
  - multivariate analysis 653
  - stability 652
- *Helianthus annuus*
  - artificial selection 10152
  - combining ability 4529, 5694
  - genetic variance 5694
  - genotype environment interaction 6859-6860
  - heritability 4530, 12738
  - heterosis 9044, 11282, 11285-11287, 12739
- *Hevea brasiliensis* 11455
  - genotype environment interaction 2565
  - heterosis 12865
- *Hibiscus cannabinus*
  - combining ability 8192, 11452
  - heritability 8192
  - heterosis 11452

Yield components *cont.*
- *Hordeum vulgare*
  - amplified fragment length polymorphism 11942
  - artificial selection 1021
  - gene mapping 11942
  - genetic variance 5075
  - genotype environment interaction 1042, 8610
  - heritability 3928, 5073
  - heterosis 5075
  - induced mutations 1996, 9565
- *Ipomoea aquatica,* heritability 6544
- *Ipomoea batatas*
  - heritability 5482
  - induced mutations 7829
- *Lablab purpureus,* statistics 397
- *Lagenaria siceraria,* heterosis 10004
- *Lathyrus sativus*
  - artificial selection 3066
  - combining ability 7692
  - genetic variance 7692
  - heritability 5276
- *Lens,* heritability 6444
- *Lens culinaris* 5400-5402, 9854
  - artificial selection 3118
  - genetics 9852
  - heritability 3117, 6444, 7766, 9852
  - heterosis 3116
  - stability 9856
- *Lens nigricans* 5400
- *Leucaena*
  - genotype environment interaction 334
  - multivariate analysis 334
- *Leucaena leucocephala*
  - genotype environment interaction 334
  - multivariate analysis 334
- *Linum usitatissimum* (flax)
  - genetic variance 1650
  - genotype environment interaction 8187
  - heterosis 1650
- *Linum usitatissimum* (linseed)
  - combining ability 631
  - genetic variance 1650, 9043
  - heritability 632, 5688, 6845
  - heterosis 1650, 5687
  - multivariate analysis 5687, 12732
- *Lupinus mutabilis*
  - genotype environment interaction 1246
  - heritability 1246
- *Lycopersicon esculentum* 7893
  - combining ability 5535, 6561
  - genetics 11111
  - heritability 6561
  - heterosis 481, 3241, 6561-6562
  - induced mutations 6557
- *Malpighia emarginata* 10086
- *Mangifera indica,* genetic variance 1525
- *Medicago sativa,* mathematics 10903
- *Momordica charantia,* combining ability 10005
- *Morus,* heterosis 3344
- *Musa* 5633
  - combining ability 3357
  - heterosis 3357
- *Nicotiana tabacum* 8120, 11384
  - combining ability 5767, 8147
  - genetic variance 5766
  - genetics 8146
  - heritability 5766, 8146
  - heterosis 2531
- *Olea europaea* 11320
- *Oryza,* heritability 10820
- *Oryza barthii* 2112
- *Oryza glaberrima* 2112
- *Oryza nivara*
  - heritability 10840
  - multivariate analysis 12212
- *Oryza rufipogon*
  - heritability 10840
  - multivariate analysis 12212
- *Oryza sativa* 1165, 7577-7578, 8681, 8703
  - artificial selection 5198, 9687, 10824
  - combining ability 1173, 2109, 4049, 9688, 12206, 12208-12210, 12231
  - computer simulation 9686
  - gene mapping 2984, 7596

Yield components *cont.*
- *Oryza sativa cont.*
  - genetic markers 275
  - genetic variance 2109, 10841, 12208-12210, 12231
  - genetics 12206
  - genotype environment interaction 6278, 9691, 10858, 12207
  - heritability 274, 2992, 2996, 4068, 5198, 5200, 10840-10841, 10863, 12213, 12215
  - heterosis 1141, 1171, 1174-1178, 2991, 2995, 4049-4050, 5199, 5203, 7585, 10833-10834, 10837
  - induced mutations 8698
  - multivariate analysis 2107, 5201, 6279, 9691, 10832, 10835-10836, 12212
  - restriction fragment length polymorphism 2984
  - somaclonal variation 4051, 8706, 10863, 12216
  - stability 8713
- *Panicum maximum,* heritability 5147
- *Panicum miliaceum,* heritability 12163
- *Papaver somniferum*
  - heterosis 11591
  - inbreeding depression 11591
- *Paulownia tomentosa,* artificial selection 4664
- *Pennisetum glaucum*
  - artificial selection 9651
  - combining ability 2951, 5148, 7523, 10778
  - dominance 9650
  - genetic variance 2951, 5148, 7522-7523
  - genotype environment interaction 7524
  - heritability 9651, 10777
  - heterosis 5149, 7523
- *Persea americana,* genetic markers 5651
- *Phaseolus acutifolius,* heritability 5355
- *Phaseolus vulgaris* 5356
  - artificial selection 362
  - combining ability 9822, 12379
  - heritability 5355
  - heterosis 6422
  - multivariate analysis 7741
- *Pinus pinaster,* heritability 2603
- *Pinus radiata*
  - genetic variance 2602
  - heritability 2602
- *Pinus sylvestris,* heritability 7022, 8243
- *Pisum sativum* 12393
  - genetic variance 5364
  - genotype environment interaction 375, 1258
  - heritability 2211, 7761
  - heterosis 9839
- *Plantago ovata,* induced mutations 11590
- *Prunus armeniaca,* heritability 3280
- *Prunus avium*
  - heritability 2353
  - stability 2353
- *Prunus cerasus,* genetics 1464
- *Prunus dulcis,* heritability 8030
- *Pseudotsuga menziesii,* artificial selection 7036
- *Ricinus communis*
  - artificial selection 11335
  - heritability 11335
- *Saccharum* 9061
- *Saccharum officinarum*
  - artificial selection 655, 3489
  - genotype environment interaction 10192
  - heritability 666, 6900, 8113
  - somaclonal variation 8113
- *Secale cereale, Triticum aestivum,* aneuploidy 9584
- *Sesamum indicum*
  - artificial selection 648, 3477, 5719
  - combining ability 5718, 6879, 10178
  - genetic variance 6879, 12760
  - genetics 6878, 9055
  - heritability 1577, 2482, 12759
  - heterosis 2480, 3476, 5717, 8090, 10178, 12759, 12761
  - induced mutations 5715, 6877, 11337

- **Yield components** *cont.*
  - *Sesamum indicum cont.*
    - stability 8093
  - *Sesbania* 7691
  - *Setaria italica,* somaclonal variation 12165
  - *Solanum khasianum,* induced mutations 12954
  - *Solanum melongena*
    - genetic variance 5553
    - heritability 5553
    - multivariate analysis 5552
  - *Solanum phureja,* heterosis 9889
  - *Solanum tuberosum*
    - artificial selection 8811, 8814
    - combining ability 4268, 4271, 5469
    - crossing over 9899
    - genetic variance 5469
    - genotype environment interaction 4284, 12450
    - heritability 1337
    - heterosis 4268, 9889, 12450
    - multivariate analysis 4269
  - *Sorghum bicolor* 9639
    - artificial selection 2944
    - combining ability 2055
    - genetic variance 8670
    - genotype environment interaction 5138, 7515
    - heritability 2056
    - heterosis 8670, 10752
    - multivariate analysis 5140-5141
  - *Theobroma cacao*
    - genetic distance 5747
    - genotype environment interaction 4568
    - multivariate analysis 5747
  - *Trifolium alexandrinum* 4141
  - *Trifolium nigrescens,* backcrossing 1241
  - *Trifolium repens*
    - backcrossing 1241
    - heterosis 12316
  - *Trigonella foenum-graecum,* genotype environment interaction 10444
  - triticale
    - genotype environment interaction 2902
    - heritability 2812, 6192
    - heterosis 2012
  - *Triticum*
    - heritability 3877
    - multivariate analysis 4993
  - *Triticum aestivum* 120, 124, 128, 6113, 7392, 9475
    - artificial selection 98, 965, 7333-7334, 9479
    - chromosome addition 127
    - chromosome translocation 11846
    - combining ability 2844, 2847, 3887, 4994-4995, 4999, 5001-5002, 8564, 11860, 11863
    - genetic variance 1956, 2847, 10616-10617
    - genetics 8558, 11900
    - genotype environment interaction 1955, 3853, 3886, 4994, 9501, 10627
    - germplasm releases 7371
    - heritability 988, 1956, 2812, 2846, 3891, 4997, 5003, 6116, 11861, 11863
    - heterosis 987, 1938, 2847, 5000, 6115, 7349, 10618
    - multivariate analysis 2843, 4998, 11859
    - reciprocal effects 4992
    - somaclonal variation 2837, 9480
    - stability 10627
  - *Triticum durum* 120
    - artificial selection 6106
    - epistasis 4996
    - genotype environment interaction 5014, 6106
    - heritability 3877
    - heterosis 4996
    - linkage 9477
    - multivariate analysis 2843, 3849, 10615
    - stability 8582
  - *Urochloa* 9742
  - *Vaccinium* 11201
- **Yield components** *cont.*
  - *Vicia faba*
    - genetic variance 6409
    - genotype environment interaction 1258
    - heritability 7734
    - heterosis 6409
  - *Vigna mungo* 6465
    - combining ability 9881
    - genetics 1321
    - heritability 2219
    - heterosis 9882
    - induced mutations 3139
  - *Vigna radiata*
    - genetic variance 3140
    - genetics 1322
    - heritability 1322, 3140, 9883-9885, 12433
    - heterosis 3141-3142
    - induced mutations 5446, 7785, 9877-9878, 11014
    - multivariate analysis 7787, 12434
    - stability 5446
  - *Vigna umbellata,* multivariate analysis 11017
  - *Vigna unguiculata* 387
    - dominance 9872
    - epistasis 9872
    - genetic variance 8807
    - heritability 388, 11010
    - heterosis 6458
    - induced mutations 11010
  - *Withania somnifera* 10433
  - *Zea mays* 8646
    - artificial selection 1069, 3955, 5115, 8644, 11983
    - combining ability 206, 223, 2931-2932, 3974, 5097, 5113-5114, 5116, 8647, 8649-8650, 10711
    - dominance 2041
    - genetic variance 1075, 2930, 9621
    - genetics 2928
    - genotype environment interaction 205, 2931, 8657
    - heritability 1075-1076, 3973, 5112, 9623, 12083
    - heterosis 1075, 2044, 5097, 7494, 10711
    - multivariate analysis 185, 8648, 12085
    - stability 6219, 8644
  - *Zingiber officinale,* heritability 11604
- **Yield correlations** 5938
  - *Allium cepa* 431
  - *Amaranthus* 5511
  - *Arachis hypogaea* 1570
  - *Azadirachta indica* 11599
  - *Beta vulgaris* (sugarbeet) 3493
  - *Bixa orelanna* 10454
  - *Brassica* 9037, 10127, 10136
  - *Brassica campestris* 12718
  - *Brassica campestris* (toria) 10128
  - *Brassica juncea* 10130-10131, 10134, 10136-10137, 11263-11264
  - *Brassica napus* (rape) 613, 6812, 6814-6816, 6831, 10135
  - *Cajanus cajan* 3131, 7775-7777, 9866-9867, 11006-11007
  - *Cannabis sativa* 12863
  - *Capsicum annuum* 6595, 7909, 8897, 11154
    - mathematics 9987
  - *Carica papaya* 5650, 8019, 11244
  - *Carthamus tinctorius* 3445, 11298
  - *Cicer arietinum* 379, 1310, 3123-3124, 5417, 6453, 7771, 10999
  - *Coffea arabica* 11359
  - *Corchorus olitorius* 12861
  - *Corylus avellana* 8033
  - *Cucumis melo* 12593
  - *Cucurbita moschata* 510
  - *Curcuma longa* 12965
  - *Elettaria cardamomum* 12964
  - *Eleusine coracana* 2954, 5151
  - *Eragrostis tef* 9743
  - *Gerbera jamesonii* 8314
  - *Gladiolus* 2648
  - *Glycine max* 1275, 2176, 3081-3082, 5314-5316, 5324, 7697
  - *Glycine soja* 3081, 5315
  - *Gossypium* 717, 10255
- **Yield correlations** *cont.*
  - *Gossypium arboreum* 9115
  - *Gossypium hirsutum* 2547, 4604, 6963, 10249
  - *Helianthus annuus* 636, 5693, 12738
  - *Hevea brasiliensis* 1655
  - *Hordeum vulgare* 1038, 2883, 3921, 6172, 9566
  - *Ipomoea batatas* 5482
  - *Lathyrus sativus* 5277, 9774
  - *Lens culinaris* 6448, 9853, 9855
  - *Linum usitatissimum* (linseed) 632, 12733
  - *Lycopersicon esculentum* 1385, 5533, 6561-6562, 7894-7895
  - *Mangifera indica* 1525
  - *Morus* 3343
  - *Musa* 567
  - *Oryza nivara* 2990
  - *Oryza rufipogon* 2990
  - *Oryza sativa* 274, 276, 1165, 1172, 1178, 2108, 2990, 2992-2994, 4053, 4068, 6278, 9689-9690, 10829-10831, 10838-10839, 12211, 12214
  - *Panicum maximum* 8676
  - *Panicum virgatum* 8676
  - *Pennisetum glaucum* 235, 5146, 9649, 9651
  - *Phaseolus vulgaris* 1291, 6424, 9821, 10970
  - *Pinus sylvestris* 7022
  - *Pinus taeda* 762
  - *Pisum sativum* 2211, 5286, 5377, 7761, 9841-9842, 9848
  - *Polianthes tuberosa* 8383
  - *Prunus armeniaca* 3280
  - *Prunus avium* 2353
  - *Prunus domestica* 5582
  - *Prunus persica* 4441
  - *Prunus salicina* 538
  - *Punica granatum* 8026
  - *Ricinus communis* 3475
  - *Saccharum officinarum* 664, 5731, 12765
  - *Sesamum indicum* 648, 5719
  - *Solanum tuberosum* 1337, 4270
  - *Sorghum bicolor* 2058, 7515
  - statistics 1804
  - *Stevia rebaudiana* 6913
  - *Trifolium alexandrinum,* artificial selection 3057
  - *Trigonella foenum-graecum* 5907
  - triticale 5086
  - *Triticum aestivum* 988, 3853, 3874, 4981, 6117, 7372-7373, 7386, 9475, 9479, 10637, 11862
  - *Triticum durum* 2845, 3852, 9512, 10614
  - *Vicia faba* 1284, 5286
  - *Vicia sativa* 2153
  - *Vigna* 394
  - *Vigna mungo* 393, 2219, 5450, 11016
  - *Vigna radiata* 3143, 5449, 7786, 7788, 9880, 9883-9885
  - *Vigna unguiculata* 7780, 9871
  - *Withania somnifera* 2670
  - *Zea mays* 2042, 2044, 2933-2934, 5111-5112, 7493, 8647, 9620, 12084
    - drought resistance 6223
  - *Zingiber officinale* 11604
- **Yields**
  - *Amaranthus* 5229
  - *Arachis hypogaea* 3468
  - *Asparagus officinalis,* stability 9956
  - *Avena sativa* 6184
  - *Brassica juncea*
    - combining ability 3431, 10132
    - heterosis 10132
  - *Brassica oleracea* (cabbages), heterosis 12504
  - *Brassica oleracea* (cauliflowers) 12503
  - *Brassica pekinensis* 11073
  - *Cajanus cajan,* stability 5442
  - *Camellia sinensis* 11353
  - *Cicer arietinum* 5421, 9860
    - stability 5416, 5422, 5424, 11002
  - *Corchorus capsularis* 1651
  - *Corchorus olitorius* 1651
  - *Cucurbita pepo,* heterosis 7919
  - *Dimorphotheca pluvialis* 650
  - *Eruca vesicaria,* stability 10185
  - *Glycine max* 5304, 5327, 12355
    - genetics 10955
  - *Gossypium,* reciprocal effects 10261

Yields *cont.*
- *Gossypium arboreum,* genotype environment interaction 11423
- *Gossypium hirsutum*
  - combining ability 10251
  - genetics 5780
  - heritability 5780
  - heterosis 10251
  - induced mutations 6954
- *Helianthus annuus* 4533, 8066
  - combining ability 11288
- *Hevea brasiliensis,* heritability 1654
- *Hordeum vulgare* 2881, 5074, 7450, 11958
  - artificial selection 5076, 9541
  - gene mapping 176, 6168
  - genetic markers 5076
  - history 11823
  - linkage 176
  - stability 11952
- *Ipomoea batatas,* genotype environment interaction 5484
- *Lens culinaris* 5398
  - induced mutations 6447
- *Lens orientalis* 5398
- *Lentinula edodes* 2688
- *Linum usitatissimum* (flax) 1559, 11448
- *Linum usitatissimum* (linseed) 1559
- *Lupinus albus* 9768
- *Lupinus angustifolius* 10929
- *Lupinus luteus* 10929
- *Lycopersicon,* gene mapping 11115
- *Lycopersicon cheesmanii,* genotype environment interaction 11114
- *Lycopersicon esculentum*
  - gene mapping 11115
  - genotype environment interaction 11114
- *Medicago sativa*
  - artificial selection 6356
  - stability 3052, 9754
- *Morus* 5624
- *Morus alba* 3345
- *Oryza sativa* 10786, 10825
  - heterosis 5195, 5202, 7595
  - stability 1190, 3010, 12228-12229
- *Panax pseudoginseng,* artificial selection 4770
- *Pennisetum glaucum*
  - combining ability 12168
  - genetic variance 12167
- *Phaseolus vulgaris*
  - artificial selection 7735, 9823
  - stability 8785
- *Piper nigrum,* germplasm releases 12963
- *Pisum sativum* 5376, 9834
  - artificial selection 9840
  - genotype environment interaction 5384
- *Pyrus communis,* genetics 12631
- *Saccharum officinarum* 1585
  - genotype environment interaction 12766
- *Salix viminalis,* artificial selection 1671
- *Secale cereale* 11974
  - genetics 2008
  - genotype environment interaction 2008
- *Sesamum indicum,* artificial selection 8092
- *Solanum melongena* 12557
- *Solanum tuberosum* 7812, 8843
  - gene mapping 1333
  - restriction fragment length polymorphism 1333
  - stability 4287, 11033
- *Sorghum bicolor* 9640
  - heterosis 5139
- *Triticum aestivum* 1939, 7364, 7400, 8563, 11898
  - artificial selection 9483, 11828
  - combining ability 8562, 9478
  - genetics 8562
  - history 7383
  - stability 8540, 9499-9500
- *Triticum durum*
  - chromosome translocation 2850
  - history 11823
  - stability 6138
- *Vicia faba,* artificial selection 10958

Yields *cont.*
- *Vigna mungo,* genotype environment interaction 392
- *Vigna umbellata*
  - genotype environment interaction 3145
  - stability 6466
- *Vigna unguiculata*
  - artificial selection 7779
  - heritability 7779
- *Vitis vinifera*
  - stability 1489
  - statistics 1489
- *Zea mays*
  - artificial selection 197, 6199, 9624
  - combining ability 2937
  - epistasis 7492
  - genotype environment interaction 12106
  - heritability 9622
  - heterosis 2937, 2940, 7467
  - stability 9630
- *Zea mays* (sweetcorn) 10729

Yucca capensis, taxonomy 4762

Yushania niitakayamensis, random amplified polymorphic DNA 7164

Zamia lacandona, taxonomy 3591

Zea
- evolution, restriction fragment length polymorphism 12104
- globulins
  - evolution 1085
  - nucleotide sequences 1085
- isoenzymes, polymorphism 2037

Zea diploperennis
- *Diabrotica virgifera* 12142-12143
- genetic markers 1060
- polymerase chain reaction 1060
- *Tripsacum dactyloides,* intergeneric hybridization 12142-12143

Zea luxurians, interspecific hybridization 10709

Zea mays
- abnormal development
  - gene location 12071
  - mutations 12071
- abscisic acid
  - gene mapping 1070
  - genetic markers 10716
  - restriction fragment length polymorphism 1070
- *Abutilon theophrasti* 12149
- accessory chromosomes 5100, 12022, 12034
  - chromosome transmission 2029
  - gene location 2029
- acetolactate synthase 12147
- acetyl-CoA carboxylase
  - gene mapping 12145
  - *in vitro* selection 12145
- adenosinetriphosphatase
  - gene expression 10694
  - promoters 10694
- adenylate translocator, mutations 192
- alachlor, gene expression 12148
- alanine transaminase
  - gene expression 2014
  - nucleotide sequences 2014
- alcohol dehydrogenase
  - linkage 7495
  - molecular genetics 6012
  - nucleotide sequences 11814
  - transposable elements 11814
- aldehyde dehydrogenase, mitochondrial genetics 8637
- alternative splicing
  - computer programming 3735
  - nucleotide sequences 3735
- altitude, DNA 2030
- aluminium 1089, 2049
  - gene mapping 10720
- amines 12112
- amino acids 6216
- aminophosphotransferase, DNA hybridization 11991
- amplified fragment length polymorphism 8633, 11993
  - gene mapping 12003
  - techniques 11988
- amylose 2045, 12096
  - germplasm releases 10714

Zea mays *cont.*
- amylose *cont.*
  - induced mutations 9612
- anoxia 218, 2014
- anther culture 209, 1077, 3975-3976, 6216, 9625, 12086, 12093
- anthocyanins
  - gene expression 203, 1065, 3969, 5092
  - genetics 12069
  - mutations 3969
  - transposable elements 5092
- apomixis 7479, 12013
  - gene expression 7476
- aprotinin
  - gene expression 12094
  - genetic transformation 12094
- artificial selection 6196, 6198, 6200, 6202, 7466, 11982, 12021
  - mathematics 2907, 3950
  - statistics 3954
- *Aspergillus flavus* 221
  - artificial selection 2052
- *Atherigona naqvii* 1094
- *Atherigona soccata* 1094
- ATP synthase
  - gene expression 199
  - induced mutations 199
- auxins
  - gene expression 91, 1071
  - genetic transformation 1071
- *Bacillus thuringiensis*
  - genetic transformation 3721, 6072, 6229, 10721, 12129
  - *Ostrinia furnacalis,* genetic engineering 1095
  - *Ostrinia nubilalis,* genetic engineering 1095
- barley yellow dwarf luteovirus 12127
- biosafety 6072
  - genetic transformation 1061, 12129
- biotechnology 5091
- boron 10590
- breeding 1056-1057, 2013, 2905, 2909, 3948-3949, 5087-5088, 6197, 8626, 8662, 9590, 10686, 11663
  - history 3952, 5111, 11979
- *Busseola fusca,* genetic transformation 6229
- cadmium 9408
- caffeoyl-CoA *O*-methyltransferase, nucleotide sequences 11989
- carbofuran 10725
- carotene desaturase, nucleotide sequences 11990
- catalase, gene expression 2017, 6212, 10707
- cell culture 208, 12089
- cell division 10699
  - gene expression 95, 12030
  - genetic transformation 95
  - mutations 2032, 2927
- *Cephalosporium maydis,* combining ability 5116
- *Cercospora zeae-maydis,* genetics 12120
- *Chilo partellus,* genetic transformation 6229
- chlorophyll
  - gene location 12068
  - genetics 12075-12077
  - induced mutations 12058
  - mutations 12067-12068
- chloroplast genetics 7472, 12050
- chloroplasts
  - gene expression 199
  - induced mutations 199, 12058
  - mutations 5105
- chromosome aberrations 210, 2918
- chromosome banding 2917
- chromosome morphology 12017, 12026
- chromosome number 9604
- chromosome pairing 9605, 12011
  - mutations 1067, 2031
- chromosome translocation 12010
- chromosome transmission 5100, 12022
- *Cochliobolus heterostrophus* 3984, 7484
  - heterosis 2940
  - mutations 2051
- *Cochliobolus lunatus* 7504, 8664
- coixins
  - gene expression 4083

Zea mays *cont.*
- coixins *cont.*
  - genetic transformation 4083
- cold resistance 219, 3981-3982, 9632, 10717-10718, 12112
  - artificial selection 9631
- *Colletotrichum graminicola* 12118
- colour
  - gene location 12065
  - genetics 197, 12051, 12070, 12079
  - induced mutations 11992
  - linkage 197, 12078
  - molecular genetics 11992
  - mutations 12051, 12065
- combining ability 10687
  - mathematics 12007
- composite varieties 8627
- corn stunt spiroplasma
  - gene expression 10724
  - genetic transformation 10724
- crop density 1087, 2926, 7502, 8639, 8659-8660, 9622
  - artificial selection 12080
- cultivars 187, 10582
  - Bian San-1 7469
  - Cheng Dan-18 7470
  - He-344 7468
  - Ji Ku-6 3958
  - Mi29 10691
  - Qin Dan-4 8630
  - Suyu-12 9593
  - Tainung-3 8631
  - Yu Yu-20 3957
  - Yumesodachi 10690
  - Yuyu-25 9592
  - Zheng Dan 14 8629
- *Curvularia inaequalis* 8664
- cyclins, gene expression 2036
- cysteine proteinases, nucleotide sequences 9597
- cytochrome-b_5 reductase
  - gene expression 5107
  - nucleotide sequences 5107
- cytokinin oxidase, nucleotide sequences 5104, 9602
- cytology 7481
- cytoplasmic male sterility 7484, 9606
  - gene expression 10700
  - genetic transformation 1066
  - genetics 10701
  - mitochondrial genetics 5102, 8637
- death, genetics 10702
- defoliation 3968
- development 3966, 3970, 6213, 7487
  - combining ability 9613
  - DNA amplification 12001
  - gene expression 95, 2034, 5109, 6210-6211, 9617, 9619, 12081
  - gene mapping 12048
  - genetic transformation 95
  - genetics 2928, 8530
  - induced mutations 2033
  - microsatellites 12048
  - mutations 201, 2032, 2924, 2927, 7485, 12048, 12081
  - nucleotide sequences 5109, 6210-6211, 9617, 9619
  - somaclonal variation 12001
- *Diabrotica virgifera* 12135, 12142-12143
  - genetics 12140
- *Diatraea grandiosella* 3986, 3990, 10728
  - combining ability 3993
- digestibility 1082, 2043, 2935-2936, 5118, 8651, 10713
  - chromosome translocation 12102
  - gene location 12102
  - heritability 3973
  - mutations 5122
  - restriction fragment length polymorphism 212
  - techniques 6217
- dinitroaniline
  - gene expression 10730
  - genetic transformation 10730
- diseases
  - artificial selection 11983
  - gene mapping 2050
  - genetic transformation 9634
  - tissue culture 9634
- DNA 2026, 8634
  - genetics 10584

Zea mays *cont.*
- DNA *cont.*
  - polymerase chain reaction 10584
- DNA binding proteins
  - gene expression 190, 10693-10694
  - genetic transformation 190
  - nucleotide sequences 3960, 10692
  - promoters 190, 10694
- DNA fingerprinting 2914
  - techniques 11988
- DNA repair
  - gene mapping 12025
  - molecular genetics 12025
- domestication, genetics 5124-5125
- drought resistance 1086, 1090, 3980, 8662, 9633, 12113
  - gene expression 2048
  - gene mapping 12108-12109
  - genetic markers 5127, 10719
  - ideotypes 6222
  - linkage 12109
  - mutations 6222
  - restriction fragment length polymorphism 10719
  - yield correlations 6223
- embryo culture 207, 971, 12090
- endosperm 1080, 5118, 7488, 8651, 10713, 12095
  - chromosome translocation 12100-12101
  - gene expression 6206, 8635
  - genetics 12045, 12070, 12079
  - linkage 12100-12101, 12103
  - mutations 2924, 8635
  - nucleotide sequences 6206
- endotoxins
  - genetic transformation 3075
  - polymerase chain reaction 3075
- enzymes 9626, 9631
  - gene expression 7594
  - genetic engineering 7594
  - genetic markers 10705
- *Erwinia carotovora*
  - gene expression 12456
  - genetic transformation 12456
- ethyl methanesulfonate 211, 2033, 5120, 9612, 12064
- *Euxesta eluta* 12130
- evolution, nucleotide sequences 11997
- experimental design, computer programming 1803
- fasciation, genetics 12056
- fatty acids 7499
- fertilization 3970, 5101, 12018, 12035
  - gene expression 12028, 12030
  - gene location 12034
  - mutations 2921
  - nucleotide sequences 12028
- flavones 222
- flavonoids
  - evolution 198
  - gene expression 198, 2040, 3963, 8324
  - genetic engineering 3963, 8324
  - promoters 3963
- flooding, gene expression 220
- flowering, gene expression 2034
- forage 954, 1082, 5089, 5112, 7493, 8627, 12106
  - dominance 7491
  - epistasis 7491
  - heritability 3973
  - restriction fragment length polymorphism 212
- β-fructofuranosidase
  - gene expression 3979
  - gene mapping 3979
  - mutations 6213
- fruits 3970
- fumonisins, genetic transformation 10721
- *Fusarium* 12116
- gametes, mutations 7485
- gamma radiation 12014-12016
- gene banks 9589, 11981
- gene expression 7317, 7471-7472, 10698, 12013
- gene flow 6072, 7475
- gene location 12010
- gene mapping 2016, 2808, 11984, 11993
- genetic distance 6197
- genetic engineering 3967, 10698

Zea mays *cont.*
- genetic engineering *cont.*
  - techniques 11798
- genetic load 10688
- genetic markers 1060
- genetic resources 185, 2906, 2908-2909, 4936, 6201
  - genetic engineering 9241
  - history 2904
- genetic transformation 5093
  - legislation 9600
  - reviews 6207
  - techniques 11716
- genetic variance 6198
- genetics 11981
- genomes 951, 1887, 12013
  - databases 12005
- genotype environment interaction 950
  - mathematics 5949
- germination 7488, 7506
  - artificial selection 9631
  - molecular genetics 9315
- germplasm releases 3951, 11980
- *Gibberella fujikuroi* 12114
  - techniques 12119
- *Gibberella zeae* 10722
  - artificial selection 5128
- gibberellins
  - genetic engineering 10587
  - genetics 9405
  - nucleotide sequences 10587
- glucan branching enzyme, nucleotide sequences 2910
- glucanases 221
- glucosidases
  - gene expression 6208
  - genetic transformation 6208
  - transposable elements 1063
- glufosinate, genetic transformation 10107
- glumes
  - gene dosage 12061
  - mutations 12061
- glutamate-ammonia ligase, genetic engineering 2020
- glutathione transferase, gene expression 10707, 12148
- *Glycine max*
  - crop mixtures 2181
  - intergeneric hybridization 6392
- glycine-rich proteins, gene expression 10703
- glycogen (starch) synthase 8645
- glyoxalase 3981
- growth period 194, 214, 7487, 7501
  - combining ability 12053
  - heterosis 9614
  - mathematics 204
  - reciprocal effects 12053
- growth regulators 3975
  - gene expression 91, 1071
  - genetic markers 10716
  - genetic transformation 1071
  - genetics 9405
- gynoecium, genetics 10702
- habit
  - artificial selection 3971, 12080
  - genetics 12046
  - nucleotide sequences 12073
- haloxyfop
  - gene mapping 12145
  - *in vitro* selection 12145
- haploidy 1077, 12019-12021, 12027, 12042-12043
- heat resistance 3980
  - gene expression 2048
- heat shock, gene expression 12111
- heat shock proteins 3980
  - gene expression 12107
- heat sums 3972, 7487
- height 1087, 2926, 8639
  - genetic engineering 10587
  - genetics 12074
  - mutations 2927, 12074
  - nucleotide sequences 10587
- *Helicoverpa zea* 222, 12130, 12138
  - genetics 10727
  - heritability 10726
- herbicides 7506, 12147
  - gene expression 12148
  - gene mapping 12145

***Zea mays* cont.**
- herbicides *cont.*
  - genetic transformation 6072, 6230, 9634, 10107
  - *in vitro* selection 12145-12146
  - tissue culture 9634
- heterochromatin, molecular genetics 189
- heterosis 2028, 3953, 3965, 7477
  - multivariate analysis 7480
  - random amplified polymorphic DNA 9601
- histone acetyltransferase
  - gene expression 11996
  - nucleotide sequences 11996
- histones
  - gene expression 9603
  - genetic transformation 9603
- homeoboxes, gene expression 93
- homeotic genes
  - gene expression 6210-6211
  - genetic engineering 11382
  - nucleotide sequences 3961, 6210-6211
- hybrid seed production 7478
  - genetic transformation 1066
  - history 2904
- hybrid varieties 3957-3958, 8628, 11979
  - molecular genetics 2027
- IAA 3975
- *in vitro* culture 7324
- inbred lines 10687
- inbreeding 2932
  - mathematics 3950
- inbreeding depression 3953
- induced mutations 12014-12016
- inflorescences
  - gene expression 9617
  - mutations 12066
  - nucleotide sequences 9617
- inhibitor genes, linkage 12078
- insects, genetic transformation 3721
- interspecific hybridization 9604, 10709
- iron 6221
  - gene expression 12105
  - mutations 9629
  - nucleotide sequences 12105
- irrigation 215
- isoamylase, molecular genetics 3959
- isoenzymes
  - genetic variation 2908
  - polymorphism 2037, 6221
- isoorientin, genetics 10727
- kinases, nucleotide sequences 2916
- leaves 2926, 8639
  - chimaeras 12063
  - development 2923
  - gene expression 9611, 12081
  - gene mapping 12057
  - induced mutations 12059
  - linkage 12103
  - mutations 1072, 2032, 2927, 8640, 9611, 12057, 12063, 12081
- light
  - gene expression 2922
  - genetics 10710
- ligules
  - gene expression 11994
  - induced mutations 12064
  - mutations 11994
- lipids 3982, 10718
- lithium, gene expression 2922
- lodging 217, 2925
  - artificial selection 6215
  - combining ability 7489, 10708
  - gene mapping 6273
  - heritability 12052
  - techniques 8643
- lysine 9626
  - artificial selection 8655
  - genetics 12098
- maize dwarf mosaic potyvirus 1092, 5130
- maize rough dwarf fijivirus 12128
- maize streak geminivirus
  - gene mapping 6227
  - restriction fragment length polymorphism 6227
- male sterility 7481, 12042
  - gene mapping 12032
  - genetics 12036-12040
  - mutations 12031, 12038-12040

***Zea mays* cont.**
- malonyltransferase
  - gene expression 5106
  - nucleotide sequences 5106
- manganese 2049
- mathematics 2929
- meiosis 3966
- methionine
  - backcrossing 12099
  - genetics 12099
  - induced mutations 12099
- metolachlor, *in vitro* selection 12146
- microsatellites, databases 12005
- mitochondria 9631
  - mutations 1068
- mitochondrial genetics 2019
- mixoploidy 2919
- morphology 1073, 9604
  - evolution 1084
  - genetics 8530
- mutagens 211, 2033, 5120, 9612, 12064
- mutations 12020
- mutator genes 12009
- mycotoxins, reviews 6226
- *myo*-inositol-1-phosphate synthase, gene mapping 11815
- NAD$^+$ ADP-ribosyltransferase
  - gene expression 188
  - nucleotide sequences 188, 2015
- NADH dehydrogenase
  - mitochondrial genetics 5095, 8636
  - mutations 5095, 8636
- naringenin-chalcone synthase
  - gene expression 12049
  - mutations 12049
  - nucleotide sequences 12049
- necroses, genetics 12077
- nitrate reductase, gene expression 2922, 6214
- nitrates 8538
- nitrogen 195, 214, 6220, 8658, 9628
  - gene expression 7490
  - gene mapping 5126
- nomenclature 9627
- nuclei 12017
- nucleolus
  - gene expression 9596
  - nucleotide sequences 9596
- nucleolus organizer 12023-12024
- nutrients 195, 214, 1086, 6220-6221, 8538, 8658-8660, 9628
  - combining ability 2938
  - gene expression 12105
  - gene mapping 5126
  - genetics 2047
  - mutations 9629
  - nucleotide sequences 12105
- nutritive value 1080, 3978, 6077, 8656
  - genetic transformation 1079
- oils 6218
  - artificial selection 12097
  - genetic variance 7496
  - heritability 7497
  - heterosis 7494
  - wide hybridization 1083
- oleic acid
  - genetics 211
  - induced mutations 211
- ornamental value, germplasm releases 1081
- *Ostrinia nubilalis* 12136, 12139
  - biosafety 3988
  - combining ability 223
  - economics 1093
  - genetic transformation 3988-3989, 12129
  - genetics 2053, 3992
- outcrossing 3967
- ovules, mutations 7485
- oxidative stress
  - gene expression 10715
  - genetic transformation 10715
- parthenogenesis 12043
  - techniques 12029
- *Peronosclerospora sorghi* 12117
- peroxidases
  - DNA amplification 12000
  - polymorphism 6221, 9609
  - somaclonal variation 12000
- pesticides 10725
- pests, genetic transformation 6072

***Zea mays* cont.**
- *Phaeosphaeria maydis* 5129, 12115
- phenolic compounds 3986
  - mutations 5122
- phosphate transporters, nucleotide sequences 10583
- phosphoenolpyruvate carboxykinase, gene expression 8641
- phosphoenolpyruvate carboxylase
  - gene expression 1074, 7490, 9608, 11985
  - genetic engineering 2912
  - mutations 200
  - nucleotide sequences 1074
- phosphoglycerate mutase, genetic markers 5127
- phosphopyruvate hydratase
  - gene expression 2939
  - nucleotide sequences 2939
- phosphorus 214, 1086
  - combining ability 2938
  - gene expression 3792
  - genetics 2047
- photosynthesis 196, 9615, 10706, 10717
  - artificial selection 9616
  - gene expression 7594, 9971
  - genetic engineering 7594, 9971
  - heterosis 12054
  - mutations 12055
- physiology 12149
- phytase
  - gene expression 5109
  - nucleotide sequences 5109
- phytic acid 6077
  - gene location 11815
  - mutations 11815
- plant composition 8656
- plant embryos
  - gene expression 9619
  - molecular genetics 9315
  - mutations 2921
  - nucleotide sequences 9619
  - techniques 12033
- plant hairs
  - gene location 12062
  - mutations 12062
- plant pigments 219, 10717
- plastoquinone, mutations 5105
- pollen 1090, 6209, 12041
  - genetic transformation 9412
  - mutations 12031
  - storage 1923
  - techniques 12033
- pollen culture 9625
- pollen germination 6066, 12146
- pollination 193, 2920, 5103, 9607
  - techniques 4937
- polyembryony, artificial selection 8638
- polymerase chain reaction 1060
  - techniques 10697
- polyploidy 5101, 6209
- potassium 214
- primisulfuron 12147
- proanthocyanidins, genetic engineering 7688
- prolamins
  - gene expression 190
  - genetic transformation 190
  - promoters 190
- proline-rich proteins
  - gene expression 7486
  - nucleotide sequences 7486
- promoters
  - gene expression 9404
  - genetic engineering 9404
- protein kinase
  - gene expression 191, 1071, 6206, 9618
  - genetic transformation 1071
  - nucleotide sequences 191, 6206, 9618
- proteinases
  - gene expression 3919
  - nucleotide sequences 3919
- proteins 12095
  - chloroplast genetics 10585
  - genetic distance 12008
  - genetic markers 5127, 12008
  - molecular genetics 12004
  - mutations 1068
  - nucleotide sequences 2913, 9594, 10696

Zea mays *cont.*
- *Puccinia sorghi* 12123
  - gene expression 12126
  - gene mapping 10723
  - mutations 12126
  - restriction fragment length polymorphism 6225
- pullulanase, molecular genetics 3959
- pyruvate dehydrogenase
  - gene expression 9610
  - nucleotide sequences 9610
- pyruvate,orthophosphate dikinase, genetic engineering 2236
- quality 5119, 7499-7500, 12096
  - combining ability 2937
  - dominance 7491
  - economics 9599
  - epistasis 7491
  - genetic transformation 9599
  - genetics 12098
  - heritability 5123
  - heterosis 2044, 2937
  - induced mutations 5120
- quantitative traits, restriction fragment length polymorphism 6205
- random amplified polymorphic DNA 5097, 11986
  - multivariate analysis 7480
  - variety classification 5108
- recombination 11999
  - mutations 5099
- regenerative ability 12087
  - artificial selection 10712
  - genetics 209
- repetitive DNA 2917
  - molecular genetics 189
  - nucleotide sequences 5094
- respiration 196
- restriction fragment length polymorphism 2016, 6201
  - gene mapping 12003
- Retroviridae, nucleotide sequences 11801
- *Rhizoctonia solani* 3984
- *Rhopalosiphum maidis*
  - gene mapping 12144
  - genetics 12144
- ribosomal DNA, RNA editing 2019
- ribosomal proteins
  - gene expression 10695
  - nucleotide sequences 10695
- ribosome-inactivating protein
  - gene expression 5096
  - genetic engineering 5096
- ribosomes, gene expression 12030
- ribozymes
  - gene expression 202
  - genetic transformation 202
- ribulose-bisphosphate carboxylase
  - artificial selection 9616
  - gene expression 9594, 12050
- RNA
  - polymerase chain reaction 2911
  - techniques 2911
- RNA polymerase
  - chloroplast genetics 7473
  - gene expression 1062, 3518, 7473, 9595
  - nucleotide sequences 1062, 9595
  - promoters 3518
- roots
  - gene expression 220, 9404, 10704
  - gene mapping 6273, 12048
  - genetic engineering 9404
  - heritability 12052
  - induced mutations 2033
  - microsatellites 12048
  - mutations 2036, 12048
  - nucleotide sequences 10704
- salinity, heritability 12110
- seed production 11663
- seed testing 2038
- seeds 6213, 6218
  - combining ability 9613
  - gene expression 6224
  - genetic variance 12082
  - genetics 12069
  - maternal effects 12082
  - mutations 2039, 2924
  - natural selection 2039
  - storage 7323
- senescence 195

Zea mays *cont.*
- senescence *cont.*
  - genetic engineering 11382
- *Sesamia nonagrioides* 6228
  - combining ability 12141
  - multivariate analysis 7505
- sethoxydim
  - gene mapping 12145
  - *in vitro* selection 12145
- *Setosphaeria turcica* 1058
  - fluorescence *in situ* hybridization 3985
  - gene mapping 3985, 8663, 8665, 12124
  - genetic markers 7503
  - heritability 7503
  - restriction fragment length polymorphism 7503, 8665
- shoots
  - gene location 12071
  - mutations 12071
- silage 3977
- *Sitophilus zeamais* 12133
- small nuclear RNA
  - gene expression 9596
  - nucleotide sequences 9596
- soil pH 7481
- somaclonal variation 12091
- somatic embryogenesis 12090
  - artificial selection 10712
  - tissue culture 5117
- source sink relations, heterosis 3968
- sowing date 5129, 7502, 9591
- space flight 12058-12059
- *Sphacelotheca reiliana,* gene mapping 12121
- spikelets, mutations 201
- *Spodoptera frugiperda* 3986, 3990, 10728
  - gene expression 12134
  - genetic transformation 12134
- stability 1088, 7501, 10688
  - mathematics 2814
- starch 193, 1080, 2043, 2046, 3978, 5118, 8651, 12096
  - gene mapping 7498
  - induced mutations 5120
  - mutations 8652
  - random amplified polymorphic DNA 7498
  - techniques 5121
- starch branching enzyme
  - gene expression 8632
  - nucleotide sequences 8632
- stearic acid
  - gene expression 202
  - genetic transformation 202
- storage 12131
- stress 1091, 8661
  - gene expression 6224
- succinate dehydrogenase
  - gene expression 10695
  - nucleotide sequences 10695
- sucrose-phosphate synthase
  - gene expression 9971, 11108, 12449
  - genetic engineering 9971, 11108, 12449
- sucrose synthase
  - gene expression 216, 218, 9598
  - genetic engineering 9598
  - mutations 216
  - promoters 9598
- sucrose transporter, molecular genetics 8642
- sulfate adenylyltransferase
  - gene expression 5110
  - nucleotide sequences 5110
- sulfate permease
  - gene expression 5110
  - nucleotide sequences 5110
- superoxide dismutase
  - gene expression 10715
  - genetic transformation 8661, 10715
- synthetic varieties 2929, 8644, 9620
- temperature 2046
- thallium 9408
- thioredoxin, nucleotide sequences 2913
- tissue culture 210, 12027, 12087-12088, 12092
- toxic substances 1089, 9408, 10590
- transcription factors 2021

Zea mays *cont.*
- transcription factors *cont.*
  - chloroplast genetics 7473
  - gene expression 7473, 12047, 12105
  - genetic engineering 10587, 12047
  - nucleotide sequences 3960, 10587, 12105
- transketolase, gene expression 12060
- translation initiation factor
  - gene expression 7482
  - nucleotide sequences 7482
- translocation, gene expression 3792
- transpiration 194
- transposable elements 1887, 2026, 3964, 11992, 11994, 12009, 12069
  - evolution 2025
  - gene expression 2915, 5098, 7474, 8553, 11995
  - genetic engineering 8125, 8553, 11995, 12002
  - genetics 2024
  - molecular genetics 2018, 5098
  - nucleotide sequences 2022, 5094, 11998
  - reviews 1064
- *Tribolium castaneum* 12131
- trifluralin 6209
- *Tripsacum,* intergeneric hybridization 7476, 7479, 12013, 12026
- *Tripsacum dactyloides,* intergeneric hybridization 10709, 12011-12012
- *Triticum aestivum,* intergeneric hybridization 116, 997, 4937, 6096, 6099
- *Triticum durum,* intergeneric hybridization 119, 971, 4972
- tropisms, genetics 10710
- tubulin
  - gene expression 10730
  - genetic transformation 6230, 10730
- ultraviolet radiation 3964
- *Ustilago zeae* 12122-12123
  - gene mapping 2941
  - genetic variance 2941
  - restriction fragment length polymorphism 6225
  - techniques 12125
- variety classification 6197
- variety trials 186, 215, 950, 954, 1058-1059, 2931, 3956, 5089-5090, 6204, 7502, 8628, 9591, 10689
  - computer programming 1803
- vascular system
  - artificial selection 3971
  - gene expression 8641
  - genetics 10709
- vigour
  - combining ability 12053
  - reciprocal effects 12053
- vivipary, genetics 12044-12045
- water balance 1091
- yield components 8646
  - artificial selection 1069, 3955, 5115, 8644, 11983
  - combining ability 206, 223, 2931-2932, 3974, 5097, 5113-5114, 5116, 8647, 8649-8650, 10711
  - dominance 2041
  - genetic variance 1075, 2930, 9621
  - genetics 2928
  - genotype environment interaction 205, 2931, 8657
  - heritability 1075-1076, 3973, 5112, 9623, 12083
  - heterosis 1075, 2044, 5097, 7494, 10711
  - multivariate analysis 185, 8648, 12085
  - stability 6219, 8644
- yield correlations 2042, 2044, 2933-2934, 5111-5112, 7493, 8647, 9620, 12084
- yields
  - artificial selection 197, 6199, 9624
  - combining ability 2937
  - epistasis 7492
  - genotype environment interaction 12106
  - heritability 9622
  - heterosis 2937, 2940, 7467
  - stability 9630

Zea mays *cont.*
  zein
    gene expression 213, 1078, 10693
    genetic engineering 213, 1078, 3962
    linkage 7495
    recombination 2023
Zea mays **(popcorn)**
  Helicoverpa zea 3987
  isoorientin 3987
  maysin 3987
  variety trials 1058
Zea mays **(sweetcorn)**
  Bacillus thuringiensis, genetic transformation 10729
  colour 12072
  diseases 3983
  flumetsulam 12151
  genetic resources 12072
  growth regulators 7483
  Helicoverpa zea
    gene expression 12132
    genetic transformation 12132
  herbicides 12150-12151
  insects 3983
  isoxaflutole 12150
  lysine, artificial selection 8653-8654
  Ostrinia nubilalis 3991, 12137
  Sesamia nonagrioides 12137
  sex 7483
  Spodoptera frugiperda
    gene expression 12132
    genetic transformation 12132
  sugars
    gene mapping 11987
    random amplified polymorphic DNA 11987
  tubulin
    gene expression 2035
    genetic transformation 2035
  variety trials 6203
  yields 10729
Zea mexicana
  genetic markers 1060
  polymerase chain reaction 1060
Zea parviglumis
  flavonoids
    evolution 198
    gene expression 198
Zea perennis
  chromosome number 9604
  genetic markers 1060
  interspecific hybridization 9604
  morphology 9604
  polymerase chain reaction 1060
Zeatin glucosyltransferase
  Phaseolus lunatus
    gene expression 5353
    nucleotide sequences 5353
Zeatin O-β-D-xylosyltransferase, *Phaseolus vulgaris,* gene expression 10968
Zeatin ribosidase, *Mercurialis annua,* nucleotide sequences 2666
Zeaxanthin epoxidase
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 8490
    mutations 8490
  Nicotiana plumbaginifolia
    gene expression 3531, 10232
    genetic engineering 10232
Zein
  Arabidopsis thaliana, genetic transformation 1078
  Lotus corniculatus, genetic transformation 3962
  Trifolium repens, genetic transformation 213
  Zea mays
    gene expression 213, 1078, 10693
    genetic engineering 213, 1078, 3962
    linkage 7495
    recombination 2023
Zelkova serrata
  colour 11523
  cultivars
    J32 11523
    S14 11523
    S4 11523
  ornamental value 11523
Zinc
  Aegilops 9539
Zinc *cont.*
  Arabidopsis thaliana
    gene expression 6039
    nucleotide sequences 6039
  Cicer arietinum 382
  Oryza sativa 5215, 6293
  Triticum, polyploidy 11880
  Triticum aestivum 1004, 6130
    chromosome substitution 5013
    gene expression 1008
    gene location 5013
Zinc finger
  Arabidopsis thaliana, molecular genetics 4848
  molecular genetics 9265
Zingiber officinale
  chromosome morphology 823, 3641
  DNA 3641
  harvest index 11603
  plant composition 11602
  pollen germination 2674
  yield components, heritability 11604
  yield correlations 11604
Zingiberaceae
  chromosome number 8372
  DNA 8372
  flowers 10441
  pollination 10441
  taxonomy 2652
Zinnia elegans
  chromosome banding 5850
  isoenzymes, variety classification 5850
Zizania aquatica
  development 296
  sex 296
Zizania caduciflora
  heat shock proteins, nucleotide sequences 7318
  Oryza sativa, protoplast fusion 8696
Zizania palustris
  development 296
  sex 296
Ziziphus, nomenclature 5656
Ziziphus hajarensis, taxonomy 4496
Ziziphus jujuba, anther culture 6761
Zostera marina, microsatellites 7165
Zotovia
  nomenclature 6340
  taxonomy 6340
Zoysia
  gene mapping 7666
  restriction fragment length polymorphism 7666
Zoysia matrella, cultivars, Winter Field 4116
Zucchini yellow mosaic potyvirus,
  Cucurbita pepo, genetic transformation 1412

LIST OF SERIALS ABSTRACTED

Listed below are the titles of the serial publications (excluding most annual reports and conference proceedings) abstracted during 1999 for this journal.
Many other serials were scanned during 1999 but no relevant articles were selected. A full list of all the serials scanned for items suitable for abstracting for the CAB ABSTRACTS database and the whole range of CABI's abstract journals is given in the *CAB International Serials Checklist, 1995 edition.* The publication includes ISSNs and publishers' addresses.

ACIAR Food Legume Newsletter
ACIAR Proceedings Series
ACIAR Technical Reports Series
Acta Agriculturæ Scandinavica. Section B, Soil and Plant Science
Acta Agriculturae Boreali-Sinica
Acta Agriculturae Shanghai
Acta Agriculturae Universitatis Henanensis
Acta Agriculturae Zhejiangensis
Acta Agronomica Hungarica
Acta Agronomica Sinica
Acta Biochimica et Biophysica Sinica
Acta Biologica Cracoviensia. Series Botanica
Acta Botanica Barcinonensia
Acta Botanica Gallica
Acta Botanica Neerlandica
Acta Botanica Sinica
Acta Botanica Yunnanica
Acta Entomologica Sinica
Acta Fytotechnica et Zootechnica
Acta Gossypii Sinica
Acta Horticulturae
Acta Horticulturae Sinica
Acta Oecologica
Acta Pedologica Sinica
Acta Pharmaceutica Sinica
Acta Physiologiae Plantarum
Acta Phytopathologica et Entomologica Hungarica
Acta Phytopathologica Sinica
Acta Phytophylacica Sinica
Acta Phytophysiologica Sinica
Acta Phytotaxonomica Sinica
Acta Prataculturae Sinica
Acta Pruhoniciana
Acta Scientiarum
Acta Scientiarum Naturalium Universitatis Normalis Hunanensis
Acta Scientiarum Naturalium Universitatis Sunyatseni
Acta Societatis Botanicorum Poloniae
Acta Universitatis Agriculturae et Silviculturae Mendelianae Brunensis
Acta Universitatis Agriculturae Sueciae - Agraria
Acta Universitatis Agriculturae Sueciae - Silvestria
Acta Virologica
Adansonia
Advances in Agronomy
Advances in Genetics
Advances in Horticultural Science
Advances in Horticulture
Advances in Horticulture and Forestry
Advances in Plant Sciences
African Plant Protection
AgBiotech News and Information
AgBiotechNet
Agnote - NSW Agriculture
Agraarteadus
Agrarforschung
Agribiological Research
Agricoltura Mediterranea
Agricultura Tropica et Subtropica
Agricultura, Revista Agropecuaria
Agriculturae Conspectus Scientificus (Poljoprivredna Znanstvena Smotra)
Agricultural and Food Science in Finland
Agricultural and Forest Entomology
Agricultural Economics
Agricultural Reviews (Karnal)
Agricultural Science Digest (Karnal)
Agriculture, Ecosystems & Environment
AgriTopia
Agro Food Industry Hi-Tech
Agro Sur
Agrociencia
Agroforestry Systems
Agrokhimiya
Agronomía Colombiana
Agronomía Costarricense
Agronomia Mesoamericana
Agronomía Tropical (Maracay)
Agronomie
Agronomy Journal
Agropecuária Catarinense
AI Applications
Alexandria Journal of Agricultural Research
Alimentaria
Aliso
Allelopathy Journal
Allgemeine Forst- und Jagdzeitung
Aloe
American Camellia Yearbook
American Entomologist
American Journal of Botany
American Journal of Clinical Nutrition
American Journal of Enology and Viticulture
American Journal of Potato Research
American Naturalist
American Rhododendron Society Journal
Anadolu
Anais da Sociedade Entomológica do Brasil
Anale Institutul de Cercetări pentru Legumicultură şi Floricultură, Vidra
Analele Şiinţifice ale Universităţii "Al I Cuza" din Iaşi. Secţiunea II a. Biologie Vegetală
Anales del Jardín Botánico de Madrid
Analytica Chimica Acta
Angewandte Botanik
Animal Feed Science and Technology
Animal Science
Annales Botanici Fennici
Annales de Zootechnie
Annales des Sciences Forestières
Annales du Tabac. Section 2
Annales Universitatis Mariae Curie-Skłodowska. Sectio EEE, Horticultura
Annali della Facoltà di Agraria, Università di Bari
Annals of Agri Bio Research
Annals of Agricultural Research
Annals of Agricultural Science (Cairo)
Annals of Agricultural Sciences, Series E, Plant Protection
Annals of Applied Biology
Annals of Arid Zone
Annals of Biology (Ludhiana)
Annals of Botany
Annals of Forest Science
Annals of Forestry
Annals of Plant Physiology
Annals of Plant Protection Sciences
Annals of the Missouri Botanical Garden
Annals of the Phytopathological Society of Japan
Annals of Warsaw Agricultural University, Agriculture
Annual Report of the Society of Plant Protection of North Japan
Annual Review of Ecology and Systematics
Annual Review of Phytopathology
Annual Review of Plant Physiology and Plant Molecular Biology
Applied and Environmental Microbiology
Applied Botany Abstracts
Applied Plant Science
Applied Vegetation Science
Aquaculture
Arab Universities Journal of Agricultural Sciences
Arboretum Kórnickie
Arboriculture Fruitière
Archives of Biochemistry and Biophysics
Archives of Phytopathology and Plant Protection
Arid Soil Research and Rehabilitation
Asian-Australasian Journal of Animal Sciences
Asparagus Research Newsletter
Aspects of Applied Biology
Assiut Journal of Agricultural Sciences
Australasian Plant Pathology
Australian Cottongrower
Australian Forestry

Australian Journal of Agricultural Research
Australian Journal of Botany
Australian Journal of Entomology
Australian Journal of Experimental Agriculture
Australian Journal of Plant Physiology
Australian Plants
Australian Systematic Botany
Austrobaileya
Avance Agroindustrial
Bangladesh Journal of Botany
BASE: Biotechnologie, Agronomie, Société et Environnement
Behavior Genetics
Beijing Agricultural Sciences
Beiträge für Forstwirtschaft und Landschaftsökologie
Beiträge zur Züchtungsforschung - Bundesanstalt für Züchtungsforschung an Kulturpflanzen
Bericht uber die Arbeitstagung der "Arbeitsgemeinschaft der Saatzuchtleiter" im Rahmen der "Vereinigung Österreichischer Pflanzenzüchter"
Berichte über Landwirtschaft
Betodlaren
Betteravier (Bruxelles)
Bhartiya Krishi Anusandhan Patrika
Biochemical and Biophysical Research Communications
Biochemical Genetics
Biochemical Journal (London)
Biochemical Systematics and Ecology
Biochemistry and Molecular Biology International
Biochimica et Biophysica Acta, Bioenergetics
Biochimica et Biophysica Acta, Biomembranes
Biochimica et Biophysica Acta, Gene Structure and Expression
Biochimica et Biophysica Acta, Lipids and Lipid Metabolism
Biochimica et Biophysica Acta, Molecular and Cell Biology of Lipids
Biochimica et Biophysica Acta, Protein Structure and Molecular Enzymology
Biodiversity and Conservation
BioEssays
BioFactors
Biofutur
Biológia (Bratislava)
Biologia Plantarum
Biological & Pharmaceutical Bulletin
Biological Agriculture & Horticulture
Biological Conservation
Biological Control
Biological Journal of the Linnean Society
Biology Bulletin of the Russian Academy of Sciences
Biomass and Bioenergy
Biometrics
Bioresource Technology
BioScience
Bioscience, Biotechnology and Biochemistry
Biotechnology Advances
Biotechnology and Bioengineering
Biotechnology and Development Monitor
Biotechnology Annual Review
Biotechnology Techniques
Biotekhnologiya
Biotronics
Bitki Koruma Bülteni
Biuletyn Instytutu Hodowli i Aklimatyzacji Roślin
Blumea
Bodenkultur
Boletim Fepagro
Boletim Técnico - Instituto Agronômico do Paraná
Boletín de Divulgación Técnica, INTA
Boletín Micológico
Boletin PROMECAFE
Boletín Técnico, Facultad de Ciencias Agrarias y Forestales, Universidad de Chile
Botanic Gardens Micropropagation News
Botanica Acta
Botanica Helvetica
Botanical Bulletin of Academia Sinica
Botanical Journal of the Linnean Society
Botanical Review
Botanicheskiĭ Zhurnal
Bothalia
Bragantia
Brazilian Archives of Biology and Technology
Breeding Science
British Poultry Science
British Sugar Beet Review
Brittonia
Bulgarian Journal of Agricultural Science
Bulletin - Connecticut Agricultural Experiment Station
Bulletin - Mississippi Agricultural and Forestry Experiment Station
Bulletin d'Information - CORESTA
Bulletin de l'OIV
Bulletin of Faculty of Agriculture, University of Cairo
Bulletin of Hokkaido Prefectural Agricultural Experiment Stations
Bulletin of Taichung District Agricultural Improvement Station
Bulletin of the Chugoku National Agricultural Experiment Station
Bulletin of the College of Agriculture, Utsunomiya University
Bulletin of the Faculty of Agriculture, Niigata University
Bulletin of the Faculty of Agriculture, Saga University
Bulletin of the Grassland Society of Southern Africa
Bulletin of the Gunma Agricultural Experiment Station
Bulletin of the Hiroshima Prefectural Agriculture Research Center
Bulletin of the Hokuriku National Agricultural Experiment Station
Bulletin of the Institute for Comprehensive Agricultural Sciences, Kinki University
Bulletin of the Kyushu National Agricultural Experiment Station
Bulletin of the National Forest Tree Breeding Center
Bulletin of the National Institute of Agrobiological Resources
Bulletin of the National Institute of Fruit Tree Science
Bulletin of the National Research Centre (Cairo)
Bulletin of the National Research Institute of Vegetables, Ornamental Plants and Tea
Bulletin of the Research Institute for Bioresources, Okayama University
Bulletin of the Rubber Research Institute of Sri Lanka
Bulletin of the Saitama Horticultural Experiment Station
Bulletin of the Tohoku National Agricultural Experiment Station
Bulletin of the Tokyo University Forests
Bulletin OILB/SROP
Bulletin Trimestriel de la Société Mycologique de France
Cactus and Succulent Journal
Cahiers Agricultures
Cahiers Options Méditerranéennes
California Agriculture
Canadian Entomologist
Canadian Journal of Animal Science
Canadian Journal of Botany
Canadian Journal of Forest Research
Canadian Journal of Microbiology
Canadian Journal of Plant Pathology
Canadian Journal of Plant Science
Candollea
Capsicum & Eggplant Newsletter
Carbohydrate Polymers
Carbohydrate Research
Caryologia
Cashew
Castanea
Cell (Cambridge)
Cell Biology International
Cellular and Molecular Life Sciences
Cereal Chemistry
Cereal Foods World
Cereal Research Communications
Ceylon Journal of Science, Biological Sciences
Chemistry and Industry (London)
Chemosphere
China Cottons
China Environmental Science
China Fruits
China Rice
China Vegetables
China's Fibre Crops
Chinese Journal of Applied Ecology
Chinese Journal of Oil Crop Sciences
Chinese Journal of Rice Science
Chmelařství
Chromatographia
Chromosome Research
Chronobiology International
Ciência e Agrotecnologia
Ciencia e Tecnologia de Alimentos
Ciência Rural
Colture Protette
Commonwealth Forestry Review
Communications in Soil Science and Plant Analysis
Compact Fruit Tree
Comptes Rendus de l'Académie d'Agriculture de France
Comptes Rendus de l'Académie des Sciences. Série III, Sciences de la Vie
Computers and Electronics in Agriculture
Comunicado Técnico - Embrapa Algodão
Comunicado Técnico - EMBRAPA Centro de Pesquisa Agropecuária do Oeste
Conservation Biology
Cooperative Sugar
CORBANA
CRC Critical Reviews in Food Science and Nutrition
Critical Reviews in Biotechnology
Critical Reviews in Plant Sciences
Crop Genetic Resources
Crop Protection
Crop Research (Hisar)
Crop Science
CRRN, Chinese Rice Research Newsletter
Cruciferae Newsletter

Cryo-letters
Cukoripar
Cultivos Tropicales
Current Agriculture
Current Biology
Current Genetics
Current Opinion in Biotechnology
Current Opinion in Genetics & Development
Current Opinion in Plant Biology
Current Research - University of Agricultural Sciences (Bangalore)
Current Science
Currents (Uppsala)
Curtis's Botanical Magazine
Cytobios
Cytologia
Czech Journal of Genetics and Plant Breeding
Deciduous Fruit Grower
Deutsche Lebensmittel-Rundschau
Development (Cambridge)
Development, Genes and Evolution
Developmental Biology
Developmental Genetics
Dirasat. Agricultural Sciences
DJF Rapport, Havebrug
DJF Rapport, Markbrug
Doklady, Biological Sciences
Ecological Applications
Ecological Monographs
Ecologie
Ecology
Economic and Political Weekly
Economic Botany
Écoscience
Ecotoxicology and Environmental Safety, Environmental Research, Section B
Ege Üniversitesi Ziraat Fakültesi Dergisi
Egyptian Journal of Agricultural Research
Egyptian Journal of Horticulture
Egyptian Journal of Physiological Sciences
Élelmezési Ipar
EMBO Journal
Endeavour (English ed.)
Entomologia Experimentalis et Applicata
Entomologia Sinica
Environment and Ecology
Environmental and Experimental Botany
Environmental Entomology
Environmental Pollution
Environmental Science and Pollution Research International
Environmental Toxicology and Chemistry
Ernährung
Ernstia
Erwerbsobstbau
Euphytica
European Food Research and Technology
European Journal of Agronomy
European Journal of Biochemistry
European Journal of Forest Pathology
European Journal of Plant Pathology
Evolution
Evolutionary Ecology
EWAC Newsletter
Experimental Agriculture
FABIS Newsletter
Farmers' Newsletter, Large Area
FASEB Journal
FEBS Letters
Feddes Repertorium
FEMS Microbiology Letters
Fett/Lipid
Field Crops Research
Fitopatología
Fitopatologia Brasileira
Flavour and Fragrance Journal
Flora (Jena)
Florida Entomologist
Folia Geobotanica
Folia Horticulturae
Folia Universitatis Agriculturae Stetinensis, Agricultura
Food Chemistry
Food Research International
Forage Research
Forest Ecology and Management
Forest Genetics
Forest Products Journal
Forest Research
Forest Research Bulletin
Forest Science
Forest, Farm, and Community Tree Research Reports
Forestry (Oxford)
Forêt-Entreprise
Forst und Holz
Fourrages
Fragmenta Floristica et Geobotanica
Fruit Belge
Fruit Varieties Journal
Fruits (Paris)
Fruitteelt (Den Haag)
Functional Ecology
Fungal Genetics and Biology
Gardens' Bulletin (Singapore)
Gartenbauwissenschaft
Gemüse (München)
Gene
General Technical Report - Pacific Southwest Research Station, USDA Forest Service
Genes & Development
Genes and Genetic Systems
Genes to Cells
Genetic Resources and Crop Evolution
Genetic Resources Communication
Genetica
Genetical Research
Genetics
Genetics and Molecular Biology
Genetics, Selection, Evolution
Genetika (Moskva)
Genome
Genome Research
Georgofili
Gesunde Pflanzen
Global Journal of Pure and Applied Sciences
Good Fruit Grower
Gordian
Grana
Grass and Forage Science
Grassland of China
Grassland Science
Great Basin Naturalist
Grøn Viden, Havebrug
Grøn Viden, Markbrug
Guangdong Agricultural Sciences
Gujarat Agricultural University Research Journal
Hacettepe Fen ve Muhendislik Bilimleri Dergisi, Seri A
Haryana Agricultural University Journal of Research
Helia
Herba Polonica
Hereditas (Landskrona)
Heredity
HGCA Project Report
Highlights of Agricultural Research - Alabama Agricultural Experiment Station
Holly Society Journal
Horticultura Brasileira
Horticultural Journal
Horticultural Reviews
HortScience
HortTechnology
Human Ecology (New York)
Hunan Agricultural Research Newsletter
IGER Innovations
Iheringia, Série Botânica
Immunotechnology
In Vitro Cellular & Developmental Biology - Plant
Indian Coconut Journal (Cochin)
Indian Coffee
Indian Forester
Indian Journal of Agricultural Research
Indian Journal of Agricultural Sciences
Indian Journal of Chemistry. Section B, Organic including Medicinal
Indian Journal of Environment and Toxicology
Indian Journal of Experimental Biology
Indian Journal of Genetics & Plant Breeding
Indian Journal of Nematology
Indian Journal of Plant Physiology
Indian Journal of Sericulture
Indian Journal of Virology
Indian Phytopathology
Indian Sugar
Indian Textile Journal
Indonesian Agricultural Research & Development Journal
Industrial Crops and Products
Infomusa
Information Report - Atlantic Forestry Centre, Canadian Forest Service
Informatore Agrario
Informatore Agrario Supplemento
Informatore Fitopatologico
Informe Agropecuário (Belo Horizonte)
Informe da Pesquisa - Instituto Agronômico do Paraná
Infos (Paris)
INGENIC Newsletter
Inibap Technical Guidelines

Insect Environment
Integrated Pest Management Reviews
Interciencia
International Agricultural Development
International Agrophysics
International Arachis Newsletter
International Archives of Allergy and Immunology
International Chickpea and Pigeonpea Newsletter
International Journal of Food Science & Technology
International Journal of Food Sciences and Nutrition
International Journal of Nematology
International Journal of Pest Management
International Journal of Plant Sciences
International Journal of Tropical Agriculture
International Review of Cytology
International Rice Commission Newsletter
International Rice Research Notes
International Sorghum and Millets Newsletter
International Sugar Journal (Worldwide Sugar Edition)
International Tree Crops Journal
Investigación Agraria, Producción y Protección Vegetales
IPGRI Newsletter for Asia, the Pacific and Oceania
Iran Agricultural Research
Iranian Journal of Agricultural Sciences
Iranian Journal of Botany
Iranian Journal of Natural Resources
Irish Journal of Agricultural and Food Research
IRRI Discussion Paper Series
Israel Journal of Plant Sciences
Italus Hortus
ITEA Producción Vegetal
Ivy Journal
Izvestiya Timiryazevskoĭ Sel'skokhozyaĭstvennoĭ Akademii
Japanese Journal of Crop Science
Japanese Journal of Soil Science and Plant Nutrition
Japanese Journal of Tropical Agriculture
JARQ, Japan Agricultural Research Quarterly
Jiangsu Agricultural Sciences
Jiangsu Journal of Agricultural Sciences
JIRCAS Journal
JIRCAS Working Report
Journal International des Sciences de la Vigne et du Vin
Journal of Agricultural and Food Chemistry
Journal of Agricultural Engineering Research
Journal of Agricultural Entomology
Journal of Agricultural Research of China
Journal of Agricultural Science
Journal of Agriculture and Forestry
Journal of Agriculture of the University of Puerto Rico
Journal of Agronomy and Crop Science
Journal of Animal Breeding and Genetics
Journal of Animal Science
Journal of Applied Biology
Journal of Applied Entomology
Journal of Applied Genetics
Journal of Applied Phycology
Journal of Arid Environments
Journal of Bamboo Research
Journal of Beijing Forestry University
Journal of Biochemistry (Tokyo)
Journal of Biological Chemistry
Journal of Biosciences
Journal of Biotechnology
Journal of Cell Biology
Journal of Cell Science
Journal of Cereal Science
Journal of Chemical Ecology
Journal of China Agricultural University
Journal of Clinical Investigation
Journal of Cotton Science
Journal of Crop Production
Journal of Dairy Science
Journal of Ecobiology
Journal of Ecology (Oxford)
Journal of Economic and Taxonomic Botany
Journal of Economic Entomology
Journal of Ecotoxicology & Environmental Monitoring
Journal of Entomological Research
Journal of Entomological Science
Journal of Environmental Biology
Journal of Environmental Horticulture
Journal of Environmental Quality
Journal of Environmental Sciences
Journal of Essential Oil Research
Journal of Evolutionary Biology
Journal of Experimental Botany
Journal of Fermentation and Bioengineering
Journal of Food Biochemistry
Journal of Food Processing and Preservation
Journal of Food Science
Journal of Food Science and Technology (Mysore)
Journal of Forestry
Journal of Fruit and Ornamental Plant Research
Journal of Fruit Science
Journal of Fujian Academy of Agricultural Sciences
Journal of Fujian Agricultural University
Journal of General Virology
Journal of Genetics
Journal of Genetics & Breeding
Journal of Hebei Agricultural University
Journal of Henan Agricultural Sciences
Journal of Herbs, Spices & Medicinal Plants
Journal of Heredity
Journal of Hill Research
Journal of Horticultural Science and Biotechnology
Journal of Hunan Agricultural University
Journal of Immunological Methods
Journal of Industrial Microbiology & Biotechnology
Journal of Interacademicia
Journal of Japanese Botany
Journal of Jiangsu Forestry Science & Technology
Journal of Jilin Agricultural University
Journal of King Saud University, Agricultural Sciences
Journal of Korean Forestry Society
Journal of Liquid Chromatography & Related Technologies
Journal of Living World
Journal of Maharashtra Agricultural Universities
Journal of Medicinal and Aromatic Plant Sciences
Journal of Microscopy
Journal of Mycology and Plant Pathology
Journal of Mycopathological Research
Journal of Nanjing Agricultural University
Journal of Nanjing Forestry University
Journal of Nanjing Institute of Meteorology
Journal of Nara Medical Association
Journal of Natural Resources and Life Sciences Education
Journal of Nematology
Journal of Northeast Agricultural University (English Edition)
Journal of Northeast Forestry University
Journal of Northwest Forestry College
Journal of Nuclear Agriculture and Biology
Journal of Oil Palm Research
Journal of Ornamental Horticulture (New Series)
Journal of Pesticide Science
Journal of Phytological Research
Journal of Phytopathology
Journal of Plant Biochemistry and Biotechnology
Journal of Plant Growth Regulation
Journal of Plant Nutrition
Journal of Plant Pathology
Journal of Plant Physiology
Journal of Plant Protection Research
Journal of Plant Resources and Environment
Journal of Plantation Crops
Journal of Production Agriculture
Journal of Range Management
Journal of Research ANGRAU
Journal of Research, Birsa Agricultural University
Journal of Rubber Research
Journal of Scientific & Industrial Research
Journal of Shandong Agricultural University
Journal of Shanghai Agricultural College
Journal of Society of High Technology in Agriculture
Journal of Soils and Crops
Journal of South China Agricultural University
Journal of South Pacific Agriculture
Journal of Southwest Agricultural University
Journal of Spices and Aromatic Crops
Journal of Sustainable Agriculture
Journal of Taiwan Livestock Research
Journal of Tea Science
Journal of the Adelaide Botanic Gardens
Journal of the Agricultural Science Society of North East India
Journal of the American Oil Chemists' Society
Journal of the American Society for Horticultural Science
Journal of the American Society of Brewing Chemists
Journal of the Andaman Science Association
Journal of the Faculty of Agriculture, Kyushu University
Journal of the Faculty of Agriculture, Shinshu University
Journal of the Hokkaido Forest Products Research Institute
Journal of the Indian Potato Association
Journal of the International Hemp Association
Journal of the Japanese Forestry Society
Journal of the Japanese Society for Horticultural Science
Journal of the Kansas Entomological Society
Journal of the Korean Society for Horticultural Science
Journal of the Korean Society of Grassland Science
Journal of the National Science Council of Sri Lanka
Journal of the Oil Technologists' Association of India
Journal of the Science of Food and Agriculture
Journal of the Torrey Botanical Society
Journal of Thermal Biology

Journal of Tropical and Subtropical Botany
Journal of Tropical Forest Science
Journal of Turfgrass Management
Journal of Vegetable Crop Production
Journal of Virology
Journal of Wood Science
Journal of Yangzhou University, Natural Science Edition
Journal of Zhejiang Agricultural University
Journal of Zhejiang Forestry College
Journal of Zhejiang Forestry Science and Technology
Karnataka Journal of Agricultural Sciences
Kartofel' i Ovoshchi
Kartoffelbau
Kasetsart Journal, Natural Sciences
Kew Bulletin
Korean Journal of Biological Sciences
Korean Journal of Crop Science
Korean Journal of Dairy Science
Korean Journal of Horticultural Science & Technology
Korean Journal of Plant Pathology
Korean Journal of Weed Science
Kormoproizvodstvo
Kukuruza i Sorgo
Kuwait Journal of Science & Engineering
Landbauforschung Völkenrode
Laranja
Legume Research
Lens Newsletter
Lesnictví - Forestry
Lindleyana
Lipids
Listy Cukrovarnické a Řepařské
Louisiana Agriculture
Lundellia
Macedonian Agricultural Review
Madras Agricultural Journal
Mais
Maize Genetics Cooperation Newsletter
Manejo Integrado de Plagas
Mathematical Biosciences
Maydica
Mededelingen - Faculteit Landbouwkundige en Toegepaste Biologische Wetenschappen, Universiteit Gent
Memoirs of the College of Agriculture, Ehime University
Memoirs of the Faculty of Agriculture, Hokkaido University
Metodiky pro Zemědělskou Praxi
Metsanduslikud Uurimused
Microbial Ecology in Health and Disease
Microbiology (Reading)
Mikológiai Közlemények
Mikologiya i Fitopatologiya
Mīkrobiologīchniĭ Zhurnal
Mitteilungen Klosterneuburg, Rebe und Wein, Obstbau und Früchteverwertung
Molecular and Cellular Biology
Molecular and General Genetics
Molecular Biology and Evolution
Molecular Biology of the Cell
Molecular Biology Reports
Molecular Breeding
Molecular Ecology
Molecular Immunology
Molecular Microbiology
Molecular Phylogenetics and Evolution
Molecular Plant Pathology On-line
Molecular Plant-Microbe Interactions
Molecules and Cells
Monografías - Instituto Nacional de Investigación y Tecnología Agraria y Alimentaria
Monti e Boschi
Mühle + Mischfuttertechnik
Mutation Research, Fundamental and Molecular Mechanisms of Mutagenesis
Mycologia
Mycological Research
Mycosystema
Mysore Journal of Agricultural Sciences
NABC Report
Nachrichtenblatt des Deutschen Pflanzenschutzdienstes
Nahrung
National Academy Science Letters
Natural Enemies of Insects
Natural Toxins
Nature (London)
Nature Biotechnology
Nature Genetics
Neltropika Bulletin
Nematologia Brasileira
Nematologia Mediterranea
Nematologica
Nematology
Nematropica
New Phytologist
New Plantsman
New Zealand Journal of Agricultural Research
New Zealand Journal of Botany
New Zealand Journal of Crop and Horticultural Science
New Zealand Journal of Forestry Science
Ningxia Journal of Agricultural and Forestry Science and Technology
Nippon Kingakukai Kaiho
Nippon Nogeikagaku Kaishi
Nippon Shokuhin Kogyo Gakkaishi = Journal of the Japanese Society for Food Science and Technology
Nordic Journal of Botany
North Carolina Flower Growers' Bulletin
Növénytermeles
Növényvédelem
Novon
NUCIS Newsletter
Nucleic Acids Research
Nutrient Cycling in Agroecosystems
Obst- und Weinbau
Obstbau Weinbau
Ochrona Roślin
OCL - Oléagineux, Corps Gras, Lipides
Oecologia
Oikos
Olivæ
Ondokuzmayıs Üniversitesi, Ziraat Fakültesi Dergisi
Orchardist
Orchids
Orissa Journal of Horticulture
Oryza
Outlook on Agriculture
Pakistan Journal of Agricultural Sciences
Pakistan Journal of Botany
Pakistan Journal of Nematology
Pakistan Journal of Phytopathology
Pakistan Journal of Scientific and Industrial Research
Pakistan Sugar Journal
Palms
Parasitology Today
Partners in Research for Development
Pastos y Forrajes
Pasturas Tropicales
PAV Bulletin Akkerbouw
Pedosphere
Perspectives in Plant Ecology, Evolution and Systematics
Pesquisa Agropecuária Brasileira
Pesquisa em Andamento - Centro Nacional de Pesquisa de Milho e Sorgo
Pesquisa em Andamento - Centro Nacional de Pesquisa do Algodão
Pesquisa em Andamento - Embrapa Algodão
Pesquisa em Andamento - EMBRAPA Centro de Pesquisa Agropecuária do Oeste
Pest Management in Horticultural Ecosystems
Pesticide Biochemistry and Physiology
Pesticide Outlook
Pesticide Science
Petria
Philosophical Transactions of the Royal Society of London. Series B, Biological Sciences
Photochemistry and Photobiology
Photosynthesis Research
Photosynthetica
Physiologia Plantarum
Physiological and Molecular Plant Pathology
Phytochemical Analysis
Phytochemistry
Phytoma
Phytomorphology
Phyton (Buenos Aires)
Phyton (Horn)
Phytoparasitica
Phytopathologia Mediterranea
Phytopathology
PKV Research Journal
Plant and Cell Physiology
Plant and Soil
Plant Biology
Plant Biosystems
Plant Breeding
Plant Breeding and Seed Science
Plant Breeding Reviews
Plant Cell
Plant Cell Reports
Plant Cell, Tissue and Organ Culture
Plant Disease
Plant Disease Research
Plant Ecology
Plant Foods for Human Nutrition
Plant Genetic Resources Newsletter

Plant Growth Regulation
Plant Journal
Plant Molecular Biology
Plant Molecular Biology Reporter
Plant Pathology
Plant Pathology Journal
Plant Physiology
Plant Physiology and Biochemistry (Paris)
Plant Physiology Communications
Plant Production Science
Plant Protection
Plant Protection Bulletin (Taipei)
Plant Protection Quarterly
Plant Protection Science
Plant Science (Limerick)
Plant Species Biology
Plant Systematics and Evolution
Plant Varieties & Seeds
Plant Varieties Journal
Plant, Cell and Environment
Planta
Planta Medica
Plantations, Recherche, Développement
PLITS
Pochvoznanie, Agrokhimiya y Ekologiya
Polish Botanical Studies, Guidebook series
Polish Journal of Food and Nutrition Sciences
Poljoprivreda
Poljoprivredna Znanstvena Smotra
Postharvest Biology and Technology
Potato Research
Poultry Science
Prataculture Science
Preslia
Principes
Proceedings of School of Agriculture, Kyushu Tokai University
Proceedings of the Annual Congress - South African Sugar Technologists' Association
Proceedings of the Indian National Science Academy. Part B, Reviews and Tracts - Biological Sciences
Proceedings of the Japanese Society of Sugar Beet Technologists
Proceedings of the Kanto-Tosan Plant Protection Society
Proceedings of the Latvian Academy of Sciences. Section B, Natural Sciences
Proceedings of the National Academy of Sciences India. Section B, Biological Sciences
Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America
Proceedings of the National Science Council, Republic of China. Part B, Life Sciences
Proceedings of the New Zealand Grassland Association
Proceedings of the New Zealand Society of Animal Production
Proceedings of the Royal Society of London. Series B, Biological Sciences
Proceedings of the Section Experimental and Applied Entomology of the Netherlands Entomological Society
Proeftuinnieuws
Progrès Agricole et Viticole
Progress Report - Cooperative Forest Genetics Research Program
Protoplasma
Punjab Vegetable Grower
QA, Questione Agraria
Quarterly Newsletter - Tea Research Foundation of Central Africa
Quarterly Review of Biology
Rachis
RAFI Communique
Rasteniev"dni Nauki
Rastitel'nye Resursy
RDA Journal of Crop Protection
RDA Journal of Crop Science (I)
RDA Journal of Crop Science (II)
RDA Journal of Horticulture Science (I)
RDA Journal of Horticulture Science (II)
RDA Journal of Industrial Crop Science
Recent Research Developments in Agricultural & Biological Chemistry
Recent Research Developments in Agricultural & Food Chemistry
Recent Research Developments in Phytochemistry
Recent Research Developments in Plant Pathology
Report - Cucurbit Genetics Cooperative
Report of Hokkaido Prefectural Agricultural Experiment Stations
Report of the Kyushu Branch of the Crop Science Society of Japan
Report of the Tokai Branch of the Crop Science Society of Japan
Reports of the Tottori Mycological Institute
Research Bulletin of the Hokkaido National Agricultural Experiment Station
Research Bulletin of the Hokkaido University Forests
Research in Immunology
Research of Agricultural Modernization
Research Reports - Biotechnical Faculty University of Ljubljana, Agricultural Issue
Research Series - Arkansas Agricultural Experiment Station
Review of Palaeobotany and Palynology
Review of Research Work at the Faculty of Agriculture, Belgrade
Revista - Facultad Nacional de Agronomía Medellín
Revista Biología (Habana)
Revista Brasileira de Biologia
Revista Brasileira de Botânica
Revista Brasileira de Engenharia Agrícola e Ambiental
Revista Brasileira de Fisiologia Vegetal
Revista Brasileira de Zoologia
Revista Brasileira de Zootecnia
Revista Ceres
Revista Colombiana de Entomología
Revista de Agricultura (Piracicaba)
Revista de Biologia (Lisboa)
Revista de Biología Tropical
Revista de la Facultad de Agronomía (Universidad de Buenos Aires)
Revista de la Facultad de Agronomía, Universidad Central de Venezuela
Revista de la Facultad de Agronomía, Universidad del Zulia
Revista de Microbiologia
Revista de Oleaginosas e Fibrosas
Revista de Protección Vegetal
Revista del Jardín Botánico Nacional
Revista Fitotecnia Mexicana
Revue Agricole et Sucrière de l'Île Maurice
Revue Suisse d'Agriculture
Revue Suisse de Viticulture, d'Arboriculture et d'Horticulture
Rhodora
Rice Biotechnology Quarterly
Rivista di Avicoltura
Rivista di Coniglicoltura
Rivista di Frutticoltura e di Ortofloricoltura
Rivista Italiana EPPOS
Roczniki Akademii Rolniczej w Poznaniu, Ogrodnictwo
Rośliny Oleiste
Rostlinná Výroba
Russian Agricultural Sciences
Russian Journal of Ecology
Russian Journal of Plant Physiology
SA Waterbulletin
SABRAO Journal of Breeding and Genetics
SAD, Revija za Sadjarstvo, Vinogradništvo in Vinarstvo
Sadovodstvo i Vinogradarstvo
Sakharnaya Promyshlennost'
Sakharnaya Svekla
Sarhad Journal of Agriculture
Sborník - Jihočeská Univerzita Zemědělská Fakulta, České Budějovice. Fytotechnická Řada
Science (Washington)
Science Bulletin of the Faculty of Agriculture, Kyushu University
Science in China Series C - Life Sciences
Scientia Agricola
Scientia Agricultura Sinica
Scientia Horticulturae
Scientific Reports of the Faculty of Agriculture, Okayama University
Sécheresse
Seed and Plant
Seed Research
Seed Science and Technology
Seed Science Research
Seed Technology
Seedling
Selekcija i Semenarstvo
Sementi Elette
Serie Técnica - CENICANA, Centro de Investigación de la Caña de Azúcar de Colombia
Sexual Plant Reproduction
Shashpa
Shokuhin Eiseigaku Zasshi = Journal of the Food Hygienic Society of Japan
Silvae Genetica
Sinet, an Ethiopian Journal of Science
Sjemenarstvo
Slovenský Veterinársky Časopis
SOB Informa
Sochi Shikenjo Kenkyu Hokoku = Bulletin of the National Grassland Research Institute
Sodobno Kmetijstvo
Soil Science and Plant Nutrition
Soil Science Society of America Journal
South African Journal of Botany
South African Journal of Plant and Soil
South African Journal of Science
South China Fruits
South Indian Horticulture
Southern African Forestry Journal
Southwestern Entomologist
Soy Protein Research, Japan
Soybean Genetics Newsletter
Soybean Science
Special Circular - Ohio Agricultural Research and Development Center

Special Publication - Taichung District Agricultural Improvement Station
Special Report - Arkansas Agricultural Experiment Station
Starch/Stärke
Studijní Informace - Rostlinná Výroba
Sugar Cane
Şugar y Azúcar
Šumarski List
Summa Phytopathologica
Svensk Frötidning
Sveriges Utsädesförenings Tidskrift
Sylwan
Symbiosis (Rehovot)
Symposia of the Society for Experimental Biology
Systematic and Applied Acarology
Systematic Biology
Systematic Botany
Systematic Botany Monographs
Systematics and Geography of Plants
Taiwan Sugar
Taiwania
Taxon
Tea
Technical Bulletin - Cyprus Agricultural Research Institute
Technical Bulletin of the Faculty of Agriculture, Kagawa University
Technical News - Institute of Radiation Breeding
Tecnica Molitoria
Telopea
Tests of Agrochemicals and Cultivars
Texas Journal of Science
Texts - Centro de Reuniones Internacionales sobre Biología, Instituto Juan March de Estudios e Investigaciones
Thaiszia - Journal of Botany
Theoretical and Applied Genetics
Theoretical Population Biology
Tobacco Research
Tohoku Journal of Crop Science
Transactions of the ASAE
Transactions of the Chinese Society of Agricultural Engineering
Transgenic Research
Tree Physiology
Trees: Structure and Function
Trends in Biochemical Sciences
Trends in Biotechnology
Trends in Ecology & Evolution
Trends in Genetics
Trends in Plant Science
Tropenlandwirt
Tropical Agricultural Research and Extension
Tropical Forestry Papers
Tropical Fruits Newsletter
Tropical Grasslands
Tropical Science
Tsitologiya
Tsitologiya i Genetika
Turkish Journal of Agriculture & Forestry
Turkish Journal of Biology
Turkish Journal of Botany
Turkish Journal of Field Crops
Uspekhi Sovremennoĭ Biologii
Vaccine
Vědecké Práce Ovocnářské
Vegetable Crops Research Bulletin
Verbondsnieuws
Verhandlungen der Gesellschaft für Ökologie
Vestsī Akadėmiī Agrarnykh Navuk Rėspublīkī Belarus’
Vestsī Akadėmiī Navuk Belarusi. Seriya Bīyalagīchnykh Navuk
Vignevini
Vinohrad (Bratislava)
Virology (New York)
Vitis
Wageningen Agricultural University Papers
Webbia
Weed Research (Oxford)
Weed Science
Weed Technology
Western Journal of Applied Forestry
Wetlands
Wheat Information Service
Willdenowia
Wood Research
Wood Science and Technology
Working Paper - Lumle Agricultural Research Centre
World Forestry Research
Wuhan University Journal of Natural Sciences
Wuyi Science Journal
Zahradnictví (Horticultural Science)
Zaštita Bilja
Zeitschrift für Arznei- & Gewürzpflanzen
Zeitschrift für Lebensmittel-Untersuchung und -Forschung. A, Food Research and Technology
Zeitschrift für Naturforschung. Section C, Biosciences
Zeitschrift für Pflanzenernährung und Bodenkunde
Zeitschrift für Pflanzenkrankheiten und Pflanzenschutz
Žemdirbystė, Mokslo Darbai
Zemědělská Technika
Zhejiang Nongye Kexue
Zöldségtermesztési Kutató Intézet Bulletinje
Zuckerindustrie
Zygote

Document Delivery Service

Document Delivery Service

Coverage: We can provide copies of most articles cited in the CAB ABSTRACTS journals and database. Copyright law prohibits supply of more than one article from one periodical issue on any one occasion. Books and other complete publications can be sourced and supplied and are charged at normal (retail) price plus handling/postage, for which a quotation will be sent.

Ordering: Please complete an order form, ensuring that you give full bibliographic details and attach a copy of your reference source. Requests may also be sent by post, fax or Email, or placed through online ordering systems. The cost (detailed below) is for each article irrespective of length. UK customers must add VAT, and other EC customers must either quote their VAT number (see below) or UK VAT (currently 17.5%) will be added.

Payment: Prepayment is required unless you have a CABI deposit account. Credit cards, cheques, bank drafts or international money orders (not national postal orders) are accepted and should be made payable to CAB International. Sterling cheques should be drawn on a UK bank, and US$ cheques should be drawn on a US bank. Library Services Vouchers (details on request) provide an alternative and convenient method of prepayment.

PHOTOCOPY REQUEST (Please type or print clearly)

CAB INTERNATIONAL
BIBLIOGRAPHIC SERVICES
WALLINGFORD
OXON
UK
OX10 8DE
Tel: +44 (0) 1491 829484
Fax: +44 (0) 1491 829465
Email: biblioserv@cabi.org

Author(s): ....

ArticleTitle: ....

Journal/
BookTitle: ....

Year: .... Vol: .... Part: .... Pages: ....

Despatch to: ....
....
....
....

Tel: ....

Fax: ....

Order/Ref. Number: ....

Delivery Method (Tick one box)

☐ Post (£7.50/US$14.00) + VAT in UK and EC ☐ Fax (£17.50/US$33.00) + VAT in UK and EC

Payment Method (Tick one box)

☐ Payment enclosed £/$ ☐ Charge Deposit Account No.

☐ Charge Credit Card, please fill in details below

☐ Circle one: ACCESS / AMERICAN EXPRESS / EUROCARD / MASTERCARD / VISA

Card Number: .... Expiry Date: ....

EC COUNTRIES ONLY – If you are registered for VAT (BTW/MWST/IVA/MOMS/FPA/TAV/MWS/AVL/MOM)

Please quote number: ....

Please supply me (the undersigned) with the above item which I will use only for private research or study. I have not previously been supplied with a copy of the same material by any librarian, and will not supply a copy of it to anyone else. To the best of my knowledge, no one with whom I work or study has requested or will request the same item for substantially the same purpose.

Signature: .... Date: ....

Please attach a copy of your source of reference

DDS-99

PRODUCTS FROM CABI PUBLISHING

CABI Publishing is a Division of CAB International (CABI), a not-for-profit organization involved in the dissemination, application and generation of scientific knowledge in the areas of agriculture, horticulture, forestry, the applied life sciences, including human nutrition and health, and the management of natural resources.

The products are predominantly outputs from CABI's main databases, CAB ABSTRACTS and CAB HEALTH, which contain over 3.5 million bibliographic records of the world's scientific and technical literature published since 1973.

CAB ABSTRACTS is the world's leading bibliographic database covering all aspects of agriculture, horticulture, forestry, veterinary science, and soil and water science, as well as leisure, recreation and tourism, and human nutrition.

CAB HEALTH covers parasitic, tropical and infectious diseases of man, community and public health, human nutrition, and medicinal and poisonous plants.

FROM THE DATABASES:

ABSTRACT JOURNALS

Printed journals covering broad disciplines as well as specialist interests. Some journals also contain news and other information including review articles. The abstracts included in these journals are also available on floppy disk.

CD-ROM

CAB ABSTRACTS on compact disc, the CABCD - available back to 1973.

CAB HEALTH - available back to 1973.

CAB SPECTRUM - subject-specific discs containing over 25 years of information on each of the major broad disciplines.

CAB COLLECTION - specialist subject discs containing around 25 years of information in a unique, searchable, bibliographic archive.

MAGNETIC TAPES

Organizations with access to mini or mainframe computers may lease all or part of the CAB ABSTRACTS or CAB HEALTH databases.

ANNOTATED BIBLIOGRAPHIES

Printed compilations on specific topics.

LITERATURE SEARCH SERVICE

Literature Search services are available for those who do not have direct access to online systems.

ALSO:

PRIMARY JOURNALS

Bulletin of Entomological Research, Seed Science Research, Journal of Helminthology, Soil Use and Management, British Journal of Nutrition, Proceedings of The Nutrition Society, Nutrition Research Reviews and Public Health Nutrition.

SERIAL PUBLICATIONS

Index of Current Research on Pigs, Distribution Maps of Plant Pests, Distribution Maps of Plant Diseases, Bibliography of Systematic Mycology, Descriptions of Fungi & Bacteria and Index of Fungi.

BOOKS AND REFERENCE WORKS

CABI Publishing has an active book publishing programme and publishes over 60 new titles every year, some of which are available in electronic form. Please contact the Commissioning Editor.

COMPENDIA

CD-ROM titles providing simple, instant access to detailed, illustrated data in the Crop Protection and Forestry areas with links to bibliographic databases, diagnostic keys and information on the Internet.

SCIENTIFIC SOFTWARE AND REFERENCE TOOLS

Interactive Taxonomic Identification Keys and authority files to arthropods, fungi and nematodes.

CABWebs

WWW sites allowing access to CABI Abstract and Primary Journals and other useful information in relevant subject areas. The CABWebs available are PEST CABWeb – for crop protection, TREE CABWeb – for forestry, VET CABWeb – for veterinary science and animal health information and, NEW for 1999, NUTRITION CABWeb – for both human and animal nutrition information, HORT CABWeb – for information on all areas of horticulture and seed science, and AgBiotechNet – for agricultural biotechnology information. For access to any of the CABWebs, visit the CABWeb homepage at *http://www.cabweb.org*.

CABI on the WWW

You can find out more about CABI publications and services at http://www.cabi.org

For further information on any of the above products contact:

CABI Publishing, CAB International, Wallingford, Oxon OX10 8DE, UK
Tel: + 44 (0) 1491 832111 Fax: + 44 (0) 1491 829292 Email: publishing@cabi.org

CABI Publishing, CAB International, 10 East 40th Street, Suite 3203, New York, NY 10016, USA
Tel: + 1 (212) 481 7018 Toll-free: 800 528 4841 Fax: + 1 (212) 686 7993 Email: cabi-nao@cabi.org

CAB International, South East Asia Regional Centre, Malaysian Agricultural Research and Development Institute (MARDI), PO Box 210, 43409 UPM Serdang, Malaysia
Tel: + 60 (0)3 943 2921 Fax: + 60 (0)3 943 6400 Email: searc@cabi.org

CAB International, Caribbean Regional Centre, Gordon Street, Curepe, Trinidad & Tobago, WI
Tel: + 1 (868) 645 7628 Fax: + 1 (868) 663 2859 Email: crc@cabi.org

CAB International, Africa Regional Centre, ICRAF Complex, PO Box 633, Village Market, Nairobi, Kenya
Tel: + 254 (2) 521450 Fax: + 254 (2) 521001 Email: arc@cabi.org